

一般演題 ポスター発表 プログラム

第1日目 (12月8日 (水))

< PA 会場 >

.....(2e 転写).....

- 1PA-001 大腸菌二成分制御系 CitA-CitB による嫌氣的クエン酸代謝遺伝子発現制御
松本 書郁¹, 山本 兼由², 藤田 信之^{3,4}, 石浜 明⁵, 内海 龍太郎^{1,2} (¹ 近畿大院・応用生命, ² 近畿大・農,
³ 遺伝研, ⁴ 製技機構, ⁵ 日生研)
- 1PA-002 Regulation of *relA* gene expression by HNS and CRP in *E.coli*
Akira Nakagawa, Taku Ohshima, Hirokata Mori (Nara Institute of Science and Technology)
- 1PA-003 大腸菌銅応答転写制御機構
山本 兼由¹, 石浜 明² (¹ 近畿大・農, ² 日生研)
- 1PA-004 枯草菌 DegU レギュロン - *comK*, *aprE*, *sacB* プロモーターにおける cis-配列
小倉 光雄, 田中 暉夫 (東海大海洋)
- 1PA-005 緑膿菌の定常期における新たな遺伝子発現制御機構存在の可能性
福島 淳¹, 鶴木 咲子¹, 志村 洋一郎¹, 後藤 直正², 稲元 民夫¹ (¹ 秋田県大・生物資源科・微生物, ² 京都
薬大・微生物)
- 1PA-006 大腸菌膜リン脂質に反応する G タンパク質の発現
鈴木 秀穂¹, 栗原 昭久¹, 伊藤 洋一郎², 伏見 譲², 松崎 博¹ (¹ 埼玉大・理・分子生物, ² 埼玉大・工・機
能材料工学)
- 1PA-007 インドールによる異物排出蛋白質の発現誘導メカニズムの解析
平川 秀忠^{1,2,3}, 稲角 嘉彦^{1,2,3}, 平田 隆弘^{1,2,3}, 山口 明人^{1,2,3} (¹ 阪大・産研, ² 阪大・薬, ³CREST)
- 1PA-008 GlcNAc による大腸菌異物排出タンパク質 MdtEF の誘導機構
稲角 嘉彦^{1,2,3}, 平川 秀忠^{1,2,3}, 平田 隆弘^{1,2,3}, 山口 明人^{1,2,3} (¹ 阪大・産研, ² 阪大・薬, ³CREST)
- 1PA-009 大腸菌異物排出蛋白質 AcrD, MdtABC に対する発現抑制因子の探索
正木 猛^{1,2,3}, 平川 秀忠^{1,2,3}, 稲角 嘉彦^{1,2,3}, 平田 隆弘^{1,2,3}, 山口 明人^{1,2,3} (¹ 阪大・産研, ² 阪大・薬学,
³CREST)
- 1PA-010 大腸菌におけるアシルホモセリノラクトン依存的 Quorum-sensing 測定系の確立
小林 あすか^{1,2,3}, 平川 秀忠^{1,2,3}, 平田 隆弘^{1,2,3}, 山口 明人^{1,2,3} (¹ 阪大・産研, ² 阪大・薬, ³ 科技団・
CREST)
- 1PA-011 大腸菌 *groEL* 温度感受性変異を抑制する転写因子の解析
荻野 英賢, 和地 正明 (東工大・院生命理工・生物プロセス)
- 1PA-012 メタン生成アーキアの酸素分圧依存的な転写制御系の解析
新里 尚也^{1,3}, 榎 美歩^{1,2}, 松井 徹³, 鎌形 洋一¹ (¹ 産総研・生物機能工学, ² 海洋バイオ, ³ 琉球大・遺伝
子実験センター)
- 1PA-013 枯草菌の surfactin 特異的トランスポーター Yerp の発現調節
村田 麻喜子, 大木 玲子 (杏林大・保・分子生物)
- 1PA-014 葉緑体分化における 2 種の色素体転写装置のスイッチング機構
華岡 光正¹, 金丸 研吾^{1,2}, 藤原 誠¹, 高橋 秀夫¹, 田中 寛¹ (¹ 東大・分生研, ² 神戸大・農)
- 1PA-015 腸炎エルシニアの ATP 依存型プロテアーゼ Lon による病原性発現制御機構の解析
吹谷 智¹, 中林 夏子¹, 高屋 明子¹, 友安 俊文¹, 中根 明夫², 山本 友子¹ (¹ 千葉大・院薬・微生物薬品化
学, ² 弘前大・医・細菌)
- 1PA-016 サルモネラの DnaK シャペロンによる FlhD₂C₂ 複合体の活性調節
嘉屋 道裕, 高屋 明子, 友安 俊文, 山本 友子 (千葉大・院薬・微生物薬品化学)

- 1PA-017 **サルモネラの ClpXP 変異による病原蛋白質 PagC の過剰発現と OMVs の異常**
松本 佳寿子¹, 高屋 明子¹, 磯貝 恵美子², 水之江 義充³, 友安 俊文¹, 山本 友子¹ (¹千葉大・院薬・微生物, ²北医大・歯・口腔衛生, ³九大・医・細菌)
- 1PA-018 **枯草菌ストレス応答関連タンパク質 RsbW の精製と結晶化**
小山 博之¹, 明田 大吾¹, 金子 友紀¹, 井田 孝², 山本 雅貴³, 田中 信夫¹, 熊坂 崇¹ (¹東工大院・生命理工, ²北里大・理, ³理研播磨)
- 1PA-019 **好熱性ラン藻 *Thermosynechococcus elongatus* BP-1 における RNA polymerase 精製系と *in vitro* 転写系の確立**
今清水 正彦, 関 麻子, 華岡 光正, 田中 寛 (東大・分生研)
- 1PA-020 **DNA helicase RecQ5 の機能解析**
泉川 桂一¹, 柳田 光昭^{1,2}, 嶋本 顕^{3,4}, 舘川 宏之¹, 磯辺 俊明⁵, 古市 泰宏^{3,4}, 高橋 信弘^{1,3} (¹東農工大・連合農学研究科, ²順天堂大・プロテオミクスセンター, ³文部科学省・次世代プロテオーム, ⁴ジーンケア研究所, ⁵東京都立大・理学研究科)
- 1PA-021 **NMR を用いた新規レポーターシステムによる遺伝子発現可視化技術の開発と応用**
杉原 文徳, 枋尾 豪人, 奇 世媛, 笠原 浩司, 渡邊 清, 古久保 哲朗, 白川 昌宏 (横浜市立大・総合理)
- 1PA-022 **ヒメツリガネゴケ *rp0A* 破壊株を用いた色素体転写機構の解析**
小林 勇氣^{1,2}, 杉田 護¹ (¹名大・遺伝子, ²日本学術振興会特別研究員)
- 1PA-023 **インフルエンザウイルスポリメラーゼによる転写開始反応機構の解析**
若井 ちとせ¹, 斎藤 太寿¹, 岩間 美奈子¹, 鈴木 雄次郎², 水本 清久¹ (¹北里大・薬・生化学, ²北里研・生物製剤研)
- 1PA-024 **新規コアアクチベーター NF 複合体による c-fos 遺伝子転写制御機構の解析**
中太 智義¹, 嶋田 美穂¹, 福田 綾², 禾 泰壽¹, 久武 幸司¹ (¹埼玉医大・医・分子生物, ²Rockefeller Univ. Biochem. And Mol. Biol)
- 1PA-025 **クロマチン修飾を介した転写制御機構の解明**
嶋田 美穂¹, 中太 智義¹, 福田 綾², 禾 泰壽¹, 久武 幸司¹ (¹埼玉医大・医・分子生物, ²Rockefeller Univ. Biochem. and Mol. Biol.)
- 1PA-026 **核型 FKBP によるクロマチン構造変換**
葛原 隆, 堀越 正美 (東京大・分生研・発生分化構造)
- 1PA-027 **Brg1 複合体クロマチンリモデリング活性におけるアクチン機能の役割**
渡辺 優憲^{1,2}, 小祝 修², 清野 透¹, 藤田 雅俊¹ (¹国立がんセ・ウイルス, ²東理大・理工・応生物)
- 1PA-028 **出芽酵母の減数分裂初期遺伝子 *IME2* におけるクロマチン構造変換を介した転写制御機構の解析**
井内 智美, 湯川 格史, 宮原 浩二, 土屋 英子 (広大院 先端研 分子生命機能)
- 1PA-029 **分裂酵母転写抑制因子 Tup11, Tup12 はクロマチン構造変化を制御する**
廣田 耕志^{1,3}, ホフマン チャールズ², 柴田 武彦⁴, 太田 邦史^{3,4} (¹埼玉県中小企業振興公社 / REDS, ²ボストン大学, ³理研遺伝ダイナミクス, ⁴理研遺伝生化学)
- 1PA-030 **クロマチンリモデリング因子 Brm の Splicing Variant 探索および機能解析**
下野 智弘¹, 嶋田 卓朗¹, 宇津木 孝彦², 小野田 文俊¹, 村上 康文^{1,2} (¹東京理科大・基礎工・生物工, ²東京理科大・ゲノム創薬セ・構造ゲノム)
- 1PA-031 **ヌクレオソームポジショニングによるアクチベーター Hap1p の結合阻害**
中島 久美子, 清水 光弘 (明星大・理工・化学)
- 1PA-032 **出芽酵母 *CYC1* プロモーターにおいてヌクレオソーム応答性を決定するメカニズム**
安堵城 悟, 富田 伸之, 清水 光弘 (明星大・理工・化学)
- 1PA-033 **酵母 2/Mcm1p による転写抑制機構：DNA 構造による *BAR1* 遺伝子のクロマチンの改変と転写の脱抑制**
桑名 俊介¹, 山本 裕一¹, 森田 亘¹, 山口 真優¹, 神藤 平三郎², 清水 光弘¹ (¹明星大・理工・化学, ²東京薬大・薬)
- 1PA-034 **クロマチン内 DNA の回転的ポジショニングと遺伝子発現**
隅田 周志^{1,2}, 榎瀬 潤一¹, 古屋 貴代¹, 大山 隆^{1,2} (¹甲南大・理工・生物, ²甲南大・知的情報通信研)

- 1PA-035 ヒストン点変異体ライブラリーによる DNA 介在反応に関わるヌクレオソーム分子表面の同定
松原 和子, 佐野 徳彦, 堀越 正美 (東大・分生研・発生分化構造)
- 1PA-036 出芽酵母接合型遺伝子座における染色体機能領域と境界領域形成機構
福田 紘己, 堀越 正美 (東京大・分生研・発生分化構造)
- 1PA-037 出芽酵母の胞子形成に及ぼすヒストンメチル化酵素遺伝子の変異の影響
諸橋 伸行¹, Aaron P. Mitchell², 清水 光弘¹ (1 明星大・理工・化学, 2 コロンビア大)
- 1PA-038 哺乳類ヒストン・メチル化酵素, G9a 複合体の機能解析
上田 潤^{1,2}, 立花 誠², 井倉 毅³, 眞貝 洋一² (1 京大院・生命科学, 2 京大・ウイルス研・感染症モデル,
3 広大・原医研・分子発がん制御)
- 1PA-039 ヒストンメチル化における G9a と G9a-like protein (GLP) の相互作用
北嶋 容子¹, 粥川 聖太郎^{1,2}, 立花 誠³, 吉田 輝彦¹, 眞貝 洋一³, 大木 操^{1,2}, 太田 力¹ (1 国立がんセンタ
ー・疾病ゲノムセンター, 2 独立行政法人・医薬品機構, 3 京都大学・ウイルス研)
- 1PA-040 出芽酵母の減数分裂初期遺伝子の転写制御における HDAC の活性制御
光井 武士, 井内 智美, 湯川 格史, 宮原 浩二, 土屋 英子 (広大院・先端研・分子生命機能)
- 1PA-041 レチノイン酸による胚性腫瘍細胞の分化誘導とヒストン修飾
山崎 孝仁¹, 金 春元², 村田 武英¹, 木村 誠¹, 鶴飼 英世¹, 横山 和尚¹ (1 理研・BRC・遺伝子材料開発
室, 2 NIDDK/NIH)
- 1PA-042 アラニンスキャニング変異体を用いた転写因子 Jun Dimerization Protein 2 (JDP2) の機能解析
野口 道也^{1,2}, 劉 冰冰^{1,3}, 山崎 孝仁¹, 村田 武英¹, 木村 誠¹, 鶴飼 英世¹, 王 碧昭², 横山 和尚¹ (1 理研・
BRC・遺伝子材料開発室, 2 筑波大・遺伝子実験センター, 3 中国医大・内科)
- 1PA-043 転写制御因子 JDP2 (Jun dimerization protein 2) のリン酸化機構の解析
中出 浩司, 村田 武英, 潘 建治, 横山 和尚 (理化学研究所バイオリソースセンター)
- 1PA-044 HDAC1 による悪性化ヒトメラノーマ細胞からの構成的 IL-1 産生調節機構
林 秀敏¹, 塩谷 和昭¹, 瀧井 猛将¹, 岡本 尚², 小野寄 菊夫¹ (1 名古屋市大・院薬・生体防御, 2 名古屋市
大・院医・細胞分子生物)
- 1PA-045 滑膜肉腫における転座遺伝子 SYT-SSX 蛋白とヒストン脱アセチル化酵素複合体因子 mSin3A の相互作用
大内田 守¹, 伊藤 達男², 伊藤 佐智夫¹, 尾崎 敏文², 清水 憲二¹ (1 岡山大・医歯学総合・分子遺伝, 2 岡
山大・医歯学総合・整形外科)
- 1PA-046 EID ファミリータンパクによる転写抑制の分子メカニズム
三宅 智, 中山 啓子 (東北大・院医・発生分化)
- 1PA-047 マウスカテプシン E 遺伝子の組織特異的発現と転写開始点
岡本 美子¹, 岡元 邦彰², 岩田 淳一³, 川久保 友世³, 山本 健二³ (1 第一薬科大・生理化学, 2 長大・歯・
口腔分子薬理, 3 九大・歯・口腔機能分子科学)
- 1PA-048 ニワトリグリシン脱炭酸酵素 (P-タンパク) 遺伝子の転写に関わるシス因子群の解析
川口 博¹, Dwaipayan Sikdar¹, Huachuan Zheng¹, 加藤 一郎^{1,2}, 平賀 紘一¹ (1 富山医薬大・医・生化学,
2 21 世紀 COE プログラム)
- 1PA-049 ヒト V 型コラーゲン 3 鎖遺伝子の転写調節機構の解析
長門 仁, 松尾 哲孝, 住吉 秀明, 高谷 恵子, 吉岡 秀克 (大分大学医学部生体分子構造機能制御講座・生化学
第二)
- 1PA-050 マウス Flap endonuclease I の遺伝子構造と転写プロモーターの解析
江本 美久¹, 三木 元博¹, Altaf H. Sarker², 中村 孝志², 関 周司³, 池田 正五¹ (1 岡山理科大・理・生物化
学, 2 岡山大・医・病態分子生物, 3 中国学園大・人間栄養)
- 1PA-051 ショウジョウバエの転写因子 DREF と遺伝学的相互作用する因子の機能解析
井田 寛之¹, 吉田 英樹², 廣瀬 富美子³, 山口 政光¹ (1 京都工繊大・繊維・応用生物, 2 創価大・工学・
生命情報, 3 兵庫県立大・生命科学)
- 1PA-052 *hMLH1* 遺伝子上流域 - 96 ~ - 80 に結合する因子の検索
有田 通恒, 関 正華, 逸見 仁道 (東邦大・医・分子生物)

- 1PA-053 ヒト CSK 遺伝子の転写活性調節機構
大林 あゆ見, 島 孝樹, 岡田 雅人 (阪大・理・生物)
- 1PA-054 ヒト CYP24 遺伝子の発現制御配列の解析
田代 克久, 龍治 英 (広島県立大・生物資源)
- 1PA-055 転写因子 NF-Y の ODF/Rankl 遺伝子発現制御機構の解析
加部 泰明, 山田 丈, 山口 雄輝, 和田 忠士, 半田 宏 (東工大, 生命理工)
- 1PA-056 Smad7 発現制御における Smad7 遺伝子 5'UTR の機能
小林 徳彦, 斉藤 正夫, 宮園 浩平 (東京大・院医・分子病理)
- 1PA-057 Alternative splicing of the human *Kank* gene produces two types of Kank protein
Yong Wang¹, Yoshiaki Onishi¹, Naoto Kakinuma¹, Badal Chandra Roy¹, Teichiro Aoyagi², Ryoiti Kiyama¹
(¹AIST, ²Tokyo Med Univ)
- 1PA-058 *hPXR* 遺伝子の転写調節機構の解析
黒瀬 光一, 池田 仁子, 児矢野 聡, 頭金 正博, 長谷川 隆一, 澤田 純一 (国立医薬品食品衛生研究所)
- 1PA-059 初期応答遺伝子 EGR1 による核内オーファンレセプター ROR 4 の転写活性化機構
吉本 志高, 三木 尚樹, 松井 隆司 (福山大・薬・ゲノム創薬)
- 1PA-060 ラットカタラーゼ遺伝子プロモーターにおける転写制御機構
谷口 真, 中塚 隆介, 橋本 真由美, 平田 みつひ, 鏡 京介, 佐藤 建三 (鳥取大・医・分子生物)
- 1PA-061 エストロゲンによる clusterin 遺伝子の転写調節機構
大西 芳秋, 木山 亮一 (産総研・生物機能工学)
- 1PA-062 ヒト PDGFR の転写制御機構解析
湊 雄介, 田代 悦, 井本 正哉 (慶大・理工・生命情報)
- 1PA-063 ポリ (ADP- リボース) グリコヒドロラーゼ (hPARG) 遺伝子プロモーター領域の解析
内海 文彰¹, 榎原 榮史¹, 浅沼 明博¹, 田沼 靖一² (¹東理大・薬・遺伝子制御, ²東理大・薬・生化学)
- 1PA-064 syntaxin 1 遺伝子上流の発現調節領域の解析
中山 高宏¹, 御子柴 克彦², 赤川 公朗¹ (¹杏林大・医・細胞生理, ²東京大・医科研・脳発生神経)
- 1PA-065 転写因子 GATA-3 による ST2 遺伝子の発現制御
早川 盛禎, 柳澤 健, 青木 真佑, 早川 裕子, 竹迫 直樹, 富永 眞一 (自治医大・医・生化学)
- 1PA-066 BAS1 は TAND と MED9 依存的に HIS4 遺伝子のコアプロモーターを活性化する
高畑 信也, 古久保 哲郎 (横浜市立大・総合理)
- 1PA-067 Functional Analysis Of Bdf1, A Factor Associated with TFIID and The Swr1 Complex
澤 智華¹, Keogh Michael-Christopher¹, Krogan Nevan J.², 和田 忠士³, 半田 宏³, Greenblatt Jack F.²,
Buratowski Stephen¹ (¹Harvard Medical School, Boston U.S.A, ²University of Toronto, Toronto Canada,
³東京工業大学 生命理工学研究科)
- 1PA-068 植物の TFIIA 型ジンクフィンガータンパク質ファミリーにおける結合 DNA 配列の比較解析
福島 説子¹, 吉田 充輝², 高辻 博志¹ (¹農業生物資源研, ²東京理大・基礎工・生物工)
- 1PA-069 ストレスによる TLP の核移行
朴 慶愛¹, 嶋田 美穂², 田村 隆明¹ (¹千葉大院・自然科学, ²埼玉医学大・医・分子生物)
- 1PA-070 TLP (TBP-like protein) によるサイクリン G2 遺伝子の転写活性化機構の解析
田中 祐司¹, 難波 泰明¹, 嶋田 美穂², 田村 隆明¹ (¹千葉大院・自然科学, ²埼玉医科大・医・分子生物)
- 1PA-071 トリ TFIIA の構造, 機能および発現
馬淵 智子¹, 若松 俊史², 栗原 将行¹, 松田 洋一³, 嶋田 美穂⁴, 中太 智義⁴, 田村 隆明¹ (¹千葉大院・自然科学, ²医薬分子設計研究所, ³北大・先端科学セ, ⁴埼玉医科大・医・分子生物)
- 1PA-072 Analysis of *bcl-2* transcription factors in normal human endometrium
Zhong-Lian Li, Hideaki Abe, Yoshinori Otsuki (Dept. Anat. Biol., Osaka Medical College)
- 1PA-073 p73 による NF B 応答性遺伝子の発現制御
田中 康春, 太田 克矢, 亀岡 正典, 広中 安佐子, 吉原 紘一朗 (奈良医大・生化学)

- 1PA-074 表面プラズモン共鳴イメージングを用いた MafG のホモ 2 量体とヘテロ 2 量体の認識配列の網羅的評価
山本多恵¹, 京基樹², 紙谷光恵², 田中俊之³, 勝岡史城¹, James Douglas Engel⁴, 本橋ほづみ¹, 山本雅之^{1,5} (¹筑波大学 TARA センター, ²東洋紡バイオフロンティア, ³筑波大学応用生物化学, ⁴Univ. of Michigan, ⁵ERATO 山本環境応答)
- 1PA-075 TATA ボックス結合因子の進化上の起源
安達成彦, 堀越正美 (東大・分生研・発生分化構造)
- 1PA-076 *mim-1* プロモーター上での c-Myb と C/EBP の立体特異的相互作用の解析
山村信久, 佐藤光, 椎名政昭, 緒方一博 (横浜市大・院・医・生化学)
- 1PA-077 Stable transfectant を用いた *mim-1* プロモーター領域の解析
佐藤光, 山村信久, 緒方一博 (横浜市大・院・医・生化学)
- 1PA-078 PAP-1 結合タンパク質 PAPA-1 と c-Myc, Miz-1 の相互作用による転写制御
田畑考統¹, 米田宏³, 有賀寛芳^{1,3}, 有賀早苗^{2,3} (¹北大院・薬, ²北大院・農, ³科技構・CREST)
- 1PA-079 Id like protein, GCIP/DIP1, negatively regulates cell-cycle progression via interaction with CBP.
Hidetoshi Fujita^{1,2,3,4}, Satoko Aratani¹, Akiyoshi Fukamizu^{2,3}, Toshihiro Nakajima¹ (¹St. Marianna Univ., Inst. Medical Sci., Dept. Genome Sci., ²Tsukuba Univ., Inst. Applied Biochem., ³Tsukuba Univ., Center for TARA, ⁴Japan Society for the Promotion of Science)
- 1PA-080 免疫沈降法と 2 次元電気泳動法による Jumonji 結合蛋白質の解析
久保田美佐江, 白土治己, 加藤利佳, 大森彬, 竹内隆 (三菱化学生命科学研究所)
- 1PA-081 ショウジョウバエの RFX ファミリータンパク質の機能解析
杉本敏美¹, 大槻恭子¹, 瀬戸洋一¹, 林裕子², 山口政光¹ (¹京都工繊大・繊維・応用生物, ²愛知がんセ研・発がん制御)
- 1PA-082 転写因子 MIBP1 と Translokcin との相互作用の解析
脇万里子, 福地成彦, 岩下雄二, 田平知子, 林健志 (九大・生医研・遺伝情報・ゲノム構造学)
- 1PA-083 Ets gene PEA3 cooperates with c-Jun in regulation of HER2/neu transcription
Koshi Matsui^{1,2}, Kazuhiro Tsukada¹, Kazuhito Sugimori², Takashi Tokoro², Susumu Higa², Isao Kitajima² (¹Toyama Med. and Pharm. Univ. 2nd Surg. Dept., ²Clin. Lab. Med. Dept.)
- 1PA-084 TTRAP は SUMO 関連蛋白質と相互作用し DNA 修復あるいは転写制御に関与する。
稲熊裕, 渡辺貴美, 滝澤剛則 (愛知県コロニー・発達障害研・神経制御)
- 1PA-085 HMG box 転写因子と Ku70/80 の会合及び, Ku70/80 による TCF1 の活性制御に関する検討
石井涼子, 森尾友宏, 水谷修紀 (東京医歯大, 医, 小児)
- 1PA-086 Transcriptional down-regulation through nuclear exclusion of EWS methylated by protein arginine methyltransferase 1 (PRMT1)
Natsumi Araya¹, Hideaki Hiraga¹, Koichiro Kako¹, Arai Yukitomo^{2,3}, Shigeaki Kato³, Akiyoshi Fukamizu¹ (¹Univ. Tsukuba, TARA, ²Jichi Med. Sch., Div. Health Sci., ³Univ. Tokyo, IMCB)
- 1PA-087 転写因子 Sp1 による癌細胞におけるヒト -1,4-ガラクトース転移酵素 V 遺伝子の発現制御機構の解析
佐藤武史, 古川清 (都老人研・増殖分化制御)
- 1PA-088 デキサメタゾンにより誘導されるラット肝カルボキシエステラーゼの同定および分子クローニング
藤井亜矢子, 降幡知巳, 細川正清, 千葉寛 (千葉大院・薬・薬物)
- 1PA-089 Granzyme A のグルココルチコイドによる転写誘導機構に関する研究
類家慶直, 勝間進, 平澤明, 辻本豪三 (京大院薬・ゲノム創薬科学)
- 1PA-090 ビオチンによるホスホエノールピルビン酸カルボキシキナーゼ (PEPCK) の発現調節機構の解析
杉田弓美, 白川仁, 駒井三千夫 (東北大・院農・栄養学)
- 1PA-091 カイコ培養細胞における arpc2 (arc-p34) 遺伝子の転写誘導
松本由記子¹, 中村有希², 加藤康仁³, 三田和英¹, 今西重雄¹, 中島信彦¹, 野田博明¹ (¹農業生物資源研究所, ²茨城大・農, ³日本化薬)
- 1PA-092 カイコ培養細胞 BmN4 への脂肪蓄積誘導時における脂肪細胞分化マーカー aP2 のカイコホモログ BmaP2 の転写調節領域の解析
秋月岳, 今西重雄 (農業生物資源研究所)

- 1PA-093 **バキュロウイルス (BmNPV) の HE65 による転写活性化機構の解析**
西島 康行, 浅野 眞一郎, 佐原 健, 伴戸 久徳 (北大院・農・応用生命)
- 1PA-094 **新規タンパク質 ZNF295 の転写抑制活性**
王 ジュン, 工藤 純, 高柳 淳, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 1PA-095 **線虫において 2 種類存在する p97 の転写調節機構の解析**
山内 清司, 山中 邦俊, 小椋 光 (熊本大・発生研・細胞複製)
- 1PA-096 **Analysis of the ETS family transcription factor C42D8.4 in *C. elegans***
Tetsuo Kobayashi^{1,2}, Keiko Gengyo-Ando^{1,2}, Takeshi Ishihara^{3,4}, Isao Katsura³, Shohei Mitani¹
(¹Department of Physiology, Tokyo Women's Medical University School of Medicine, ²CREST, ³Structural Biology Center, National Institute of Genetics, ⁴Department of Biology, Faculty of Sciences, Kyushu University Graduate School)
- 1PA-097 **LIM 様転写因子の発現抑制による植物のリグニン生合成の制御**
河岡 明義, 渡邊 恵子, 南藤 和也, 海老沼 宏安 (日本製紙・森林科学研)
- 1PA-098 **シロイヌナズナ転写抑制因子 SUPERMAN の最小転写抑制ドメインの同定**
平津 圭一郎^{1,2}, 光田 展隆^{1,2}, 松井 恭子^{1,2}, 高木 優^{1,2} (¹産総研 ジーンファンクション, ²CREST)
- 1PA-099 **出芽酵母 *Saccharomyces cerevisiae* における, SCS2-SNF1 経路によるイノシトール生合成遺伝子 (*INO1*) の発現調節**
梶原 ひとみ, 鍵和田 聡 (奈女大・理・生物)
- 1PA-100 **酵母の転写因子 Ino2p-Ino4p 複合体とアダプチン蛋白質 Apl2p の結合部位の解析**
仁川 純一, 屋田 雅子, 久田 大輔, 上田 剛 (九工大・情報工)
- 1PA-101 **酵母のチアミンピロリン酸シグナルによる転写調節解析**
野坂 和人¹, 小野塚 真理², 西村 洋³, 佐野 護⁴ (¹京都府立医大・院・ゲノム医科学, ²分子生化学, ³放射性同位元素室, ⁴病態分子薬理学)
- 1PA-102 **新規 BTB-zinc finger 蛋白質 GetB の細胞内局在**
笹井 信広, 松田 永照, 川市 正史 (奈良先端大・バイオ)
- 1PA-103 **BTB ドメインを有する新規転写因子 GetB の SUMO 化修飾**
清水 智子, 笹井 信広, 松田 永照, 川市 正史 (奈良先端大・バイオ)
- 1PA-104 **Oct4/Sox2 による転写調節と SUMO 修飾の関連性**
水流添 周^{1,3}, 内村 康寛¹, 青戸 隆博¹, 斉藤 寿仁¹, 丹羽 仁史², 中尾 光善¹ (¹熊本大学発生医学研究センター-再建医学部門器官制御分野, ²理化学研究所発生・再生科学総合研究センター多能性幹細胞研究チーム, ³熊本大学医学・薬学研究科消化器外科)
- 1PA-105 **c-Myb 結合タンパク質 MGC7807 による c-myb 安定化の分子機構の解析**
森田 裕^{1,2}, 石井 知恵², 石井 俊輔² (¹筑波大院・人間総合科学, ²理研・筑波)
- 1PA-106 **転写制御因子 c-Ets-1 のリン酸化による活性制御の解析**
清水 信行¹, 豊後 泰子¹, 内山 晃子¹, 椎名 政昭¹, 佐藤 光¹, 山本 勇夫², 緒方 一博¹ (¹横浜市大・院・医・生化学, ²横浜市大・院・医・脳神経外科)
- 1PA-107 **TCR エンハンサー DNA 上での c-Ets-1 と Runx1 の相互作用による協調的活性制御**
内山 晃子, 豊後 泰子, 佐藤 光, 椎名 政昭, 緒方 一博 (横浜市大・院・医・生化学)
- 1PA-108 **転写因子 Ets-1 の SUMO 化による機能制御**
西田 有¹, 安田 秀世² (¹東薬大・生命, ²日本製粉 (株) 中央研究所)
- 1PA-109 **癌抑制遺伝子産物 p53 の SUMO 化の意義**
服部 高子^{1,2}, 西田 有³, 華表 友暁³, 滝川 正春¹, 巻 さゆみ⁴, 上野 憲道⁴, deCrombrugge Benoit², 安田 秀世⁴ (¹岡山大・院・歯学総合・口腔生化・分子歯科, ²MD Anderson CancerCtr, ³東薬大・生命, ⁴日本製粉 (株) 中研)
- 1PA-110 **プロリルイソメラーゼ Pin1 は転写因子 CREB の活性を調節している**
藤森 文啓^{1,2}, 高橋 護人^{2,3}, 鈴木 真², 秋山 弘匡^{2,3}, 内田 隆史^{2,3} (¹東京家政・環境情報, ²東北大・学際センター, ³東北大・加齢研)

- 1PA-111 Sir2 は脱アセチル化酵素活性を介して Foxo1 依存的な転写を活性化する
大徳 浩照¹, 八田 光世^{1,2}, 松崎 仁美¹, 荒谷 聡子^{1,3}, 大島 隆幸¹, 宮岸 真¹, 中島 利博³, 深水 昭吉¹ (筑波大・TARA,² 北大院・歯・口腔病態,³ 聖マリアンナ医大・難治研)
- 1PA-112 ゲノムスケールの核内受容体標的配列コンピュータ解析システム SayaMatcher
坊農 秀雅 (埼玉医大・ゲノム医学研究セ・ゲノム科学)
- 1PA-113 ゲノム情報に基づく新規アンドロゲン応答配列群の同定
堀江 公仁子¹, 坊農 秀雅², 岡崎 康司², 井上 聡^{1,3} (埼玉医大・ゲノム医学研究セ・遺伝子情報制御,² ゲノム医学研究セ・ゲノム科学,³ 東大・院医・加齢医学)
- 1PA-114 LXR 安定発現細胞株を用いた LXR 標的遺伝子の発現解析
石本 憲司¹, 橘 敬祐¹, 住友 美賀子¹, 片山 達也¹, 上田 智尋¹, 小林 由美¹, 山崎 大典¹, 花野 郁子¹, 渡辺 雄一郎², 田中 十志也², 酒井 寿郎², 児玉 龍彦², 土井 健史¹ (阪大院・薬・蛋白情報,² 東大・先端研・システム生物学)
- 1PA-115 Disruption of Liver X Receptor Signal Pathways by Polycyclic Aromatic Hydrocarbons via Aryl Hydrocarbon Receptor
Shunsuke Iwano, Manabu Nukaya, Tetsuya Saito, Fumie Asanuma, Tetsuya Kamataki (Hokkaido Univ., Grad. Sch. Pharm. Sci.)
- 1PA-116 Riccardin C による LXR 選択的活性化機構の解析
為広 紀正¹, 佐藤 陽二¹, 浅川 義範², 橋本 敏弘², 大野 泰雄¹, 井上 和秀¹, 最上 (西巻) 知子¹ (国立衛研,² 徳島文理大・薬・薬化)
- 1PA-117 肝臓におけるヒト PPAR による CLAMP の発現調節機構の解明と SR-BI による HDL コレステロールの取り込みに関する研究
片山 達也¹, 橘 敬祐¹, 上田 智尋¹, 山崎 大典¹, 石本 憲司¹, 田中 十志也², 上田 之彦³, 新井 洋由⁴, 酒井 寿郎², 児玉 龍彦², 土井 健史¹ (阪大院・薬,² 東大院・先端研,³ 滋賀県立成人病センター研究所,⁴ 東大院・薬)
- 1PA-118 長鎖脂肪酸及びその CoA 体濃度調節系と PPAR の機能的相互作用の解析
右近 美樹, 本島 清人 (明治薬科大・生化学)
- 1PA-119 PPAR を活性化する新規高度不飽和脂肪酸誘導体とその抗糖尿病活性
山本 恵子¹, 伊藤 俊将¹, 阿部 大二朗^{1,2}, 山田 幸子^{1,2} (東京医歯大・生材研,² 東京医歯大・疾患生命研)
- 1PA-120 non-canonical Wnt pathway による核内レセプター PPAR 転写抑制機構の解析
高田 伊知郎^{1,2}, 須沢 美幸^{1,2}, 松本 邦弘³, 加藤 茂明^{1,2} (東大分生研,² 科技団,SORST,³ 名大大学院)
- 1PA-121 アンドロゲン受容体は卵胞発育必須因子である
椎名 博子^{1,3}, 佐藤 隆史¹, 五十嵐 勝秀⁴, 松本 高広^{1,2}, 宮本 純子¹, 高田 伊知郎^{1,2}, 中村 貴史¹, 盛 真友¹, 菅野 純⁴, 吉川 裕之³, 加藤 茂明^{1,2} (東大, 分生研,² 科技団, SORST,³ 筑波大, 産婦人科,⁴ 国立衛生研, 毒性部)
- 1PA-122 ショウジョウバエエクダイソンレセプター転写制御を介したエクダイソン/幼若ホルモン拮抗的作用メカニズムの解明
真木 彰郎¹, 沢津橋 俊¹, 伊藤 紗弥¹, 鈴木 絵里子¹, 城出 裕子^{1,2}, 趙 越¹, 山形 薫^{1,2}, Alexander Kouzmenko^{1,2}, 武山 健一^{1,2}, 加藤 茂明^{1,2} (東大分生研,² 科学技術振興機構, SORST)
- 1PA-123 アンドロゲンレセプターを介した E2F-1/Rb 転写制御機構の解析
鈴木 絵里子¹, 武山 健一^{1,2}, 伊藤 紗弥¹, 沢津橋 俊¹, 城出 裕子^{1,2}, 真木 彰郎¹, 山形 薫^{1,2}, 趙 越¹, Alexander Kouzmenko^{1,2}, 相垣 敏郎³, 多羽田 哲也¹, 加藤 茂明^{1,2} (東大・分生研,² 科技団・SORST,³ 都立大院理)
- 1PA-124 分子遺伝学的アプローチによるヒト性ステロイドホルモンレセプター新規転写制御因子の網羅的 Screening 系の構築
伊藤 紗弥¹, 武山 健一^{1,2}, 沢津橋 俊¹, Kouzmenko Alexandre^{1,2}, 城出 裕子^{1,2}, 鈴木 絵里子¹, 真木 彰郎¹, Zhao Yue¹, 山形 薫¹, 相垣 敏郎³, 多羽田 哲也¹, 加藤 茂明^{1,2} (東大分生研,² 科学技術振興機構 SORST,³ 都立大院理)

- 1PA-125 AhRR の SUMO 化とその意義
三村 純正¹, 大島 基彦^{1,2}, 山本 雅之^{1,2,3}, 藤井 義明^{1,4} (¹ 筑波大・TARA センター, ² 筑波大・人間総合科学, ³ 科技機構・ERATO, ⁴ 科技機構・SORST)
- 1PA-126 アリルハイドロカーボン受容体 (AhR) のリガンド非依存的な核移行と転写活性化の動物種差
椎崎 一宏^{1,2}, 大迫 誠一郎¹, 遠山 千春^{1,2} (¹ 国立環境研, ² 筑波大)
- 1PA-127 Ah レセプター/Arnt と E2F のクロストーク
渡部 雄一, 榎葉 繁紀, 手塚 雅勝 (日大・薬・衛生化学)
- 1PA-128 血液リンパ球における Ah レセプター依存性遺伝子発現誘導の動物種差の検討
野原 恵子, 宮本 芳美, 粟生 佳奈, 伊藤 智彦, 遠山 千春 (国立環境研・環境健康)
- 1PA-129 CHIP による分解を介したエストロゲンレセプターの品質管理機構
立石 幸代¹, 川辺 洋一¹, 千葉 智樹², 小林 陽子¹, 市川 謙¹, 田中 啓二², 馬場 忠¹, 加藤 茂明^{3,4}, 柳澤 純¹ (¹ 筑波大・院・生命環境, ² 都臨床研・分子腫瘍, ³ 東大・分生研, ⁴ 科技団・SORST)
- 1PA-130 エストロゲンレセプター (ER) の分解制御機構
團尾 楽¹, 市川 謙², 関屋 雄一², 立石 幸代², 川辺 洋一², 柳澤 純² (¹ (有) Ankhs, ² 筑波大・応生系)
- 1PA-131 細胞増殖におけるエストロゲン応答遺伝子 COX7RP の役割
池田 和博¹, 保母 るつ子^{1,2}, 竹田 省², 井上 聡^{1,3} (¹ 埼玉医大・ゲノム医学研究セ・遺伝子情報制御, ² 埼玉医大・総合医療セ・産婦人科, ³ 東大・院医・加齢医学)
- 1PA-132 NR4A 核内受容体ファミリーに対する prostaglandin A2 及びその誘導体の transactivator 活性について
大倉 永也¹, 塚田 俊彦¹, 加賀谷 伸治², 宮川 雅美², 杉田 雄二², 辻本 豪三³, 松本 健治³, 斎藤 博久³, 橋田 亮一² (¹ 国立がんセンター研究所, 腫瘍内分泌プロジェクト, ² ジェノックス創薬研究所, ³ 国立成育医療センター研究所)
- 1PA-133 骨芽細胞におけるステロイド X 受容体 (SXR) を介したビタミン K の標的分子とその作用
市川 智恵¹, 堀江 公仁子¹, 井上 聡^{1,2} (¹ 埼玉医大・ゲノム医学研究セ・遺伝子情報制御, ² 東大・院医・加齢医学)
- 1PA-134 Zinc Finger タンパク質 TZF はアンドロゲン受容体の転写抑制因子である
石塚 晶道¹, 河手 久弥², 高柳 涼一², 大島 裕隆¹, 萩原 啓実^{1,3} (¹ 東工大院・生命理工, ² 九州大・医学研究院・老年医学, ³ 桐蔭横浜大学・工)
- 1PA-135 ビルピン酸脱水素酵素キナーゼ 4 遺伝子のコアクチベーター PGC-1 による転写活性化機構の解析
荒木 信, 本島 清人 (明治薬科大・生化学)
- 1PA-136 核内レセプター AF-1 領域と相互作用する因子の探索
国本 真明, 鈴木 英子, 大野 雅恵, 池田 和貴, 西塚 誠, 今川 正良 (名市大院・薬)
- 1PA-137 核受容体 SHP の概日リズムを持った発現の検討
大岩 亜子, 柿澤 供子, 宮本 高秀, ジャン ウェイ, 山下 浩, 鈴木 悟, 武田 貞二, 橋爪 潔志 (信州大学大学院 医学研究科加齢病態制御学分野)
- 1PA-138 酵母熱ショック転写因子により調節される遺伝子群の同定
山本 絢子, 水上 悠, 橋川 直也, 桜井 博 (金沢大・医・保健)
- 1PA-139 酵母熱ショック転写因子 (Hsf1) のリン酸化による転写調節
橋川 直也, 桜井 博 (金沢大・医・保健)
- 1PA-140 Tfg3, a subunit of the general transcription factor TFIIIF in *Schizosaccharomyces pombe*, functions under stress conditions
Makoto Kimura¹, Akira Ishihama² (¹Gene Engineering Div., BRC, RIKEN, ²Nippon Inst. of Biol. Sci.)
- 1PA-141 ショウジョウバエ DNA 超らせん化因子 SCF による熱ショック遺伝子およびホメオティック遺伝子の発現調節
小笠原 洋平¹, 古橋 寛史², 広瀬 進² (¹ 総研大・生命科学・遺伝学, ² 遺伝研・形質遺伝)
- 1PA-142 熱ショック転写因子と TDAG51 を介した新しい細胞死の機構
田中 康範¹, 伊豆 英恵², 藤本 充章¹, 高木 栄一¹, 市川 仁³, 井上 幸江¹, 中井 彰¹ (¹ 山口大・院医・生体シグナル, ² 酒類総合研究所, ³ 国立がんセ・腫瘍発現解析プロジェクト)

- 1PA-143 レンズ形成での HSF4 と HSF1 の増殖と分化における役割
藤本 充章¹, 伊豆 英恵¹, 山田 秀一², 加藤 兼房³, 米村 重信⁴, 田中 康範¹, 高木 栄一¹, 井上 幸江¹, 中井 彰¹ (1 山口大学・院医・生体シグナル, 2 京都大学ウイルス研究所, 3 愛知コロニー研究所, 4 理化学研究所・発生・再生科学)
- 1PA-144 HSF1 は嗅神経細胞の維持に必要である
高木 栄一¹, 藤本 充章¹, 菅原 一真^{1,2}, 井上 幸江¹, 田中 康範¹, 米村 重信³, 竹本 剛^{1,2}, 山下 裕司², 中井 彰¹ (1 山口大・院医・生体シグナル, 2 山口大・医・耳鼻咽喉科, 3 理研・発生・再生科学)
- 1PA-145 酸化ストレスセンサー Keap1 の遺伝子 cSNP の肺癌細胞を用いた同定とその機能解析
大辻 摩希子^{1,2,3}, 粥川 容子^{4,5}, 小林 聡^{1,2,3}, 姜 文一^{1,2,3}, 太田 力^{4,5}, 山本 雅之^{1,2,3} (1 筑波大・TARA センター, 2 人間総合科学, 3 ERATO, 4 国立がんセンター, 5 疾病ゲノムセンター)
- 1PA-146 トランスジェニックレスキュー法を用いた Keap1 の個体レベルでの機能解析
山本 多恵¹, 若林 順子¹, 小林 聡¹, 本橋 ほづみ¹, 山本 雅之^{1,2} (1 筑波大・基礎医・TARA, 2 科技機構・ERATO)
- 1PA-147 肝臓特異的 *keap1* 欠損マウスはアセトアミノフェン肝毒性に抵抗性を示す
大川 裕美¹, 本橋 ほづみ¹, 小林 聡¹, 山本 雅之^{1,2} (1 筑波大院・人間総合科学・TARA, 2 科技機構・ERATO)
- 1PA-148 ゼブラフィッシュ *gstp1* と *gstp2* 遺伝子の転写制御
高木 やえ子¹, 鈴木 隆史¹, 長内 仁¹, 竹内 未紀¹, 李 麗¹, 中山 裕子², 小林 麻己人^{1,2}, 山本 雅之^{1,2} (1 筑波大・人間総合, 2 ERATO-JST)
- 1PA-149 ヘム結合性転写因子 Bach1 の分解機構の解析
善家 由香里¹, 田代 聡¹, 孫 継英¹, 岩井 一宏², 五十嵐 和彦¹ (1 広島大・医歯薬・医化学, 2 大阪市大・医・分子制御)
- 1PA-150 Bach1 と p53 によるアポトーシス実行遺伝子 Perp の発現調節
土肥 由裕¹, 大村 真司¹, 孫 継英¹, 太田 力², 五十嵐 和彦¹ (1 広島大院, 医歯薬総合, 医化学, 2 国立がんセンター, 疾病ゲノム研究所)
- 1PA-151 抗体クラススイッチの転写プログラムには抑制因子 Bach2 が関与する
武藤 哲彦¹, 田代 聡¹, 中島 修², 星野 英人³, 高橋 智⁴, 迫田 英一郎¹, 山本 雅之^{4,5}, 五十嵐 和彦¹ (1 広島大院・医歯薬総合・医化学, 2 山形大・遺伝子実験施設, 3 産総研・年齢軸生命工学研究センター, 4 筑波大・基礎医, 5 筑波大・TARA)
- 1PA-152 B 細胞特異的転写因子 Bach2 と Bcl-6 による Blimp-1 遺伝子の抑制
落合 恭子, 武藤 哲彦, 田代 聡, 五十嵐 和彦 (広島大院医歯薬学医化学)
- 1PA-153 酸化ストレス応答・異物代謝系遺伝子の発現制御に対する多様な小 Maf 群因子の貢献
勝岡 史城¹, 本橋 ほづみ¹, 石井 哲郎¹, 山本 雅之^{1,2} (1 筑波大・TARA/人間総合科学, 2 科技機構・ERATO)
- 1PA-154 SeCys tRNA 遺伝子条件付きノックアウトマウスのマクロファージの解析
鈴木 隆史¹, Vincent Kelly¹, 中島 修², 本橋 ほづみ¹, 西村 暹³, 山本 雅之¹ (1 筑波大・TARA センター/人間総合科学研究科/ERATO-JST, 2 山形大・遺伝子実験施設, 3 萬有製薬・つくば研究所)
- 1PA-155 低酸素応答性転写因子による human MLH1 遺伝子発現制御機構
谷本 圭司¹, 中村 秀明¹, 檜山 桂子¹, 河本 健², 加藤 幸夫², 西山 正彦¹ (1 広島大・原医研・遺伝子診断治療開発, 2 広島大大学院・医歯薬学総合・口腔生化)
- 1PA-156 低酸素ストレスによるテネイシン X-S (XB-S) の誘導への Sp1 の関与
加藤 朱利, 有賀 寛芳, 松本 健一 (北大・院・薬・分子生物)
- 1PA-157 *HIF-2* 遺伝子ノックダウンマウスにみられる貧血に対する解析
岩田 典子^{1,3}, 大根田 修^{1,2,3}, 山下 年晴^{1,2,3}, 藤井 義明³, 山本 雅之^{1,2,3} (1 筑波大・人間総合・再生幹細胞, 2 科技機構・ERATO・環境応答プロジェクト, 3 筑波大・TARA センター)
- 1PA-158 IPAS/HIF-3 は低酸素刺激によるエリスロポエチン産生に関与している
山下 年晴^{1,2,3}, 大根田 修^{1,2,3}, 長野 真澄^{1,3}, 岩田 典子^{1,3}, 藤井 義明³, 山本 雅之^{2,3} (1 筑波大・人間総合・再生幹細胞, 2 科技機構・ERATO・環境応答プロジェクト, 3 筑波大・TARA センター)

- 1PA-159 MDM2 転写活性化の抑制を伴うヒト大腸がん細胞由来の放射線感受性バリエーション
江島 洋介 (広島県立保健福祉大)
- 1PA-160 血清誘導細胞増殖におけるストレス応答遺伝子 ATF3 とプロトオンコジーン c-myc とのクロストーク制御
田村 清^{1,2}, 巴 銀花¹, 安達 進³, 川内 潤也^{1,2}, 森岡 勝樹¹, 安達 三美¹, 田中 裕二郎¹, 中別府 雄作⁴, 砂盛 誠², John Sedivy⁵, 北嶋 繁孝¹ (¹東京医歯大学・難治研・遺伝生化学, 大学院疾患生命科学研究所・ゲノム構造制御, ²大学院・心肺機能外科, ³循環制御, ⁴九学・生医研・脳機能制御, ⁵Brown Univ., Dep. Molecular Bio., Cell Bio., Biochem.)
- 1PA-161 ストレス応答転写抑制因子 ATF3 スプライスバリエーション Zip2 による細胞死誘導
巴 銀花^{1,2}, 田村 清^{1,2}, 森岡 勝樹^{1,2}, 羅 陽^{1,2}, 安達 三美^{1,2}, 田中 裕二郎^{1,2}, 北嶋 繁孝^{1,2} (¹東医歯大・難研・ゲノム応用・遺伝生化, ²東医歯大・(院) 疾患生命研究部・ゲノム構造制御)
- 1PA-162 Novel Regulatory Mechanisms of the Human *CYP1A1* Gene via PXR and CAR
Norihito Shibahara, Shunsuke Iwano, Tetsuya Saito, Kazuma Kiyotani, Tetsuya Kamataki (Hokkaido Univ., Grad. Sch. Pharm. Sci.)
- 1PA-163 Regulation of CYP3A4 Expression Level in Japanese Liver
Takanori Hayashi¹, Matsumura Keiko¹, Saito Tetsuya¹, Honda Goro², Nakagawa Kazuko³, Kamtaka Tetsuya¹ (¹Hokkaido Univ., Grad. Sch. Pharm. Sci., Lab. Drug Metabol., ²Kokura Memorial Hosp., ³Kumamoto Univ., Grad. Sch. Med. Pharm. Sci.,)
- 1PA-164 トキシコゲノミクスを利用したディーゼル排気微粒子の毒性メカニズムの解明
伊藤 智彦¹, 長井 治子^{1,2}, 遠山 千春¹, 小林 隆弘¹, 野原 恵子¹ (¹国立環境研・環境健康, ²東京理科大・生命科学)
- 1PA-165 シロイヌナズナの環境ストレス応答に関する転写因子 DREB1A のホモログの機能解析
春日 美江¹, 圓山 恭之進¹, 佐久間 洋¹, 篠崎 一雄², 篠崎 和子^{1,3} (¹国際農研・生物資源, ²理研・植物分子, ³東大院・農学生命科学)
- 1PA-166 シロイヌナズナのプロリンデヒドロゲナーゼ遺伝子 *ProDH* の低浸透圧応答性発現制御に関する bZIP 転写因子の解析
佐藤 里絵^{1,2}, 藤田 泰成¹, 中島 一雄¹, 篠崎 一雄^{2,4}, 篠崎 和子^{1,2,3} (¹国際農研・生物資源, ²CREST, JST, ³東大・院・農学生命科学, ⁴理研・植物分子生物)
- 1PA-167 PML は PU.1 と協調して骨髄系細胞の終末分化を誘導する
吉田 均¹, 市川 仁², 島 豊¹, 六代 範¹, 大西 一功³, 赤尾 幸博⁴, 北林 一生¹ (¹国立がんセンター, 研, 分子腫瘍, ²国立がんセンター, 研, 腫瘍発現解析, ³浜松医大, ³内, ⁴岐阜県国際バイオ研, 遺伝子診断)
- 1PA-168 C/EBP と Ets 因子 GABP の機能的及び物理的相互作用による骨髄細胞特異的な発現調節機構
下川 敏文, 羅 智靖 (日大院・医・分子細胞免疫・アレルギー学)
- 1PA-169 GATA 結合活性阻害・HIF-1 結合活性亢進薬 (K-11706) の経口投与による慢性貧血改善の試み
今川 重彦¹, 松本 健¹, 小原 直¹, 鈴木 教郎², 土肥 武³, 高橋 智¹, 長澤 俊郎¹, 山本 雅之^{1,2} (¹筑波大・院・人間総合, ²科技機構 ERATO 山本環境応答, ³興和株式会社)
- 1PA-170 エリスロポエチンの遺伝子発現における GATA 配列を介した転写制御
小原 直¹, 鈴木 教郎², 今川 重彦¹, 大根田 修¹, 長澤 俊郎¹, 山本 雅之^{1,2} (¹筑波大・院・人間総合, ²科技機構 ERATO 山本環境応答)
- 1PA-171 エリスロポエチン遺伝子の肝臓特異的エンハンサーとその機能
鈴木 教郎¹, 小原 直², 金 起範², 潘 小青¹, 寺社下 浩一³, 渡辺 美穂³, 鎌田 宣夫³, 今川 重彦², 大根田 修², 山本 雅之^{1,2} (¹科技機構・ERATO 山本環境応答, ²筑波大・院・人間総合, ³中外医学研)
- 1PA-172 造血前駆細胞の分化における転写コアクチベーター TRAP220 の役割
浦浜 憲永¹, 伊藤 光宏¹, 定 明子¹, 薬師神 公和¹, 岡村 篤夫¹, 皆川 健太郎¹, Robert G. Roeder², 松井 利充^{1,3}, 千原 和夫³ (¹神戸大・医・血液腫瘍内科, ²Rockefeller Univ., ³神戸大・院医)
- 1PA-173 *c-myc* 遺伝子近傍へのトランスジーン挿入がもたらした造血異常
向井 陽美^{1,2}, 本橋 ほづみ¹, 鈴木 教郎², 大根田 修³, 山本 雅之^{1,2} (¹筑波大・人間総合・分発, ²JST/ERATO 環境応答プロジェクト, ³筑波大・人間総合・再生・幹細胞)

- 1PA-174 成体における GATA-1 N-finger の機能貢献の個体レベルでの解析
大根田 絹子¹, 中野 真佑¹, 向井 陽美^{1,2}, 清水 律子¹, 大根田 修¹, 大村 咲恵¹, 鈴木 未来子¹, 塚本 佐保¹, 高桑 雄一³, 山本 雅之^{1,2} (¹筑波大院・人間総合, ²科技機構・ERATO, ³東女医大・生化)
- 1PA-175 転写因子 AML1, ETS-1, CBF の platelet factor 4 (PF4) 遺伝子発現制御における機能の解析
星加 裕亮, 松浦 英里, 中田 絵美, 永井 良平, 渡邊 彩子, 名倉 啓了, 岡田 欣晃, 土井 健史 (阪大院・薬・蛋白質情報)
- 1PA-176 細胞骨格制御因子 Filamin A は転写因子 PEBP2 を細胞質に存在させ転写を抑制する
吉田 尚美¹, 尾形 威明¹, 田邊 賢司¹, 李 松花¹, 中里 愛美¹, 河府 和義¹, 太田 安隆², 佐竹 正延¹, 渡邊 利雄¹ (¹東北大・加齢研, ²Brigham and Women's Hospital, Harvard Medical School)
- 1PA-177 ラット UGT1A2 の発現制御に寄与する NF1 機能ドメインの解析
植田 浩一, 衣斐 義一, 生城 真一, 井柳 堯, 阪口 雅郎 (兵庫県立大・院・生命理学)
- 1PA-178 ヒト肝癌細胞 huH2-2 における細胞密度依存的な TNF mRNA の発現増加
福島 真太郎^{1,2}, 小祝 修², 小池 克郎^{1,3} (¹癌研・研・遺伝子, ²東理大・理工・応生物, ³北里大・北里生命科学研)
- 1PA-179 脂質代謝に関するマウス肝カルボキシエステラーゼ転写調節における Hepatocyte Nuclear Factor-4 の役割およびその差異
降幡 知巳, 細川 正清, 山下 恵子, 益田 実生, 佐藤 哲男, 千葉 寛 (千葉大・薬・薬物)
- 1PA-180 脂肪細胞における EPAS1 (HIF-2) の役割と発現調節機構
和田 平¹, 榛葉 繁紀¹, 原 俊太郎², 手塚 雅勝¹ (¹日大・薬・衛生化学, ²北里大・薬)
- 1PA-181 脂肪細胞における時計遺伝子 BMAL1 の機能
石井 範正, 榛葉 繁紀, 林 充昭, 青柳 利紀, 手塚 雅勝 (日大・薬・衛生化学)
- 1PA-182 シマリス HP-25 遺伝子の USF による転写調節機構の解析
塚本 大輔, 藤井 原, 伊藤 道彦, 高松 信彦, 柴 忠義 (北里大・理・生物)
- 1PA-183 転写因子 C/EBP による Odd-skipped related 2 遺伝子の発現制御
河合 伸治, 加藤 隆大, 稲葉 裕明, 岡橋 暢夫, 天野 敦雄 (阪大・歯・先端)
- 1PA-184 転写因子 Maf の軟骨分化に関する標的遺伝子
表山 和樹, 酒井 正春, 池田 裕美, 西 信三 (北大・院・医・分子生物)
- 1PA-185 Connective Tissue Growth Factor (CTGF/CCN2) プロモーター上の 3 つのシスエレメント < 軟骨細胞優位型エンハンサー (TRENDIC), スマッド結合配列 (SBE), TGF-beta 応答領域 (TbRE) > の機能比較
軟骨細胞様細胞株 HCS-2/8 と乳癌細胞株 MDA231 における違い
江口 傑徳^{1,3}, 久保田 聡¹, 河田 かずみ^{1,2}, 中尾 匡志¹, 大河原 敏博¹, 滝川 正春¹ (¹岡山大・院医歯・口腔生化学・分子歯科学, ²岡山大・院医歯・咬合・口腔機能再建学, ³日本学術振興会)
- 1PA-186 Studies on the effects of 1-bromopropane, a substitute for chlorofluorocarbons, on brain-derived neurotrophic factor (BDNF) expression.
YASUHIRO YOSHIDA¹, SUSUMU UENO², YOSHITERU NAKANO¹, UKIKO FUETA³, TORU ISHIDAO⁴, NAOKI KUNUGITA⁵, HAJIME HORI⁴, UKI YAMASHITA¹ (¹Dept. Immunol., Univ. of Occup. & Environ. Hlth., Sch of Med., ²Dept. Pharmacol., ³1st., Dept. Med. Technol., Sch. of Hlth. Sci., ⁴1st., Dept. Environ. Management, Sch. of Hlth. Sci., ⁵Dept. Hlth. Inform. Sci, Sch. of Hlth. Sci.)
- 1PA-187 マウス脳形成に関する新規転写制御因子の同定
丸田 啓子^{1,2}, 甲斐 敬人^{1,2}, 明神 玲子³, 宇津木 孝彦², 小野田 文俊¹, 村上 康文^{1,2,3} (¹東京理科大・基礎工・生物工, ²東京理科大・ゲノム創薬研究センター・構造ゲノム科学部門, ³バイオマトリックス研究所)
- 1PA-188 魚類特有の脳型アロマトラーゼに対する転写制御因子 ; LRH-1
大室 (松山) 有紀^{1,2}, 大久保 範聡^{1,2}, 松田 勝², 関 桂君², 鈴木 大河³, 松山 誠³, 王 徳寿², 小林 亨^{1,2}, 諸橋 憲一郎^{1,3}, 長濱 嘉孝^{1,2} (¹総合研究大学院大学生命科学研究科分子生物学機構論専攻, ²自然科学研究機構基礎生物学研究所生殖生物学研究部門, ³自然科学研究機構基礎生物学研究所性差生物学研究部門)

- 1PA-189 **ユビキチンリガ -ゼと転写コリプレッサーの機能を有する Ebi の標的因子検索**
海道 雅子, 林 永美, 津田 玲生, 林 茂生 (理研, 発生再生センター)
- 1PA-190 **ヒト Numb による転写活性化能の解析**
河端 薫雄, 伊藤 喜久 (旭川医大・臨検医)
- 1PA-191 **転写伸長因子 DSIF および NELF による遺伝子発現制御**
相田 将俊¹, 陳 業薫¹, 中嶋 弘一², 山口 雄輝^{1,3}, 和田 忠士¹, 半田 宏¹ (¹ 東工大・院生命理工, ² 大阪市大・院医, ³ 科技団・PRESTO)
- 1PA-192 **Thr-4 phosphorylation of the hSpt5 C-terminal repeats is critical for processive transcriptional elongation in vitro**
tomoko yamada, Yuki Yamaguchi, Sachiko Kamijo, Tadashi Wada, Hiroshi Handa (Graduate School of Bioscience and Biotechnology, Tokyo Institute of Technology)
- 1PA-193 **Targeted disruption of Elongin A leads to embryonic lethality and p38 MAPK-mediated senescence in primary embryonic fibroblasts**
Keikichi Miyata^{1,2}, Hirofumi Satake^{1,3}, Tamotsu Takeuchi⁴, Kazunori Sugahara¹, Katsuhisa Yamazaki⁵, Yuji Ohtsuki⁴, Taro Shuin³, Yusaku Nakabeppu⁶, Shigetaka Kitajima⁷, Sabro Ohnishi², Teijiro Aso¹ (¹Kochi Univ., Fac. Med., Dept. Functional Genomics, ²Dept. Gastroenterology and Hepatology, ³Dept. Urology, ⁴Dept. Tumor Pathology, ⁵Microbial Chem. Res. Foundation, ⁶Kyushu univ., Med. Inst. Bioreg., Div. Neurofunc. Genomics, ⁷Tokyo Med. Dent. Univ., Med. Res. Inst., Dept. Biochem. Genet.)
- 1PA-194 **HEXIM1 によるグルココルチコイド応答性遺伝子の転写制御**
清水 宣明¹, 岡本 健作¹, 大内田 理佳¹, 吉川 賢忠¹, 渡邊 肇², 久田 哲也^{1,3}, 楠原 正俊³, 半田 宏⁴, 森本 幾夫¹, 田中 廣壽¹ (¹ 東大・医科研・先端医療研究センター, ² 基生研・統合バイオ, ³ 防衛医大・第一内科, ⁴ 東工大・生命理工)
- 1PA-195 **STAT3 セリン 727 のリン酸化は, CDK9 とは異なる P-TEFb 様活性のリクルートに不可欠である。**
國本 浩之¹, 金子 修平¹, 東 奈津子^{1,2}, 趙 虹¹, 鈴木 要介³, 石井 正光², 中島 亮太¹, 佐々木 孝則¹, 小島 裕正¹, 中嶋 弘一¹ (¹ 大阪市大院・医・免疫制御学, ² 大阪市大院・医・皮膚病態学, ³ ジェノファンクション)
- 1PA-196 **The carboxyl-terminal 20-amino acid residues of STAT3 is required for both STAT3 Ser727 phosphorylation and SRC1 recruitment.**
Hong Zhao, Ryota Nakajima, Hirofumi Kojima, Hirofumi Kunimoto, Koichi Nakajima (Dept. Immunology, Osaka City University, Grad. Sch. of Med.)
- 1PA-197 **血清刺激における CDK9 非依存性 c-fos 転写伸長機序の解析**
金子 修平, 國本 浩之, 前川 哲也, 中嶋 弘一 (大阪市大院・医・免疫制御学)
- 1PA-198 **転写の忠実度の維持と酸化ストレス応答における S-II と Rpb9 の役割**
小山 宏史¹, 伊藤 貴浩¹, 中西 敏行², 関水 和久¹ (¹ 東京大, 院薬, 発生細胞化学, ² 第一製薬)
- 1PA-199 **単一プライマーでつくるゲノムライブラリーとそれを用いたプロモーター検索**
中山 秀喜, 嶋本 伸雄 (遺伝研・構造遺伝セ・超分子機能)
- 1PA-200 **遺伝学的及び網羅的な転写の解析による出芽酵母 Rap1 の BRCT ドメインの機能解析**
水野 貴之^{1,2}, 新里 朋子¹, 植村 浩¹ (¹ 産総研 生物機能工学, ² 徳島文理大 工学部 ナノ物質工学科)
- 1PA-201 **出芽酵母 *S. cerevisiae* における解糖系代謝活性低下と他の代謝経路との関連について**
佐々木 裕美, 植村 浩 (産総研, 生物機能工学)
- 1PA-202 **分裂酵母における炭素源により発現が変動する遺伝子とその制御に関する解析**
戒能 智宏^{1,3}, 西谷 聡^{1,2}, 浜 祐子³, 熊谷 博道³, 植村 浩^{1,2} (¹ 産総研, 生物機能工学, ² 東邦大, 理, 生物分子, ³ 旭硝子 (株) ASPEX)
- 1PA-203 **分裂酵母の糖代謝遺伝子群の上流領域に存在する保存配列からの cis-element の予測**
西谷 聡^{1,2}, 戒能 智宏^{1,3}, 新里 朋子¹, 渡辺 直子², 植村 浩^{1,2} (¹ 産総研・生物機能工学, ² 東邦大・理・生物分子, ³ 旭硝子 (株) ASPEX)

- 1PA-204 出芽酵母の Yeast Deletion Pool を用いた電離放射線耐性株のスクリーニング
矢澤 彌^{1,2}, 木村 真三³, 中島 徹夫⁴, 岩橋 均², 植村 浩¹ (1 産総研・生物機能工学, 2 産総研・ヒューマン
ストレスシグナル, 3 北大・医, 4 放医研)
- 1PA-205 TATA ボックスとイニシエーターに特有な構造特性とその生物学的意義
福江 善朗^{1,2}, 隅田 周志^{1,2}, 西川 純一^{1,2}, 堀越 正美³, 大山 隆^{1,2} (1 甲南大・理工・生物, 2 甲南大・知的
情報通信研, 3 東大・分生研・発生分化構造)
- 1PA-206 ゲノムアレイを用いた転写調節領域の網羅的検出方法"ChIP on chip"の開発
横井 左奈, 井本 逸勢, 稲澤 譲治 (東京医歯大・難研・分子細胞遺伝)
- 1PA-207 ChIP on chip によるゲノムスケールでの転写因子結合領域探索の試み
仲地 豊¹, 二階堂 愛¹, 八木 研¹, 登内 未緒², 坊農 秀雅¹, 岡崎 康司¹ (1 埼玉医大・ゲノム医学セ・ゲノ
ム科学, 2 アジレントテクノロジー(株)・バイオアプリケーショングループ)
- 1PA-208 高密度カスタム DNA チップを用いた TFIIID のゲノムワイドなプロモーター結合解析
大槻 和重¹, 笠原 浩司¹, 白髭 克彦^{2,3}, 古久保 哲朗¹ (1 横浜市大・総合理, 2 東工大・バイオ研究基盤支
援総合センター, 3 理化学研究所・ゲノム科学総合研究センター)
- 1PA-209 NMR による溶液中でのキャッピング酵素のドメイン間配向変化の解析
森内 寛, 橋 真一 (生物分子工学研究所・構造解析研究部)

.....(2f 翻訳).....

- 1PA-210 真核細胞翻訳開始因子 eIFs の再構成
舩谷 真美子¹, 三上 暁¹, 森野 重信², 久武 幸司³, Nahum Sonenberg², 今高 寛晃¹, 横山 茂之^{1,4,5} (1 理研
GSC・タンパク質, 2 マギル大・生化, 3 埼玉医大・分子生物, 4 理研・播磨, 5 東大・院理)
- 1PA-211 ヒト由来細胞を用いた無細胞系タンパク質合成による糖タンパク質の大量合成システムの開発
三上 暁¹, 舩谷 真美子¹, 今高 寛晃¹, 横山 茂之^{1,2,3} (1 理研 GSC, 2 理研・播磨, 3 東大・院理)
- 1PA-212 翻訳開始因子 eIF4G に結合する RNA アプタマーの in vitro における翻訳阻害特性
宮川 伸¹, 小黒 明広¹, 大津 敬¹, 今高 寛晃², Nahum Sonenberg³, 中村 義一¹ (1 東大・医科研, 2 理研
GSC・タンパク質, 3 McGill Univ., Dept. of Biochem.)
- 1PA-213 T 細胞, B 細胞受容体刺激によって引き起こされる翻訳因子 eIF3 複合体のチロシンリン酸化の解析
高橋 秀尚^{1,2}, 松本 雅記^{1,2}, 畠山 鎮次³, 中山 敬一^{1,2} (1 九州大学・生体防御医学研究所・細胞機能制御
学部門・分子発現制御学分野, 2 科学技術振興機構・戦略的創造研究推進事業・CREST, 3 北海道大学・
大学院医学研究科・生体機能学専攻・分子生化学講座・分子医化学分野)
- 1PA-214 *stromelysin-1* の翻訳開始機構に関する検討 軟骨細胞様細胞株 HCS-2/8 を用いた解析
柳田 剛志^{1,2}, 江口 傑徳^{1,3}, 久保田 聡¹, 山本 照子², 滝川 正春¹ (1 岡山大学・院医歯 口腔生化・分子歯
科学, 2 岡山大学・院医歯 顎顔面口腔矯正学, 3 日本学術振興会)
- 1PA-215 麻疹ウイルス感染細胞におけるシャットオフ機構の解析
井上 義久, 小原 恭子, 甲斐 知恵子 (東大・医科研・実験動物)
- 1PA-216 ポティウイルス VPg とシロイヌナズナ eIF (iso) 4E との相互作用
三好 洋^{1,2}, 末廣 典子², 武藤 真二¹, 高橋 翼², 夏秋 知英^{2,3} (1 聖マリアンナ医大・微生物, 2 宇都宮大・
遺伝子, 3 宇都宮大・農・植物病理)
- 1PA-217 リボソーム再生に特異的に関わる EF-G の機能ドメインの検索
山見 徹, 伊藤 耕一, 中村 義一 (東大・医科研)
- 1PA-218 出芽酵母由来ペプチド鎖解離因子 eRF3 タンパク質の安定化に寄与するトランス因子の検索
小玉 裕之, 倉橋 洋史, 中屋敷 徹, 伊藤 耕一, 中村 義一 (東大・医科研)
- 1PA-219 *Pneumocystis carinii* のペプチド鎖解離因子 eRF3 の機能ドメイン解析
和田 美紀, 伊藤 耕一, 中村 義一 (東大・医科研)

- 1PA-220 翻訳共訳における RRF の役割 - RRF は 70S リボソームが開始コドン AUG からタンパク合成を再開するのを促す
井口 義夫¹, 山本 義弘², Laszlo Janosi³, 梶 昭³ (¹ 帝京大・理工・バイオ, ² 兵庫医大・遺伝, ³ ペンシルバニア大・医・微生物)
- 1PA-221 リボソーム再生因子 (RRF) の立体構造とリボソームとの相互作用
大久保 忠恭¹, 吉田 卓也¹, 中村 友美¹, 松尾 瞳¹, 河内 正子¹, 加藤 貴之¹, 大島 淳¹, 森 裕哉¹, 中野 博明², 内山 進², 小林 祐次¹ (¹ 大阪大・院・薬, ² 大阪大・院・工)
- 1PA-222 黄色ブドウ球菌では UGA (opal) 終止コドンは高温感受性に抑圧される
松尾 美記¹, 黒川 健児¹, 村上 和久², 関水 和久¹ (¹ 東大院・薬・発生, ² 塩野義製薬・創薬研)
- 1PA-223 枯草菌における tmRNA による trans-translation のカタボライト抑制への関与
氏家 博美^{1,2}, 松谷 誠子¹, 松原 美佳¹, 戸松 恒¹, 藤原 愛¹, 姫野 俵太^{1,2}, 武藤 あきら^{1,2} (¹ 弘前大・農学生命, ² 岩手連大・農学)
- 1PA-224 枯草菌における trans-translation は polynucleotide phosphorylase の非存在下で増大する
阿部 鉄平¹, 氏家 博美¹, 姫野 俵太¹, 武藤 あきら¹, Irina Oussenko², David Bechhofer² (¹ 弘前大・農生, ² New York Univ. Mount Sinai School of Medicine)
- 1PA-225 Nonsense-mediated mRNA decay (NMD) に関するキナーゼ hSMG-1 の構造機能解析
森田 智子¹, 鹿島 勲², 泉 奈津子², 石浦 章一¹, 大野 茂男² (¹ 東大・院・総合・生命, ² 横浜市大・院医・分子細胞生物学)
- 1PA-226 Nonsense-mediated mRNA decay (NMD) に関わる Phosphoinositide 3-kinase related protein kinase, hSMG-1 の結合タンパク質 p130 の機能解析
泉 奈津子¹, 大西 哲生¹, 山下 暁朗¹, 鹿島 勲¹, 森田 智子², 岩松 明彦³, Anderson Philip⁴, 大野 茂男¹ (¹ 横浜市大・院医・分子細胞生物学, ² 東大・院・総合・生命, ³ キリンビール基盤研, ⁴ ウィスコンシン大)
- 1PA-227 サーベイランス複合体によるナンセンス mRNA 識別・分解の分子メカニズムの解析
鹿島 勲¹, 山下 暁朗¹, 大西 哲生¹, 森下 了², 片岡 直行³, 大野 睦人³, 大野 茂男¹ (¹ 横浜市大・院医・分子細胞生物学, ² (株) セルフリーサイエンス, ³ 京大・ウイルス研)
- 1PA-228 脱キャップ酵素 Dcp1 は mRNA 分解に加え翻訳終結反応においても寄与する
小藤 智史, 作野 剛士, 荒木 保弘, 堅田 利明 (東大・院薬・生理化学)
- 1PA-229 マウスの成長過程における Y-box タンパクの組織特異的な発現と polysome 結合性
三輪 亜梨紗, 小林 俊亮, 樋口 孝, 安西 偕二郎 (日大・薬・生化)
- 1PA-230 DNA/RNA 結合タンパク質 LRP130 のポリソーム局在と翻訳への関与
中島 克彦, 土屋 直人, 杉村 隆, 中釜 斉 (国立がんセ・研・生化)
- 1PA-231 Structural study of a tumor-associated human DEAD-box RNA helicase, rck/p54.
Tsutomu Matsui¹, Keita Hogetsu¹, Yukihiko Akao², Takao Sato¹, Jiro Usukura³, Takashi Kumasaka¹, Nobuo Tanaka¹ (¹ Tokyo Inst. Thch., Dept. Life Sci., ² Gifu Inter. Inst., ³ Nagoya Univ. Dept. Anatomy)
- 1PA-232 蚕 28S rRNA の GTPase ドメインに見られる二つの特異塩基の大腸菌 rRNA への導入
清水 知視¹, 野村 隆臣¹, 八森 章¹, 内海 利男² (¹ 信州大・繊維・高分子研, ² 新潟大・理・生物)
- 1PA-233 超好熱性古細菌 Pyrococcus horikoshii のリボソーム GTPase センター構成成分の発現と試験管内再構成
中野 晃治¹, 野村 隆臣¹, 中島 崇², 八森 章¹, 田中 勳³, 内海 利男² (¹ 信州大・繊維・高分子研, ² 新潟大・理・生物, ³ 北大・院理・生物科学)
- 1PA-234 動物・古細菌間キメラ型リボソームタンパク質 P0 の作成と機能解析
牧 泰史¹, 大田 絢¹, 長沼 孝雄¹, 中野 晃治², 萩谷 聡子², 野村 隆臣², 八森 章², 内海 利男¹ (¹ 新潟大・理・生物, ² 信州大・繊維・高分子研)
- 1PA-235 系統的欠失変異を用いたリボソーム RNA の機能解析
北原 圭, 佐藤 さとみネウザ, 鈴木 勉 (東大・院・工)
- 1PA-236 系統的挿入変異を用いたリボソーム RNA の機能解析
横山 武司¹, 北原 圭², 鈴木 勉^{1,2} (¹ 東大院・新領域, ² 東大院・工)

- 1PA-237 *Neurospora crassa* ミトコンドリアリボソーム蛋白質遺伝子の同定と機能の進化的解析
 有田 恭子¹, 甘 翔², 北川 円², 吉野 健一³, 米澤 一仁³, 加藤 晃弘⁴, 井上 弘一⁴, 磯野 克己⁵ (1 神戸大・院・自然科学, 2 神戸大・理・生物, 3 神戸大・バイオシグナルセ, 4 埼玉大・理・遺伝, 5 独立行政法人・製品評価技術基盤機構)
- 1PA-238 リボソームタンパク質 S19 と結合する新規核小体タンパク質
 前田 紀子¹, 徳 誠吉¹, 剣持 直哉², 田中 龍夫¹ (1 琉球大・医・生化学, 2 宮崎大・フロンティア)
- 1PA-239 リボソーム小サブユニットによって活性化される新規 RNA 結合型 GTPase
 木村 天胤¹, 埴 (末次) 京子³, 高木 邦明¹, 杉山 和佳奈¹, 白田 忍², 三上 智幸², 小田桐 富士子², 小山内 育支子², 渡邊 大輔¹, 後藤 史門^{3,4}, リリア カラチュニユク², 牛田 千里^{1,2,3}, 武藤 あきら^{1,2,3}, 姫野 依太^{1,2,3}
 (1 弘前大・農学生命, 2 弘前大・理, 3 岩手大・連合農学, 4 京大・理)
- 1PA-240 100S リボソーム形成時における IF3 と RMF の関係
 吉田 秀司, 上田 雅美, 和田 明 (大阪医大・物理)
- 1PA-241 定常期における大腸菌リボソーム結合蛋白質 YfiA 及び YhbH の機能解析
 上田 雅美¹, 吉田 秀司¹, 和田 千恵子², 和田 明¹ (1 大阪医大・物理, 2 BIT lab.)
- 1PA-242 アミノアシル tRNA 合成酵素による校正反応
 福永 流也¹, 横山 茂之^{1,2} (1 東大・院理・生化, 2 理研)
- 1PA-243 アミノアシル tRNA 合成酵素による tRNA の反応速度論的識別機構
 長尾 翌手可¹, 松崎 景子¹, チムナロン サリン¹, 鈴木 健夫², 鈴木 勉^{1,2} (1 東大院・新領域, 2 東大院・工)
- 1PA-244 酵母ミトコンドリアトリプトファン tRNA 合成酵素の発現と機能解析
 福田 勝仁, 丸山 昌良, 大野 敏, 横川 隆志, 西川 一八 (岐阜大・工・生命工)
- 1PA-245 無脊椎動物ミトコンドリアのセリル tRNA 合成酵素組換えタンパク質の発現
 渡邊 洋一¹, 大槻 高史², 東田 英毅³, 佐藤 文⁴, 末松 卓真⁴, 浜 祐子³, 渡辺 公綱^{4,5}, 北 潔¹ (1 東京大・院医・生物医化学, 2 岡山大・工・生物機能工学, 3 (株) 旭硝子・ASPEX 事業推進部, 4 東京大・院新領域・先端生命科学, 5 (独) 産業技術総合研・生物情報解析研究センター)
- 1PA-246 超好熱古細菌 *Aeropyrum pernix* K1 由来ヒスチジル-tRNA 合成酵素によるヒスチジン tRNA の分子認識
 永豊 由加里¹, 岩城 隼¹, 鈴木 智子¹, 福田 宏太郎¹, 久野 敦², 長谷川 典巳¹ (1 山形大・理・物質生命科学, 2 産総研)
- 1PA-247 セリル tRNA 合成酵素における種依存性 tRNA specificity のスイッチングについて
 松儀 実広, 村尾 捷利 (自治医大・医学部・生化学)
- 1PA-248 tRNA (Gm18) methyltransferase の保存アミノ酸配列の機能
 渡辺 和則¹, 深井 周也², 石井 亮平³, 濡木 理^{2,4}, 横山 茂之^{3,4,5}, 堀 弘幸^{1,6}, 遠藤 弥重太^{1,6,7} (1 愛媛大学・工, 2 東工大・院生命理工, 3 東大・院理, 4 理研・GSC, 5 理研・播磨, 6 愛媛大・ベンチャービジネスラボ, 7 愛媛大・無細胞センター)
- 1PA-249 超好熱菌 *Aquifex aeolicus* tRNA (m1G37) methyltransferase の基質認識機構
 岡留 幹¹, 武田 裕嗣¹, 高野 扶弓¹, 横堀 伸一², 大島 泰郎², 遠藤 弥重太¹, 堀 弘幸¹ (1 愛媛大・工・応用化学, 2 東京薬科大・生命科学・分子生命科学)
- 1PA-250 4 塩基コドンを用いた翻訳のための直交化 tRNA の探索
 真鍋 大志, 大槻 高史, 宍戸 昌彦 (岡山大・工・生物機能)
- 1PA-251 非天然アミノ酸を担持した tRNA と EF-Tu との結合評価
 中田 秀孝¹, 土井 芳朗¹, 阿部 亮二¹, 芳坂 貴弘², 大槻 高史¹, 宍戸 昌彦¹ (1 岡山大・工・生物機能, 2 北陸先端大・材料)
- 1PA-252 T4 RNA リガーゼ 2 を用いた mRNA への修飾塩基の導入
 松永 智子^{1,3}, 牧野 伸一², 山内 裕之¹, 遠藤 弥重太^{1,2,3}, 高井 和幸^{1,2,3} (1 愛媛大・工・応化, 2 VBL, 3 無細胞セ)
- 1PA-253 キネトプラスチダ原虫のピリミジン生合成第 2・第 4 酵素をコードする新規融合遺伝子の発現機構
 案浦 健¹, 奈良 武司¹, 牧内 貴志¹, 藤村 務², 高ひかり², 峯木 礼子², 村山 季美枝², 青木 孝¹ (1 順天堂大・医・生体防御寄生虫学, 2 順天堂大院・医・研究基盤センター・生体分子研究部門)

- 1PA-254 *Drosophila* CBP Involves in Transcriptional Repression in Pericentric Heterochromatin
Yue Zhao¹, Ken-ichi Takeyama^{1,2}, Saya Ito¹, Eriko Suzuki¹, Shun Sawatubashi¹, Yuko Shirode^{1,2}, Akio Maki¹, Kaoru Yamagata^{1,2}, Alexander Kouzmenko^{1,2}, Shunsuke Ishii³, Tetsuya Tabata¹, Shigeaki Kato^{1,2}
(¹Tokyo Univ., IMCB, ²SORST, JST, ³Tsukuba Life Sci. Center, RIKEN)

.....(2g エピジェネティック制御)

- 1PA-255 DNA メチル化によるエピジェネティックなヒトゲノム修飾に関する研究
田村 美子, 功刀 浩, 金子 清俊, 北條 浩彦 (国立精神・神経センター神経研究所)
- 1PA-256 Oct-3/4 遺伝子発現の抑制開始と抑制維持機構の解析
近藤 光将, 中山 暢人, 安孫子 めぐみ, 新井 賢一, 佐藤 憲子 (東京都臨床医学総合研究所)
- 1PA-257 ゼブラフィッシュ・ノーテール遺伝子のエピジェネティックコントロール
下田 修義^{1,2,3}, 山越 貴水¹, 武田 洋幸², 石川 裕二³ (¹前さきがけ研究 21, ²東京大学, ³放医研)
- 1PA-258 ヒトがん細胞における非プロモーター領域のメチル化による *CDH1* 遺伝子発現抑制機構の解析
立花 研^{1,2}, 武田 健², 白石 昌彦¹ (¹国立がんセ・研・DNAメチル化とゲノム機能プロジェクト, ²東理大・薬・衛生化)
- 1PA-259 食虫植物の腺細胞で特異的に発現する RNase 遺伝子: プロモーターのメチル化と遺伝子発現
二谷 知佳¹, 岡部 隆宏^{1,2}, 岩切 良素¹, 大山 隆^{1,2} (¹甲南大・理工・生物, ²甲南大・知的情報通信研)
- 1PA-260 シマリス HP 27 遺伝子の肝臓特異的な転写調節機構の解析
藤井 原, 塚本 大輔, 伊藤 道彦, 高松 信彦, 柴 忠義 (北里大・理・生物)
- 1PA-261 多彩な生命活動に関わるエピジェネティックな不均等性
三ツ矢 幸造 (英国ペーブラハム研究所)
- 1PA-262 HM-PCR 法による網羅的 DNA メチル化解析
山田 洋一¹, 白川 智代², Todd Taylor³, 岡村 浩司⁴, 副島 英伸⁵, 向井 常博⁵, 榎 佳之³, 村本 健一郎¹, 伊藤 隆司⁶ (¹金大・工, ²アークレイ (株), ³理研・ゲノム, ⁴トロント小児病院・遺伝, ⁵佐大・医, ⁶東大・新領域)
- 1PA-263 HIV-1 プロウイルス LTR の in vivo メチル化解析
石田 尚臣¹, 濱野 章子¹, Kazuo Suzuki², David Cooper², 渡邊 俊樹¹ (¹東大院・新領域・病態医療, ²St. Vincent Hospital)
- 1PA-264 マウス胎児神経幹細胞の維持における DNA メチル化の役割
高橋 芳樹, 五十嵐 勝秀, 菅野 純 (国立衛研・毒性部)
- 1PA-265 Tissue-specific epigenetic regulation of the *Pgk2* gene during mammalian spermatogenesis.
Hirotaka Yoshioka¹, Christopher B. Geyer², John R. McCarrey^{1,2} (¹Dept. of Biol., Univ. of Texas at San Antonio, ²Dept. of Cell. and Struct. Biol., Univ. of Texas Health Sci. Cent. at San Antonio)
- 1PA-266 メチル化依存性酵母 1 ハイブリッドシステムによる cDNA ライブラリースクリーニング
馮 疏影, 太田 一寿, 伊藤 隆司 (東大・新領域・情報生命)
- 1PA-267 メチル化 CpG 結合タンパク質を用いた DNA メチル化領域の同定法の開発
吉田 直美, 大山 義彦, 井出 博 (広島大院・理・数理分子生命理学)
- 1PA-268 MCAF ファミリーによる転写抑制とヘテロクロマチン形成
市村 隆也, 渡辺 すぎ子, 坂本 快郎, 藤田 直之, 中尾 光善 (熊本大 発生研 器官制御)
- 1PA-269 異なるプロモーター・メチル化パターンを示す癌細胞の MGMT サイレンシングに関わるヒストン修飾および MBD タンパクの役割
趙 衛¹, 副島 英伸¹, 中川内 哲治¹, 東元 健¹, 工藤 伸一², 城 圭一郎¹, 向井 常博¹ (¹佐大・医・分子生命科学, ²北海道・衛生研)
- 1PA-270 不活性 X 染色体が形成するヘテロクロマチンの維持機構
吉田 郁也^{1,2}, 西多 裕樹² (¹北海道大・先端研・遺伝子, ²北海道大・地球環境)

- 1PA-271 X-inactivation is stably maintained in mouse embryos deficient for histone methyltransferase G9a
Tatsuya Ohhata^{1,2}, Makoto Tachibana⁴, Masako Tada⁵, Takashi Tada⁵, Hiroyuki Sasaki^{1,3}, Yoichi Shinkai⁴, Takashi Sado^{1,2,3} (¹Natl. Inst. Genet., Div. Hum. Genet., ²JST, PRESTO, ³Sokendai, Dep. Genet., ⁴Kyoto Univ., Inst. Virus Res., ⁵Kyoto Univ., Inst. Frontier Med. Sci.)
- 1PA-272 Dnmt3L-/- オス生殖細胞に認められる減数分裂とエピジェネティックな異常の解析
秦 健一郎^{1,2}, 久須美 真紀³, En Li^{4,5}, 佐々木 裕之^{1,2} (¹情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所 人類遺伝研究部門, ²総合研究大学院大学 遺伝学, ³東京大学大学院医学系研究科生殖・発達・加齢医学, ⁴CVRC, MGH, Dept of Medi, Harvard Med Sch, USA, ⁵Novartis Institute for Biomedical Research, USA)
- 1PA-273 De novoDNA メチル化酵素 Dnmt3a, Dnmt3b のゲノムインプリンティング確立における役割
金田 正弘^{1,2}, 秦 健一郎¹, 佐渡 敬^{1,3}, 岡野 正樹⁴, En Li⁵, 佐々木 裕之^{1,2} (¹遺伝研・人類遺伝, ²総研大・遺伝学, ³総研大・生命体科学, ⁴理研・CDB, ⁵ノバルティス)
- 1PA-274 Functional analysis of the mouse Igf2/H19 differentially methylated region
yuzuru Kato^{1,2}, Ko Ishihara³, Melanie Ehrlich⁴, Walter Reith⁵, Mitsuoshi Nakao³, Hiroyuki Sasaki^{1,2} (¹ROIS., Nat. Inst. Genet, ²Grad. Univ. Adv. Stud, ³Kumamoto Univ., Inst. Mol. Genet, ⁴Tulane. Med. Sch, ⁵Geneva Med. Sch. Univ)
- 1PA-275 マウスインプリンティング遺伝子の DMR に共通な特徴の探索
小林 久人^{1,2}, 阿部 貴志³, 池村 淑道², 佐々木 裕之^{1,2} (¹国立遺伝研・人類遺伝, ²総研大, ³国立遺伝研・データベース開発)
- 1PA-276 マウス *Meg1/Grb10* ・ヒト *GRB10* のインプリンティング発現制御機構の解析 (2)
志浦 寛相¹, 引地 貴亮², 幸田 尚^{1,3}, 金児-石野 知子^{3,4}, 石野 史敏^{1,3} (¹東京医歯大・難研, ²理研・発生再生研, ³科技振・CREST, ⁴東海大・健康科学)
- 1PA-277 体細胞クローンマウスの胎盤における遺伝子発現パターンの解析
脇阪 - 斎藤 紀子^{1,2,3,4}, 幸田 尚^{1,2}, 井上 貴美子^{2,5}, 越後貫 成美^{2,5}, 三木 洋美^{2,5}, 小倉 淳郎^{2,5}, 石野 史敏^{1,2,4}, 金児 - 石野 知子^{2,3} (¹東工大, 生命理工, ²科技振, CREST, ³東海大, 健康科学, ⁴東京医歯大, 難治研, ⁵理研, バイオリソースセンター)
- 1PA-278 レトロトランスポゾン由来のインプリンティング遺伝子 *Peg10* は, 哺乳類の初期発生に必須である。
小野 竜一^{1,2}, 中村 健司³, 日野 敏昭³, 鈴木-右島 理可³, 高部 美穂³, 井上 貴美子^{2,4}, 越後貫 成美^{2,4}, 三木 洋美⁴, 宇佐美 貴子¹, 成瀬 美衣¹, 脇阪-斎藤 紀子^{1,2,5,7}, 幸田 尚^{1,2}, 小倉 淳郎^{2,4}, 横山 峯介^{2,6}, 金児-石野 知子^{2,7}, 石野 史敏^{1,2} (¹東京医歯大・難治研, ²CREST・科技振, ³三菱化学生命科学研究所, ⁴理研バイオリソースセンター, ⁵東工大・生命, ⁶新潟大・脳研, ⁷東海大学・健康科学)
- 1PA-279 有袋類ワラビーにおける *IGF2*, *P57KIP2*, *PEG1/MEST* のゲノミックインプリンティング
鈴木 俊介^{1,2,4}, Marilyn Renfree³, Andrew Pask³, Geoffrey Shaw³, 小林 慎^{2,4}, 幸田 尚^{2,5}, 金児-石野 知子^{2,6}, 石野 史敏^{2,5} (¹東工大・生命理工・生体システム, ²科技振, ³メルボルン大・理・動物, ⁴阪大・遺伝情報実験センター, ⁵東京医歯大・難研・エピジェネティクス, ⁶東海大・健康科学)
- 1PA-280 レトロトランスポゾンを起源とするインプリンティング遺伝子 *Peg11* は胎児期後期の発生に必須である
関田 洋一^{1,2,3}, 我妻 広貴^{2,3}, 小野 竜一^{1,3}, 中村 健司⁴, 中原 陽子⁴, 鈴木-右島 理可⁴, 高部 美穂⁴, 日野 敏昭⁴, 幸田 尚^{1,3}, 小倉 淳郎^{3,5}, 横山 峯介^{3,6}, 金児-石野 知子^{3,7}, 石野 史敏^{1,3} (¹東京医歯大・難研, ²東工大・生命理工, ³科技振・CREST, ⁴三菱化学生命研, ⁵理研・BRC, ⁶新潟大学・脳研, ⁷東海大・健康科学)
- 1PA-281 マウス体細胞クローンにおける遺伝子発現
幸田 尚^{1,2}, 井上 貴美子^{2,3}, 越後貫 成美³, 三木 洋美³, 成瀬 美衣¹, 脇阪-斎藤 紀子^{1,2,4}, 李 知英^{1,2}, 引地 貴亮⁵, 若山 照彦⁵, 金児-石野 知子^{2,4}, 小倉 淳郎^{2,3}, 石野 史敏^{1,2} (¹東京医歯大・難治研, ²科技振・CREST, ³理研・BRC, ⁴東海大・健康科学, ⁵理研・CDB)
- 1PA-282 刷り込み調節領域のヒストン H3Lys27 メチル化解析
副島 英伸, 東元 健, 趙 衛, 八木 ひとみ, 城 圭一郎, 向井 常博 (佐大・医・分子生命科学)

- 1PA-283 Analyses of Imprinting of the Genes and Methylation of CpG Islands in Mouse *Murr1* and Human *MURR1* Loci: Identification of Oocyte-Specific Methylation in *U2af1-rs1* CpG Island
Zhongming Zhang¹, Hitomi Yatsuki¹, Keiichiro Joh¹, Youdong Wang¹, Yuji Arai², Hidenobu Soejima¹, Ken Higashimoto¹, Tsuyoshi Iwasaka³, Tsunehiro Mukai¹ (¹Saga Univ., Fac. Med., Dept. Biomol. Sci., ²Nat. Cardiovasc. Cent., Res. Inst., ³Saga Univ., Fac. Med., Dept. Obst. & Gynecol.)
- 1PA-284 脳組織特異的インプリンティング遺伝子のエピジェネティクス解析
山崎 庸子¹, 茅島 智彦¹, 太田 亨², 副島 英伸³, 向井 常博³, 新川 詔夫¹, 木住野 達也⁴ (¹長崎大・医・原研遺伝,²北海道医療大・個体差健康科学,³佐大・医・分子生命科学,⁴長崎大・遺伝子実験施設)
- 1PA-285 マウス Igf2r 遺伝子の脳におけるインプリンティング解除機構の解析
茅島 智彦¹, 山崎 庸子¹, 太田 亨², 副島 英伸³, 新川 詔夫¹, 木住野 達也⁴ (¹長崎大・医・原研遺伝,²北海道医療大・個体差健康科学研究所,³佐賀大・医・分子生命科学分子遺伝,⁴長崎大・先導生命・ゲノム機能解析)
- 1PA-286 Imprinting analysis in *Mecp2* knockout mice
Kamungu Christophe Mapendano^{1,3}, Yoko Yamasaki^{1,3}, Norio Niikawa^{1,3}, Tatsuya Kishino^{2,3} (¹Dpt. Hum. Genetics, Grad Sch. Biomed.Sc., ²Gene Res. Ctr, Nagasaki Univ., ³CREST, JST, Kawaguchi)
- 1PA-287 インプリンティング導入遺伝子を保持する新規マウス系統の解析
内山 孝司, 早坂 美智子, 花岡 和則 (北里大・理・生物科学科・分子発生学)
- 1PA-288 単為発生胚由来雌生殖細胞における刷り込みの正常なリプログラミング
堀居 拓郎¹, 長尾 恭光², 木村 美香^{1,3}, 畑田 出穂^{1,3} (¹群馬大・遺伝子実験施設,²京都大・院農,³科技団・さきがけ)
- 1PA-289 単為発生におけるマウス胎盤の正常性
川原 学^{1,2}, 熊谷 拓也¹, 尾畑 やよい^{1,2}, 河野 友宏^{1,2} (¹東京農大・バイオ,²生研機構)
- 1PA-290 父性インプリント遺伝子による単為発生マウス胎仔の発生制御
熊谷 拓也¹, 尾畑 やよい^{1,2}, 川原 学^{1,2}, 河野 友宏^{1,2} (¹東京農大・バイオ,²生研機構)
- 1PA-291 マウス H19 および Igf2 のインプリント制御領域内を脱メチル化するために必要なシス配列 DOS および CTCF 結合部位
堀 直裕, 河野 香織, 上原 晋太郎, 佐藤 建三 (鳥取大, 医, 生命科学, 分子生物学)
- 1PA-292 エピゾーマルアクセシシステムを用いたマウス H19 および Igf2 のインプリント制御領域における DNA 脱メチル化解析
河野 香織, 堀 直裕, 上原 晋太郎, 佐藤 建三 (鳥取大・医・生命・分子生物)
- 1PA-293 Genomic imprinting recapitulated in the human α -globin locus
谷本 啓司¹, 下間 志士¹, James Engel², 深水 昭吉¹ (¹筑波大,²Michigan Univ.)
- 1PA-294 マウス初期発生における de novo DNA メチル化酵素 Dnmt3a/3b の役割
小田 昌朗¹, 山際 晶子¹, 中山 貴生¹, 丹羽 仁史², En Li³, 岡野 正樹¹ (¹理研神戸・CDB・哺乳類エピ,²理研神戸・CDB・多能性幹細胞,³Novartis Inst.)
- 1PA-295 DNA メチル化酵素 Dnmt3b のマウス発生における役割: ICF 症候群のマウスモデル
上田 佳秀^{1,3}, 岡野 正樹^{2,3}, 千葉 勉¹, Li, En³ (¹京都大・医・消化器内科,²理研・発生再生センター,³Massachusetts General Hospital, Boston, USA)
- 1PA-296 DNA メチルトランスフェラーゼ Dnmt3a と Dnmt3b のアイソフォームのマウス雄性始原生殖細胞における発現
末武 勲^{1,3}, 酒井 康弘², 篠崎 史典¹, 山科 正平², 田嶋 正二^{1,3} (¹阪大・蛋白研,²北里大・医・解剖,³生研機構)
- 1PA-297 マウス精巣および初期胚 造血幹細胞における de novo methyltransferase の特異的な発現
渡辺 大介¹, 末武 勲², 田嶋 正二², 花岡 和則¹ (¹北里大 理,²阪大 蛋白研)
- 1PA-298 マウス胎児精巣ゲノムにおける DNA メチルトランスフェラーゼの存在場所の解析
坂本 秀樹¹, 末武 勲^{1,2}, 篠崎 史典¹, 田嶋 正二^{1,2} (¹阪大・蛋白研,²生研機構)

- 1PA-299 ペチュニアにおける花のホメオティック遺伝子 *pMADS3* の transgene 依存性エピジェネティック発現制御での表現型転換および paramutation 様遺伝様式
高辻 博志, 馬場 晶子, 久保 健一, Meenu Kapoor (農業生物資源研究所)
- 1PA-300 ES 細胞の核内構築と遺伝子発現制御
小早川 智^{1,2}, 阿部 訓也^{1,2} (1 筑波大・生命環境・情報,² 理研・BRC・動物変異)
- 1PA-301 SUMO-2 修飾と相互作用するクロマチンタンパク質の検索
内村 康寛, 市村 隆也, 中尾 光善, 斉藤 寿仁 (熊本大・発生研セ・器官制御)
- 1PA-302 非 PIAS 型 SP-RING SUMO-E3 リガーゼ TONALLI/TONAS の機能
中村 真, 前田 昌人, 上野 直人 (基礎生物学研究所・形態形成研究部門)
- 1PA-303 GAGA 因子-dFACT 複合体によるヘテロクロマチンサイレンシングの遮断
中山 貴博, 霜島 司, 西岡 憲一, 広瀬 進 (国立遺伝学研究所, 形質遺伝)
- 1PA-304 SWI/SNF 複合体の発現を欠失するヒト肺がん細胞における神経特異的遺伝子群の発現誘導とその機構
渡部 博貴¹, 水谷 壮利¹, 原口 健¹, 山道 信毅¹, 箕口 滋¹, 山道 (仁科) 光恵¹, 森 望², 伊庭 英夫¹ (1 東大医科研・宿主寄生体,² 長崎大・医歯薬学総合)
- 1PA-305 高等動物細胞におけるクロマチンアセンブリ - ファクター 1 (CAF-1) の機能解析
高見 恭成^{1,4}, 柴原 慶一³, 深川 竜朗³, 中山 建男^{1,2,4} (1 宮崎大・医・生化学,² 宮崎大・フロンティア,³ 遺伝研,⁴CREST)
- 1PA-306 The functional linkage between HAT1 and newly synthesized histone H4 in DNA damage repairs in vertebrate cells
Hirak Kumar Barman², Yasunari Takami^{2,3}, Tatsuo Nakayama^{1,2,3} (1Univ. Miyazaki, Front. Sci. Res. Center,²Univ. Miyazaki, Miyazaki Med. Colle., Dept. Biochem.,³CREST)
- 1PA-307 Asf1 は高等真核生物の増殖に必須であり, S 期の進行に影響を与える。
実松 史幸², 高見 恭成^{2,3}, 中山 建男^{1,2,3} (1 宮崎大 フロンティア,² 宮崎大学・医・生化学,³CREST)
- 1PA-308 GCN5 による細胞周期関連遺伝子発現調節機構の解析
菊池 秀彦^{1,2}, 高見 恭成^{2,3}, 中山 建男^{1,2,3} (1 宮崎大・フロンティア科学実験総合センター,² 宮崎大・医・生化学,³CREST)
- 1PA-309 マウス Dnmt3L による DNA メチルトランスフェラーゼ Dnmt3a と Dnmt3b の活性促進効果
篠崎 史典¹, 末武 勲^{1,2}, 竹島 秀幸¹, 田嶋 正二^{1,2} (1 阪大・蛋白研,² 生研機構)
- 1PA-310ヌクレオソームにパッケージされた DNA の Dnmt3a と Dnmt3b1 によるメチル化
竹島 秀幸¹, 末武 勲^{1,2}, 島原 秀登³, 楯 真一⁴, 田嶋 正二^{1,2} (1 阪大・蛋白研,² 生研機構,³ 北陸先端大,⁴ 生物分子工学研)
- 1PA-311 HL - 60 顆粒球のコアヒストンテールの脱イミノ化
萩原 央記¹, 日高 雄二², 山田 道之¹ (1 横浜市大院・総合理学,² 近畿大・生命科学)
- 1PA-312 Tyrosine aminotransferase 遺伝子プロモーターにおける DNA 脱メチル化機構の解析
仲間 美奈, 村山 明子, 高島 久滋, 川辺 洋一, 柳澤 純 (筑波大・院・生命環境)
- 1PA-313 ヒストンテールの化学修飾特異的結合因子の同定
村山 明子¹, 藤田 悦子¹, 栗崎 直也¹, 太田 力², 柳澤 純¹ (1 筑波大学・院・生命環境,² 国立がんセ・研・疾病ゲノム)
- 1PA-314 ヒストン H3 N 末端テイルの修飾特異的結合因子の解析
藤田 悦子¹, 村山 明子¹, 栗崎 直也¹, 太田 力², 柳澤 純¹ (1 筑波大学,² 国立がんセ・研・疾病ゲノム)
- 1PA-315 卵形成および初期発生時におけるエピジェネティックな因子の網羅的解析
影山 俊一郎¹, 郡司 渉², 藤原 信太郎¹, 村上 康文², 青木 不学¹ (1 東京大学大学院・新領域・先端生命,² 東理大院・基礎工学・生物工学)
- 1PA-316 E2A はヒストンアセチル化とメチル化の上昇を介して抗原受容体遺伝子組換えを誘導する
縣 保年¹, 村井 清人¹, 小寺 香里¹, Cornelis Murre² (1 京都大・医・先端融合,²UCSD)
- 1PA-317 クラミジア SET とヒストン様タンパク質 Hc1, Hc2 の相互作用解析
村田 正之, 三浦 公志郎, 東 慶直, 白井 睦訓 (山口大・医・感染医科)

- 1PA-318 Recombinant histone を用いた nucleosome 依存性ヒストンメチル化酵素の解析
片桐 善一郎^{1,2}, 田中 裕二郎^{1,2}, 北嶋 繁孝^{1,2} (¹東京医歯大・疾患生命研究部・ゲノム構造制御, ²東京医歯大・難研・ゲノム応用医学・遺伝生化)
- 1PA-319 HTLV-1 Tax 蛋白質とヒストンメチル化酵素 Suv39H1 の会合とその機能的意義
鴨居 功樹^{1,2}, 山本 啓裕^{1,2}, 石田 尚臣¹, 望月 學², 渡邊 俊樹¹ (¹東大・院新領域・病態医療科学, ²東京医歯大・眼科学)
- 1PA-320 The *Arabidopsis* SET domain protein ASHR3 is associated with chromosomes and plays a role in the regulation of floral meristem development
Joyce Cartagena¹, Daisuke Kurihara¹, Satoru Fujimoto¹, Yoshitaka Azumi², Susumu Uchiyama¹, Sachihito Matsunaga¹, Kiichi Fukui¹ (¹Osaka Univ, Grad Sch Eng, Dept Biotech, ²Kanagawa Univ, Dept Biology)
- 1PA-321 ショウジョウバエ G9a の生体内機能の解析
加藤 容子¹, 加藤 雅紀^{1,2}, 西田 美樹¹, 立花 誠³, 眞貝 洋一³, 山口 政光¹ (¹京都工繊大・繊維・応生, ²京都工繊大・ベンチャーラボ, ³京大・ウイルス研)
- 1PA-322 ヒストンメチル基転移酵素 G9a と相互作用する因子の探索
西田 美樹¹, 加藤 雅紀², 上田 潤³, 眞貝 洋一³, 山口 政光¹ (¹京都工繊大・応用生物, ²京都工繊大院・ベンチャーラボ, ³京大・ウイルス研)
- 1PA-323 Ring1B 欠損系の構築と機能解析
若尾 りか, 古関 明彦 (理研 免疫 免疫器官形成)
- 1PA-324 Participation of ESC-E (Z) complex in hedgehog signaling pathway
Norihisa Shindo, Atsushi Sakai, Kouji Yamada, Naoki Ikeda, Toru Higashinakagawa (Waseda Univ. Schl. Edu. Dept. Biol.)
- 1PA-325 インプリント遺伝子座におけるアンチセンス RNA の存在
清澤 秀孔^{1,2}, 三瀬 名丹¹, 阿部 訓也^{1,2} (¹理研 BRC, ²筑波大院・生命環境科学)
- 1PA-326 Argonaute family-eIF2C2 はマウス初期発生に必要である
森田 純代^{1,2}, 堀居 拓郎¹, 木村 美香^{1,2}, 落谷 孝広³, 畑田 出穂^{1,2} (¹群馬大・遺伝子実験施設, ²科学技術振興機構・PREST, ³国立がんセンター研究所・がん転移研究室)
- 1PA-327 トランスポゾン Tam3 のプロモーターへの挿入はキンギョソウ遺伝子の転写を抑制しない。
内山 貴子, 桑原 裕之, 藤野 介延, 佐野 芳雄, 貴島 祐治 (北海道大学・農)
-(2h RNA の機能・RNA プロセッシング)
- 1PA-328 RNA polymerase II 転写初期反応とキャッピングとの関連
小松 哲郎, 松井 博紀, 野島 孝之, 柴垣 芳夫, 水本 清久 (北里大・薬・生化)
- 1PA-329 mRNA キャッピング酵素活性に対する RNA polymerase II CTD のリン酸化の影響
和田 京子¹, 柴垣 芳夫¹, 久武 幸司², 福田 綾², 水本 清久¹ (¹北里大・薬・生化, ²埼玉医科大学・分子生物)
- 1PA-330 リン酸化 RNA ポリメラーゼ II 結合蛋白質の機能解析
広瀬 豊¹, 湯ノ口 いずみ¹, 范 紅¹, 柴垣 芳夫², 原田 文夫¹ (¹金沢大・がん研, ²北里大・薬・生化学)
- 1PA-331 in vitro 転写/スプライシング共役反応系の構築
野島 孝之¹, 廣瀬 哲郎^{1,2}, 萩原 正敏¹ (¹東京医科歯科大・疾患生命, ²科技構・さきがけ)
- 1PA-332 核マトリクス結合タンパク質 SRm160 の機能ドメインの解析
佐野 美穂¹, 井手上 賢¹, 萩原 正敏¹, 廣瀬 哲郎^{1,2} (¹東京医科歯科大・疾患生命, ²科技構・さきがけ)
- 1PA-333 スプライシング依存的 RNA 結合タンパク質 p160 と相互作用因子の解析
井手上 賢¹, 萩原 正敏¹, 廣瀬 哲郎^{1,2} (¹東京医科歯科大・疾患生命, ²科技構さきがけ)
- 1PA-334 線虫 SPK-1 の機能解析
栗田 美緒¹, 福原 武志¹, 黒柳 秀人¹, 三谷 昌平², 萩原 正敏¹ (¹東医歯大・疾患生命・形質発現, ²東女子医・医・二生)

- 1PA-335 SR タンパク質リン酸化酵素 Clk による SRp75 のリン酸化と選択的スプライシングの制御
四方田 純一郎^{1,2}, 村木 倫子¹, 萩原 正敏², 木村 宏¹ (¹京大・医・HMRO, ²東京医歯大・疾患生命)
- 1PA-336 The ability of NSSRs' RRN to bind RNAs, and the splicing regulation
Kazuo Fushimi, Ryosuke Matsusita, Kaori Sano, Shizuka Uchida, Toshifumi Tsukahara (Center for Nano Materials and Technology, JAIST)
- 1PA-337 Alternative Splicing における SR 蛋白質 NSSR1, 2 と Tra2 及び Srp30c との相互作用
松下 竜介, 伏見 和郎, 佐野 香織, 塚原 俊文 (北陸先端科学技術大学院大学ナノマテリアルテクノロジーセンター)
- 1PA-338 イネの RNA スプライシングにおける SR タンパク質の機能
一色 正之, 津本 綾子, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PA-339 シロイヌナズナにおける強光応答性 SR タンパク質'SR41.2'が制御する選択的スプライシング機構の解明
田部 記章¹, 吉村 和也^{2,3}, 朝野 未奈子¹, 木村 彩子², 石川 孝博⁴, 重岡 成² (¹近畿大・院・応生命化, ²近畿大・農・食栄, ³奈良先端大・バイオ, ⁴島根大・生物資源・生命工)
- 1PA-340 IRE1 によるスプライシングに必須な XBP1 mRNA の二次構造
柳谷 耕太¹, 細田 章¹, 岩脇 隆夫^{1,2}, 河野 憲二¹ (¹奈良先端大・遺伝子センター, ²JST-PREST)
- 1PA-341 分裂酵母 U2AF 複合体は ordered exon joining を制御する
原口 典子¹, 安東 知子¹, David Frendewey², 谷 時雄¹ (¹熊本大・理・理, ²Regeneron Pharmaceuticals, USA)
- 1PA-342 mRNA 核外輸送に関する分裂酵母 HECT 型ユビキチンリガーゼ E3 様因子 Ptr1p 変異遺伝子のサブレッサーの単離と解析
坂口 奈央子, 安東 知子, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-343 分裂酵母における mRNA 核外輸送変異株 *ptr8-1* のマルチコピーサブレッサー遺伝子の単離と解析
栗原 幹子, 水城 史貴, 安東 知子, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-344 mRNA の核外輸送に関する膜タンパク質 Ptr10p の機能解析
石橋 綾子, 井手上 賢, 佐藤 博, 松坂 理夫, 安東 知子, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-345 遺伝子の転写と mRNA 核外輸送の連携: 転写不活性化により mRNA は核内ドメイン TIDR に蓄積する
徳永 和明, 井手 深雪, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-346 熱ショックストレス下における出芽酵母 HSP mRNA 選択的核外輸送関連遺伝子のゲノムワイドスクリーニング
楠田 文, 吉田 准一, 安東 知子, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-347 分裂酵母におけるストレス応答に依存的な mRNA 核外輸送についての解析
吉田 准一, 井手上 賢, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-348 mRNA 核外輸送関連因子 Rat8 のエタノール応答に影響する因子 Sac3 の解析
井沢 真吾, 竹村 玲子, 池田 佳代, 井上 善晴 (京大院・農・応生科)
- 1PA-349 出芽酵母におけるエタノールストレス条件下での hs mRNA 核外輸送
竹村 玲子, 井沢 真吾, 井上 善晴 (京大院・農・応生科)
- 1PA-350 ヒト免疫不全ウイルス遺伝子発現における RNA 輸送因子 CRM1 の新機能
志田 壽利, 大藤 邦彦, 金澤 剛志, 博多 義之 (北大・遺伝研)
- 1PA-351 アデノウイルス E4orf6 は HuR/pp32 複合体と相互作用して ARE-mRNA を CRM1 非依存的に核外輸送する
東野 史裕, 青柳 麻里子, 向後 隆男, 進藤 正信 (北大・院・歯・口腔病態)
- 1PA-352 マウス精子形成過程における RNA/DNA 結合タンパク質 mPSP1 の標的遺伝子の同定
桑原 聖¹, 矢崎 友彦¹, 高山 典子¹, 今村 健一¹, 池井 麻子², 上杉 晴一¹, 栗原 靖之¹ (¹横浜国大・環境情報, ²横浜国大・工)
- 1PA-353 マウス生殖細胞で高発現する RNA 結合タンパク質 mPSP1 と相互作用するタンパク質の探索
高山 典子¹, 桑原 聖¹, 矢崎 友彦¹, 今村 健一¹, 池井 麻子², 上杉 晴一¹, 栗原 靖之¹ (¹横国大・環境情報, ²横国大・工)

- 1PA-354 マウス雄性生殖細胞に高発現する RNA 結合タンパク質 mPrrp の時期特異的核外輸送メカニズムの解析
三代 健太郎¹, 堀 環¹, 川口 敦史², 渡辺 裕幸¹, 田口 祐介², 上杉 晴一¹, 栗原 靖之¹ (¹ 横浜国大・院・環境情報, ² 横浜国大・工)
- 1PA-355 神経系 RNA 結合タンパク質 Musashi1 の生化学的機能解析
河原 裕憲^{1,2}, 今井 貴雄^{1,2}, 岡野 栄之^{1,2} (¹ 慶應大・医・生理, ²CREST・JST)
- 1PA-356 局在化 RNA 分子のスクリーニング
安東 知子, 大城 夕希子, 谷 時雄 (熊本大・理・理)
- 1PA-357 S1-1 nuclear body: 動態と機能
井上 晃¹, 高橋 P. 研一², 津川 克治³, 西尾 康二⁴, 山根 英雄⁵ (¹ 阪市大・院医・分子制御生物, ² 阪府看大・解剖生理, ³ 阪府女大・理・環境科学, ⁴ 名大・院医・機能形態, ⁵ 阪市大・院医・耳鼻咽喉科)
- 1PA-358 tRNA スプライシングに関わる酵母 tRNA リガーゼ Rlg1p の解析
森 隆雄¹, 小笠原 千春¹, 遠藤 斗志也¹, 吉久 徹² (¹ 名大・院理・物質理学, ² 名大・物質科学国際研究センター)
- 1PA-359 遺伝子ロックアウトを用いた miRNA の機能解析
原田 文夫, 木戸 敬治 (金沢大・がん研・細胞情報調節)
- 1PA-360 アフリカツメガエルの発生で発現する microRNA の解析
渡部 聡朗, 竹田 篤史, 三瀬 和之, 今井 裕, 南 直治郎 (京都大・農)
- 1PA-361 ショウジョウバエ複眼を用いた新規 RNAi 因子のスクリーニング
細野 千恵¹, 松田 亮¹, 程 久美子², 上田 龍³, 西郷 薫¹ (¹ 東大・理・生物化学, ² 東大・理・生物情報, ³ 遺伝研・系統生物研究センター)
- 1PA-362 シロイヌナズナの RNase III モチーフを含むタンパク質 RTL2 の機能解析
近藤 直子, 平栗 章弘, 福原 敏行 (東京農工大・農)
- 1PA-363 タバコ葉緑体ゲノムに存在する non-coding RNA
長谷川 桂子^{1,3}, 河野 恒賢¹, 中村 崇裕^{1,2,3}, 杉浦 昌弘¹ (¹ 名市大院・システム自然科学, ² 名古屋大・遺伝子実験施設, ³ 日本学術振興会特別研究員)
- 1PA-364 ラン藻 non-coding RNA の探索
横田 直人, 杉田 千恵子, 中村 崇裕, 杉田 護 (名大・遺伝子)
- 1PA-365 系統的一塩基変異を導入した siRNA の活性変動解析
梅田 典子¹, 加藤 敬行¹, 鈴木 勉² (¹ (株) iGENE, ² 東大院・工)
- 1PA-366 線虫 microRNA の標的 RNA 認識に関する配列の情報学的解析
渡邊 由香^{1,2}, 谷内江 望^{1,2}, 沼田 興治^{1,3}, 斎藤 輪太郎^{1,2}, 金井 昭夫^{1,2}, 冨田 勝^{1,2} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・環境情報学部, ³ 同・政策メディア・バイオインフォマティクスプログラム)
- 1PA-367 線虫 *Caenorhabditis elegans* におけるセンス-アンチセンス転写の解析
沼田 興治^{1,2}, 金井 昭夫¹, 斎藤 輪太郎¹, 冨田 勝^{1,3} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・政策メディア・バイオインフォマティクスプログラム, ³ 同・環境情報)
- 1PA-368 マウスがん組織におけるアンチセンス RNA の発現解析
土井 貴裕¹, 清澤 秀孔², 吉木 淳³, 平岩 典子³ (¹ 理研・筑波・BRC・生体応答, ² 理研・筑波・BRC・動物変異, ³ 理研・筑波・BRC・実験動物)
- 1PA-369 ColE2 プラスミド複製開始蛋白発現調節に関する宿主因子
西尾 信哉, 伊藤 建夫 (信州大・理・生物科学)
- 1PA-370 葉緑体局在の Pentatricopeptide Repeat タンパク質をコードするヒメツリガネゴケ遺伝子の機能解析
服部 満¹, 長谷部 光泰², 杉田 護¹ (¹ 名大・遺伝子, ² 基生研・種分化第2)
- 1PA-371 ホウライツノゴケ葉緑体のスプライシング反応における RNA 編集の必要性
釘田 雅則^{1,2}, 杉田 護¹, 吉永 光一² (¹ 名大・遺伝子, ² 静大・理)
- 1PA-372 タバコミトコンドリアにおける RNA 編集部位の同定と解析
矢倉 聡一, 杉山 康雄 (名大・遺伝子実験施設)

- 1PA-373 シロイヌナズナ核遺伝子 *CRR4* が関与する葉緑体遺伝子 *ndhD* の RNA editing 機構の解析
小寺 栄見¹, 田坂 昌生¹, 鹿内 利治² (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 九大・農院)
- 1PA-374 シロイヌナズナのシスタチオニン -シンターゼ遺伝子における mRNA の安定性による自己制御: メチオニン添加に対する応答に必要なアミノ酸配列の同定
長尾 信宏, 川崎 大輔, 秋田 啓志, 尾之内 均, 内藤 哲 (北海道大 院農 応用生命)
- 1PA-375 シロイヌナズナのシスタチオニン -シンターゼ遺伝子における mRNA の安定性による自己制御: *in vitro* 系における翻訳伸長停止機構の解析
永見 陽子, 中本 真理, 尾之内 均, 内藤 哲 (北大・院農・応用生命)
- 1PA-376 シロイヌナズナのシスタチオニン -シンターゼ遺伝子における mRNA の安定性による自己制御: *in vitro* 系における mRNA 分解機構の解析
原口 雄飛, 尾之内 均, 内藤 哲 (北大・院農・応用生命)
- 1PA-377 シロイヌナズナのシスタチオニン -シンターゼ遺伝子における mRNA 安定性の自己制御: *in vitro* 系での RNA 分解中間体の解析
櫻井 玲子, 尾之内 均, 内藤 哲 (北大・院農・応生)
- 1PA-378 植物における AtUPF3 の Nonsense mediated decay への関与
堀 孝一, 木崎 学, 渡辺 雄一郎 (東大院・総合文化)
- 1PA-379 大腸菌 RNaseLS 活性に必須な *RnlA* の解析
岩本 明, 古賀 光徳, 大塚 裕一, 米崎 哲郎 (大阪大・理院・生物)
- 1PA-380 大腸菌 RNase LS による *uvsY* mRNA と *soc* mRNA の識別
濱田 崇宏¹, 兼崎 琢磨², 大塚 裕一³, 米崎 哲朗¹ (¹ 大阪大・院理・生物科学, ² 遺伝研, ³ オハイオ州立大学)
- 1PA-381 大腸菌 RNase LS は多成分で働く
古賀 光徳, 岩本 明, 大塚 裕一, 米崎 哲郎 (大阪大・理院・生物)
- 1PA-382 大腸菌の生育に必須なりボスクレアーゼ *YjeR* の解析
小川 智勝, 秋山 琢也, 橋本 昌征, 加藤 潤一 (都立大・院理・生物)
- 1PA-383 大腸菌アルコールデヒドロゲナーゼの発現制御に関与する RNase
雨貝 郁, 和地 正明 (東工大・院生命理工・生物プロセス)
- 1PA-384 RNase G による解糖系の代謝制御の解析
坂井 太郎¹, 加賀 奈緒子¹, 永井 和夫², 和地 正明¹ (¹ 東工大・院生命理工・生物プロセス, ² 中部大・応用生物・応用生物化学)
- 1PA-385 *bmr3* mRNA の安定化により生じた *B. subtilis* 多剤耐性変異株の解析
大木 玲子, 舘野 こずえ (杏林大・保健・分子生物)
- 1PA-386 *rmf* mRNA の安定性を調節する *cis* および *trans*-acting factor の同定
相磯 聡子, 大木 玲子 (杏林大・保健・分子生物)
- 1PA-387 遺伝子改変マウスを用いた赤血球型 5'-アミノレプリン酸シンターゼ 5'-UTR に存在する鉄応答性配列の赤血球造血における機能解析
原田 裕子^{1,2}, 日下 智聖¹, 田嶋 克史², 加藤 丈夫², 張替 秀郎³, 山本 雅之⁴, 中島 修¹ (¹ 山形大・遺伝子実験施設, ² 山形大・医・三内, ³ 東北大・医・分子診断, ⁴ 筑波大・TARA セ/ERATO-JST)
- 1PA-388 Analysis of the human *cyr61/ccn1* gene regulation which is mediated by the 3'-UTR
Masanao Minato^{1,2}, Satoshi Kubota¹, Yosuke Nakagawa¹, Teruko Takano-Yamamoto², Masaharu Takigawa¹ (¹ Dept. of Biochem. and Mol. Dent., Okayama Univ. Grad. Sch. of Med. and Dent. , ² Dept. of Orthod. and Dentofacial Orthop., Okayama Univ. Grad. Sch. of Med. and Dent.)
- 1PA-389 超好熱性古細菌チミジン合成酵素の RNA 結合活性と同遺伝子の翻訳レベルでの制御
金井 昭夫^{1,2}, 佐藤 朝子¹, 富田 勝^{1,2} (¹ 慶大先端生命研, ² 同・環境情報)
- 1PA-390 色素体 mRNA の翻訳制御配列のアレイ解析
中村 崇裕^{1,2}, 杉浦 昌弘¹ (¹ 名市大院・システム自然科学, ² 名大・遺伝子)

- 1PA-391 大腸菌 RNA シャペロン Hfq によるタンパク質発現制御
高田 綾子¹, 海附 玄龍², 永井 和夫³, 和地 正明¹ (¹ 東工大・院生命理工・生物プロセス, ² 野田産研, ³ 中部大・応用生物・応用生物化学)
- 1PA-392 線虫 *Caenorhabditis elegans* 18S リボソーム RNA プロセシングに必要な RNA 結合タンパク質 RBD-1 の機能解析
藤原 俊伸¹, 笹野 有未¹, 西條 栄子², 井上 邦夫¹, 坂本 博¹ (¹ 神戸大院・自然科学, ² 現・東大・分生研)
- 1PA-393 線虫 *Caenorhabditis elegans* におけるリボソーム RNA プロセシング経路の同定
笹野 有未, 藤原 俊伸, 井上 邦夫, 坂本 博 (神戸大院・自然科学)
- 1PA-394 DT40 ノックアウト系を利用した U13 snoRNA の機能解析
木戸 敬治, 原田 文夫 (金沢大・がん研・細胞情報調節)
- 1PA-395 *C. elegans* H/ACA snoRNA の標的候補と rRNA シュードウリジンの検出
牛田 千里, 原田 文俊, 菅原 由起, 今野 貴之, 姫野 依太, 武藤 あきら (弘前大・農生・応用生命)
- 1PA-396 リボソーム生合成におけるプロリン異性化酵素ヒト Parvulin の機能解析
藤山 沙理¹, 柳田 光昭², 早野 俊哉^{1,3}, 小松 渡^{1,3}, 山内 芳雄^{3,4}, 磯辺 俊明^{3,4}, 高橋 信弘^{1,3} (¹ 農工大・農, ² 順大・院・医, ³ 文科省・次世代プロテオーム, ⁴ 都立大・院・理)
- 1PA-397 GTP 結合タンパク質 GTR と結合する核小体タンパク質 Nop132 は, DDX18, DDX47, Rpl3 と相互作用する。
関口 猛¹, 早野 俊哉², 柳田 光昭², 高橋 信弘², 西本 毅治¹ (¹ 九大, 医院, 分子生命, ² 東京農工大, 農, 応用生物科学)
- 1PA-398 RNA-binding motif protein 12 の RBM 領域の構造解析
染谷 龍彦¹, 武藤 裕¹, 永田 崇¹, 鈴木 咲良¹, 井上 真¹, 木川 隆則¹, 寺田 高帆^{1,2}, 白水 美香子^{1,2}, 小原 収³, 横山 茂之^{1,2,4} (¹ 理研・GSC, ² 理研・播磨・SPRING-8, ³ かずさ DNA 研・ヒト遺伝子研, ⁴ 東大院・理・生化)
- 1PA-399 Solution structure of the RNA recognition motif (RRM) of a putative tumor suppressor LUCA-15/RNA binding motif protein 5 (RBM 5).
Kanako Inadome-Kuwasako¹, Yutaka Muto¹, Mikako Shirouzu^{1,2}, Takaho Terada^{1,2}, Takanori Kigawa¹, Makoto Inoue¹, Juan Valcarcel³, Shigeyuki Yokoyama^{1,2,4} (¹RIKEN GSC, ²RIKEN Harima Inst. Spring-8, ³Centre de Regulacio Genomica, ⁴Univ. Tokyo Grad. Sch. Sci.)
- 1PA-400 Structural analysis of Mouse Poly (A) -specific Ribonuclease
T. Nagata¹, Y. Muto¹, M. Shirouzu^{1,3}, T. Terada^{1,3}, M. Inoue¹, T. Kigawa¹, Y. Hayashizaki^{1,2}, S. Yokoyama^{1,3,4} (¹RIKEN GSC, ²RIKEN Wako, ³RIKEN Harima Inst. SPRING-8, ⁴Univ. Tokyo Grad. Sch. Sci.)
- 1PA-401 HIV Tat タンパク質を捕捉する RNA アプタマーと Tat 部分ペプチドとの複合体の構造解析
田村 裕介¹, 松上 明正¹, 工藤 倫子¹, 上杉 晴一¹, Penmetcha Kumar², 片平 正人¹ (¹ 横国大・院環境情報, ² 産総研)
- 1PA-402 超好熱性古細菌 *Pyrococcus furiosus* の SRP RNA の helix 6 の立体構造解析
高橋 真梨¹, 岡田 潔¹, 坂本 泰一¹, 中村 幸治², 金井 昭夫³, 河合 剛太¹ (¹ 千葉工大, ² 筑波大, ³ 慶応大先端研)
- 1PA-403 大腸菌のライシジン合成酵素 (TlIS) によるイソロイシル tRNA 上の認識部位の解析
金正 悟¹, 相馬 亜希子¹, 池内 与志穂², 鈴木 勉², 関根 靖彦¹ (¹ 立教大・理・生命理学, ² 東大院・工)
- 1PA-404 大腸菌 tRNA^{Arg} (ICG) のアンチコドン文字目を修飾するイノシン合成酵素遺伝子 (*tadA*) の解析
巴 大輔¹, 久保田 篤¹, 相馬 亜希子¹, 池内 与志穂², 鈴木 勉², 関根 靖彦¹ (¹ 立教大・理・生命, ² 東大院・工)
- 1PA-405 枯草菌の tRNA^{Arg} に存在する修飾塩基イノシンの機能解析
久保田 篤¹, 巴 大輔¹, 相馬 亜希子¹, 池内 与志穂², 小林 和夫³, 小笠原 直毅³, 鈴木 勉², 関根 靖彦¹ (¹ 立教大・理・生命, ² 東大院・工, ³ 奈良先端大・情報科学)
- 1PA-406 超好熱性古細菌由来 RNA Ligase 様蛋白質の性状解析
佐藤 朝子¹, 富田 勝^{1,2}, 金井 昭夫^{1,2} (¹ 慶大先端生命研, ² 同・環境情報)

- 1PA-407 枯草菌ファージ 29 の *gene1* 産物の 1 アミノ酸置換変異体を用いた自己会合性と RNA 結合性の解析
橋山 一哉, 竹内 有, 牧野 修 (上智大学・生命研)
- 1PA-408 繰り返し塩基配列の転写による DNA 高次構造の変化と組換え
水田 龍信, 北村 大介 (東京理大・生命研)
- 1PA-409 アミノ酸の周期性を用いたプロテオームレベルでの新規 RNA/DNA 結合蛋白質抽出法の構築
藤島 皓介^{1,2}, 北村 さや香^{1,2}, 鈴木 治夫^{1,3}, 金井 昭夫^{1,2}, 富田 勝^{1,2} (1 慶応大学・先端生命研,² 同・環境情報,³ 同・政策メディア・バイオインフォマティクスプログラム)
- 1PA-410 バイオインフォマティクスによる RNA-タンパク質間相互作用ネットワークの構築
谷内江 望^{1,2}, 沼田 興治^{1,3}, 斎藤 輪太郎^{1,2}, 菅原 潤一^{1,2}, 根岸 義輝^{1,2}, 金井 昭夫^{1,2}, 富田 勝^{1,2} (1 慶大・先端生命研,² 同・環境情報,³ 同・政策・メディア・バイオインフォマティクスプログラム)
-(2i ジーンサイレンシング).....
- 1PA-411 シロイヌナズナ Dicer 様タンパク質の生化学的解析
野村 泰子, 近藤 直子, 平栗 章弘, 伊藤 陸, 福原 敏行 (東京農工大・農・細胞分子)
- 1PA-412 RNAi による不完全な silencing が示唆する *Chlamydomonas reinhardtii* における RNAi のカスケード
山崎 朋人, 大濱 武 (高知工大院・工・物質環境)
- 1PA-413 ヒト Argonaute ファミリーと DICER タンパク質間の結合部位の同定
佐々木 貴史¹, 塩濱 愛子¹, 藪島 伸生^{1,2}, 清水 信義¹ (1 慶應大・医・分子生物,² 浜松医大・光子医学)
- 1PA-414 マウス ES 細胞における Dicer のノックダウン
従二 綾^{1,4}, 程 久美子², 上田 龍³, 程 肇⁴, 西郷 薫¹ (1 東大・院理・生化,² 東大・院理・生化・生物情報,³ 国立遺伝研,⁴ 三菱化学生命科学研究所)
- 1PA-415 イネの RNAi における Dicer と RdRP の機能解析
神田 寛之, 三木 大介, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PA-416 dsRNA によるサイレンシングとそのエピジェネティックな影響 (1) 転写領域を dsRNA に用いたサイレンシング
三木 大介, 伊藤 里香, 森藤 暁, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PA-417 dsRNA によるサイレンシングとそのエピジェネティックな影響 (2) プロモーター領域を dsRNA に用いたサイレンシング
岡野 陽介, 三木 大介, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PA-418 miRNA による遺伝子発現制御機構の分子メカニズム
石塚 明, 釜田 繁希, 塩見 春彦, 塩見 美喜子 (徳島大・ゲノム機能研究センター)
- 1PA-419 RISC 前駆体 complex A の生化学的解析
九十九 裕子, 塩見 春彦, 塩見 美喜子 (徳島大学ゲノム機能研究センター)
- 1PA-420 Requirement of dsRNA-binding proteins in RNAi/miRNA pathways in *D. melanogaster*
Lalith Salinda Gunawardane, Haruhiko Siomi, Mikiko C Siomi (Inst. Genome Res., Tokushima Univ.)
- 1PA-421 Reverse transfection 法を用いた RNAi による遺伝子発現抑制
朴 正福¹, 高橋 史峰¹, 程 久美子¹, 西郷 薫² (1 東大・院理・生化・生物情報,² 東大・院理・生化)
- 1PA-422 RNAi 効果の高い siRNA 配列設計ガイドライン
程 久美子¹, 内藤 雄樹², 高橋 史峰¹, 原口 健², 従二 綾², 上田 龍³, 西郷 薫² (1 東大・院理・生化・生物情報,² 東大・院理・生化,³ 国立遺伝研)
- 1PA-423 siDirect : 哺乳類細胞に有効かつ標的遺伝子に特異的な siRNA 設計ウェブサーバ
内藤 雄樹¹, 山田 智之², 程 久美子³, 森下 真一², 西郷 薫¹ (1 東大・理・生化,² 東大・新領域・情報生命,³ 東大・理・生物情報)
- 1PA-424 siRNA 設計のためのバイオインフォマティクス
山田 智之¹, 内藤 雄樹², 程 久美子³, 西郷 薫², 森下 真一¹ (1 東大・新領域・情報生命,² 東大・理・生化,³ 東大・理・生物情報)

- 1PA-425 ホウライシダにおける二本鎖 DNA の導入によるジーンサイレンシングを利用した遺伝子機能解析法の開発
河合豊岡 博子¹, 倉本 千裕¹, 大類 恭子¹, 本山 健太郎¹, 菊池 一浩², 鐘ヶ江 健¹, 和田 正三^{1,2} (¹ 都立大・院理・生物科学, ² 基生研・情報制御)
- 1PA-426 哺乳動物細胞における光誘導性 RNAi
今泉 奈津代, 伊藤 友紀, 深間内 杏子, 渡辺 直子, 古田 寿昭 (東邦大・理・生物分子)
- 1PA-427 レトロウイルスベクターによる RNA 干渉; 一つのレトロウイルスベクターによるダブルノックダウン
蝶野 英人¹, 搦頭 智美¹, 岡本 幸子², 峠野 純一^{1,2}, 浅田 起代蔵^{1,2}, 加藤 郁之進^{1,2} (¹ タカラバイオ (株)・細胞遺伝子治療センター, ² DNA 機能解析センター)
- 1PA-428 対立遺伝子特異的 RNAi 効果の簡易評価システム
大西 悠亮^{1,2}, 小見 和也^{1,2}, 田村 美子¹, 徳永 勝士², 金子 清俊¹, 北條 浩彦¹ (¹ 国立精神・神経センター, 神経研究所, ² 東大・院医・人類遺伝)
- 1PA-429 RNA サイレncingを示す緑色蛍光タンパク質 (GFP) 遺伝子導入ダイズの解析
山岸 紀子¹, 古谷 規行^{2,3}, 静川 幸明², 吉田 泰二⁴, 藤郷 誠⁴, 日高 操⁴ (¹ 東北農研・重点支援, ² 京都農資セ, ³ 現京都府農林水産部, ⁴ 東北農研)
- 1PA-430 線虫の RNAi 欠損変異体の新規スクリーニング
森口 比呂美, 青木 一真, 田原 浩昭 (京都大・医・先端領域)
- 1PA-431 In vivo RNA interference in mouse spermatogenesis using electroporation of the testis
Masanobu Shoji¹, Shinichiro Chuma¹, Kayo Yoshida², Takashi Morita², Norio Nakatsuji¹ (¹ Department of Development and Differentiation, Institute for Frontier Medical Science, Kyoto Univ., ² Department of Molecular Genetics, Graduate School of Medicine, Osaka City Univ.)
- 1PA-432 RNAi による遺伝子発現ノックダウンを用いた神経疾患関連遺伝子の機能解析
小見 和也^{1,2}, 徳永 勝士², 北條 浩彦¹ (¹ 国立精神・神経センター神経研究所, ² 東大・院医・人類遺伝)
- 1PA-433 Osteopontin siRNA を用いた疾患治療効果の検討
齋藤 善也¹, 今 重之², 藤原 幸雄¹, 小松 康雄³, 大塚 栄子³, 上出 利光¹ (¹ 北大・遺制研・分子免疫, ² 北大・遺制研・マトリックスメディスン, ³ 産業技術総合研究所)
- 1PA-434 HVJ Envelope ベクターを用いたキネシン Eg5 標的 siRNA の導入と抗腫瘍効果
伏木田 地¹, 黒田 賢聖¹, 藤枝 貴行¹, 宮田 敬三¹, 加藤 文法¹, 加藤 雅也¹, 金田 安史² (¹ 石原産業 (株) 中央研究所, ² 大阪大・医・遺伝子治療)
- 1PA-435 イネレトロポゾン *p-SINE1* の siRNA 量は DNA 低メチル化で減少する
大平 高之, 土本 卓, 大沢 勇久, 大坪 栄一, 大坪 久子 (東京・分生研)
- 1PA-436 植物におけるウイルスベクターを用いたトランスジーンプロモーターのメチル化と転写不活性化の誘導
太田垣 駿吾, 洪 鎮成, 後藤 一法, 増田 税, 金澤 章 (北大・院・農)
- 1PA-437 シロイヌナズナにおけるジーンサイレンシング: 導入遺伝子の多様性を排除した解析
長屋 進吾^{1,2}, 加藤 晃¹, 二宮 由佳¹, 吉田 和哉¹, 新名 惇彦¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 生研機構)
- 1PA-438 ノックアウト株作成により大腸菌由来レドックスセンサーヘム蛋白質 (*Ec DOS*) の生理的機能に迫る
鈴木 登紀子, 佐上 郁子, 黒河 博文, 清水 透 (東北大・多元研)

.....(4a 免疫).....

- 1PA-439 バキュロウイルス感染マクロファージの免疫応答解析
沖野 啓一郎¹, 北島 雅之¹, 山本 周作¹, 齋藤 俊久¹, 黒崎 直子^{1,2}, 橋本 香保子¹, 高久 洋^{1,2} (¹ 千葉工大・工・生命環境, ² 千葉工大・ハイテクリサーチセンター)
- 1PA-440 ショウジョウバエ幼虫自然免疫系の Helicase89B 遺伝子による制御
八木 克将^{1,2}, 西田 育巧¹, Y. Tony Ip² (¹ 名大・院・理・生命理学, ² マサチューセッツ州立大・医)
- 1PA-441 カイコ Rel ファミリータンパク質 BmRelish による抗菌性ペプチド遺伝子の転写活性化
田中 博光¹, 古川 誠一¹, 勾坂 晶¹, 山川 稔^{1,2} (¹ 生物研, ² 筑波大・生命環境科学)

- 1PA-442 *C. elegans* における抗原性蛋白質の解析（II）
 山川 文徳, 宮脇 美枝（和歌山高専・物質工学）
- 1PA-443 ショウジョウバエ細菌感染症モデル：病態解明のための遺伝学的ツール
 新澤 直明¹, 栗山 泰¹, 青沼 宏佳^{1,2}, 三浦 正幸¹, 嘉糠 洋陸^{1,3}（¹東大・薬・遺伝,²阪大・院医・時空生物,³生研センター PROBRAIN）
- 1PA-444 ショウジョウバエマラリア感染モデルを用いた病原体伝播阻止因子のスクリーニング
 青沼 宏佳^{1,2}, David Schneider³, 八木 健², 三浦 正幸¹, 嘉糠 洋陸^{1,4}（¹東大・薬・遺伝,²阪大・院医・時空生物,³スタンフォード大,⁴生研センター PROBRAIN）
- 1PA-445 DNA ポリメラーゼ のポリメラーゼ core domain 欠失マウスの解析
 増田 啓次¹, 丸山 崇子¹, 海老原 裕美¹, 鶴飼 明子¹, 大内田 理佳¹, 古関 明彦², 石原 千歳³, 竹内 新³, 斎藤 隆³, 王 継揚¹（¹理研・免疫アレルギー・免疫多様性,²理研・免疫アレルギー・免疫器官形成,³理研・免疫アレルギー・免疫シグナル）
- 1PA-446 LIF による造血系幹細胞の T 細胞系列への分化制御
 鈴木 春巳, 小田 浩代, 酒井 幸平, 三浦 公志郎, 白井 睦訓（山口大・医・微生物）
- 1PA-447 T 前駆細胞の胎仔胸腺移入を制御する新規遺伝子の探索
 北村 弘子, 劉 村蘭, 清原 寛之, 上野 智雄, 高浜 洋介（徳島大, ゲノム研, 遺伝子実験施設）
- 1PA-448 T 細胞分化におけるポリコム複合体 1 (PRC1) 遺伝子の発現量の検討
 黒木 利知¹, 宮崎 正輝¹, 宮崎 和子², 加藤 裕子¹, 菅野 理恵子¹, 菅野 雅元¹（¹広島大, 医歯薬, 免疫学,²広島大, 原医研, 組織再生）
- 1PA-449 T 細胞分化における転写因子 DEC1 および DEC2 の機能解析
 宮崎 和子¹, 宮崎 正輝², 菅野 雅元², 宮武 昌一郎³, 加藤 幸夫⁴, 本田 浩章¹（¹広島大・原医研・組織再生,²広島大・医歯薬院・免疫,³東京都立臨床研・免疫,⁴広島大・医歯薬院・口生化）
- 1PA-450 Schnurri-2 による Th2 細胞分化の調節
 木村 元子¹, 高木 豪², 石井 俊輔², 中山 俊憲¹（¹千葉大院・医・免疫発生,²理研・筑波研・分子遺伝）
- 1PA-451 メモリー Th2 細胞における Th2 サイトカイン産生能維持機構の解析
 山下 政克, 中山 俊憲（千葉大院 医 免疫発生）
- 1PA-452 胚中心 B 細胞で高発現している clast6 遺伝子のノックアウトマウスの解析
 大内田 理佳¹, 丸山 崇子¹, 海老原 裕美¹, 増田 啓次¹, 飯田 美登里², 古関 明彦², 王 継揚¹（¹理研・免疫アレルギー・免疫多様性,²理研・免疫アレルギー・免疫器官形成）
- 1PA-453 胎生期 B 細胞発生におけるプレ B 細胞レセプターの役割 - ステレオタイプ IgH 鎖の選別による限定的レパートリーの積極的形成
 河野 洋平, 吉川 宗一郎, 峯岸 克行, 烏山 一（東医歯大・院・免疫アレルギー）
- 1PA-454 SHP-1 と SLP-76 の相互作用による B 細胞抗原受容体シグナルの制御機構
 水野 一也, 一ノ瀬 学, 矢倉 英隆（東京都神経研・免疫統御）
- 1PA-455 B 細胞レパートリーの多様性の数値化と評価
 古川 安津子, 古川 功治（産総研）
- 1PA-456 Simultaneous IgM cross-linking with CD40 and IL4 suppress AID expression through PI3K.
 Tomomitsu Doi^{1,2}, Shigeo Koyasu^{1,2}（¹Keio Univ., Sch. Med., Dept. Microbiol. & Immunol., ²CREST.JST）
- 1PA-457 APEX2 欠損マウスにおける抗オプアルブミン抗体産生の遅延
 土本 大介¹, 井手 康人¹, 中島 学², 渡邊 武², 中別府 雄作¹（¹九大・生医研・脳機能制御,²九大・生医研・感染防御）
- 1PA-458 TCDD による抗体産生抑制の原因遺伝子の探索
 長井 治子^{1,2}, 遠山 千春¹, 久保 允人³, 安部 良², 野原 恵子¹（¹国立環境研・環境健康,²東京理大・生命科学,³理研 RCAI）
- 1PA-459 T 細胞におけるインターフェロン制御因子 IRF-4 と NF- κ B ファミリー c-Rel の相互作用
 進藤 久和^{1,2}, 山本 一男¹, 河野 友子¹, 廣仲 紀子¹, 永安 武², 松山 俊文¹（¹長崎大・院医歯薬・感染分子病態,²長崎大・院医歯薬・病態解析制御）

- 1PA-460 X 線照射で誘発したマウス胸腺リンパ腫における TCR locus genotype
藤本 真慈¹, 柿沼 志津子², 島田 義也², 喜納 辰夫¹ (¹京大・再生研・免疫, ²放医研・低線量)
- 1PA-461 Over-expression of IAN1 in immature thymocytes induces apoptosis
Mariam Nasreen, Takeshi Nitta, Takafumi Seike, Atsushi Goji, Yousuke Takahama (Div Exp Immunol, IGR, Univ Tokushima)
- 1PA-462 Hypoxia Inducible Factor-1 (HIF-1) による T 細胞機能の制御
冨田 修平¹, 小野 純一郎², 平井 宗一², 上野 正樹³, Md. Mustafizur Rahman¹, 竹田 潤二⁴, Frank Gonzalez⁵, 高浜 洋介¹ (¹徳島大・ゲノム機研セ・遺伝子実験, ²香川大・医・麻酔救急, ³香川大・医・炎症病理, ⁴大阪大・先端科技セ・インキュベーション部門, ⁵米国立衛生研究所)
- 1PA-463 AILIM/ICOS は PI3K-Akt 経路を介して memory/effector T 細胞の細胞極性形成と HUVEC migration を誘導する
額田 祐子^{1,2}, 岡本 尚一^{1,2}, 手塚 克成³, 大橋 一正⁴, 水野 健作⁴, 辻 孝^{1,2} (¹東京理科大院・基礎工・生物工, ²東京理科大・学術フロンティア再生工学センター, ³JT・医薬総研・生物研, ⁴東北大・院・生命科学・分子生命科学)
- 1PA-464 AILIM/ICOS による ATL 特異的多分葉核形成の誘導機構の解析
林 亜矢子^{1,2}, 宇都宮 與³, 福田 隆一^{1,2}, 福井 理恵^{1,2}, 手塚 克成⁴, 伊藤 克彦⁵, 大橋 一正⁶, 水野 健作⁶, 辻 孝^{1,2} (¹東京理科大院・基礎工・生物工, ²東京理科大・学術フロンティア再生工学センター, ³慈愛会・今村病院分院, ⁴JT・医薬総研・生物研, ⁵京都大学院・医・遺伝医学, ⁶東北大・院・生命科学・分子生命科学)
- 1PA-465 Tumor necrosis factor プロセッシングにおける TNF converting enzyme の活性制御
石黒 芝輝, 中田 (津久井) 久美子, 渡辺 直子 (東邦大・理・生物分子)
- 1PA-466 2-5A システムの鍵酵素ヒトリボヌクレアーゼ L による 2-5A 認識
田中 信忠¹, 中西 雅之², 日下部 吉男¹, 後藤 芳邦², 北出 幸夫², 中村 和郎¹ (¹昭和大・薬, ²岐阜大・工)
- 1PA-467 ペプチドグリカン刺激によるマクロファージトレランスにおける IRAK-M の関与について
中山 久仁子¹, 奥川 周¹, 柳元 伸太郎¹, 北沢 貴利¹, 塚田 邦久¹, 川田 真幹¹, 木村 哲², 太田 康男¹ (¹東京大学医学部附属病院 感染症内科, ²国立国際医療センター エイズ治療・研究開発センター)
- 1PA-468 LPS 刺激下の活性化マクロファージを用いた TLR シグナルにおける新規分子 ZCCHC11 と TIFA の相互作用
簗田 泰昌, 真嶋 隆一, 真田 貴人, 吉村 昭彦 (九大・生医研・免疫制御)
- 1PA-469 Epiregulin のケラチノサイトとマクロファージにおける免疫関連機能の解明
杉山 滋¹, 馬場 賢¹, 猪口 淳一¹, 関根 さやか¹, 荻野 景子¹, 河村 由紀², 土肥 多恵子², 藤本 学³, 笹月 健彦⁴, 白澤 専二¹ (¹国立国際医療センター・研・臨床病理, ²消化器疾患, ³組織再生医学, ⁴国立国際医療センター)
- 1PA-470 マウス中枢神経系に発現している非古典的 MHC クラス Ib 抗原の同定
重成 敦子, 大場 幸枝, 吉村 眞一, 安藤 麻子, 猪子 英俊 (東海大学医学部基礎医学系 分子生命科学)
- 1PA-471 抗原クロスプレゼンテーションにおいて樹状細胞に取り込まれた OVA は ER に局在する
長谷川 洋典^{1,2,3}, 丸谷 美香子^{1,3,4}, 今井 純^{1,3,4}, 小安 重夫^{1,3,4}, 矢原 一郎^{1,2,3,4} (¹慶應リサーチパーク, ²(株) 医学生物学研究所, ³CREST, 科学技術振興機構, ⁴慶應義塾大学医学部微生物学・免疫学教室)
- 1PA-472 樹状細胞 (DC) による抗原クロスプレゼンテーションは小胞体品質管理機構 (ERAD) を利用する。
今井 純^{1,2,3}, 長谷川 洋典^{1,3,4}, 丸谷 美香子^{1,2,3}, 小安 重夫^{1,2,3}, 矢原 一郎^{1,2,3,4} (¹慶應リサーチパーク, ²慶應義塾大学医学部微生物学・免疫学教室, ³科学技術振興機構, ⁴医学生物学研究所 (株), 伊那研究所)
- 1PA-473 Heat shock protein 90 associates antigenic intermediates at pre-proteasome pathway for the MHC class I antigen presentation
Jun Kunisawa^{1,2}, Nilabh Shastri², Hiroshi Kiyono¹ (¹The Univ. of Tokyo, The Inst. of Med. Sci., Div. of Mucosal Immunol, ²UC Berkeley, Dept. Mol. Cell Biol.)

- 1PA-474 **ブタ MHC クラス I, II 遺伝子の SLA ホモ接合体サンプルによる多型性解析**
 安藤 麻子¹, 重成 敦子¹, 河田 寿子², Patrick Chardon³, 北川 均⁴, 今枝 紀明⁵, 太田 正穂⁶, 佐田 正晴⁷, 猪子 英俊¹ (¹東海大・医・分子生命科学, ²東海大・伊勢原研究推進部・教育・研究支援セ, ³LREG INRA CEA, ⁴岐阜大・応生・獣医内科, ⁵岐阜県畜産研, ⁶信州大・医・法医学, ⁷国立循環器病セ・再生医療部)
- 1PA-475 **MR1 遺伝子の分子生物学的解析**
 山口 央輝, 橋本 敬一郎 (藤田保健衛生大 総医研)
- 1PA-476 **(BXSb x NZB) F1 マウス自己免疫疾患 (RA および SLE) における MHC 亜領域拘束性の解析**
 小橋 丹青¹, 阿部 雅明¹, 笹原 圭一¹, 松岡 周二¹, 濱野 慶朋¹, 小林 敏之¹, 多田 昇弘², 樋野 興夫¹ (¹順天堂大・医・病理 2, ²順天堂大・医・アトピーセ)
- 1PA-477 **BALB/c CD45.1 congenic マウスにおける免疫異常**
 折橋 郁, 藤本 真慈, 喜納 辰夫 (京都大学再生医科学研究所再生免疫分野)
- 1PA-478 **自己免疫性肝炎患者血清中の自己抗体を用いた UGT および P-gp (MDR1) の抗原エピトープの研究**
 水谷 隆治, 服部 飛鳥, 田中 裕太, 久野 琢矢, 安藤 舞子, 多田 恵理, 森 仁美, 諸麦 知子, 篠田 雅和 (名市大院・薬・医薬品代謝解析)
- 1PA-479 **マウス *Aire* 遺伝子の発現調節シスエレメントの探索**
 工藤 純, 谷 健二, 山口 良考, 堺 弘介, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 1PA-480 **マウス胸腺由来 *Aire* 細胞株を用いた自己免疫疾患発症機構の解析**
 山口 良考¹, 工藤 純¹, 谷 健二¹, 堺 弘介¹, 野田 節子², 高柳 淳¹, 清水 信義¹ (¹慶應大・医・分子生物, ²東海大・健康科学)
- 1PA-481 **リン酸化酵素阻害剤 Fasudil による関節リウマチ治療の可能性**
 岡本 完¹, 吉尾 卓², 鎌谷 直之¹ (¹東京女子医大膠原病リウマチ痛風センター, ²自治医科大学アレルギー・リウマチ科)
- 1PA-482 **CD72 遺伝子導入は, 自己免疫疾患モデル MRL/lpr マウスの糸球体腎炎を抑制する.**
 大石 久史^{1,2}, 椿 崇仁², 小野 栄夫³, 能勢 真人², 高橋 智¹ (¹筑波大・院・人間総合科学・解剖学発生学, ²愛媛大・医・病因病態, ³東北大・院医・病理形態)
- 1PA-483 **モルモットへの遺伝子導入による遅延型過敏症反応の発症機構解析**
 平野 美里, 大谷 真志, 渡辺 直子 (東邦大・理・生物分子)
- 1PA-484 **スギ花粉症患者における刺激顆粒球の活性酸素生成と重症度に関する検討**
 江本 奈都己¹, 多田 美香¹, 一石 英一郎¹, 齋藤 圭太¹, 千田 香織¹, 太田 豊², 佐見 学², 神田 智正², 池田 満雄², 河野 雅弘¹ (¹東北大学 未来科学技術共同研究センター, ²アサヒビール (株) 未来技術研究所)
- 1PA-485 **スギ花粉症患者における血漿サイトカインの高感度 ELISA 測定と病態に関する検討**
 多田 美香¹, 一石 英一郎¹, 江本 奈都己¹, 千田 香織¹, 太田 豊², 佐見 学², 神田 智正², 池田 満雄², 河野 雅弘¹ (¹東北大学 未来科学技術共同研究センター, ²アサヒビール (株) 未来技術研究所)
- 1PA-486 **スギ花粉症患者における炎症・アレルギー関連 SNPs とバイオマーカー相関に関する検討**
 一石 英一郎¹, 多田 美香¹, 太田 豊², 佐見 学², 神田 智正², 池田 満雄², 江本 奈都己¹, 千田 香織¹, 河野 雅弘¹ (¹東北大学 未来科学技術共同研究センター, ²アサヒビール (株) 未来技術研究所)
- 1PA-487 **スギ花粉症患者における DNA チップ・マイクロアレイを用いた遺伝子発現差異による RNA マーカー探索の検討**
 千田 香織¹, 一石 英一郎¹, 多田 美香¹, 太田 豊², 佐見 学², 神田 智正², 池田 満雄², 江本 奈都己¹, 竹井 智宏¹, 河野 雅弘¹ (¹東北大学 未来科学技術共同研究センター, ²アサヒビール (株) 未来技術研究所)
- 1PA-488 **演題取消**
- 1PA-489 **モルモット遅延型過敏症反応におけるトリプトファン-tRNA 合成酵素の生理機能**
 大谷 真志, 名畑 俊哉, 遠藤 知子, 杉浦 朝美, 升田 敦子, 渡辺 直子 (東邦大・理・生物分子)
- 1PA-490 **イントロン中の *cis*-エレメントを介したヒト高親和性 IgE 受容体 鎖遺伝子の発現抑制機構**
 高橋 恭子¹, 松本 千幸^{1,2}, 羅 智靖¹ (¹日大・院医・分子細胞免疫アレルギー学, ²日大駿河台病院・皮膚科)

- 1PA-491 Spred 1 は Ras/ MAPK 経路を抑制することでマスト細胞の増殖と機能を制御する
加藤 玲子¹, 井上 博雅², 谷口 浩二¹, 野波 篤¹, 吉村 昭彦¹ (¹ 九大・生医研・免疫制御, ² 九大・大学院
附属胸部疾患研究施設)
- 1PA-492 PCBs による LPS を介したマスト細胞活性化の抑制
池田 輝雄^{1,2}, 村上 賢³, 西野 佳以², 舟場 正幸^{2,4} (¹ 麻布大学獣医学部微生物学第一研究室, ² 麻布大学
生物科学総合研究所, ³ 麻布大学獣医学部分子生物学研究室, ⁴ 麻布大学獣医学部栄養学研究室)
- 1PA-493 マウス喘息モデルにおける ST2 の発現について
早川 裕子, 早川 盛禎, 尾崎 裕美, 富永 眞一, 柳澤 健 (自治医大・医・生化学)
- 1PA-494 小形糸虫虫卵に対する再感染防御における補助シグナル分子
大西 弘太郎¹, 浅野 和仁², 石渡 賢治¹, 渡邊 直照¹ (¹ 慈恵医大・熱帯医学, ² 昭和大・医・第一生理)
- 1PA-495 Nox1 を介する大腸上皮細胞の炎症・免疫応答の分子機構
桑野 由紀, 美濃 久乃, 河原 司, 近藤 茂忠, 富永 久美子, 増田 清士, 森田 恭子, 六反 一仁 (徳島大・ヘルス
バイオサイエンス研究部・ストレス制御医学)
- 1PA-496 好中球分化における新規 G-CSF 標的遺伝子 CCR2 , flotillin-1/2 および gp49 の同定
飯田 智¹, 興梠 貴英², 児玉 龍彦², 長田 重一^{1,3,4}, 福永 理己郎^{1,3,4} (¹ 阪大院・医・遺伝, ² 東大・先端
研・LSBM, ³ 阪大院・生命機能, ⁴ JST/SORST)
- 1PA-497 PYPAF ファミリー, PYPAF3, による IL-1 産生抑制機構
木下 健, 王 治陶, 長谷川 瑞穂, 今村 龍, 須田 貴司 (金沢大・がん研・分子標的)
- 1PA-498 新規 Apaf-1 様分子 PYNOD の発現と機能
王 治陶, 長谷川 瑞穂, 木下 健, 今村 龍, 須田 貴司 (金沢大・がん研・分子標的)
- 1PA-499 活性酸素によって惹起されるカスパーゼ 1 活性化が, ストレス負荷マウスにおいて血清 IL-18 上昇を起こす。
関山 敦生^{1,3,4}, 上田 晴康¹, 柏村 信一郎¹, 倉 文明², 武田 雅俊³, 岡村 春樹¹ (¹ 兵庫医科大学 先端医学
研究所 生体防御部門, ² 国立感染研究所 細菌第一部門, ³ 大阪大学医学部 精神医学教室, ⁴ 松柏会
榎坂病院)
- 1PA-500 U937 細胞の細胞質内 mRNA の局在に対するホルボールエステルの効果
北村 浩¹, 中川 朋子¹, 高山 道代¹, 木村 弥生¹, 小原 収^{1,2} (¹ 理研・免疫アレルギー・免疫ゲノミクス,
² かずさ DNA 研・ヒトゲノム 1)
- 1PA-501 cDNA マイクロアレイ解析による血管炎に関与する炎症性分子の遺伝子発現
三川 浩輝¹, 亀岡 洋祐², 三浦 典子³, 大野 尚仁³, 鈴木 和男¹ (¹ 国立感染研.生物活性物質, ² 国立感染研.
遺伝子資源室, ³ 東京薬大.薬.免疫)
- 1PA-502 ミエロペルオキシダーゼのリーダーペプチド内の多型と炎症性疾患との関連
亀岡 洋祐¹, 伊東 玲子^{1,4}, 笠間 毅⁶, 鈴木 哲朗³, 猪原 登志子⁴, 武曾 恵理⁵, 橋本 雄之¹, 鈴木 和男² (¹ 国
立感染研・遺伝子資源, ² 国立感染研・生物活性, ³ 国立感染研・ウイルス 2, ⁴ 京大・院医, ⁵ 北野病院,
⁶ 昭和大・医)
- 1PA-503 マロリーワイズ症候群患者で観察されたミエロペルオキシダーゼ欠損を起こす遺伝子変異
伊東 玲子¹, 亀岡 洋祐¹, Persad Amanda⁴, 池田 文恵³, 仁保 善之³, 橋本 雄之¹, 鈴木 和男² (¹ 国立感
染研・遺伝子資源, ² 国立感染研・生物活性, ³ 千早病院, ⁴ フロリダ病院)
- 1PA-504 EBV 感染 B 細胞におけるケモカイン発現の網羅的解析
中山 隆志, 長久保 大輔, 稗島 州雄, 義江 修 (近畿大学・医・細菌学)
- 1PA-505 Automatic TAXIScan™ による細胞走化性測定完全自動化
溝入 紀昭¹, 佐藤 強¹, 欠塚 杏奈¹, 池田 恵美¹, 秋山 修一¹, 玉谷 卓也^{1,2}, 金ヶ寄 史朗¹ (¹ エフェクター
細胞研究所, ² 東大先端研)
- 1PA-506 細胞走化性装置 TAXIScan™ 法によるヒトリンパ球の遊走活性測定
池田 恵美¹, 山内 明^{1,2}, 新田 尚^{1,2}, 欠塚 杏奈¹, 溝入 紀昭¹, 秋山 修一¹, 玉谷 卓也^{1,2}, 金ヶ寄 史朗¹ (¹ エ
フェクター細胞研究所, ² 東大先端研)
- 1PA-507 細胞走化性測定装置 TAXIScan™ によるヒト単球由来樹状細胞の遊走動態の解析
欠塚 杏奈¹, 池田 恵美¹, 溝入 紀昭¹, 秋山 修一¹, 玉谷 卓也^{1,2}, 金ヶ寄 史朗¹ (¹ エフェクター細胞研究
所, ² 東大先端研)

- 1PA-508 ニワトリ IL-13 リセプター 2 に対するモノクローナル抗体の作成とその特徴
三好美紀, 堀内 浩幸, 松田 治男, 古澤 修一 (広島大・院・免疫生物)
- 1PA-509 2 種の病原性プリオン複製阻害抗体の同定
宮本 和慶, 中村 尚登, 堀内 浩幸, 古澤 修一, 松田 治男 (広島大院・生物圏科学・免疫生物)
- 1PA-510 腎細胞癌に対する免疫遺伝子治療を施行した患者における血清中抗腫瘍抗体の分析ならびに腫瘍抗原の同定
高野 扶弓, 橋口 隆生, 中崎 有恒, 谷 憲三朗 (九州大・生医研・ゲノム病態)
- 1PA-511 NK 細胞由来 IFN- γ による B16 メラノーマの MHC class II 誘導作用の検討
木嶋 美香^{1,2}, 齊尾 征直¹, 欧陽 観峰¹, 西村 孝司², 高見 剛¹ (¹ 岐阜大・医・免疫病理, ² 北大・遺伝研・免疫制御)
- 1PA-512 肝細胞癌に対する抗原特異的免疫療法 - 基礎的検討 -
水腰 英四郎, 中本 安成, 辻 宏和, 金子 周一 (金沢大・院医・消内)
- 1PA-513 樹状細胞を用いた肝細胞がん免疫療法の安全性臨床試験 -
金子 周一, 水腰 英四郎, 辻 宏和, 中本 安成 (金沢大・院医・消内)
- 1PA-514 Study on the immunogenicity of a novel recombinant Ad5/35 vector-based HIV vaccine
Xin-Song Zhang^{1,2}, Ke-Qin Xin², Kenji Okuda², Fumihiko Takeshita², Kenji Hamajima² (¹ Clinical Laboratorial Center of Heilongjiang Province, Harbin 150008, China, ² Department of Molecular Biodefense Research, Yokohama City University, Yokohama)
- 1PA-515 ベンゾ[a]ピレンによって誘導される免疫毒性における CYP1A1 の役割
宇野 茂之¹, 榎島 誠¹, Timothy P. Dalton², Daniel W. Nebert² (¹ 日大・医, ² University of Cincinnati Medical Center)
- 1PA-516 マウスを『データ構造』として活用する
武田 裕彦 (九州大・理・生物)

.....(1b ゲノム構造)

- 1PA-517 線虫発現パターンマップデータベース NEXTDB の比較ゲノムへ向けた拡張
新井 理¹, Thierry-Mieg Jean², Thierry-Mieg Danielle², 村松 郁子¹, 小原 真澄¹, 清水 和佳子¹, 濱川 文¹, 江端 俊伸¹, 林 史¹, 大石 加寿子¹, 芳賀 しのぶ¹, 太田 ふみ子¹, 植田 ゆみ子¹, 大地 弘子¹, 土方 千尋¹, 高橋 幸子¹, 小畑 初江¹, 濱中 貴代¹, 杉山 康子¹, 鹿兒島 浩¹, 池田 薫¹, 鈴木 穰³, 菅野 純夫³, 小原 雄治¹ (¹ 遺伝研・遺伝資源情報, ² NCBI, ³ 東大・新領域)
- 1PA-518 線虫 *C. elegans* 母性遺伝子タンパク質の体系的抗体作成と発現パターン解析
植田 ゆみ子¹, 伊藤 将弘¹, 大地 弘子¹, 土方 千尋¹, 高橋 幸子¹, 廣野 啓子¹, 鶴飼 由範², 篠原 みどり², 鳥居 久義³, 清水 絵美³, 竹中 美紀³, 伊庭 善孝⁴, 黒澤 良和⁴, 小原 雄治¹ (¹ 遺伝研・生物遺伝資源情報, ² 抗体研究所, ³ 医学生物学研究所, ⁴ 藤田保健衛生大学・総合医科学研究所)
- 1PA-519 シリカモノリスキャピラリーカラムを用いたマイクロ HPLC/MS による高速, 高分離プロテオーム解析
森坂 裕信¹, 秦 康二¹, 三間 穰治¹, 石塚 紀生², 古野 正浩³, 谷川 哲也⁴, 田中 信男⁵, 植田 充美¹ (¹ 京大院・農・応用生命, ² 京都モノテック, ³ ジーエルサイエンス, ⁴ ケムコ, ⁵ 京織大・繊維)
- 1PA-520 リアルタイム PCR 法による放射線照射ゲノム DNA の損傷検出とその構造解析への利用
及川 美代子^{1,2}, 藤本 浩文¹, 渡辺 立子³, 齋藤 公明³, 屠 振力^{1,4}, 土田 耕三¹, 中垣 雅雄², 高田 直子¹, 前川 秀彰¹ (¹ 感染研, ² 信州大, ³ 原研東海, ⁴ 浙江大)
- 1PA-521 RNP 複合体, TAF-III による核小体クロマチン制御
奥脇 暢, 村野 健作, 永田 恭介 (筑波大・院・人間総合)
- 1PA-522 SNP 解析システムを用いた転写調節領域の多様性解析
日笠 幸一郎¹, 久木田 洋児¹, 田平 知子¹, 鈴木 穰², 菅野 純夫², 林 健志¹ (¹ 九大・生医研・遺伝情報, ² 東大・新領域)
- 1PA-523 ヒト 22 番染色体長腕の 50 % を占める cen-q12 領域 16Mb 内の詳細な解析による新規遺伝子の発見
泉山 朋大¹, 佐々木 貴史¹, 塩浜 愛子¹, 細野 克博¹, 楊 浩¹, 藪島 伸生^{1,2}, 清水 信義¹ (¹ 慶應大・医・分子生物, ² 浜松医大・医・光量子医セ)

- 1PA-524 比較ゲノムによるヒト 21 番染色体遺伝子砂漠地帯の徹底探索
 渋谷 和憲, 工藤 純, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 1PA-525 ゲノムシーケンスの解析に基づくヒト 8 番染色体 q22-qter 領域の遺伝子地図作成
 山崎 悟¹, 清水 厚志¹, 石川 サビヌ和子¹, 佐々木 貴史¹, 工藤 純¹, 蓑島 伸生^{1,2}, 浅川 修一¹, 清水 信義¹
 (¹慶應大・医・分子生物, ²浜松医大・光量子医セ)
- 1PA-526 ヒト 8 番染色体 q24.3 領域にある KIAA0014 遺伝子のアンチセンス鎖にコードされる新規遺伝子 LRRC24 のクローニングとその発現解析
 石川 サビヌ和子, 山崎 悟, 清水 厚志, 堺 弘介, 浅川 修一, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 1PA-527 8 番染色体 q22-qter 領域のゲノム解析と疾患原因遺伝子の探索
 浅川 修一¹, 清水 厚志¹, 山崎 悟¹, 石川 サビヌ和子¹, 佐々木 貴史¹, 工藤 純¹, 山縣 英久², 蓑島 伸生^{1,3}, 近藤 郁子², 清水 信義¹ (¹慶應大・医・分子生物, ²愛媛大・医・環境社会医学, ³浜松医大・光量子セ)
- 1PA-528 Isolation and analysis of primate telomeric regions
 Yoko Kuroki¹, Atsushi Toyoda¹, Todd Taylor¹, Takehiko Itoh², Naomi Inagaki¹, Ryoko Sakai¹, Keiko Takahashi¹, Yumi Tsukamoto¹, Yoriko Terada¹, Miwako Tochigi¹, Ayuko Motoyama¹, Satoru Yoshida¹, Miho Yonezawa¹, Hiromi Wada¹, Masahira Hattori^{1,3}, Yoshiyuki Sakaki¹, Asao Fujiyama^{1,4} (¹RIKEN Genomic Sciences Center, ²Mitsubishi Research Institute Inc., ³Kitasato University, ⁴National Institute of Informatics)
- 1PA-529 霊長類特異的遺伝子 DSCR9 の比較ゲノム解析
 高松 邦彦¹, 高橋 瑞希², 前川 耕平¹, 豊田 敦¹, D.Taylor Todd¹, 藤山 秋佐夫³, 服部 正平⁴, 竹田 忠行¹, 神 佳之¹ (¹理研 GSC, ²東京工業大学, ³国立情報学研究所, ⁴北里大学)
- 1PA-530 ヒト転座切断点のパリンドローム配列は霊長類で保存されている
 稲垣 秀人¹, 大江 瑞恵¹, 向後 寛¹, 山田 晃司¹, Shaikh T.H.², Emanuel B.S.², 倉橋 浩樹¹ (¹藤田保健衛生大学・総医研・分子遺伝, ²Children's Hosp. Philadelphia, Hum. Genet. Mol. Biol.)
- 1PA-531 大腸菌内における Palindromic AT-rich repeat の不安定性
 向後 寛, 稲垣 秀人, 大江 瑞恵, 倉橋 浩樹 (藤田保健衛生大・総医研・分子遺伝)
- 1PA-532 アクア DNA ブック - PCR プライマーの書籍化とその利用について
 藤 加菜子¹, 岡本 信明¹, 二見 邦彦¹, 長谷川 理², 河合 純³, 林崎 良英^{3,4} (¹東京海洋大・海洋科学, ²神奈川水総研, ³理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, ⁴科技振ブレベンチャー事業)
- 1PA-533 ゲノムネットワークプロジェクトにおける理研の取り組み
 河合 純¹, カルニンチ ピエロ¹, 鈴木 治和¹, 金森 睦¹, 鈴木 正則^{1,2}, 伊藤 昌可¹, 於保 祐子¹, 西田 洋巳¹, コジウス リマンタス¹, 外丸 靖浩^{1,2}, 近藤 伸二¹, フリス マーティン¹, ゴフ ジュリアン¹, 下川 和郎¹, 粕川 雄也¹, 片山 慎太郎¹, 前田 倫広¹, 小山 理恵子¹, 甲斐 哲利¹, 佐々木 大輔¹, 福田 史朗¹, 林崎 良英^{1,2}
 (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, ²横市大院・総理)
- 1PA-534 Insight Into Complex Network of Transcriptional Start Sites
 Rimantas Kodzius, Chikatoshi Kai, Michihira Tagami, Shiro Fukuda, Shintaro Katayama, Hideya Kawaji, Piero Carninci, Yoshihide Hayashizaki (RIKEN, GCS, Genome Expl Res Grp./Genome Sci Lab)
- 1PA-535 ヒト・マウス・ラット転写因子・転写制御因子データベースの開発
 今野 英明, 金森 睦, 河合 純, 鈴木 治和, 林崎 良英 (理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子)
- 1PA-536 転写因子 cDNA クローンの収集
 芋谷 弘一¹, 福田 史朗¹, 川島 麗¹, 外丸 靖浩^{1,2}, 金森 睦¹, 鈴木 治和¹, 林崎 良英^{1,2} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, ²横市大院・総理)
- 1PA-537 中規模リアルタイム RT-PCR システムによる転写制御因子群の発現プロファイリング
 奥西 理絵^{1,2}, 鈴木 治和¹, 橋詰 航¹, 片山 慎太郎¹, 二宮 紀子¹, 大里 直樹¹, 佐藤 健二郎^{1,3}, 中村 真理¹, 飯田 樹里¹, 金森 睦¹, 林崎 良英^{1,2,3} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, ²横市大院・総理, ³筑波大院・人間総合科学)

- 1PA-538 DNA マイクロアレイデータに対するスポット単位の信頼性指標の開発と, READ データへの信頼性指標の付与
松村 米浩^{1,2}, 下川 和郎¹, 河合 純¹, 池尾 一穂³, 館野 義男³, 五條 掘 孝³, 林崎 良英^{1,2} (1 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 2 横市大院・総理, 3 国立遺伝研)
- 1PA-539 複数の異なる遺伝子発現情報を統一的に扱う方法
下川 和郎¹, 松村 米浩¹, 片山 慎太郎¹, コジウス リマンタス¹, 粕川 雄也^{1,3}, カルニンチ ピエロ¹, 鈴木 治和¹, 河合 純¹, 池尾 一穂⁴, 館野 義男⁴, 五條 掘 孝⁴, 林崎 良英^{1,2} (1 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 2 横市大院・総理, 3 NTT ソフトウェア, 4 国立遺伝研)
- 1PA-540 遺伝子発現解析のための多次元情報解析ツール
下川 和郎¹, コジウス リマンタス¹, 粕川 雄也^{1,2}, カルニンチ ピエロ¹, 河合 純¹, 林崎 良英¹ (1 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 2 NTT ソフトウェア)
- 1PA-541 FOX 転写調節因子 DNA 結合ドメインの発現と発現クローンのスクリーニング方法の開発
渡部 奈緒^{1,2}, 林崎 良英^{1,2}, 鈴木 正則^{1,2} (1 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子, 2 横市大院・総理)
- 1PA-542 Computational analysis of the unannotated regions of human chromosomes 21 and 22 that show high level of expression in affymetrix tiling chip arrays
Shinji Kondo, Yoshihide Hayashizaki (RIKEN, GSC, Genome Expl Res Drp/Genome Sci Lab)
- 1PA-543 マウス非コード RNA の解析と被発現制御に関する実験的検証
片山 慎太郎¹, Timothy Ravasi², 鈴木 治和¹, Ken Pang², 古野 正朗¹, 奥西 理絵^{1,3}, 福田 史郎¹, Kelin Ru², David Hume², 林崎 良英^{1,3}, John Mattick² (1 理研・GSC・遺伝子構造機能, 2 Univ. Queensland, Inst.Molecular Bioscience, 3 横市大院・総理)
- 1PA-544 A survey of the mammalian non-protein coding RNome
Martin Frith^{1,2}, Ken Pang², Par Engstrom³, Takeya Kasukawa¹, Boris Lenhard³, John Mattick², Yoshihide Hayashizaki¹ (1 RIKEN, GSC, Genome Expl Res Gr./Genome Sci Lab., 2 Univ. Queensland, Institute for Molecular Bioscience, 3 Karolinska Inst., Center for Genomics and Bioinformatics)
- 1PA-545 自己組織化能を有するナノレゴ (NanoLEGO) 素子の探索及び評価
青木 誠^{1,2}, 白井 健悟^{1,2}, 鈴木 治和², 金森 睦², 伊藤 昌可², 片山 慎太郎², 柴田 一浩², 安西 亜矢子^{1,2}, カルニンチ ピエロ², 河合 純², 牧 禎^{1,3}, 木戸 秋 悟³, 松田 武久³, 林崎 良英² (1 科学技術振興機構, 2 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 3 九州大院・医研・医用工学)
- 1PA-546 Mammalian 2-hybrid 法による超好熱古細菌 *Pyrococcus horikoshii* OT3 のタンパク質間相互作用解析
白井 健悟^{1,2}, 片山 慎太郎², 金森 睦², 甲斐 誓利², 岡田 真紀子², 河合 純², 荒川 貴博², カルニンチ ピエロ², 瀧尾 擴士^{2,3}, 宮野 雅司⁴, 林崎 良英², 鈴木 治和² (1 科学技術振興機構, 2 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 3 理研・ハイスルーブットファクトリー, 4 理研・播磨・構造生物物理)
- 1PA-547 タンパク質間相互作用を利用した SMN 複合体の解析
小川 ちひろ^{1,2}, 白井 健悟^{1,3}, 青木 誠^{1,3}, 伊藤 昌可¹, 金森 睦¹, 甲斐 誓利¹, 岡田 真紀子¹, 林崎 良英^{1,2}, 鈴木 治和¹ (1 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 2 横市大院・総理, 3 科学技術振興機構)
- 1PA-548 超迅速 *in vitro* プルダウンアッセイ法の開発
鈴木 治和¹, 小川 ちひろ^{1,2}, 白井 健悟^{1,3}, 林崎 良英^{1,2} (1 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, 2 横市大院・総理, 3 JST CREST)
- 1PA-549 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-1). 行動変異マウスの表現型解析と遺伝子マッピング
和田 由美子¹, 古瀬 民生¹, 榎屋 啓志¹, 美野 輪 治¹, 小林 喜美男¹, 金田 秀貴¹, 三浦 郁生¹, 串田 知子¹, 川合 暁子¹, 西井 瑠美¹, 渋谷 陽子¹, 榎藤 洋一², 野田 哲生¹, 若菜 茂晴¹, 城石 俊彦¹ (1 理研 GSC, 動物ゲノム, 2 理研 GSC, 個体遺伝)
- 1PA-550 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-2) : 痙攣・無動発作を示す ENU 誘発行動異常変異マウスの遺伝解析
古瀬 民生¹, 和田 由美子¹, 榎屋 啓志¹, 金田 秀貴¹, 小林 喜美男¹, 串田 知子¹, 川合 暁子¹, 西井 瑠美¹, 榎藤 洋一², 野田 哲生¹, 若菜 茂晴¹, 城石 俊彦¹ (1 理研 GSC 動物ゲノム, 2 理研 GSC 個体遺伝)

- 1PA-551 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-3). 血液スクリーニング
 茂木 浩未¹, 土岐 秀明¹, 大瀧 慈³, 佐藤 健一³, 井上 麻紀¹, 榎屋 啓志¹, 鈴木 智広¹, 小林 喜美男¹, 若菜 茂晴¹, 権藤 洋一², 美野輪 治¹, 城石 俊彦¹, 野田 哲生¹ (理研・GSC, 動物ゲノム,² 理研・GSC, 個体遺伝,³ 広島大・原医研, 計量生物)
- 1PA-552 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-4) : 糖尿病モデルマウスの開発と解析
 井上 麻紀¹, 茂木 浩未¹, 櫻庭 喜行², 土岐 秀明¹, 茂山 豊³, 窪田 直人⁴, 豊田 行康⁵, 松井 純子¹, 榎屋 啓志¹, 金田 秀喜¹, 若菜 茂晴¹, 権藤 洋一², 美野輪 治¹, 城石 俊彦¹, 野田 哲生¹ (理研・GSC・動物ゲノム,² 理研・GSC・個体遺伝,³ 神戸大・院医,⁴ 東大・院医,⁵ 名城大・薬)
- 1PA-553 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-5). エナメル質形成不全症モデルマウス
 榎屋 啓志¹, 清水 邦彦², 瀬筒 秀樹^{3,4}, 櫻庭 喜行³, 清水 彩¹, 永の 順子¹, 前田 隆秀², 権藤 洋一³, 若菜 茂晴¹, 野田 哲生¹, 城石 俊彦¹ (理研 GSC・動物ゲノム,² 日大松戸・歯,³ 理研 GSC・個体遺伝,⁴ 農資研・遺伝子工学)
- 1PA-554 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-6) ; 難聴モデルマウスの探索
 美野輪 治¹, 井上 麻紀¹, 茂木 浩未¹, 土岐 秀明¹, 榎屋 啓志¹, 和田 由美子¹, 小林 喜美男¹, 金田 秀貴¹, 多田 瑞穂¹, 光岡 由貴¹, 石島 純子¹, 櫻庭 喜行², 若菜 茂晴¹, 権藤 洋一², 城石 俊彦¹, 野田 哲生¹ (理研 GSC・動物ゲノム,² 理研 GSC・個体遺伝)
- 1PA-555 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-7). ゲノムインプリンティング
 鈴木 智広¹, 古海 弘康², 橋本 昌和³, 京野 志保⁴, 長嶋 綾子¹, 熊木 健治², 金田 秀貴¹, 権藤 洋一⁵, 野田 哲生¹, 若菜 茂晴¹, 佐々木 裕之², 石野 史敏⁴, 城石 俊彦¹ (理研・GSC, 動物ゲノム,² 遺伝研・総合遺伝, 人類遺伝,³ 東工大・生命理工学研究科,⁴ 東京医科歯科大・難治研, エピジェネティクス,⁵ 理研・GSC, 個体遺伝)
- 1PA-556 体系的なマウス突然変異体開発プロジェクト (2004-8). 遺伝子主導型ミュータジェネシスと全ゲノム DNA 増幅
 櫻庭 喜行¹, 瀬筒 秀樹¹, 内山 雅司¹, 土橋 圭子¹, 藤本 尚未¹, 合田 紀子¹, 本井 里佳¹, 井上 麻紀², 金田 秀貴², 美野輪 治², 若菜 茂晴², 野田 哲生², 城石 俊彦², 権藤 洋一¹ (理研 GSC・個体遺伝,² 理研 GSC・動物ゲノム)
- 1PA-557 マウス・メダカを用いたヒト DiGeorge 症候群領域の比較ゲノム解析
 塩浜 愛子¹, 佐々木 貴史¹, 清水 厚志¹, 蓑島 伸生^{1,2}, 古谷 - 清木 誠³, 近藤 寿人³, 清水 信義¹ (慶應大・医・分子生物,² 浜松医大・光子量子医セ,³ JST・SORST・近藤研究チーム)
- 1PA-558 メダカ *zic1*, *zic4* 遺伝子を含む 229kb の領域の比較ゲノム解析
 大塚 正人¹, 尾里 建二郎², 猪子 英俊¹, 木村 穰¹ (東海大・医学部・基礎医学系,² 名古屋大・生物機能開発利用研究センター)
- 1PA-559 MHC 領域における比較ゲノム解析と多様性解析
 椎名 隆, 清水 佐良子, 橋本 奈美, 柳谷 和代, 細道 一善, 二橋 夕紀, 亀田 成彬, 佐野 和美, 渡辺 淳史, 安西 達也, 猪子 英俊 (東海大・医・分生)
- 1PA-560 Construction of *CNR/ Pcdh* specific cDNA library, nucleotide sequence and analysis of somatic mutations
 Ayako Sasaki^{1,2}, Teruyoshi Hirayama^{1,2}, Takeshi Yagi^{1,2} (Osaka Univ., Graduate School of Frontier Bioscience,² JST. CREST)
- 1PA-561 RAP ファミリーに相互作用する新規遺伝子 RUTBC ファミリーの同定と性状解析
 楊 浩¹, 細野 克博¹, 塩浜 愛子¹, 佐々木 貴史¹, 蓑島 伸生², 清水 信義¹ (慶應大・医・分子生物,² 浜松医大・光子量子医セ)
- 1PA-562 IAN ファミリー遺伝子のクラスター構造は脊椎動物と高等植物に共有される
 新田 剛, 清家 隆史, 高浜 洋介 (徳島大・ゲノム機能研・遺伝子実験)
- 1PA-563 ブタ第 1 染色体のラディエーションハイブリッドマップの作成およびヒトゲノムとの比較解析
 美川 亜弓^{1,2}, 鈴木 秀昭^{1,2}, 鈴木 恒平^{1,2}, 粟田 崇^{1,3}, 浜島 紀之^{1,3} (家畜ゲノム解析研究プログラム,² STAFF 研,³ 生物研)

- 1PA-564 **新規ブタ CD1 遺伝子の同定およびそのゲノム構造の解析**
 小川 (江口) 智子^{1,2}, 両角 岳哉^{1,3}, 鈴木 恒平^{1,3}, 粟田 崇^{1,2}, 上西 博英^{1,2} (1 家畜ゲノム解析研究プログラム, 2 生物研, 3STAFF 研)
- 1PA-565 **ミニブタ mtDNA D-loop 領域の繰り返し構造**
 梅木 千里¹, 小池 克郎^{1,2} (1 癌研・研・遺伝子, 2 北里大・北里生命科学研)
- 1PA-566 **バンドウイルカ BAC ライブラリーの作製と比較ゲノム解析・進化発生学への利用**
 石井 靖幸^{1,4}, 浅川 修一¹, 山崎 悟¹, 吉岡 基², 八木 健^{3,4}, 清水 信義¹ (1 慶應大・医・分子生物, 2 三重大・生物資源・生物圏生命科学, 3 阪大・院生命機能・時空生物・心生物学, 4CREST・JST)
- 1PA-567 **ネムリユスリカのクリプトピオシス誘導特異的遺伝子**
 黄川田 隆洋, 藤田 弥佳, 斉藤 彩子, 中原 雄一, 藤田 昭彦, 行弘 文子, 渡邊 匡彦, 奥田 隆 (農業生物研)
- 1PA-568 **ネムリユスリカのクリプトピオシスに関与する 3 種類の遺伝子のゲノム構造解析**
 藤田 弥佳, 斉藤 彩子, 中原 雄一, 藤田 昭彦, 行弘 文子, 黄川田 隆洋, 渡邊 匡彦, 奥田 隆 (独立行政法人農業生物資源研究所)
- 1PA-569 **カイコのユークロマチン完全網羅を目指した BAC コンティグの構築**
 安河内 祐二 (農業生物資源研)
- 1PA-570 **カイコゲノム解析-3. BAC クローン末端塩基配列を利用した SNPs 連鎖地図**
 山本 公子, 生川 潤子, 門野 敬子, 笹沼 俊一, 三田 和英 (生物研)
- 1PA-571 **フィンガープリント法によるカイコ BAC コンティグ作成**
 野畑 順子¹, 山本 公子¹, 門野 敬子¹, 安河内 祐二¹, 嶋田 透², 小副川 和豊³, Pieter deJong³, 三田 和英¹ (1 生物研, 2 東大・農, 3Children's Hospital Oakland Res. Inst., USA)
- 1PA-572 **Nicotiana tomentosiformis におけるミトコンドリアゲノム構造の解析**
 牧田 尚之¹, 杉山 康雄², 杉浦 昌弘¹ (1 名古屋市大院・システム自然科学, 2 名大・遺伝子実験施設)
- 1PA-573 **小葉類葉緑体ゲノム構造と RNA エディティング**
 山口 和男^{1,2}, 辻 澄香^{1,2}, 西内 巧¹, 西山 智明³, 長谷部 光泰^{3,4}, 吉川 澄美^{5,6}, 小長谷 明彦^{5,6}, 植田 邦彦² (1 金沢大・学際・ゲノム機能, 2 金沢大院・自然科学・生物科学, 3 基生研・種分化第二, 4 総研大, 5 理研・GSC・ゲノム情報, 6 東工大院・情報理工学)
- 1PA-574 **RLGS によるシロイヌナズナのゲノムメチレーション解析**
 高宮 知子^{1,2}, 岡本 裕行¹, 大竹 祐子¹, 富岡 啓介¹, 浅井 健史³, 東 亨一郎³, 中村 栄治³, 岡田 有裕^{1,2}, 村上 康文², 奥泉 久人¹ (1 農業生物資源研究所, 2 東京理科大, 3 愛知工業大)
- 1PA-575 **シロイヌナズナ染色体におけるトランスポゾン分布パターンの偏りとその機構**
 三浦 明日香¹, 加藤 政臣^{1,2}, 高嶋 和哉¹, 角谷 徹仁^{1,2} (1 国立遺伝学研究所, 2 総合研究大学院大)
- 1PA-576 **ミヤコグサ *Lotus japonicus* ゲノムの大規模構造解析の進捗**
 中村 保一, 浅水 恵理香, 金子 貴一, 加藤 友彦, 佐藤 修正, 田畑 哲之 (かずさ DNA 研)
- 1PA-577 **ユーカリのゲノム塩基配列決定プロジェクト**
 金子 貴一, 佐藤 修正, 中村 保一, 田畑 哲之 (かずさ DNA 研)
- 1PA-578 **アカクローバ高密度連鎖地図の作製**
 田畑 哲之¹, 磯部 祥子², Klimenko Irina³, 近江戸 伸子⁴, 櫻井 望¹, 佐藤 修正¹ (1 かずさ DNA 研究所, 2 北海道農業研究センター, 3 ウィリアムス飼料作研究所, 4 神戸大学発達科学部)
- 1PA-579 **ゼニゴケ Y 染色体のドラフト塩基配列**
 大山 莞爾¹, 八巻 新², 大和 勝幸², 淀谷 幸平², 坂東 弘樹², 梶川 昌孝², 中山 繁樹³, 藤下 まり子⁴, 新井 理⁵, 小原 雄治⁵, 河内 孝之², 福澤 秀哉² (1 石川農短大・農業資源研, 2 京都大・院・生命, 3 農業生物資源研, 4 生研機構, 5 遺伝研)
- 1PA-580 **アサガオにおける花のホメオティック変異体—牡丹対立遺伝子の構造解析**
 平本 哲也, 仁田坂 英二 (九大・院理・生物科学)
- 1PA-581 **アサガオにおけるブラシノステロイド合成に関わる桔梗渦 (*star*) 遺伝子の解析**
 幸原 奏子, 仁田坂 英二 (九大・院理・生物科学)

- 1PA-582 **イネゲノム塩基配列の完全解読**
 藤澤 雅樹, 金森 裕之, 山形 晴美, 神谷 梢, 中村 まり, 宮内 友子, 水林 達実, 目黒 文乃, 林 亜貴子, 小林 春美, 中間 裕子, 小野 望, 伊藤 幸恵, 菊田 有里, 遠 久美子, 備藤 毅人, 藤塚 奈穂子, 栗田 加奈子, 町田 佳代, 山根 弘子, 酒井 久美子, 片寄 裕一, 松本 隆, 佐々木 卓治 (生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)
- 1PA-583 **Fiber-FISH 法を用いたイネ第 2, 第 6, 第 7, 第 8, 第 9 染色体物理地図におけるギャップ領域の物理距離測定**
 水野 浩志, 中山 繁樹, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農業生物資源研究所)
- 1PA-584 **イネ「日本晴」全ゲノムの 95% をカバーする物理地図の完成**
 呉 健忠, 片桐 敏, 佐治 章子, 唐澤 渉, 吉原 里枝, 片寄 裕一, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農業生物資源研究所 / 農林水産先端技術研究所)
- 1PA-585 **イネゲノムのアノテーション進捗状況**
 並木 信和, 柴田 未知恵, 山本 麻裕, 伊藤 幸代, 梅根 美佳, 細川 聡美, 濱田 昌雄, 根岸 真奈美, 伊藤 裕一, 向井 喜之, 松本 隆, 佐々木 卓治 (生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)
- 1PA-586 **植物病原細菌 *Candidatus Phytoplasma asteris* の全ゲノム解読**
 嵐田 亮¹, 大島 研郎², 柿澤 茂行², 鈴木 志穂¹, 鄭 熙英², 魏 薇², 西川 尚志¹, 宇垣 正志¹, 難波 成任^{1,2}
 (¹ 東大院・新領域・先端生命, ² 東大院・農生命・生産環境生物)
- 1PA-587 **植物病原細菌 *Candidatus Phytoplasma asteris* のゲノムに認められる退行的進化**
 大島 研郎¹, 嵐田 亮², 柿澤 茂行¹, 鈴木 志穂², 鄭 熙英¹, 魏 薇¹, 難波 成任^{1,2} (¹ 東大院・農生命・生産環境生物, ² 東大院・新領域・先端生命科学)
- 1PA-588 **バーチャル RLGS システムによる微生物ゲノム解析**
 松山 知樹¹, 市田 裕之^{1,2}, 小池 邦昭³, 米山 勝美², 浅見 忠男¹, 戎崎 俊一³, 吉田 茂男^{1,4} (¹ 理研・植物機能, ² 明治大農, ³ 理研・計算宇宙物理, ⁴ 理研 PSC)
- 1PA-589 **大腸菌 W3110 株由来の菌株間のゲノム構造 (欠失・倍加) 比較**
 児玉 顕一, 堀内 嵩 (基生研・ゲノム動態)
- 1PA-590 ***Brevibacillus brevis* の近縁種との比較ゲノム解析**
 市川 夏子¹, 山田 隆一¹, 細山 哲¹, 黄地 祥子¹, 関川 智洋¹, 成田 佐知子¹, 三浦 広美¹, 青木 なつ子¹, 増山 和花¹, 松下 さとみ¹, 山形 秀夫³, 吉川 博文², 鷗高 重三², 谷河 聡¹, 藤田 信之¹ (¹ 製品評価技術基盤機構, ² 東京薬科大学・生命科学, ³ 東農大・応用生物科学)
- 1PA-591 ***Brevibacillus brevis* のシグマ因子と孢子形成遺伝子群の探索**
 増山 和花¹, 山田 隆一¹, 細山 哲¹, 黄地 祥子¹, 関川 智洋¹, 市川 夏子¹, 成田 佐知子¹, 三浦 広美¹, 青木 なつ子¹, 松下 さとみ¹, 山形 秀夫², 吉川 博文³, 鷗高 重三³, 谷河 聡¹, 藤田 信之¹ (¹ 製品評価技術基盤機構, ² 東京薬科大学・生命科学, ³ 東農大・応用生物科学)
- 1PA-592 ***Brevibacillus brevis* における phage elements の解析**
 成田 佐知子¹, 山田 隆一¹, 細山 哲¹, 黄地 祥子¹, 関川 智洋¹, 市川 夏子¹, 増山 和花¹, 三浦 広美¹, 青木 なつ子¹, 松下 さとみ¹, 山形 秀夫³, 吉川 博文², 鷗高 重三², 谷河 聡¹, 藤田 信之¹ (¹ 製品評価技術基盤機構, ² 東農大・応用生物科学, ³ 東京薬科大学・生命科学)
- 1PA-593 ***Bacteroides fragilis* の莢膜生合成領域の遺伝子構造解析**
 岡田 奈津実¹, 桑原 知巳¹, 山下 敦士², 中山 治之¹, 服部 正平², 大西 克成¹ (¹ 徳島大・院ヘルスバイオサイエンス研究部・分子細菌, ² 北里大・北里生命研)
- 1PA-594 **プラスミドゲノムの編成と多様性に関する研究: IncFV プラスミド F₀lac のゲノム解析**
 外山 拓哉, 三瓶 殿一, 溝淵 潔 (電通大・量子物質工)
- 1PA-595 **16S rDNA 領域をターゲットとした系統解析手法の最適化**
 辻村 昌也^{1,2}, 阿久津 純一², 田島 秀二¹, 河原林 裕² (¹ プレシジョン・システム・サイエンス(株), ² 産総研・生物機能)
- 1PA-596 **Whole-genome duplication in *Anabaena* sp. PCC7120**
 Nobuyoshi Sugaya¹, Hiroo Murakami¹, Hiroki Sakai², Sachiyo Aburatani¹, Katsuhisa Horimoto¹ (¹ Tokyo Univ., Inst. Medic. Sci., HGC, Lab. Biostat., ² Kyoto Univ., Inst. Chem. Res., Bioinformatics Center)

- 1PA-597 ゲノム比較法によるシアノバクテリアに特徴的な遺伝子クラスターの解析
佐々木直文, 岡本忍, 五斗進, 金久實（京都大・化研・バイオインフォマティクスセンター）
- 1PA-598 菱刈金山地下熱水環境からの未知なる好熱性 Archaea ゲノムの探索
布浦拓郎¹, 笈田花子¹, 平山仙子¹, 鈴木庸平¹, 稲垣史生¹, 西真郎², 島村繁³, 高見英人², 高井研¹,
Kenneth Neelson¹, 掘越弘毅^{1,2,3}（¹ 海洋研究開発機構・地殻内微生物, ² 極限環境生物展開, ³ 深海バイオ）
- 1PA-599 菱刈金山地下熱水環境に存在する未培養好熱性 Archaea の rrn 遺伝子オペロンを含む Fosmid クローンの解析
笈田花子¹, 布浦拓郎¹, 平山仙子¹, 鈴木庸平¹, 稲垣史生¹, 島村繁², 西真郎³, 高見英人³, 高井研¹,
Kenneth Neelson¹, 掘越弘毅^{1,2,3}（¹ 海洋研究開発機構・地殻内微生物, ² 深海バイオ, ³ 極限環境生物展開）
- 1PA-600 好熱性 *G. kaustophilus* の全ゲノム配列から見える好熱菌の特徴
高見英人¹, 高木善弘¹, 池甲珠¹, 西真郎¹, 島村繁¹, 鈴木洋子¹, 松井里美¹, 内山郁夫²（¹ 海洋研究
開発機構, ゲノム, ² 自然科学研究機構, 基生研）
- 1PA-601 *Rhodococcus erythropolis* PR4 の近縁種比較によるゲノム構造解析
藤澤貴智, 関根光雄, 塚谷尚文, 松尾康範, 小杉大樹, 馬場新一, 藤田信之, 谷河聡, 小俣せいはい, 斉藤
美佳, 田島誉久, 関川智洋, 田子進一, 原山重明（製品評価技術基盤機構）
- 1PA-602 *Agrobacterium* biovar 3 型株 K-Ag-1 のゲノム物理地図の作成とその特徴の解析
田中克幸¹, Urbanczyk Henryk¹, 松井裕樹¹, 澤田宏之², 鈴木克周¹（¹ 広島大・院理・生物科学, ² 農
環研）

< PB 会場 >

.....(2d ゲノム機能)

- 1PB-001 転写開始点データベース DBTSS により同定された, ヒトプロモーター領域の実験的な大規模解析
 神原 雄太^{1,2}, 鈴木 穰¹, 山下 理宇³, 千葉 丈², 高木 利久¹, 中井 謙太³, 菅野 純夫¹ (¹東大・新領域, ²東理大・基礎工・生物工, ³東大・医科研)
- 1PB-002 *C. elegans* 胚性致死遺伝子と不稔性遺伝子の体系的 RNAi による孵化後の表現型プロファイリング
 飯田 直子¹, 飯田 裕美¹, 小原 雄治², 杉本 亜砂子¹ (¹理研 発生・再生科学総合研究センター, ²国立遺伝学研究所 遺伝資源情報)
- 1PB-003 病原性酵母 *Candida glabrata* におけるゲノム制御計画
 知花 博治¹, 上野 圭吾¹, 中山 浩伸², 岡 奈緒¹, 宇野 潤¹, 長沢 奈央子¹, 山口 正視¹, 三上 襄¹ (¹千葉大・真菌センター, ²鈴鹿高専・生物応用化学)
- 1PB-004 植物の抵抗性遺伝子による病原体認識機構のゲノム進化学的解析
 平野 恒, 池田 健一, 川崎 信二 (独) 農業生物資源研究所)
- 1PB-005 大腸菌の系統的網羅的な染色体欠失変異株作製
 橋本 昌征, 加藤 潤一 (都立大・院理・生物)
- 1PB-006 大腸菌におけるシステム生物学の構築に向けた戦略
 森 浩禎^{1,2}, 馬場 知哉², 山本 奈津子¹, 前田 真希¹, 道瀬 ひとみ¹, 成房 祐子¹, 井岡 朋子¹, 瀧田 千温¹, 高田 かおり¹, 中東 憲治², Wanner Barry L.³ (¹奈良先端大・遺伝子教育, ²慶大・先端生命研, ³Purdue University)
- 1PB-007 大腸菌における必須遺伝子の機能解析法の開発
 山本 奈津子¹, 馬場 知哉², 和田 千恵子³, Datsenko Kirill A.⁴, Zhou Lu⁴, Wanner Barry L.⁴, 森 浩禎^{1,2} (¹奈良先端大・遺伝子教育, ²慶大・先端生命研, ³京大・生命科学, ⁴Purdue University)
- 1PB-008 GenoBase (Ver. 5.0); 大腸菌パストゲノム研究のためのリソースと解析データベース
 平井 晶¹, 馬場 知哉², 荒 武², 旭 浩子¹, 山本 奈津子¹, 金谷 重彦³, 磯野 克己⁴, 堀内 嵩⁵, 森 浩禎^{1,2} (¹奈良先端大・遺伝子教育, ²慶大・先端生命研, ³奈良先端大・生命情報, ⁴製品評価技術基盤機構, ⁵基生研)
- 1PB-009 枯草菌の孢子形成開始におけるリン酸リレー系制御メカニズムの解析
 福島 早苗¹, 廣瀬 綾子¹, 志波 優¹, 千葉櫻 拓¹, 吉村 美香¹, 佐藤 勉², 吉川 博文¹ (¹東京農大・バイオ, ²農工大・農学研究科)
- 1PB-010 枯草菌のパラログ遺伝子解析による必須機能の探索
 志波 優¹, 福島 早苗¹, 千葉櫻 拓¹, 小林 和夫², 小笠原 直毅², 吉川 博文¹ (¹東京農大・バイオ, ²奈良先端大・情報科学)
- 1PB-011 微生物染色体からの重金属応答配列及び強発現プロモーターの単離
 村田 俊明, 佐藤 里美, 多田 宜文, 岡南 政宏 (近畿大・院・生物理工)
- 1PB-012 出芽酵母 rDNA クラスター領域の大規模改変と細胞生理への影響
 金 連姫, 石川 大輔, 杉山 峰崇, 金子 嘉信, 原島 俊 (阪大院, 工, 応用生物)
- 1PB-013 The GTP binding protein Obg homologue ObgE is involved in ribosome maturation.
 Aya Sato¹, Hiroshi Hayashi¹, Hideji Yoshida², Akira Wada², Sota Hiraga³, Kunio Takeyasu¹, Chieko Wada¹ (¹Kyoto Univ., Graduate School of Biostudies, ²Osaka Med. College, Dep. Physics, ³Kyoto Univ., Graduate School of Medicine)
- 1PB-014 1 アミノ酸残基の有無を生じる選択的スプライシング
 田所 恵子¹, 立花 真紀², 山崎 麻由¹, 宮下 俊之¹, 沼部 博直², 山田 正夫¹ (¹国立成育医療セ・研・遺伝, ²東京医大・小児科)

- 1PB-015 Characterization of Group II Intron in the Genome of Extremely Halotolerant and Alkaliphilic *Oceanobacillus iheyensis*
Gab Joo Chee, Hideto Takami, Koki Horikoshi (DEEPSTAR JAMSTEC)
- 1PB-016 Lung / Hydrolase Protein 2 Suppresses Smooth Muscle Cells Migration and Inhibits Development of Experimental Intimal Hyperplasia
Keishi Miyata¹, Yuichi Oike², Takayuki Hoshii¹, Hiromitsu Maekawa², Toshio Suda², Kimi Araki¹, Ken-ichi Yamamura¹ (¹Kumamoto Univ., IMEG, Dept. Developmental Genetics, ²Keio Univ., Med., Dept. Cell Differentiation)
- 1PB-017 線虫の3つの体壁筋トロポニンI遺伝子の発現パターンと転写制御
北岡 瞬¹, Razia Ruksana², 板東 哲哉², 香川 弘昭^{1,2} (¹岡山大・理・生物, ²岡山大・院・自然科学)
- 1PB-018 A mutation of a WD repeat-containing protein, SMU-1, and its relation to the genome instability
Kimihiro Sugaya¹, Etsuko Hongo¹, Hideo Tsuji² (¹Natl. Inst. Radiol. Sci., Radiation Hazards Research Group, ²Natl. Inst. Radiol. Sci., Low Dose Radiation Effects Project)
- 1PB-019 新しいヘム蛋白質 101F6 の鉄代謝関連の機能
佐貫 理佳子, 垣本 和宏, 竹谷 茂 (京都工芸繊維大学, 応用生物)
- 1PB-020 枯草菌スポア形成期におけるタンパク質局在部位の解析
高松 宏治¹, 桑名 利津子¹, 小林 和夫², 小笠原 直毅², 渡部 一仁¹ (¹摂南大・薬, ²奈良先端・情報)
- 1PB-021 枯草菌 *ylbO* 遺伝子はスポアのコート形成とリゾチーム抵抗性に関与する
桑名 利津子, 奥村 隆司, 高松 宏治, 渡部 一仁 (摂南大・薬)
- 1PB-022 枯草菌の低分子量 GTP 結合タンパク質の機能解析
松尾 芳隆, 森本 拓也, 桑野 昌喜, Pek Chin Loh, 小笠原 直毅 (奈良先端大・情報科学)
- 1PB-023 CO₂ 応答性炭酸脱水酵素遺伝子 *Cah1* の発現調節に関わる因子の解析
西出 拓, 能岡 智, 福澤 秀哉 (京都大学生命科学研究科)
- 1PB-024 緑藻クラミドモナスの調節変異株を用いた CO₂ シグナル伝達機構の解析
福澤 秀哉, 山野 隆志, 小日向 務, 西出 拓, 大西 紀和, 大坪 拓真, 甲津 嘉人, 西野 悠久, 広岡 和也, 能岡 智, 三浦 謙治, 谷口 郁也, 井上 剛志 (京都大学生命科学研究科)
- 1PB-025 ルーメンバクテリア, *Streptococcus bovis* の HPr-CcpA 転写制御機構の解析
吉井 貴宏, 浅沼 成人, 日野 常男 (明治大・農・生命科学)
- 1PB-026 ルーメンバクテリア, *Streptococcus bovis* の CcpA 転写制御機構による乳酸生成の調節
浅沼 成人, 吉井 貴宏, 日野 常男 (明治大・農・生命科学)
- 1PB-027 *cvfB* 遺伝子は *agr* 遺伝子座の正の転写制御を介して毒素産生に関与する
松本 靖彦, 黒川 健児, 垣内 力, 関水 和久 (東大・薬・発生)
- 1PB-028 *Candida glabrata* における GDP-mannose pyrophosphorylase (*VIG9/PSA1*) 遺伝子とそのパラログの炭素源による使いわけ
中山 浩伸¹, 岩崎 実歩¹, 長 環², 知花 博治³ (¹鈴鹿高専・生物応用化学科, ²福岡歯科大・感染生物, ³千葉大・真菌医学研究センター)

.....(3a 核内構造・機能 (染色体・クロマチン・核小体))

- 1PB-029 核膜における importin の動態の解析
由利 俊祐^{1,2}, 志見 剛^{1,2}, 金城 政孝³, 今本 尚子⁴, 平岡 泰^{1,2}, 原口 徳子^{1,2} (¹阪大院・理・生, ²情報通信研究機構・関西先端研, CREST/JST, ³北大・理・電子研, ⁴理研・細胞核機能)
- 1PB-030 核膜孔タンパク質 RanBP2/Nup358 とポリコム群 PcG タンパク質 Pc2 の SUMO-E3 リガーゼ活性調節の比較
三浦 さき子^{1,2}, 坂本 快郎¹, 櫻井 敏彦², 内村 康寛¹, 中尾 光善¹, 斉藤 寿仁¹ (¹熊本大学・発生医研セ・器官制御, ²熊本大・工・物質生命科学)

- 1PB-031 卵成熟過程における核輸送の活性化機構
岩淵 万里¹, 大隅 圭太¹, 今本 尚子², 岸本 健雄¹ (¹東工大・院・生命理工, ²理研・細胞核機能)
- 1PB-032 細胞核内構造による遺伝子発現の時空間的な調節機構の解明
斉藤 典子, 青戸 隆博, 中尾 光善 (熊本大学・発生セ・器官制御)
- 1PB-033 核スペckルにおける腎疾患発現性 AGN-1 遺伝子産物の局在
万塩 裕之¹, 小島 良二², 伊藤 幹雄¹ (¹名城大・薬・薬効解析, ²名城大・薬・薬理)
- 1PB-034 アフリカツメガエル受精卵の核形成におけるラミン LI の役割
草野 洋輔, 岩淵 万里, 岸本 健雄, 大隅 圭太 (東工大・院生命理工)
- 1PB-035 ウシ受精ならびに活性化卵母細胞における LAP2 の局在とその凝集時期
伊佐治 麻実子¹, 岩田 尚孝², 原山 洋¹, 三宅 正史¹ (¹神戸大院自然, ²東京農大畜産)
- 1PB-036 Direct visualization of molecular interaction between the nuclear envelope proteins and BAF, a DNA binding protein, in living cells
Takeshi Shimi^{1,2}, Takako Koujin^{1,2}, Masataka Kinjou³, Yasushi Hiraoka^{1,2}, Tokuko Haraguchi^{1,2} (¹Osaka Univ., Fac. Sci., Dept. Biol., ²Kansai Adv. Res. Cent, ³Osaka Univ., Res. Inst. Electro. Sc.)
- 1PB-037 BAF, BUT NOT LAMIN A, RECRUITS EMERIN TO THE NUCLEAR ENVELOPE
Tokuko Haraguchi^{1,2}, Chie Mori¹, Takako Koujin¹, Yasushi Hiraoka^{1,2} (¹NICT, CREST of JST & Kansai Adv. Res. Ctr., ²Osaka Univ. Fac. Sci. Dept. Biol,)
- 1PB-038 哺乳類ポリコームタンパク質のリアルタイムイメージング
磯野 協一¹, 徳永 万喜洋², 十川 久美子², 古関 明彦¹ (¹理研・RCAI・免疫器官形成, ²理研・RCAI・免疫 1 分子イメージング)
- 1PB-039 ヒトおよび霊長類リンパ芽球様細胞株における染色体テリトリーの相対核内配置解析
田辺 秀之, 天野 美保, 千葉 磨玲 (総研大・先導研・生命体科学)
- 1PB-040 哺乳動物細胞内に導入された外来性染色体外遺伝因子の細胞内動態と排出機構
亀崎 史恵, 清水 典明 (広島大・院・生物圏)
- 1PB-041 自律複製する染色体外遺伝因子の安定性を支配するシス構造
橋詰 俊彦, 清水 典明 (広島大・院・生物圏)
- 1PB-042 哺乳動物細胞内での効率的な遺伝子増幅法を用いた, 蛋白質産産系樹立に向けた研究
花田 直之, 清水 典明 (広島大・院・生物圏)
- 1PB-043 増幅した遺伝子が局在する染色体外遺伝因子の細胞内動態と遺伝子発現
宇谷 公一, 見坂 直美, 野田 恵一郎, 清水 典明 (広島大・院・生物圏)
- 1PB-044 Unichrom ヒトホモログは, 核マトリクスタンパク質である
坂本 尚昭^{1,2}, 霧島 太信^{1,2}, 中坪 敬子³, 山本 卓³, 赤坂 甲治^{1,2} (¹PROBRAIN, ²東京大・院理・臨海, ³広島大・院理・数理)
- 1PB-045 Ars インスレーターにおけるクロマチン構造の解析
渡邊 俊一郎¹, 坂本 尚昭^{2,3}, 光永 中坪 敬子¹, 山本 卓¹, 赤坂 甲治^{2,3} (¹広島大・院理・数理, ²PROBRAIN, ³東京大・院理・臨海)
- 1PB-046 制限酵素導入によるヒト生細胞内における染色体 DNA の露出部位同定法の開発
佐藤 正範^{1,3}, 佐々木 博巳², 数井 暉久³, 横田 淳¹, 河野 隆志¹ (¹国立がんセ・研・生物, ²国立がんセ・研・腫瘍ゲノム, ³浜医大・医・一外)
- 1PB-047 イネ第 8 染色体動原体領域の塩基配列の決定とその領域における遺伝子発現とクロマチン状態の解析
長岐 清孝^{1,5}, Zhukuan Cheng^{1,4}, Shu Ouyang², Paul B. Talbert³, Mary Kim², Kristine M. Jones², Steven Henikoff³, C. Robin Buell², Jiming Jiang¹ (¹Dept Horticulture, Univ. of Wisconsin-Madison, ²The Inst. Genomic Res., ³Howard Hughes Medical Inst., Fred Hutchinson Cancer Res. Center, ⁴Inst. of Genetics and Developmental Biology, Chinese Academy of Sciences, ⁵岡山大・資生研)
- 1PB-048 シロイヌナズナにおける DNase I 高感受性部位と遺伝子発現ポテンシャル
児玉 悠一¹, 長屋 進吾², 加藤 晃¹, 新名 惇彦¹ (¹奈良先端大・バイオ, ²生研機構)

- 1PB-049 活性クロマチンの維持に関する DNaseI 高感受性部位の解析
小野 雅夫, 杉山 智彦, 串山 智也, 福田 瑞恵 (立大・理・生命理学)
- 1PB-050 グルココルチコイドレセプターによる I B 転写調節機構のヌクレオソームポジショニングを用いた解析
柴田 清孝¹, 岡本 一起², 磯橋 文秀² (¹石巻専修大学理工学部, ²聖マリアンナ医科大学医学部)
- 1PB-051 NSBP1 によるプロラクチンファミリー遺伝子の発現制御
羽毛田 恵一¹, 白川 仁¹, 稲田 知之¹, 駒井 三千夫¹, Michael Bustin² (¹東北大院・農・栄養, ²National Institutes of Health)
- 1PB-052 Expression and characterization of hACF1, hSNF2h, and their domains involved in ATP-dependent chromatin remodeling
Mariana Petkova-Andonova¹, Shota Nakamura¹, Hiroko Fujita¹, Hiroaki Nakano², Susumu Uchiyama², Kiiichi Fukui², Yuji Kobayashi¹, Tadayasu Ohkubo¹ (¹Osaka Uni., Fac. Pharmaceutical Sci., Dept. Physical Chemistry, ²Osaka Uni., Fac. Engineering, Dept. Biotech.)
- 1PB-053 ヒト新規クロマチンリモデリング複合体の検索と解析
北山 久美子¹, Barbara Winsor², 原田 昌彦¹ (¹東北大院・農・分子生物学, ²FRE2375 du CNRS, France)
- 1PB-054 ヒトアクチン関連タンパク質 hArap6 のヘテロクロマチン形成への関与
大淵 恵理¹, 加藤 愛¹, 杉本 憲治², 原田 昌彦¹ (¹東北大・農・分子生物, ²大阪府大・農生命・応分生)
- 1PB-055 ジヌクレオソーム DNA ライブラリーを用いたクロマチン形成機構の解析
加藤 愛^{1,2}, 大西 芳秋¹, 木山 裕子³, 木山 亮一^{1,2} (¹産総研・生物機能工学, ²筑波大・人間総合科学, ³日本医科大・生理学)
- 1PB-056 ヒト組換えタンパク質を用いたクロマチンの再構築
野田 勝紀¹, 島原 秀登², 楯 真一³, 岩崎 憲治⁴, 鷹岡 昭夫⁴, 内山 進¹, 松永 幸大¹, 福井 希一¹ (¹阪大・工・応生, ²北陸先端大, ³生物分子工学研, ⁴阪大・超高压電顕センター)
- 1PB-057 ヒト分裂中期染色体のプロテオーム解析
内山 進¹, 小林 昇平¹, 高田 英昭¹, 石原 武¹, 曾根 岳史², 葦沢 崇³, 松永 幸大¹, 福井 希一¹ (¹阪大・工・応用生物, ²阪大・微研, ³ブルカーダルトニクス)
- 1PB-058 RFHR 法を用いた二次元電気泳動によるヒト染色体のプロテオーム解析
高田 英昭¹, 曾根 岳史², 小林 昇平¹, 内山 進¹, 松永 幸大¹, 福井 希一¹ (¹大阪大・工・応生, ²大阪大・微研)
- 1PB-059 イネ HMGB2 タンパク質の細胞増殖における機能解析
三木 智士, 川島 伸一, 青柳 憲和, 古川 智之, 深澤 壽太郎, 島田 浩章, 吉田 充輝 (東理大・基礎工・生物工)
- 1PB-060 好中球様細胞への分化に伴う HL-60 細胞の非ヒストンタンパク質 HMGB1 の細胞外放出
伊藤 一明, 深澤 壽太郎, 吉田 充輝 (東京理大・基礎工・生物工)
- 1PB-061 Ndr protein kinase と DNA 結合タンパク質 HMGB1 の相互作用解析
中西 健, 上田 哲也, 吉田 充輝 (東理大・基礎工・生物工)
- 1PB-062 HMGB1 測定のための高感度 ELISA の構築
佐藤 千恵, 上田 哲也, 深澤 壽太郎, 吉田 充輝 (東理大・基礎工・生物工)
- 1PB-063 酵母 SPB 局在タンパク Nbp1 は coiled-coil ドメインを介して互いに相互作用する
岡田 公一, 紅 朋浩, 菊池 韶彦 (名古屋大・医・分子標的治療学分野)
- 1PB-064 ヒト NAP-1 の物理化学的手法による解析
吉田 明弘, 見澤 茂樹, 野田 勝紀, 内山 進, 松永 幸大, 福井 希一 (大阪大・工・応用生物)
- 1PB-065 ヒストンシャペロン TAF-I による遺伝子発現活性化
加藤 広介¹, 奥脇 暢¹, 宮地-山口 まり², 永田 恭介¹ (¹筑波大・院・人間総合科学, ²帝京大・薬・生理化)
- 1PB-066 ヒストンシャペロン活性を持つ TAF-I の活性型ごとの遺伝子発現レベルにおける個別調節
浅賀 正充, 村野 健作, 永田 恭介 (筑波大学・院・人間総合科学 / 基礎医)

- 1PB-067 ヒストンシャペロンによる細胞増殖制御
村野 健作, 奥脇 暢, 永田 恭介 (筑波大学・院・人間総合科学 / 基礎医)
- 1PB-068 ヒストン H4 及び H3 の N 末端テール依存的なクロマチン構造変化の検出
須賀 則之, 中嶋 映美子, 陣上 久人 (生物分子工学研究所・分子機能研究部)
- 1PB-069 Isolation of novel heterochromatin defective mutants of fission yeast
Hiroaki Kato, Yota Murakami (Kyoto Univ., Inst. for Viru Resarch, Cell Regulation)
- 1PB-070 分裂酵母におけるヘテロクロマチンの形成機構の解析
八田 真美子, 中川 浩実, 横山 美佳, 村上 洋太 (京都大・ウイルス研・細胞制御)
- 1PB-071 分裂酵母における Arp6 の機能解析
大橋 規之¹, 木部 達也¹, 村瀬 正¹, 瓜谷 真裕¹, 丑丸 敬史¹, 原田 昌彦², 上野 勝¹ (1 静岡大・理, 2 東北大学院・農・分子生物)
- 1PB-072 アクチン関連タンパク質 ARP4 の機能の解析
荻原 秀明¹, 関 政幸¹, 小野田 文俊¹, 川嶋 聡¹, 渡部 聖¹, 原田 昌彦², 榎本 武美¹ (1 東北大・薬, 2 東北大・農)
- 1PB-073 出芽酵母ミニ染色体においてヌクレオソーム形成に及ぼす sticky DNA 構造の影響
徳村 公久¹, 小野田 英正¹, 神藤 平三郎², Robert D. Wells³, 清水 光弘¹ (1 明星大・理工・化学, 2 東京薬大・薬, 3 テキサス A&M 大)
- 1PB-074 リボソーム RNA 遺伝子 (rDNA) タンデムリピート構造の安定維持機構--コンデンシン変異によるリピートの超縮小と FOB1 による抑制--
定塚 勝樹, 堀内 嵩 (基生研)
- 1PB-075 電気浸透流を利用した酵母染色体の液中分子展開・操作
寺尾 京平¹, 加畑 博幸², 鷲津 正夫¹ (1 東京大・機械工, 2 京都大・医)
- 1PB-076 Genome-wide analysis of p53 binding sites using ChIP-on-Chip technology
Kiyofumi Kaneshiro¹, Shuichi Tsutsumi¹, Aya Nonaka¹, Shingo Tsuji¹, Katsuhiko Shirahige², Hiroyuki Aburatani¹ (1Tokyo Univ., RCAST, Genome Science, 2Tokyo Inst. Technol., CBRI, Gene Research)
- 1PB-077 二本鎖 DNA アレイおよび ChIP-on-Chip 法による DNA-タンパク質間相互作用解析
野中 綾¹, 堤 修一¹, 渡辺 亮¹, 金城 聖文¹, 白髭 克彦², 油谷 浩幸¹ (1 東大 先端研 ゲノムサイエンス, 2 東工大 バイオ研究基盤支援セ)
- 1PB-078 染色体分配におけるラット Orc1 の中心体局在性の解析
斎藤 靖史^{1,2}, 堤 賢一^{1,2} (1 岩手大・院・連合農学, 2 岩手大・農・寒冷バイオ・細胞複製)
- 1PB-079 哺乳類の DNA 複製開始点決定には塩基配列特異的な DNA 結合因子が関与する
南 宏幸¹, 高橋 淳子², 斎藤 靖史^{1,2}, 堤 賢一^{1,2} (1 岩手大・院・連合農学, 2 岩手大・農・寒冷バイオ)
- 1PB-080 ラット複製開始領域に結合する一本鎖 DNA 結合因子とその結合サイトの構造特性
下平 義隆¹, 斎藤 靖史^{1,2}, 堤 賢一^{1,2} (1 岩手大・院・連合農学, 2 岩手大・農・寒冷バイオ・細胞複製)
- 1PB-081 PKU- (TLK-1) is involved in alignment of chromosomes and positioning of centrosomes during mitosis.
Mitsumasa Hashimoto¹, Tadashi Matsui¹, Mamoru Ozaki², Tomio Hamada³, Kuniyoshi Iwabuchi¹, Takayasu Date¹ (1Dept. of Biochemistry, Kanazawa Med. Univ., 2Clinical genetics, Kanazawa Med. Univ., 3Shinseikai-Toyama Hospital)
- 1PB-082 HIV-1 Vpr が誘導する宿主染色体の形態異常
立和名 博昭^{1,2}, 志村 まり², 竹本 愛³, 木村 圭志³, 滝沢 由政¹, 古西 満⁴, 花岡 文雄³, 石坂 幸人², 胡桃坂 仁志¹ (1 早大院理工, 2 国立国際医療セ・難治性疾患, 3 理研・細胞生理, 4 奈良県立医科大学大 2 感染症セ)
- 1PB-083 HIV-1 VPR によるヒストン H3-K9 の恒常的アセチル化と早期娘染色体分離
志村 まり¹, 古西 満², 佐藤 裕子³, 徳永 研三⁴, 木村 圭志⁵, 花岡 文雄⁵, 石坂 幸人¹ (1 国立国際医療セ・難治性疾患, 2 奈良県立医大・感染症セ, 3 国立国際医療セ・臨床病理・超微研, 4 国立感染研・感染病理, 5 理研・細胞生理)

- 1PB-084 アラビドプシス Aurora キナーゼの体細胞分裂過程における動態解析
松永 幸大, 河邊 昭, 栗原 大輔, 中川 勝之, 内山 進, 福井 希一 (阪大・工・応用生物学)
- 1PB-085 出芽酵母 Pds1 の温度感受性株の解析
柴田 友子, 上野 勝, 瓜谷 真裕, 丑丸 敬史 (静岡大・理)
- 1PB-086 染色体分配における出芽酵母 Scc1 の重要性
松本 健太, 上野 勝, 瓜谷 真裕, 丑丸 敬史 (静岡大・理)
- 1PB-087 出芽酵母セパラーゼ Esp1 の多機能性の解析
清水 善仁, 上野 勝, 瓜谷 真裕, 丑丸 敬史 (静岡大・理)
- 1PB-088 細菌の染色体分配に必須な GTP 結合タンパク質 Obg と細胞膜リン脂質との相互作用
奥 裕介, 黒川 健児, 西田 智, 松尾 美記, 関水 和久 (東大院・薬・発生)
- 1PB-089 保存された動原体タンパク質シュゴシンの局在制御機構の解析
川島 茂裕¹, 北島 智也¹, 渡辺 嘉典^{1,2} (1 東大・分生研, 2SORST 科技構)
- 1PB-090 Nuf2 セントロメアタンパク質の消失は減数分裂前期におけるセントロメアの核内配置変化に関与する
浅川 東彦^{1,2}, 平岡 泰^{1,2} (1 情報通信研究機構関西先端研究センター, 2CREST/JST)
- 1PB-091 新規 GFP ライブラリーを用いた分裂酵母セントロメア/キネトコア蛋白質の局在観察
林 亜紀^{1,2}, 辰巳 香織^{1,2}, 原口 徳子^{1,2}, 平岡 泰^{1,2} (1 情報通信研究所・生物情報グループ, 2 科学技術振興機構)
- 1PB-092 Mis16 および Mis18 は CENP-A の動原体局在およびセントロメア中央領域のヒストン脱アセチル化に必要である
林 武志, 藤田 陽太, 岩崎 治, 安達 陽, 高橋 考太, 柳田 充弘 (京大・院・生命科学)
- 1PB-093 新規動原体タンパク質 Mis17 は高度なリン酸化修飾を受けている
白岩 善治, 林 武志, 藤田 陽太, 柳田 充弘 (京都大・生命科学)
- 1PB-094 シロイヌナズナにおける Cpf1 (Centromere promoter factor 1) ホモログの解析
下山 泰明^{1,2}, 村田 稔^{1,2} (1 岡山大・資生研, 2 科技構・CREST)
- 1PB-095 高等動物 M 期セントロメアに局在する必須因子 km23 の機能解析
堀 哲也^{1,2}, 原口 徳子³, 平岡 泰³, 小布施 力史⁴, 深川 竜郎^{1,2} (1 国立遺伝研・分子遺伝, 2JST さきがけ, 3NICT・関西先端研究センター, 4 京大・生命科学)
- 1PB-096 Overexpression of centromere protein induces aneuploidy in colorectal cancer cell through its aberrant localization
朝長 毅¹, 松下一之², 石橋 真澄¹, 根津 雅彦¹, 依田 欣哉³, 野村 文夫¹ (1 千葉大・院・医・分子病態解析学, 2 千葉大・院・医・先端応用外科学, 3 名大・生物機能開発セ)
- 1PB-097 Functional region of CENP-H interacts with the Nuf2 complex, which functions as a connector between the inner and outer kinetochores.
Yoshikazu Mikami¹, Tetsuya Horii^{1,2}, Hiroshi Kimura⁴, Tatsuo Fukagawa^{1,2,3} (1Natl. Inst. Genet., 2PRESTO of ST, 3Grad. Univ. Adv. Stud., 4Kyoto Univ., Med., HMRO)
- 1PB-098 脊椎動物セントロメアタンパク複合体の精製
岡田 聖裕, 深川 竜郎 (遺伝研・分子遺伝)
- 1PB-099 ヒト人工染色体形成におけるヘテロクロマチン構造の獲得とその役割
中島 大¹, 中野 めぐみ^{2,3}, 平岡 康氏⁴, 杉野 明雄^{1,2}, 舛本 寛^{2,3} (1 阪大・院・生命機能, 2 名大・院理・生命理学, 3NCI/NIH, 4 関西先端研究センター)
- 1PB-100 ヒト/マウスに共通するセントロメア・クロマチンの形成機構
岡田 晃明¹, 大関 淳一郎², 依田 欣哉³, 杉野 明雄⁴, 舛本 寛² (1 名大・院理・生命理学, 2NCI/NIH, 3 名大・生物機能開発セ, 4 阪大・院・生命機能)
- 1PB-101 分裂酵母テロメア DNA 結合蛋白質 Pot1 とテロメア 1 本鎖 DNA 領域との相互作用
古川 亜矢子, 鳥越 秀峰 (東理大・理・応化)
- 1PB-102 分裂酵母テロメア 1 本鎖 DNA 結合蛋白質 POT1 の C 末端領域の大量調製及び two hybrid 法による相互作用蛋白質の探索
澤根 美加, 鳥越 秀峰 (東理大・理・応化)

- 1PB-103 出芽酵母テロメラーゼ構成蛋白質 Est1 のテロメア DNA 結合ドメインと Cdc13 相互作用ドメインに関する解析
七久保 卓郎, 並木 潤子, 鳥越 秀峰 (東理大・理・応化)
- 1PB-104 分裂酵母における ATM 関連因子 Rad3, Tel1 の染色体維持の機構解析
中西 泰彦¹, 冨田 和範², 瓜谷 真祐¹, 丑丸 敬史¹, 上野 勝¹ (¹ 静岡大・理, ²Cancer Research UK)
- 1PB-105 分裂酵母における RPA の機能解析
西本 薫, 小野 祐生, 瓜谷 真裕, 丑丸 敬史, 上野 勝 (静岡大・理)
- 1PB-106 分裂酵母 RPA と Taz1 のテロメア維持機構の解明
木部 達也, 小野 祐生, 瓜谷 真裕, 丑丸 敬史, 上野 勝 (静岡大・理)
- 1PB-107 脊椎動物テロメアクロマチンの生化学的解析
齊藤 基輝, 西山 敦哉, 村木 慶子, 石川 冬木 (京都大・院・生命科学)
- 1PB-108 Polo-like kinase によるアフリカツメガエル TRF1 テロメア結合能の制御機構
西山 敦哉¹, 斎藤 基輝¹, 大隅 圭太², 岸本 健雄², 石川 冬木¹ (¹ 京大・院・生命科学, ² 東工大・院・生命理工)
- 1PB-109 ALT 細胞におけるテロメア DNA の構造的特徴
鍋谷 彰, 石川 冬木 (京大・院・生命科学)
- 1PB-110 INTERACTION BETWEEN TELOMERES AND THE SPINDLE-POLE BODY DURING BOUQUET FORMATION IN FISSION YEAST MEIOSIS.
Yuji Chikashige^{1,2}, Chihiro Tsutsumi², Miho Yamane², Kasumi Okamasa², Tokuko Haraguchi^{1,2}, Yasushi Hiraoka^{1,2} (¹Kansai Advanced Research Center, ²CREST/JST)
- 1PB-111 分裂酵母 Mcp6 と Mcp5 を介したホーステイル運動制御機構の解析
斎藤 貴宗, 東岸 任弘, 奥崎 大介, 笠間 隆志, 野島 博 (阪大・微研・分子遺伝)
-(3f 細胞増殖・分裂・周期)
- 1PB-112 発根遺伝子 *rolB* の発現と形質転換細胞の増殖との関係
西原 美乃里, 森内 寛, 山下一郎, 田中 伸和 (広大・院先端物質・分子生命)
- 1PB-113 出芽酵母の細胞形態情報に基づく遺伝子の機能予想
岡 さとみ¹, 池西 淳¹, 園池 公毅¹, 荒木 弘之², 中谷 洋一郎^{3,4}, 瀬々 潤^{3,4}, 森下 真一^{3,4}, 湯川 格史^{1,3}, 佐野 (熊谷) 史^{1,3}, 大矢 禎一^{1,3} (¹ 東大・院新領域・先端生命, ² 遺伝研, ³JST・BIRD, ⁴ 東大・院新領域・情報生命)
- 1PB-114 出芽酵母のフェノミクス・プロテオミクス大相関図
池西 淳¹, 渡邊 街香¹, 岡 さとみ¹, 湯川 格史^{1,2}, 佐野 (熊谷) 史^{1,2}, 斎藤 太郎^{2,3}, 中谷 洋一郎^{2,3}, 瀬々 潤^{2,3}, 園池 公毅¹, 森下 真一^{2,3}, 大矢 禎一¹ (¹ 東大・院新領域・先端生命, ²JST・BIRD, ³ 東大・院新領域・情報生命)
- 1PB-115 非必須遺伝子破壊株を用いた出芽酵母細胞の先端成長パターンの網羅的解析
渡邊 街香¹, 渡辺 大輔¹, 鈴木 元治郎¹, 湯川 格史^{1,2}, 園池 公毅¹, 森下 真一^{2,3}, 大矢 禎一^{1,2} (¹ 東大院・新領域・先端生命, ²JST・BIRD, ³ 東大院・新領域・情報生命)
- 1PB-116 出芽酵母 Pkc1p の細胞極性成長における役割
水沼 正樹, 宮川 都吉 (広島大・先端研・分子生命)
- 1PB-117 出芽酵母の細胞極性成長における Ca²⁺ シグナル伝達系と糖鎖修飾系の関与
本田 聡, 水沼 正樹, 迫田 亮, 宮川 都吉 (広島大院・先端研・分子生命機能)
- 1PB-118 分裂酵母の細胞極性制御に関する遺伝子の解析
藤田 篤 (産総研・生物機能工学)
- 1PB-119 Haploinsufficiency of Poly (ADP-ribose) Polymerase-1 Alters Centrosome Function and Cell Morphology
Masayuki Kanai, Eiji Sugihara, Soichiro Saito, Mako Kimura, Masanao Miwa (Univ Tsukuba, Grad. Sch. Compre. Human Sci.)

- 1PB-120 マウス体細胞核移植胚における微小管の変化
川澄 みゆり¹, 安齋 政幸², 國枝 孝典¹, 加藤 博己², 三谷 匡², 松本 和也^{1,2}, 佐伯 和弘^{1,2}, 細井 美彦^{1,2}, 入谷 明^{1,2} (¹ 近大・生物理工, ² 近大先端技術研)
- 1PB-121 Participation of PP1 to the targeting of nuclear membrane vesicles to chromatin
小山 雄平¹, 伊藤 裕美¹, 堀米 恒好² (¹ 新潟大・自然研, ² 新潟大・理)
- 1PB-122 卵核胞崩壊促進因子の解析
吹谷 芳博, 木村 文子, 岩下 淳, 阿部 達也 (秋田県大・生物資源)
- 1PB-123 Myt1 phosphorylation by Plk1 and its role in Golgi fragmentation
中嶋 洋行, 西田 栄介 (京都大・院・生命)
- 1PB-124 インターフェロン によるヒト肝がん細胞増殖抑制に関わる新規シグナル伝達経路
稲村 健太郎¹, 植松 直也², 内田 和彦¹ (¹ 筑波大・院・人間総合科学, ² 筑波大 産学リエゾン共同研)
- 1PB-125 Thioredoxin binding protein-2 (TBP-2) / Vitamin D3 up-regulated protein 1 (VDUP1) ファミリータンパク質 TBP-2/VDUP1 の peroxisome proliferator-activated receptor- による誘導と細胞増殖制御
岡 新一¹, 増谷 弘², 劉 文瑞², 淀井 淳司² (¹ 産総研・セルエンジニアリング, ² 京大・ウイルス)
- 1PB-126 セリシン由来 Ser-rich peptide による血清飢餓細胞死の抑制と細胞増殖促進
高橋 正和¹, 辻本 和久², 山田 英幸², 高木 博史¹, 中森 茂¹ (¹ 福井県大・生物資源, ² セーレン (株) 技術開発部門)
- 1PB-127 ラット再生肝における肝細胞増殖とトランスグルタミナーゼ活性の部位的相違に及ぼすレチノイン酸の影響
大竹 洋輔, 円子 顕子, 長嶋 友美, 阿部 真也, 大久保 恭仁 (東北薬大・放射薬品)
- 1PB-128 JTB (Jumping Translocation Breakpoint) 遺伝子の細胞増殖抑制機能の検討
伊藤 七重, 鹿目 知子, 柴沼 質子, 野瀬 清 (昭和大・薬・微生物)
- 1PB-129 Fgf10 による脂肪細胞増殖機構の検討
浅木 敏之, 小西 守周, 長崎 宏俊, 伊藤 信行 (京大院・薬・遺伝子薬学)
- 1PB-130 CAST, 細胞増殖に必須な Pol I 複合体コンポーネント, の欠損マウスの解析
西山 香織, 竹内 新, 角田 浩美, 斉藤 隆 (理研 免疫アレルギーセンター 免疫シグナル)
- 1PB-131 ノックアウトマウスを用いた転写因子 JDP2 の機能解析
潘 建治, 村田 武英, 中出 浩司, 鶴飼 英世, 井鍋 久美子, 木村 誠, 吉木 淳, 横山 和尚 (理研・BRC)
- 1PB-132 転写因子 JDP2 に対する抗体の作製
村田 武英¹, 金 春元¹, 潘 建治¹, 中出 浩司¹, 鶴飼 英世¹, 木村 誠¹, 小川 健司², 横山 和尚¹ (¹ 理研 BRC・遺伝子材料, ² 理研・辻本細胞生化)
- 1PB-133 ショウジョウバエ *jumonji (djmj)* の機能解析
木村 学¹, 竹内 隆², 上田 龍³, 山口 政光¹ (¹ 京都工芸繊維大・応生, ² 三菱化学生命研, ³ 国立遺伝学研)
- 1PB-134 ペトリネットを用いた細胞周期制御因子の機能解析
小谷 秀示^{1,2,3}, 吉岡 隆⁴, 稲澤 譲治^{1,2,5}, 小長谷 明彦³ (¹ 東京医歯大・難研・分子細胞遺伝, ² 東京医歯大・COE プロジェクト, ³ 理研 GSC・ゲノム情報, ⁴ (株) NTT データ・技術開発本部, ⁵ 科技団・CREST)
- 1PB-135 ILK-Hic-5 複合体によるサイクリン D1 の細胞内局在制御の可能性
井村 実和子, 林 美希, 平尾 衣都子, 森 一憲, 柴沼 質子, 野瀬 清 (昭和大・薬・微生物)
- 1PB-136 LIM 蛋白質 Hic-5-PINCH 複合体による cyclin D1 局在制御
林 美希, 井村 実和子, 平尾 衣都子, 森 一憲, 柴沼 質子, 野瀬 清 (昭和大・薬・微生物)
- 1PB-137 心臓傷害マウスの細胞増殖に対するサイクリン D1 発現誘導の効果
大澤 葉月^{1,2}, 鈴木 亜理^{1,3}, 小島 瑞代¹, 中島 久仁子¹, 久保田 美佐江¹, 竹内 隆¹ (¹ 三菱化学生命科学研究所, ² 横浜国大・院・環境情報, ³ 東北大・院医・小児)
- 1PB-138 血球産生調節機構における D type Cyclin の機能解析
宇土 潤平¹, 三原田 賢一¹, 須藤 和寛¹, 寛山 隆¹, 前田 るい¹, 八神 健一², 中村 幸夫¹ (¹ 理研・BRC・細胞材料開発室, ² 筑波大・基礎医・実験動物)

- 1PB-139 サツマイモにおけるサイクリン D2 の過剰発現は光強度依存的な茎の伸長を引き起こす
光川 典宏, 堀 英津子, 松山 崇, 田畑 和文, 平井 正名 (豊田中央研究所)
- 1PB-140 シロイヌナズナ CYCD4;2 は組織特異的に細胞分裂を促進する
河野 淳, 小島 祥子, 内宮 博文, 梅田 正明 (東京大・分生研)
- 1PB-141 Solution structure of the PCI domain
Sakura Suzuki¹, Yutaka Muto¹, Hideki Hatanaka¹, Jeremy R.H. Tame², Makoto Inoue¹, Takanori Kigawa¹, Yoshiko Ishizuka¹, Takaho Terada^{1,3}, Mikako Shirouzu^{1,3}, Yoshihide Hayashizaki¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,3,4} (¹RIKEN GSC, ²Yokohama City Univ., Grad. Sch. of Int. Sci., ³RIKEN Harima Inst. SPring-8, ⁴Univ. Tokyo, Grad. Sch. Sci)
- 1PB-142 ショウジョウバエを用いた骨髄性白血病関連因子 MLF の解析
菅野 稚奈¹, 大野 勝人², 加藤 規子³, 加藤 順也³, 山口 政光¹ (¹京都工繊大・応用生物, ²ジュネーブ大・動物, ³奈良先端大・バイオ)
- 1PB-143 ノックアウトマウスを用いた Jab1 の機能解析
友田 紀一郎¹, 加藤 規子¹, 福本 晃久³, 山中 伸弥², 加藤 順也¹ (¹奈良先端大 バイオ, ²奈良先端大 遺伝子学, ³奈良県立医大 第一外科)
- 1PB-144 細胞増殖における MIF-Jab1 相互作用の機能解析
泉 睦勝, 友田 紀一郎, 加藤 規子, 加藤 順也 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-145 白血病関連因子 MLF1 の生理機能の解析
曾山 大, 友田 紀一郎, 加藤 順也, 加藤 規子 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-146 新規核小体タンパク質 nucleostemin の機能解析
高橋 啓太, 友田 紀一郎, 加藤 規子, 加藤 順也 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-147 シグナル伝達経路における Jab1 の機能解析
南澤 洋, 友田 紀一郎, 加藤 規子, 加藤 順也 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-148 Jab1 相互作用因子の同定と機能解析
森 朗雅, 友田 紀一郎, 加藤 規子, 加藤 順也 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-149 B-Myb 複合体の生化学的解析
山内 智弘^{1,2}, 古倉 健嗣², 金刺 進之助², 石井 俊輔^{1,2} (¹筑波大・人間総合科学, ²理研・筑波)
- 1PB-150 p21^{Cip1/Waf1/Sdi1} 結合因子 TOK-1 による C-MYC の転写機能の制御
北浦 廣剛^{1,3}, 有賀 (井口) 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大・薬・分生, ²北大・農, ³科技構 CREST)
- 1PB-151 Myc 依存的細胞増殖における Myc 標的遺伝子 mina53 の作用について
Teye Kwesi¹, 常岡 誠¹, 大坪 素秋², 神田 芳郎¹ (¹久留米大・医・法人類, ²広島大・原爆放射線医学研究所)
- 1PB-152 転写因子 E2F による癌抑制遺伝子 p14ARF の特異な転写制御機構
小森 英之, 中村 正孝, 大谷 清 (東京医科歯科大・疾患遺伝子実験センター)
- 1PB-153 転写因子 E2F による細胞周期非依存的転写制御
岩永 律子, 大谷 清 (東京医科歯科大学・疾患遺伝子)
- 1PB-154 E2F1 による PACE4 遺伝子発現調節の解析
鈴江 加織, 湯浅 恵造, 辻 明彦, 松田 佳子 (徳島大・工・生物)
- 1PB-155 ヒト白血病由来細胞株 K-562 に対する糖由来 dihydropyrazine 類の作用についての解析
野村 創¹, 武知 進士², 峰松 俊夫³, 岡山 昭彦¹, 山口 忠敏² (¹宮崎大・医・臨床検査, ²宮崎大・医・衛生, ³愛泉会日南病院・疾病制御研)
- 1PB-156 ツメガエル中期胞胚遷移における cyclin E1 の分解制御
後藤 徹哉, 重元 紀子, 劉 宇, 岸本 健雄 (東工大・院生命理工・生命情報)
- 1PB-157 口腔扁平上皮癌細胞株の増殖におけるサイクリン E 要求性の喪失
山田 俊平^{1,2}, Piyamas Sumrejkanchanakij², 天笠 光雄¹, 池田 正明² (¹東医歯大・院医歯・顎顔面外科, ²東医歯大・院医歯・分子発生)

- 1PB-158 Smad7 による細胞周期停止の分子機構
江森 崇, 東田 真美, 坂本 るり子, 青田 伸一, 岡崎 賢二 (生物分子工学研究所 情報伝達)
- 1PB-159 DNA 傷害時における特定部位のリン酸化による pRB の活性制御
井上 靖道, 田矢 洋一 (国立がんセ・研・放射線)
- 1PB-160 ツメガエル初期発生過程における E2F 機能の解析
小野 達也¹, 桐原 恵美子², 喜多村 直実², 田中 利明² (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 東工大・院・生命理工)
- 1PB-161 細胞増殖を正に制御する STAT3 と負に制御する p53 の相互作用の解析
餅田 みゆき, 信久 幾夫, 田賀 哲也 (熊本大・発生研・転写制御)
- 1PB-162 Mdmx リン酸化による p53 活性の制御
加島 健史^{1,2}, 岡本 康司¹, 山崎 智美^{1,2}, 野田 亜由美^{1,2}, 北林 一生³, 田矢 洋一¹ (¹ 国立がんセ・研・放射線, ² 東京理科大・基礎工, ³ 国立がんセ・研・分子腫瘍)
- 1PB-163 Cyclin kinase inhibitor p21 内の proteasome 抵抗性を決定する領域
福地 邦彦¹, 市村 幸子², 巽 紘一² (¹ 昭和大・医・臨床病理, ² 放医研・放安研セ)
- 1PB-164 シロイヌナズナ CDK inhibitor の機能解析
仲井 智洋, 関根 政実, 新名 惇彦 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-165 CDK インヒビターである KRP の過剰発現植物体の解析
岩川 秀和, 仲井 智洋, 関根 政実, 新名 敦彦 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-166 ノックインマウスを用いた p27 の主要リン酸化部位であるセリン 10 リン酸化の機能解析
神武 洋二郎^{1,3}, 中山 啓子^{2,3}, 石田 典子^{2,3}, 中山 敬一^{1,3} (¹ 九大・生医研・分子発現制御学, ² 東北大・医・創生応用セ, ³ 科学技術振興機構・戦略的創造研究)
- 1PB-167 p27 のユビキチンリガーゼ構成因子 Skp2 及び Cks1 の腎障害による発現誘導
鈴木 小由里^{1,2}, 深澤 洋敬², 戸川 証², 大橋 温², 北川 恭子¹, 内田 千晴¹, 服部 隆行¹, 小田 敏明¹, 山本 龍夫², 菱田 明², 北川 雅敏¹ (¹ 浜松医科大学 生化学第 1, ² 同内科学第 1)
- 1PB-168 p27 の新たな分解因子 KPC の機能解析
事柴 周平^{1,2}, 嘉村 巧^{1,2}, 中山 敬一^{1,2} (¹ 九大・生医研・分子発現制御, ² 科学技術振興機構・戦略的創造研究)
- 1PB-169 MYCN による p27 の発現抑制が DNA 損傷後の中心体数異常を引き起こす
杉原 英志¹, 金居 正幸¹, 小野寺 雅史², 豊島 秀男², 三輪 正直¹ (¹ 筑波大・基礎医・生化学, ² 筑波大・臨床医)
- 1PB-170 Cyclin D2 の G0-G1 移行期における p27 分解への寄与
洲崎 悦生^{1,2}, 中山 敬一^{1,2} (¹ 九大・生医研・分子発現制御学, ² CREST)
- 1PB-171 Cdc25A における SCF^{-TrCP} ユビキチンリガーゼの新規結合モチーフの同定
兼森 芳紀¹, 宇都 克裕^{2,3}, 佐方 功幸^{2,3} (¹ 九州大・院システム生命科学, ² 九州大・院理・生物科学, ³ 科技構)
- 1PB-172 ユビキチン様修飾分子, GdX は cyclin F に共有結合し M 期の脱出を制御する
石田 典子^{1,3}, 島山 鎮次^{2,3}, 中山 啓子^{1,3}, 中山 敬一^{2,3} (¹ 東北大・医・創生応用セ, ² 九大・生医研・分子発現制御, ³ 科技団・戦略的創造研究)
- 1PB-173 SCF ユビキチンリガーゼの標的タンパク質を同定するための実験手法の開発
岸 努, 三ツ橋 知沙, 長尾 里奈, 池田 明美 (理研 岸独立主幹研究ユニット)
- 1PB-174 新生 RNA の検出を利用した細胞周期の移行により発現変動する新規遺伝子の同定
大津 正也^{1,2}, 郡司 涉^{1,2}, 甲斐 敬人^{1,2}, 花岡 文雄³, 宇津木 孝彦^{1,2}, 小野田 文俊¹, 村上 康文^{1,2} (¹ 東京理科大・基礎工・生物工, ² 東京理科大・ゲノム創薬セ・構造ゲノム, ³ 理研・細胞生理)
- 1PB-175 SUMO-1 化修飾による Chk2 の活性制御
細野 秀崇¹, 中川 宏治², 横沢 英良¹ (¹ 北大・院薬・生化学, ² 北大・遺制研)
- 1PB-176 細胞の分裂や伸長に関与する II 型ユビキチン様タンパク質 yh78, pph27a22 の作用機作
日渡 祐二¹, 藤田 知道¹, 長谷部 光泰^{1,2} (¹ 基生研・生物進化, ² 総研大・生命科学)

- 1PB-177 **プロテオーム的手法を用いた mKIAA0695 遺伝子産物の機能解析**
 島田 希代^{1,2}, 長野 美穂子^{1,2}, 村上 雅利^{1,2}, 岡崎 規理子³, 長瀬 隆弘³, 古閑 比佐志^{1,2,3} (¹JST-CREATE, ²千葉県産業振興センター, ³かずさ DNA 研究所)
- 1PB-178 **ストレスにおける酵母ユビキチンリガーゼ Rsp5 の機能解析：熱ショックタンパク質の転写調節への関与**
 灰谷 豊, 高木 博史 (福井県大・生物資源)
- 1PB-179 **分裂期チェックポイント分子 CHFR の制御機構の解析**
 見田 裕章¹, 豊田 実², 鹿島 理沙¹, 佐藤 亜由美², 荻 和弘¹, 佐々木 泰史¹, 鈴木 拓³, 苗代 康可¹, 秋野 公臣¹, 今井 浩三², 時野 隆至¹ (¹札幌医大・がん研・分子生物, ²札幌医大・1内, ³札幌医大・公衆衛生)
- 1PB-180 **出芽酵母を用いたバルプロ酸の細胞周期への作用機構の解析**
 岡本 太郎¹, 三井 和浩², 神庭 重信³ (¹山梨大学医学部精神, ²山梨大学医学部生化学, ³九州大学大学院医学研究院)
- 1PB-181 **サイクリン A-CDK 活性の制御によるゲノム安定性維持機構**
 千葉櫻 拓¹, Seth G. McGrew², 榎谷 晃明¹, 大原 麻由¹, Jonathan A. Cooper², 吉川 博文¹, James M. Roberts² (¹東京農大・バイオ, ²Fred Hutchinson Cancer Res. Center)
- 1PB-182 **TOR の下流で機能する nogsome は DNA 複製およびリボソーム合成を制御する**
 丑丸 敬史, 上野 勝, 瓜谷 眞裕 (静岡大・理)
- 1PB-183 **Rad3-Rad26 Kinase による Cds1 のリン酸化は Mrc1 と相互作用する FHA ドメインによって仲介される**
 田口 憲一¹, Russell Paul², 田中 克典^{1,2} (¹島根大・生物資源・生命工, ²The Scripps Research Institute, Dept. Mol. Biol. & Cell Biol)
- 1PB-184 **GSK-3 の Cdc25A タンパク質量制御への関与**
 久保 暁嗣¹, 内田 早苗¹, 杉村 勇人¹, 久保原 禅², 松永 司¹, 山下 克美¹ (¹金沢大・院・自然科学, ²群馬大・生調研・生理活性物質センター)
- 1PB-185 **CDC25B における 14-3-3 との結合に必要な部位の解析**
 内田 早苗¹, 久保 暁嗣¹, 木津 良一¹, 松永 司¹, 中釜 斉², 石坂 幸人³, 山下 克美¹ (¹金沢大・院・自然科学, ²国立がんセンター・研, ³国立国際医療センター・研)
- 1PB-186 **分裂酵母 *tel2* 遺伝子の機能解析**
 四方 美穂, 加納 純子, 石川 冬木 (京都大・院・生命科学)
- 1PB-187 **高浸透圧ストレス下の細胞周期進行における HOG 経路の役割**
 下向 敦範, 山口 敏良, 水沼 正樹, 平田 大, 宮川 都吉 (広島大・先端研・分子生命)
- 1PB-188 **Ca²⁺ による酵母細胞周期制御における AP-1 ホモログ Yap1p の役割**
 横山 博, 水沼 正樹, 平田 大, 宮川 都吉 (広島大院・先端研)
- 1PB-189 **出芽酵母の Ca²⁺ シグナル伝達を抑制する因子の取得と解析**
 山本 城輔, 水沼 正樹, 宮川 都吉 (広島大・先端研・分子生命機能科学)
- 1PB-190 **M 期における Wee1 キナーゼの不活性化機構**
 岡本 健吾, 佐方 功幸 (九大・院理・生物科学)
- 1PB-191 **ツメガエル卵受精における Myt1 不活性化機構の切り換え機構の解析**
 井上 大悟¹, 佐方 功幸^{1,2} (¹九州大・理・生物科学, ²科技団・CREST)
- 1PB-192 **インターフェロン・ガンマーによる口腔癌細胞の S 期細胞周期停止は, Cyclin A, CDK2 の発現抑制により誘導される**
 廣井 美紀¹, 井口 真由美^{1,2}, 鐘ヶ江 晴秀², 大森 喜弘¹ (¹明海大学・歯学部・口腔生化学講座, ²歯科矯正学講座)
- 1PB-193 **出芽酵母の細胞壁合成をモニターする新規チェックポイント機構はフォークヘッドファミリーに属する転写因子を介して M 期サイクリンの転写を制御する**
 関谷 瑞穂, 五十嵐 亮二, 今成 深雪, 湯川 格史, 大矢 禎一 (東大・院新領域・先端生命)
- 1PB-194 **分裂酵母コンデンシン SMC サブユニット SMC2/Cut14 の間期機能への寄与**
 赤井 祐子¹, 青野 信喜¹, 白岩 善治¹, 白髭 克彦², 柳田 充弘¹ (¹京大・生命, ²東工大・バイオ)

- 1PB-195 ヒトコンデンシンのリン酸化による活性制御の解析
竹本 愛^{1,2}, 木村 圭志¹, 横山 茂之², 花岡 文雄^{1,3,4} (¹理研・細胞生理, ²東大院・理・生化, ³阪大院・生命機能, ⁴科技団, CREST)
- 1PB-196 出芽酵母 TOR の M 期終了における機能解析
田口 静香¹, 上野 勝¹, 瓜谷 真裕¹, Michael Hall², 丑丸 敬史¹ (¹静岡大・理, ²パーゼル大・バイオセンター)
- 1PB-197 ツメガエル卵母細胞の二極性紡錘体形成にはサイクリン B2 の細胞質保留シグナルのリン酸化が重要である
吉留 賢¹, 杉本 勇¹, 古野 伸明², 佐方 功幸³, 箸本 英吉¹ (¹鳥取大・医・生命科学, ²広島大・理・両生研, ³九州大・院理・生物科学)
- 1PB-198 Rcc1 温度感受性変異マウスの作製と解析
西井 清雅¹, 熊井 まどか², 橋爪 華奈子², 宮野 由美², 柴田 洋三郎¹, 西本 毅治² (¹九大・医・形態機能形成学, ²九大・医・分子生命)
- 1PB-199 *Parp-1* 欠損マウス由来不死化胚性線維芽細胞における染色体倍加機構の解析
荻野 秀樹¹, 鈴木 宏志², 中釜 斉¹, 杉村 隆¹, 益谷 美都子¹ (¹国立がんセ・研・生化, ²帯畜大・原虫セ)
- 1PB-200 mLgl-2 と LGN の直接結合とその細胞分裂への関与
安見 正人¹, 匂坂 敏朗¹, 星野 崇¹, 木村 敏啓¹, 坂本 泰久¹, 大野 茂男², 高井 義美¹ (¹阪大院・医・分子生理化学, ²横浜市大院・医・分子細胞生物学)
- 1PB-201 クマドリリンによる分裂期染色体の動態制御
高木 昌俊¹, Isabelle Vernos², 今本 尚子¹ (¹理化学研究所・中央研究所・細胞核機能研究室, ²EMBL)
- 1PB-202 広範な真核生物にメンバーを有する新規遺伝子ファミリー YPEL の性状解析
細野 克博¹, 佐々木 貴史¹, 蓑島 伸生^{1,2}, 清水 信義¹ (¹慶應大・医・分子生物, ²浜松医大・光量子医セ)
- 1PB-203 Functional analysis of Xenopus TACC3/Maskin in modulation of microtubule dynamics during the cell cycle
Kazuhiisa Kinoshita¹, Tim Noetzel¹, Laurence Pelletier¹, Karl Mechtler², Jordan Raff³, David Drechsel¹, Anthony Hyman¹ (¹Max Planck Inst Mol Cell Biol Genetics, ²Research Inst Mol Pathology, ³Wellcome/CR-UK Inst)
- 1PB-204 タキソールの Aurora-A キナーゼの形成する紡錘体様構造とその動態に及ぼす影響
南川 春美¹, 浦野 健², 刀裨 重信³, 道津 昌也⁴, 深田 尚¹, 杉本 憲治¹ (¹大阪府大院・農生命・応分生生物, ²名古屋大院・医・生化, ³川崎医大・生化学, ⁴三谷商事・ビジュアルシステム)
- 1PB-205 染色体・核膜を可視化した細胞を用いた survivin の細胞内動態の検討
井上 貴美子¹, 深田 尚¹, 浦野 健², 杉本 憲治¹ (¹大阪府大院・農・応生化, ²名古屋大学院・医・神経疾患・腫瘍分子医学研究セ)
- 1PB-206 中心体周囲で周期的に集積と拡散を繰り返す FCH ドメインを持つ新規中心体局在性タンパク質
坂本 真司¹, 井上 貴美子¹, 園子 瞳¹, 深田 尚¹, 岡 茂範², 杉本 憲治¹ (¹大阪府大院・農生命・応分生, ²長瀬産業・研究開発センター)
- 1PB-207 Protein phosphatase 5 (PP5) は tubulin と結合し微小管形成に関与する
原 香里, 瀬尾 友子, 高木 佐千代, 土屋 直人, 福田 博政, 杉村 隆, 中釜 斉 (国立がんセ・研・生化)
- 1PB-208 CENP-A 動原体局在に必須な新規動原体因子 Mis18 の細胞周期依存的局在
藤田 陽太^{1,2}, 林 武志¹, 安達 陽¹, 豊田 雄介¹, 清光 智美¹, 小布施 力史¹, 柳田 充弘¹ (¹京都大・院・生命科学, ²浜松医大・医・3 内)
- 1PB-209 ヒトシュゴシンは体細胞分裂前期において姉妹セントロメア間の接着の保護に必要である
北島 智也¹, 渡辺 嘉典^{1,2} (¹東大・分生研, ²SORST 科技構)
- 1PB-210 紡錘体形成チェックポイント蛋白質 Mad1 と新規核・中心体蛋白質 p35 との相互作用
岸本 三佳¹, 内田 佳宏¹, 大西 真由実¹, 池側 友子¹, 浦野 健², 大和田 幸嗣¹ (¹京都薬大・生命研, ²名大・院医・生化学第二)
- 1PB-211 Cdh1 の局在変化に伴う APC/C (Anaphase-Promoting Complex/Cyclosome) 活性化への影響
堀田 晶子^{1,2}, 石原 孝也^{1,2}, 横井 左奈², 井本 逸勢^{2,4}, 小谷 秀示^{2,3}, 稲澤 謙治^{2,3,4} (¹東京医歯大・院・医歯学総合, ²東京医歯大・難研・分子細胞遺伝, ³東京医歯大・COE プロジェクト, ⁴科技団・CREST)

- 1PB-212 Anaphase 進行におけるプロテアソームの役割り
戸田 和浩, 丑丸 敬史, 山田 眞平 (静岡大・理)
- 1PB-213 Cell cycle-dependent phosphorylation of Xdc14
Shin Murai¹, Satoru Mimura², Haruhiko Takisawa², Shigeru Yamashita¹ (¹Toho Univ., Sch. of Med., Dept. Biochem., ²Osaka Univ., Grad. Sch. Sci., Dept. Biol.)
- 1PB-214 出芽酵母 Ebp2 はリボソーム生合成と有糸分裂に機能を持つ
堀籠 智洋, 水田 啓子 (広島大院・生物圏)
- 1PB-215 出芽酵母 Ebp2 の SUMO 化における生理的意義の解析
白井 千春, 水田 啓子 (広島大学大学院生物圏科学研究科)
- 1PB-216 CDK 活性化キナーゼ (CAK) を介した植物の細胞分裂の制御機構の解析
下遠野 明恵, 内宮 博文, 梅田 正明 (東京大学・分生研)
- 1PB-217 シロイヌナズナの ILP5 はエンドリデュプリケーションを正に制御する。
高橋 直紀^{1,2}, 吉積 毅¹, 中澤 美紀¹, 市川 尚斉¹, 近藤 陽一¹, 石川 明苗¹, 川島 美香¹, 鈴木 久美子¹, 島田 浩章², 松井 南¹ (¹理研・GSC, ²東京理科大・基礎工)
- 1PB-218 シロイヌナズナ AtCycA2;3 は endoreduplication の終了において主要な働きをする
今井 久美子¹, 大橋 洋平¹, 吉積 毅², 松井 南², 柘植 知彦¹, 岡 穆宏¹, 青山 卓史¹ (¹京都大・化研, ²理研・GSC)
- 1PB-219 暗所でのみエンドリデュプリケーションが促進される変異株 *increased polyploidy level in darkness 1-D (ipd1-D)* の解析
津本 裕子^{1,2}, 吉積 毅², 川島 美香², 市川 尚斉², 中澤 美紀², 山本 直樹¹, 松井 南² (¹お茶の水女子大院・人間環境科学, ²理研・ゲノムセンター・植物変異探索研究)
- 1PB-220 シロイヌナズナの新規な転写抑制因子である ILP1 は *CyclinA2* の転写を抑制することでエンドリデュプリケーションを促進する
吉積 毅¹, 津本 裕子^{1,2}, 滝口 朋子¹, 川島 美香¹, 永田 典子³, 山本 義治⁴, 市川 尚斉¹, 中澤 美紀¹, 山本 直樹², 松井 南¹ (¹理研・ゲノムセンター・植物変異探索研究, ²お茶の水女子大院・人間環境科学, ³日本女子大・物質生物, ⁴理研・植物機能)
- 1PB-221 植物の細胞質分裂に関わる MAP キナーゼ構成因子の認識特異性の解析
高橋 裕治¹, 諸田 雅之², 征矢野 敬¹, 町田 泰則¹ (¹名大院・理・生命理, ²中部大・応用生物)
- 1PB-222 *Escherichia coli* O157:H7 の生育特性と塩類の関係
木嶋 伸行¹, 高田 綾子², 和地 正明² (¹(独)農研機構 野菜茶研, ²東工大・院生命理工・生物プロセス)
- 1PB-223 バクテリアの DNA 複製と細胞分裂の共役
井之上 一平¹, 安田 賢二¹, 西村 昭子² (¹東大院・総合文化, ²遺伝研)
- 1PB-224 大腸菌 *ftsX* 遺伝子の機能解析
岡本 元子, 米澤 寿美子, 西村 昭子 (国立遺伝学研究所)
- 1PB-225 時計遺伝子による肝薬物トランスポーターの発現制御
小高 真希¹, 長岡 正人¹, 原田 伊知郎¹, 宮崎 暦², 石田 直理雄², 赤池 敏宏¹ (¹東京工業大学 大学院生命理工学研究科 生体分子機能工学専攻, ²産業)
- 1PB-226 Circadian rhythm orchestrates the growth of the nephron in the rat kidney
Masaya Yamato¹, Takahito Ito¹, Masafumi Yamato¹, Hirotsugu Iwatani¹, Enyu Imai¹, Masatsugu Hori¹, Norio Ishida² (¹Osaka Univ. Medicine, ²NAIST)
- 1PB-227 Roles of KaiC phosphorylation in the circadian clock system of *Synechococcus elongatus* PCC7942
Taeko Nishiwaki-Ohkawa^{1,2}, Yoshinori Satomi³, Masato Nakajima^{1,2}, Cheolju Lee^{3,4}, Reiko Kiyohara¹, Hakuto Kageyama^{1,2}, Yohko Kitayama^{1,2}, Mioko Temamoto¹, Akihiro Yamaguchi⁵, Atsushi Hijikata¹, Mitiko Go⁵, Hideo Iwasaki^{1,2}, Toshifumi Takao³, Takao Kondo^{1,2} (¹Nagoya Univ., Grad. Schl. Science, Div. Biol. Sci., ²JST., CREST, ³Osaka Univ., Inst. Protein Res., ⁴Korea Inst. Sci. Tech., Biomed. Res. Center, ⁵Nagahama inst. Bio-Sci. Tech., Fac. Bio-Sci.)

- 1PB-228 枯草菌の SOS 応答に伴う細胞分裂阻害機構の研究
川合 良和, 小笠原 直毅 (奈良先端・情報・システム細胞学)
- 1PB-229 分裂酵母における第一減数分裂での前胞子膜形成開始とスピンドルチェックポイント
高橋 恵輔, 中村 太郎, 下田 親 (大阪市大・院理・生物地球)
- 1PB-230 分裂酵母カルモジュリン Cam1 の前胞子膜形成開始における役割
板谷 有希子, 中村 太郎, 下田 親 (大市大・院理・生物地球)
- 1PB-231 分裂酵母オートファジー経路が有性生殖に果たす役割
幸田 俊希, 田仲 加代子, 唐 仙英, 山本 正幸 (東大・院理・生化)
- 1PB-232 分裂酵母の減数分裂時における *polo* 相同遺伝子 *plo1* の機能解析
曹 宇昶, 田仲 加代子, 山本 正幸 (東京大・院理・生化)
- 1PB-233 分裂酵母において減数分裂特異的 mRNA 群の体細胞分裂周期での不安定化に關与する Mmi1 タンパク質と相互作用する因子の探索
山中 総一郎¹, 張ヶ谷 有里子¹, 山下 朗², 山本 正幸^{1,2} (¹ 東京大学大学院理学系研究科生物化学専攻, ² 東京大学遺伝子実験施設)
- 1PB-234 分裂酵母新規 RNA 結合タンパク質 Mmi1p は栄養増殖期における減数分裂特異的遺伝子群の発現抑制に必要である
張ヶ谷 有里子¹, 田中 裕嗣¹, 山下 朗², 田仲 加代子¹, 渡邊 嘉典^{1,3}, 山本 正幸^{1,2} (¹ 東大・院理・生化, ² 東大・遺伝子実験施設, ³ 東大・分生研・染色体動態)
- 1PB-235 分裂酵母の減数分裂制御因子 Mei2p を負に制御する因子の単離・解析
松永 大典¹, 栄徳 勝光¹, 山下 朗², 山本 正幸¹ (¹ 東京大・理・生物化学, ² 東京大・遺伝子)
- 1PB-236 減数分裂特異的な APC 阻害因子である分裂酵母 Mes1p の制御機構の解析
伊澤 大介¹, 山下 朗², 山本 正幸¹ (¹ 東大・院理・生化, ² 東大遺伝子)
- 1PB-237 分裂酵母の減数分裂マスター制御因子 Mei2p と相互作用する新規タンパク質の探索
宮岡 佑一郎¹, 山下 朗², 山本 正幸^{1,2} (¹ 東大院・理・生化, ² 東大・遺伝子)
- 1PB-238 分裂酵母の有性生殖過程における Msa2 と Cpc2 の機能解析
大渡 康夫¹, 鄭 喜太¹, 田中 克典¹, 中川 強², 松田 英幸¹, 川向 誠¹ (¹ 島根大・生物資源・生命工, ² 島根大・研究支援センター)
- 1PB-239 分裂酵母の有性生殖と形態形成に關与する *pds1* 遺伝子の解析
矢倉 美代¹, 田中 克典¹, 中川 強², 松田 英幸¹, 川向 誠¹ (¹ 島根大・生資料・生命工, ² 島根大・研究支援センター)
- 1PB-240 分裂酵母のアコニターゼ様因子 Aco1 の有性生殖における役割
西井 理恵¹, 田辺 香¹, 田中 克典¹, 中川 強², 松田 英幸¹, 川向 誠¹ (¹ 島根大・生物資源・生命工, ² 島根大・総科研センター)
- 1PB-241 分裂酵母 Mek1 は減数分裂前 DNA 合成の開始と相同組換えを制御する
東岸 任弘, 奥崎 大介, 斉藤 貴宗, 笠間 隆志, 大高 彩美, 野島 博 (阪大・微研)
- 1PB-242 イネの減数分裂における相同染色体軸の構成タンパク質 PAIR2 の解析
野々村 賢一^{1,2}, 中野 睦子¹, 永口 貢¹, 倉田 のり^{1,2} (¹ 遺伝研, ² 総研大・生命科学)
- 1PB-243 Roles of daf-21/Hsp90 in *C. elegans* germline development.
Tadao Inoue¹, Masahiro Fujita¹, Yuichiro Kuwana¹, Johji Miwa², Richard Roy³, Yasunori Yamaguchi¹
(¹Fukuyama Univ., Fac. Life Sci. & Biotech., Dept. Biotech., ²Chubu Univ., College Biosci. & Biotech., Dept. Environ. Biol., ³McGill Univ., Dept. Biol.)

.....(3e 生体膜・細胞骨格).....

- 1PB-244 アクチン関連蛋白 WDR1 は cofilin の脱リン酸化/リン酸化に対応してアクチン脱重合活性を促進/抑制する
藤瀨 剛次^{1,2}, 阿部 康人¹, 今井 良典^{1,3}, 亀井 義明^{1,3}, 竹内 崇師¹, 木藤 克己¹, 植田 規史¹, 山本 晴康²
(¹ 愛媛大・医・分子病理学 (旧 1 病理), ² 整形外科学, ³ 第一外科学)

- 1PB-245 **プロテインホスファターゼ-1 制御蛋白質 scapinin に存在する新規アクチン結合領域 PREL リピートの解析**
守屋 美恵, 相良 淳二, 谷口 俊一郎 (信大院医・加齢適応・分子腫瘍)
- 1PB-246 **ステロールとリン脂質非対称性が, エンドサイトーシスーリサイクリング経路を介して出芽酵母アクチン細胞骨格の極性形成を制御する**
岸本 拓磨, 山本 隆晴, 田中 一馬 (北大・遺伝研・分子間情報)
- 1PB-247 **出芽酵母 *akr1* 変異株を用いた細胞極性制御の解析**
鈴木 元治郎¹, 森下 真一^{2,3}, 大矢 禎一^{1,3} (1 東大・院新領域・先端生命, 2 東大・院新領域・複雑理工, 3JST・BIRD)
- 1PB-248 **収縮環のアクチン繊維への *Xenopus* slingshot の関与**
田中 健之, 阿部 洋志 (千葉大・理・生物)
- 1PB-249 **細胞の移動におけるコフィリンホスファターゼ Slingshot1 の機能解析**
郡司 絵美, 大橋 一正, 水野 健作 (東北大・院・生命科学)
- 1PB-250 **ピネキシン ソルピン相同領域 (SoHo) によるアクチン細胞骨格の制御**
高橋 穂波, 若林 真, 植田 和光, 木岡 紀幸 (京都大・農・応用生命科学)
- 1PB-251 **エズリンノックダウンマウスの解析**
田村 淳¹, 菊池 正次郎^{1,2}, 勝野 達也^{1,3}, 林 久由⁴, 鈴木 裕一⁴, 月田 承一郎¹, 月田 早智子^{1,5} (1 京都大・院医・分子細胞情報学, 2 京都府立医大・医・消化器腫瘍制御外科学, 3 名古屋大・院理, 4 静岡県立大・食品栄養科学・生理学, 5 京都大・医・保健学科)
- 1PB-252 **ショウジョウバエ *i* B kinase ファミリー *ik2* はアクチン細胞骨格の代謝速度を調節することにより形態形成を制御する**
大島 健司¹, 武田 美智子¹, 相垣 敏郎², 林 茂生¹ (1 理研・CDB, 2 都立大・院理)
- 1PB-253 **細菌の細胞骨格タンパク質を作用標的とする抗菌剤の開発**
岩井 伯隆¹, 永井 和夫², 北爪 智哉³, 和地 正明³ (1 東工大・フロンティア創造, 2 中部大・応用生物・応用生物化学, 3 東工大・院生命理工・生物プロセス)
- 1PB-254 **巻貝の左右性を制御する初期卵割過程の細胞骨格動態**
柴崎 友一朗¹, 清水 美穂², 黒田 玲子^{1,2} (1 東大・院総文・生命, 2 科技機・ERATO/SORST)
- 1PB-255 **染色体分配に關与する微小管結合タンパク質 human Orbit の機能解析**
青沼 美樹¹, 岡田 麻衣子², 井上 喜博³, 宮本 麻美子¹, 玉井 克之⁴, 釜澤 尚美⁵, 松影 昭夫¹ (1 日本女子大・院・理・物質生物機能科学, 2 東大・院・農生科, 3 京都工繊大・ショウジョウバエ遺伝資源センター, 4 サイクレックス, 5 コロラド州立大)
- 1PB-256 **新規微小管結合蛋白質 RMD ファミリーの同定および解析**
大石 久美子¹, 岡野 栄之², 澤 育^{1,3} (1 理研, CDB, 細胞運命, 2 慶応大医, 生理, 3 神戸大院, 自然, 生命機構科学)
- 1PB-257 **低分子量 GTP 結合タンパク質 Rap1 によるカドヘリンを介した細胞間接着の制御機構**
佐藤 和正, 則竹 淳, 中川 誠人, 泉 七衣, 田矢 裕規, 渡辺 崇, 王 淑杰, 竹藤 幹人, 深田 正紀, 貝淵 弘三 (名大院・医・細胞情報薬理)
- 1PB-258 **頂端面形成とカドヘリン依存性細胞間接着の関係**
小宮 智^{1,2,3}, 福永 剛隆^{1,3,4}, 清水 正幸^{1,3}, 永淵 昭良^{1,3,4} (1 熊本大・発生研・初期発生, 2 熊本大・医・小児科, 3CREST, 421 世紀 COE)
- 1PB-259 **PTEN ノックダウン細胞の接着能の喪失とその分子的機序**
三瀬 節子¹, 小幡 裕一², 土井 貴裕¹ (1 理研・バイオリソースセンター・生体応答, 2 理研・バイオリソースセンター・生体情報)
- 1PB-260 **細胞内領域に変異をもつ聴覚障害因子カドヘリン 23 (CDH23/Cdh23) の USH1 複合体因子との相互作用と運命**
米澤 敏¹, 正木 茂夫¹, 森山 昭彦², 中山 敦雄¹ (1 愛知県コロニー・発達障害研, 2 名古屋市大・自然科学セ)

- 1PB-261 インテグリン接着における Rho GTPase 活性化因子と LIM ドメインタンパク質の相互作用
門田 裕志, 三島 紀子, 匹田 貴夫, 貝淵 弘三 (名大・院医・薬理)
- 1PB-262 腸管病原性大腸菌が活性化する GEF-H1 の上皮細胞間接着における役割
松澤 健志, 阿部 章夫 (北里大・生命研・細菌感染制御学)
- 1PB-263 Cdk5 の活性化サブユニット p35 及び p39 の myristoylation と細胞内局在
浅田 明子¹, 林 宣宏², 合田 正貴², 小澤 美来¹, 山田 真理¹, 齋藤 太郎¹, 久永 真市¹ (¹都立大・院理,
²藤田保衛大・総医研)
- 1PB-264 Rap1 依存的な RA-RhoGAP の性状と神経突起伸長への関与
山田 知広, 匂坂 敏朗, 馬場 威, 久田 修, 高井 義美 (阪大院・医・分子生理化学)
- 1PB-265 血管内皮細胞における Rac1 の脂質ラフトへの局在
北沢 貴利^{1,2}, 太田 康男², 児玉 龍彦¹, 柴崎 芳一¹ (¹東京大・先端研・システム生物,²東京大・医・感
染内)
- 1PB-266 *C. elegans* Rac (Ced-10) の下流因子の検索
峯松 秀希, 宮本 昌明 (神戸大・院自然科学・生物)
- 1PB-267 Rac1 and Cdc42 link adenomatous polyposis coli to actin filaments through IQGAP1 for cell polarization and migration
Shujie Wang, Takashi Watanabe, Jun Noritake, Mikito Takefuji, Kazumasa Sato, Kozo Kaibuchi (Nagoya Univ., Grad. Sch. of Med., Dept. of Cell Pharmacol.)
- 1PB-268 p122RhoGAP/DARP is localized in focal adhesions and controls the cell morphology
Yui Iwamae¹, Masaki Yamaga¹, Katsuhisa Kawai¹, Minoru Kiyota¹, Kamata Hideaki¹, Hajime Hirata¹, Yoshimi Homma², Hitoshi Yagisawa¹ (¹Univ. Hyogo, Grad. Sch. Life Sci., Dept. Life Sci., ²Fukushima Med. Univ., Inst. Biomed. Sci., Dept. Biomol. Sci.)
- 1PB-269 14-3-3 を介した Kank の機能
垣沼 直人, Badal Chandra Roy, 王 勇, 木山 亮一 (産総研・生物機能工学)
- 1PB-270 Kank inhibits Rac1-mediated cell spreading and lamellipodium formation
Badal Chandra Roy, Naoto Kakinuma, Ryoiti Kiyama (Gene Dynamics Group, Institute for Biological Resources and Functions, AIST)
- 1PB-271 出芽酵母の Mss4 タンパクは細胞内スフィンゴ脂質の組成により機能を変化する。
小林 孝史¹, 竹松 弘¹, 小堤 保則^{1,2} (¹京都大学・生命科学・システム機能,²理研・フロンティア・生
体超分子)
- 1PB-272 ショウジョウバエ ROS3 (dROS3) の発現及び機能解析
谷内 健太郎^{1,2}, 竹内 研一², 加藤 詩子², 梅田 真郷² (¹京大・理・生物物理,²京大・化研・超分子生物)
- 1PB-273 PIP5kinase アイソザイムによる組織内分布の解析
飯嶋 麻里子¹, 北沢 貴利^{1,2}, 柴崎 芳一¹ (¹東大・先端研・システム生物医学,²東大・医・感染内)
- 1PB-274 塩基性リン脂質を欠損した黄色ブドウ球菌株の温度感受性と細胞壁の分離不全
市橋 伯一¹, 黒川 健児¹, 山田 作夫², 関水 和久¹ (¹東大・薬,²川崎医科大)
- 1PB-275 大腸菌主要酸性リン脂質欠損株の高温感受性マルチコピーサブレッサーの Rcs リン酸リレー制御系への影響
長浜 秀樹, 松本 幸次, 原 弘志 (埼玉大・理・分子生物)
- 1PB-276 枯草菌酸性リン脂質欠損による致死性をマルチコピーでサブレスする遺伝子の単離
谷川 香, 太斎 久美子, 原 弘志, 松本 幸次 (埼玉大・理・分子生物)
- 1PB-277 大腸菌主要酸性リン脂質欠損株に蓄積する生合成中間体の生理的機能: DnaA 再活性化への影響の解析
岡崎 慎也, 渡邊 倫史, 鈴木 基生, 原 弘志, 松本 幸次 (埼玉大・理・分子生物)
- 1PB-278 古細菌の極性脂質合成経路の進化
藤 博幸¹, 横井 寿郎¹, 大安 裕美¹, 森井 宏幸², 古賀 洋介² (¹京大・化研,²産業医大・医・化)
- 1PB-279 コレステロールが MDR1 の基質輸送に与える影響の解析
木村 泰久, 木岡 紀幸, 松尾 道憲, 植田 和光 (京都大・院農・応用生命)

- 1PB-280 ヒト ABCA1 の精製と ATP 加水分解活性測定による機能解析
高橋 圭, 松尾 道憲, 木岡 紀幸, 植田 和光 (京都大・農・応用生命)
- 1PB-281 ABCB1/MDR1 遺伝子の rSNPs と発がんリスクの個人差
和田 守正¹, 谷口 秀一¹, 林 健志², 古野 純典³, 桑野 信彦⁴ (1 九大・院医・医化学, 2 九大・生医研・遺伝情報, 3 九大・院医・予防医, 4 久留米大・先端癌治療セ)
- 1PB-282 肺サーファクタント欠損に認められる ABC トランスポーター ABCA3 変異体の細胞内局在の検討
松村 欣宏, 坂 信広, 吉田 一郎, 稲垣 暢也 (秋田大・医)
- 1PB-283 ABC 輸送体 TAPL の線虫ホモログの発現解析
河合 宏美¹, 飯島 亮子¹, 杜 偉彬¹, 井上 貴雄², 新井 洋由², 小林 綾子¹, 前田 正知¹ (1 阪大院・薬, 2 東大院・薬)
- 1PB-284 有機アニオン輸送体 OAT4 と 2 つの PDZ タンパク質との相互作用
安西 尚彦, 宮崎 博喜, 平田 拓, 坂田 武, 金井 好克, 遠藤 仁 (杏林大・医・薬理)
- 1PB-285 酵母液胞アミノ酸輸送体遺伝子の同定とその性質
秋山 浩一¹, 関藤 孝之², 大隅 良典², 柿沼 喜己³ (1 愛媛大・総支援セ, 2 基生研, 3 愛媛大・農)
- 1PB-286 ヒト糖輸送体 GLUT1 の精製
笠原 道弘^{1,2}, 前田 真理¹, 益田 勝吉³ (1 帝京大・医・物理, 2 帝京大・ゲノムセンター, 3 サントリー生物有機科学研)
- 1PB-287 系統的なキメラ輸送体作成による酵母糖輸送体 Hxt2 の高親和性糖輸送に必要なアミノ酸残基の解析
笠原 敏子¹, 笠原 道弘^{1,2} (1 帝京大・医・物理, 2 帝京大・ゲノムセンター)
- 1PB-288 Na⁺/H⁺ 交換輸送担体の多量体形成
三井 慶治, 唐沢 暁, 坪井 裕見, 安井 英知, 中村 徳弘, 金澤 浩 (阪大・理・生物)
- 1PB-289 電位作動性 Ca²⁺ チャネルの出芽酵母ホモログ遺伝子 CCH1 のクローニングと機能解析
多田 智子^{1,2,3}, 飯田 和子⁴, 飯田 秀利^{1,3} (1 学芸大・教育, 2 東大・院・総合, 3 CREST, JST, 4 都臨床研・医薬研究開発センター)
- 1PB-290 シロイヌナズナの Ca²⁺ 透過性伸展活性化陽イオンチャネル候補 AtMID1A の発現と局在
寺島 明日香¹, 中川 祐子^{1,2,5}, 片桐 健², 篠崎 一雄², 戚 智³, 岸上 明生^{1,3}, 古市 卓也³, 辰巳 仁史^{1,3}, 曾我部 正博³, 佐藤 修正⁴, 加藤 友彦⁴, 田畑 哲之⁴, 小島 至⁵, 飯田 和子⁶, 池田 光伸¹, 山中 拓哉¹, 飯田 秀利¹ (1 東京学芸大・教育・CREST・JST, 2 理研・植物分子生物, 3 名大院・医・ICORP・JST, 4 かずさ DNA 研・植物遺伝子第一, 5 群馬大・生体調節研, 6 都臨床研・医薬研究開発センター)
- 1PB-291 シロイヌナズナの Ca²⁺ 透過性伸展活性化陽イオンチャネル候補 AtMID1A の接触刺激応答における機能解析
中川 祐子^{1,2,5}, 片桐 健², 篠崎 一雄², 戚 智^{1,3}, 岸上 明生^{1,3}, 古市 卓也³, 辰巳 仁史^{1,3}, 曾我部 正博³, 佐藤 修正⁴, 加藤 友彦⁴, 田畑 哲之⁴, 小島 至⁵, 飯田 和子⁶, 池田 光伸¹, 寺島 明日香¹, 山中 拓哉¹, 飯田 秀利¹ (1 東京学芸大・教育・CREST・JST, 2 理研・植物分子生物, 3 名大院・医・ICORP・JST, 4 かずさ DNA 研・植物遺伝子第一, 5 群馬大・生体調節研, 6 都臨床研・医薬研究開発センター)
- 1PB-292 アネキシン 5 で流動性を減少させた人工脂質二重膜中の 1 分子観測
市川 壮彦¹, 井出 徹², 柳田 敏雄³ (1 阪大・基礎工, 2 科技振・戦略創造, 3 阪大・生命機能)
- 1PB-293 分泌系初期経路における t-SNARE D12 動態の解析
城尾 晶子^{1,3}, 初沢 清隆^{2,3}, 橋本 仁志^{2,3}, 佐伯 和子¹, 吉村 昭彦¹, 和田 郁夫^{2,3} (1 九州大・生医研・免疫制御学, 2 福島県立医科大・生体情報伝達研・細胞科学, 3 CREST・JST)
- 1PB-294 HIV-1 誘導細胞膜融合のリアルタイム FRET 解析
古田 里佳, 藤澤 順一 (関西医大・医・微生物)
- 1PB-295 ヘルペス単純ウイルス 1 型 VP22 タンパク質の細胞への取り込み機構
西 賢二, 西郷 薫 (東大・院理・生化)
- 1PB-296 ジクロフェナクナトリウム添加 + インフルエンザウイルス感染による培養血管内皮細胞のタイトジャンクション崩壊と ZO - 1, eNOS の発現低下
東洋 一郎, 幸坂 葵, 栗原 直樹, 長岡 佐智代, 木戸 博 (徳島大・分子酵素研・酵素分子化)

- 1PB-297 分裂酵母の胞子形成における液胞 Rab タンパク質 Ypt7 の役割
 柏崎 隼¹, 中村 太郎¹, 岩城 知子², 竹川 薫², 下田 親¹ (¹ 大阪市大・院理・生物地球, ² 香川大・農・生命機能)
- 1PB-298 ジーントラップ法による軟骨特異的細胞外基質および膜タンパク質の選択的同定
 白澤 進一^{1,2}, 吉見 雅之¹, 宗田 大², 篠村 多摩之¹ (¹ 東京医科歯科大学硬組織再生学, ² 運動器外科学)
- 1PB-299 葉身先端が丸みを帯びる形態異常を示すイネ矮性突然変異体 *dwarf and abnormal leaf morphology 1* (*dal1*) の解析
 小森園 正彦, 芦苅 基行, 上口 (田中) 美弥子, 北野 英己, 松岡 信, 佐塚 隆志 (名古屋大・生物セ・植物分子育種)
- 1PB-300 GPR30 に対する RNAi トランスジェニックマウスの作製
 船越 丈司¹, 村田 智昭², 秋 利彦¹, 水上 洋一¹ (¹ 山口大学 遺伝子実験施設, ² 山口大学 生命科学実験施設)
- 1PB-301 微小管付随蛋白質 NA14 による TPRA40 の細胞膜移行の制御
 秋 利彦, 船越 丈司, 西田一北山 淳子, 水上 洋一 (山口大・遺伝子実験施設)
- 1PB-302 心筋虚血時に分泌される生存因子の精製とその生理活性
 水上 洋一¹, 秋 利彦¹, 尾野 恭一², 波多野 直哉³, 船越 丈司¹, 池田 安宏⁴, 岡本 洋介², 伊東 博史⁵, 濱野 公一⁵, 森本 幸夫⁶ (¹ 山口大・遺伝子実験施設, ² 秋田大・医・薬理, ³ 香川大・医・生理, ⁴ 山口大・医・分子脈管, ⁵ 山口大・医・第2外科, ⁶ 九州大・医・臨床薬理)

.....(3g エネルギー・運動).....

- 1PB-303 線虫キネシン unc-116 モータードメインの構造と機能の生化学的解析
 中山 義久, 梅木 伸久, 近藤 和典, 丸田 晋策 (創価大・工・生物工)
- 1PB-304 高等植物イネキネシンモータードメインの発現系の構築とその生化学的解析
 梅木 伸久¹, 中山 義久², 近藤 和典², 三ツ井 敏明¹, 丸田 晋策² (¹ 新潟大院・自然科学, ² 創価大院・工・生物工学)
- 1PB-305 ミオシン VI は小胞輸送時に一方向運動能を獲得して動く
 岩城 光宏¹, 三室 孝子², 田中 裕人², 池辺 光男³, 岩根 敦子⁴, 柳田 敏雄⁴ (¹ 阪大・基礎工, ² 科技振, ³ マサチューセッツ大・医, ⁴ 阪大・生命機能)
- 1PB-306 ATPase インヒビター (IF₁) の結合する酵母 F₁-ATPase サブユニットの C 末端領域への変異導入
 市川 直樹, 千須和 直美, 棚瀬 麻実子, 中村 麻衣, 水野 美紀 (大阪市大・生活科学・食品栄養)
- 1PB-307 出芽酵母の連続培養で見られるエネルギー代謝振動の機構と Gts1p の機能
 許 昭俊, 劔 邦夫 (山梨大, 医, 生化2)
- 1PB-308 成人 T 細胞性白血病 (ATL) における細胞接着分子 TSLC1 の運動性への関与
 増田 万里¹, 八下田 美佳¹, 名手 祐子¹, 伊藤 彰彦², 星野 洪郎³, 増田 道明⁴, 森下 和広⁵, 村上 善則¹ (¹ 国立がんセ・研・がん抑制ゲノム, ² 神戸大・院医・外科病理, ³ 群馬大・医・衛生, ⁴ 獨協医大・微生物, ⁵ 宮崎医大・生化学)
- 1PB-309 好アルカリ性 *Bacillus pseudofirmus* OF4 株の膜電位閉閉型 Na⁺ チャンネル NavBP の生理的役割
 伊藤 政博¹, Haoxing Xu², Arthur Guffanti³, Yi Wei³, Lior Zvi³, David Clapham², Terry Krulwich³ (¹ 東洋大・生命科・生命科, ² Harvard Medical School, ³ Mount Sinai School of Medicine)
- 1PB-310 ヒストン脱アセチル化酵素阻害剤は子宮内膜腺細胞の分化を誘導し, glycodeilin を介した運動能亢進をもたらす
 内田 浩, 丸山 哲夫, 荒瀬 透, 小野 政徳, 柳 順玉, 長島 隆, 升田 博隆, 浅田 弘法, 吉村 泰典 (慶應大・医・産婦)

- 1PB-311 サツマハオリムシ人工飼育における, 二次元オプトードを利用した酸素濃度モニタリングシステムの開発
 佐藤 孝子¹, 松山 和世², 小栗 一将³, 北里 洋³, ノアグルド ロニー⁴, 加藤 千明¹, 三宅 裕志⁵, 丸山 正¹
 (¹ 海洋機構・極限環境生物圏, ² 千葉大・海洋バイオ, ³ 海洋機構・地球内部変動, ⁴ コペンハーゲン大,
⁵ 新江ノ島水族館)

.....(3h シグナル伝達).....

- 1PB-312 EGF 受容体の 834 位のアミノ酸置換によるリン酸化レベルの亢進とヨードチロシンの部位特異的導入によるリン酸化メカニズムの解析
 林 明子¹, 樋野 展正^{1,2}, 新井 亮一¹, 白水 美香子¹, 坂本 健作^{1,2}, 横山 茂之^{1,2,3} (¹ 理研・GSC, ² 東大・院理・生化, ³ 理研・播磨)
- 1PB-313 上皮増殖因子受容体からの増殖・生存シグナルとゲフィチニブ感受性
 瀧野 純一¹, 前川 麻里¹, 西尾 和人², 大坪 正史³, 清水 信義³, 伊藤 文昭¹ (¹ 摂南大・薬・生化学, ² 国立がんセ・研・薬効試験, ³ 慶應大・医・分子生物)
- 1PB-314 上皮増殖因子受容体のダウンレギュレーションとゲフィチニブ感受性
 前川 麻里¹, 瀧野 純一¹, 西尾 和人², 大坪 正史³, 清水 信義³, 伊藤 文昭¹ (¹ 摂南大・薬・生化学, ² 国立がんセ・研・薬効試験, ³ 慶應大・医・分子生物)
- 1PB-315 乳癌細胞における新規のインスリン及びインスリン様成長因子作用する遺伝子の同定および機能解析
 袁 勲梅, 安田 和基, 鍋木 康志 (国立国際医療センター研究所・代謝疾患研究部)
- 1PB-316 IRS-1, IRS-3 高発現 CHO 細胞での細胞周期制御機構の解析
 鍋木 康志, 浜田 圭子, 安田 和基, 山下 亮 (国際医セ研・代謝)
- 1PB-317 Ran-RCC1 系のチェックポイントシグナル伝達での機能
 林 直之¹, 長浦 善一郎², 津留崎 晋², 沖 昌也², 塚本 恭正³, 小川 英行³, 西谷 秀夫², 村上 清史¹, 西本 毅治² (¹ 金沢大・がん研・腫瘍分子, ² 九大院・医・分子生命, ³ 岩手看護短大)
- 1PB-318 DRG ファミリー制御因子 (DFRP ファミリー) の同定: DRG1 と DRG2 は異なる制御を受ける
 石川 公輔, 仙波 憲太郎, 井上 純一郎 (東大・医科研)
- 1PB-319 ニコチンで誘導される細胞内シグナル伝達に関する遺伝子群の解析
 山田 晃司¹, 市野 直浩¹, 西井 一宏², 澤田 浩秀³, 肥田 岳彦¹, 石黒 啓司⁴, 永津 俊治³ (¹ 藤田保健衛生大・衛生, ² 藤田保健衛生大・疾患モデルセンター, ³ 藤田保健衛生大・総医研, ⁴ カルナバイオサイエンス)
- 1PB-320 抗原刺激による rat basophilic leukemia-2H3 細胞からのヒスタミン遊離における Rab27 低分子量 G 蛋白質の役割
 五石 圭一^{1,2}, 水野 広一¹, 中西 秀樹², 佐々木 卓也¹ (¹ 徳島大院・医・分子病態学, ² 徳島大院・医・形成外科学)
- 1PB-321 ユニークな生化学的特性と細胞内局在を示す Ras ファミリー蛋白質 RRP22 の機能解析
 多田 稔, 荒木 保弘, 堅田 利明 (東大・院薬・生理化学)
- 1PB-322 Ras シグナル伝達における genetic/epigenetic 異常の解析
 秋野 公臣, 豊田 実, 鈴木 拓, 時野 隆至 (札幌医大・がん研・分子生物)
- 1PB-323 低分子量 G 蛋白質 Rap2 による MAPKKK キナーゼファミリー蛋白質 TNIK を介したシグナル伝達機構の解析
 平良 清人^{1,2}, 海川 正人¹, 武居 公子¹, Bat-Erdene Myagmar¹, 新里 学¹, 町田 典子¹, 上里 博², 野中 薫雄², 苅谷 研一¹ (¹ 琉大院・医・細胞生物, ² 琉大・医・皮膚)
- 1PB-324 リゾフォスファチジン酸受容体 LPA/Edg2 による低分子量 G 蛋白質 Rac 及び細胞遊走の制御
 杉本 直俊, 多久和 典子, 多久和 陽 (金沢大・院・医・血管分子生理)
- 1PB-325 出芽酵母の形態形成を制御する低分子量 GTPase Rho1p への細胞周期依存的シグナルの解析
 河野 恵子^{1,2}, 阿部 充宏^{1,2}, 大矢 禎一^{1,2} (¹ 東京大・院新領域・先端生命, ² JST・BIRD)

- 1PB-326 ショウジョウバエ転写因子 DREF と RhoGAP 遺伝子群との相互作用の解析
鈴庄 則之, 井田 寛之, 山口 政光 (京都工繊大・繊維・応用生物)
- 1PB-327 DIP (mDia Interacting Protein) の神経系における役割
富永 知子, 柴崎 貢志, 福田 直美, 島貫 恵実 (岡崎統合バイオ・細胞生理)
- 1PB-328 重力ベクトル変化による Rho 活性化因子の発現抑制とアクチン・ストレスファイバー形成への影響
佐藤 (今溝) 真理¹, 東端 晃², 関 真也¹, 石岡 憲昭² (¹ ㈱エイ・イー・エス, ² 独立行政法人 宇宙航空研究開発機構)
- 1PB-329 骨格筋におけるインスリンシグナル伝達に關与する Rho ファミリー GTP 結合タンパク質の活性調節
上田 修司, 片岡 徹, 佐藤 孝哉 (神戸大・院医・分子生物)
- 1PB-330 Ras 類似低分子量 GTP 結合タンパク質 Rin/Rit の細胞内機能
星野 光伸, 中村 俊 (国立精神・神経センター 神経研究所 診断研究部)
- 1PB-331 FWD1/ -TrCP を介したユビキチン・プロテアソームによる分解制御を受けるグアニンヌクレオチド交換因子 FGD1 と FGD3 の情報伝達機構の解析
早川 磨紀男¹, 萩原 大士¹, 松島 将英¹, 角田 祐子¹, 西尾 聖子¹, 宮澤 恵二², 北川 雅敏³, 菊川 清見¹
(¹ 東京薬大・薬・衛生化学, ² 東大院・医・分子病理, ³ 浜松医大・生化学)
- 1PB-332 グアニンヌクレオチド交換因子 Dbs と相互作用する分子の探索と機能解析
家口 勝昭, 上田 修司, 片岡 徹, 佐藤 孝哉 (神戸大・院医・分子生物)
- 1PB-333 ネクチンによる低分子量 G タンパク質 Rac の活性化における Vav2 の関与
川勝 智生, 扇田 久和, 福原 達朗, 福山 泰平, 南 有紀子, 高井 義美 (阪大院・医・分子生理化学)
- 1PB-334 線虫 *C.elegans* SRC-1 は distal tip cells の移動を制御する
伊東 文祥, 広瀬 隆, 岡田 雅人 (阪大・微研・発癌制御)
- 1PB-335 OsRac1 を介したイネの耐病性シグナリングのプロテオーム解析
藤原 正幸¹, 梅村 賢司², 川崎 努¹, 島本 功¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 明治製菓 (株))
- 1PB-336 イネ低分子 G タンパク質 OsRac1 と相互作用する Scaffold protein OsRWD の機能解析
中島 綾子, 川崎 努, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-337 イネ OsRac 遺伝子ファミリーの機能解析
富樫 貴, 三木 大介, 伊藤 里香, 川崎 努, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-338 Functional analysis of *OsRAR1* in disease resistance of rice
Letian Chen¹, Nguyen Phuong Thao¹, Shin-ichiro Hara¹, Kenji Umemura², Akira Takahashi³, Ken Shirasu³, Tsutomu Kawasaki¹, Ko Shimamoto¹ (¹ NAIST Plant Mol. Genet. Japan, ² Meiji Seika Ltd. Japan, ³ The Sainsbury Lab., John Innes Centre, UK)
- 1PB-339 Analysis of OsRac1 protein complex involved in defense signaling of rice
Phuong Thao Nguyen¹, Shin-ichiro Hara¹, Letian Chen¹, Ayako Nakashima¹, Tsutomu Kawasaki¹, Kenji Umemura², Akira Takahashi³, Ken Shirasu³, Ko Shimamoto¹ (¹ Lab. of Plant Mol. Genet., NAIST, ² Health & Biosci. Lab., Meiji Seika Kaisha Ltd., ³ Sainsbury Lab., John Innes Cent.)
- 1PB-340 イネ低分子量 G タンパク質 OsRac1 を介したリグニン合成系の制御
小坂 久子¹, 若林 健一¹, 長谷川 香奈¹, 中坪 朋文², 梅澤 俊明², 梅村 賢司³, 川崎 努¹, 島本 功¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 京都大・生存圏, ³ 明治製菓)
- 1PB-341 Orphan-GPCR, LGR4 遺伝子 KO マウスは, 新生児致死, 発育遅滞, 眼瞼裂を示す
加藤 成樹¹, 松尾 剛¹, 梅澤 明宏², 西森 克彦¹ (¹ 東北大・院農・応生科, ² 国立生育医療センター)
- 1PB-342 新規リゾホスファチジン酸受容体 LPA₄ の発現パターン
野口 響子, 石井 聡, 清水 孝雄 (東大・医・生化学分子生物学)
- 1PB-343 5-oxo-ET に対するヒト顆粒球のケモタキシスは hGPCR48 を介して起こる
小池 太吾¹, 大日方 英², 和泉 孝志², 武田 茂樹¹, 山本 篤史³, 芳賀 達也³ (¹ 群馬大・院・工・ナノ材料システム工学専攻, ² 群馬大・院・医・器官機能制御学講座, ³ 学習院大・理・生命分子科学研究所)
- 1PB-344 G タンパク質共役受容体 GPR43 を介する脂肪細胞分化・形成の分子制御機構
西村 幸彦, 盧 尚建, 菱川 大介, 都築 啓晃, 宮原 久恵, 洪 娟喜, 後藤 千寿, 杉山 聡子, 北村 健, 富松 愛, 長田 克之, 伊賀 朋世, 佐々木 晋一 (信州大・農・動物生理)

- 1PB-345 G タンパク質シグナルと内分泌攪乱物質シグナルのクロストーク
中田 飛鳥, 水野 憲一, 山内 淳司, 伊東 広 (奈良先端大 バイオ)
- 1PB-346 降圧ペプチド PAMP-12 は神経特異的受容体 YM79 のリガンドである
蒲原 正純, 松尾 理子, 高崎 淳, 甲田 雅伸, 松本 俊一郎, 曾我 孝利, 比山 英樹, 松本 光之, 小堀 正人 (山之
内製薬株式会社・創薬研究本部)
- 1PB-347 *Chromobacterium* から単離した抗血小板作用を持つ新規環状デプシペプチド YM-254890 は三量体 G 蛋白
質 G_{q/11} 選択的阻害作用を示す初の化合物である
高崎 淳, 齊藤 哲, 谷口 昌要, 川崎 富久, 盛谷 由美子, 林 一己, 小堀 正人 (山之内製薬(株)創薬研究本部)
- 1PB-348 A proton-sensing activity of G-protein coupled receptor, G2A, is antagonized by lysophosphatidylcholine
Naoka Murakami¹, Takehiko Yokomizo^{1,2}, Toshiaki Okuno¹, Takao Shimizu¹ (¹Univ. Tokyo, Fac. Med.,
Dept. Biochem. and Mol. Biol., ²PREST of JST)
- 1PB-349 Bioluminescence Resonance Energy Transfer (BRET) によるロイコトリエン B₄ 受容体二量体化の検出
岸 美紀子, 和泉 孝志 (群馬大院・医・機能分子生化学)
- 1PB-350 Responsible domains of leukotriene B₄ receptor type-1 for G-protein coupling
Kanakano Kunieda¹, Toshiaki Okuno^{1,2}, Takehiko Yokomizo^{1,3}, Takao Shimizu¹ (¹Department of
Biochemistry and Molecular Biology, ²Metabolome, Faculty of Medicine, The University of Tokyo,
³PRESTO of Japan Science and Technology Agency)
- 1PB-351 MAPK カスケードにおけるリン酸化タンパク質濃度勾配形成のシミュレーション解析
仲 隆¹, 畠山 真里子², 小長谷 明彦² (¹九産大・情報科学, ²理研・GSC)
- 1PB-352 INF1 エリシチン非感受性変異体の単離と未知シグナル伝達経路の検索
稲垣 善茂, 浅井 秀太, 工藤 千佳子, 石川 文美, 豊田 和弘, 白石 友紀, 一瀬 勇規 (岡山大学 農学部)
- 1PB-353 出芽酵母 Ssk1 レスポンスレギュレーターによる Ssk2/Ssk22MAPKKK 活性化機構の解析
堀江 哲郎, 山田 理香, 館林 和夫, 斎藤 春雄 (東大医科研・分子細胞情報)
- 1PB-354 出芽酵母 Ste11 MAPKKK の N 末端機能ドメインの解析
丸岡 貴司, 館林 和夫, 村上 優理亜, 斎藤 春雄 (東大・医科研・分子細胞情報)
- 1PB-355 出芽酵母 HOG MAPK 経路における上流 SHO1 経路活性化機構の解析
山本 勝良, 館林 和夫, 斎藤 春雄 (東大医科研・分子細胞情報)
- 1PB-356 出芽酵母 HOG 経路の Ste50-Ste11 依存性経路活性化の分子機構
館林 和夫, 山本 勝良, 丸岡 貴司, 村上 優理亜, 斎藤 春雄 (東大医科研・分子細胞情報)
- 1PB-357 出芽酵母 HOG 経路におけるドッキングサイトを介した Hog1MAPK のシグナル制御
村上 優理亜, 館林 和夫, 斎藤 春雄 (東大医科研・分子細胞情報)
- 1PB-358 出芽酵母 Bem1 と Cdc42 の相互作用の生物学的意義
山口 佳洋^{1,2}, 太田 一寿^{1,2}, 伊藤 隆司^{1,2} (¹東大・院・新領域, ²JST・BIRD)
- 1PB-359 Canopy1 は細胞自律的に FGF シグナルに關与する
平手 良和¹, 岡本 仁^{1,2} (¹理研・脳センター・発生遺伝子制御, ²科技団・戦略)
- 1PB-360 Sprouty1/Sprouty4 共発現による FGF シグナル抑制効果の増強とその分子機構
尾崎 恵一, 宮崎 沙月, 河野 透明 (長崎大・院医歯薬・細胞制御)
- 1PB-361 ビネキシン-ERK2 結合による ERK2 活性化の維持とその意義の解析
満島 勝, 植田 和光, 木岡 紀幸 (京大院・農・応用生命)
- 1PB-362 Vinexin の新規 isoform である Vinexin はマウス胎児生殖腺において MAP キナーゼを介し Sox9 の発現
を制御している
松山 誠^{1,2}, 水崎 博文^{1,3}, 下野 明彦¹, 奥村 克純⁴, 阿部 訓也⁵, 諸橋 憲一郎^{1,2,3} (¹基生研, ²総研大, ³クレ
スト, ⁴三重大・生物資源, ⁵理研)
- 1PB-363 レチノイン酸と ERK 経路による小腸上皮細胞分化の制御機構
今城 正道, 谷口 栄里, 近藤 邦生, 大隈 貞嗣, 西田 栄介 (京大・院・生命科学)
- 1PB-364 TLR リガンドは c-Fos の発現制御を介して RANKL による RAW264 細胞の破骨細胞分化を抑制する
小川 拓哉¹, 弘内 珠代¹, 石田 教弘¹, 与語 圭一郎¹, 木村 徹², 松本 美佐子³, 瀬谷 司⁴, 竹家 達夫¹ (¹奈
良先端大・バイオ, ²住友製薬・ゲノム, ³大阪府立成人病セ・免疫, ⁴北海道大・院医)

- 1PB-365 ストレス誘導遺伝子 GADD45 によるヒトストレス応答 MAP キナーゼ経路の活性化機構
三宅 善嗣¹, 武川 陸寛^{1,2}, 斎藤 春雄¹ (¹ 東大医科研・分子細胞情報, ²JST・さきがけ研究)
- 1PB-366 哺乳類新規 MAPKKK 様キナーゼ LRK1 の機能解析
末岡 啓吾¹, 花房 洋^{1,2}, 森 裕美¹, 澁谷 浩司³, 松本 邦弘^{1,2} (¹ 名大院・理・生命理学, ² 科技団・CREST, ³ 東京医科歯科大・難治研)
- 1PB-367 温度依存的な ERK/MAPK のリン酸化によるカイク卵休眠制御
藤原 義博¹, 岩田 健一², 新留 ちよ美², 小林 由紀², 竹田 真木夫², 塩見 邦博¹ (¹ 信州大・繊維, ² 神戸大・自然科学)
- 1PB-368 JNK スカフォールドタンパク JIP1 と相互作用する因子の機能解析
榎本 敦¹, 森田 明典¹, 伊藤 道彦², 細井 義夫¹ (¹ 東大・院・医・放射線研究, ² 北里大・理・生物情報)
- 1PB-369 シグナル伝達因子 MEKK3 と相互作用するタンパク質の cDNA クローニング
梅本 博仁, 神田 宏美, 平田 智子, 藪田 元彦, 山口 裕一郎, 伊藤 道彦, 高松 信彦, 柴 忠義 (北里大・理・生物科学)
- 1PB-370 アポトーシス誘導時における STE20-related kinase NESK のプロセッシング
柿沼 久哉, 喜多村 直実 (東工大, 院生命理工)
- 1PB-371 ショウジョウバエ *dDLK* : 神経特異的 MAPKKK
金内 太郎, 外川 徹, 松尾 隆嗣, 相垣 敏郎 (都立大・院理・生物)
- 1PB-372 ショウジョウバエ POSH 遺伝子による TNF 経路と免疫応答反応の制御
津田 学, 相垣 敏郎 (都立大・院理・生物科学)
- 1PB-373 Regulatory mechanism of TNF- α -induced phosphorylation of TAK1 at Thr-187
Pattama Singhirunnusorn¹, Shunsuke Suzuki¹, Noritaka Kawasaki¹, Ikuo Saiki^{1,2}, Hiroaki Sakurai^{1,2}
(¹ Toyama Med. Pharm. Univ. Inst. Natural Med. Div. Pathogenic Biochem., ² Toyama Med. Pharm. Univ. 21st Century COE Program)
- 1PB-374 TAK1 MAPKKK は Epstein-Barr ウィルス遺伝子産物 LMP1 と複合体を形成し JNK 活性化に働く
上村 規行^{1,2}, 辻 順^{2,5}, 山条 秀樹^{3,4}, 佐藤 慎太郎³, 審良 静男³, 松本 邦弘^{1,5} (¹ 名大大学院・理, ² NC State University, EMT, ³ 阪大・微研, ⁴ 理研・RCAI, ⁵CREST (科技団))
- 1PB-375 PDZ-RhoGEF のリン酸化及び G12/13 経路の制御におけるその役割
田辺 思帆里^{1,2}, Barry Kreutz¹, 鈴木 信周¹, 小笹 徹¹ (¹ Univ of Illinois at Chicago, Col. Med., Dept. Pharm., ² 東大・院薬・細胞情報)
- 1PB-376 新規 ASK1 相同分子の機能解析
小林 夕美恵, 武田 弘資, 一條 秀憲 (東大院薬・細胞情報, CREST)
- 1PB-377 新規 ASK1 結合タンパク質 MGC5352 の機能解析
小室 美子¹, 武田 弘資¹, 家村 俊一郎², 夏目 徹², 一條 秀憲¹ (¹ 東大・院・薬・細胞情報, CREST, ² 産総研・生物情報解析セ)
- 1PB-378 ASK1 を介した新たなストレス応答シグナル伝達経路の探索
高河原 周一¹, 倉永 英里奈², 三浦 正幸², 武田 弘資¹, 一條 秀憲^{1,3} (¹ 東大・院薬・細胞情報, ² 東大・院薬・遺伝, ³CREST)
- 1PB-379 ストレス刺激による ASK1 活性制御機構の解明
藤野 悟央^{1,2}, 松沢 厚^{1,2}, 武田 弘資^{1,2}, 一條 秀憲^{1,2} (¹ 東大・院薬・細胞情報, ²CREST)
- 1PB-380 TRAF2 による活性酸素種依存的 ASK1 の活性化機構
貞光 千春^{1,2,3}, 野口 拓也^{1,3}, 松沢 厚^{1,3}, 武田 弘資^{1,3}, 一條 秀憲^{1,3} (¹ 東大・院薬・細胞情報, ² 東大・院薬・COE, ³CREST)
- 1PB-381 ASK1 による毛の誘導機構の解析
大坂 直生^{1,3}, 松沢 厚^{1,3}, 武田 弘資^{1,3}, 油谷 浩幸², 一條 秀憲^{1,3} (¹ 東大・院・薬・細胞情報, ² 東大・先端研, ³CREST)
- 1PB-382 マクロファージ系細胞における ASK1 の生理機能の解析
石井 絢^{1,2}, 武田 弘資^{1,2}, 松沢 厚^{1,2}, 一條 秀憲^{1,2} (¹ 東大・院・薬・細胞情報, ²CREST)

- 1PB-383 自然免疫シグナルにおける ASK1-p38 MAP キナーゼ経路の活性化メカニズムと生理機能
松沢 厚^{1,2}, 三枝 かおる^{1,2}, 武田 弘資^{1,2}, 一條 秀憲^{1,2} (¹ 東大・院薬・細胞情報, ²CREST)
- 1PB-384 ノックアウトマウスを用いた ASK2 の機能解析
森本 恵史, 松沢 厚, 武田 弘資, 一條 秀憲 (東大・院・薬・細胞情報, CREST)
- 1PB-385 ASK1-MEKK1 ダブルノックアウトマウスの作製およびその解析
須田 将吉, 松沢 厚, 武田 弘資, 一條 秀憲 (東大・院・薬・細胞情報, CREST)
- 1PB-386 家族性筋萎縮性側索硬化症における ASK1 の関与について
西頭 英起^{1,2}, 門脇 寿枝^{1,2,3}, 一條 秀憲^{1,4} (¹ 東大院・薬・細胞情報, ² 東医歯大院・COE プログラム, ³ 東医歯大院・分子情報, ⁴CREST JST)
- 1PB-387 活性酸素依存的 ASK1 活性化を介したアミロイド 誘導性神経細胞死
門脇 寿枝^{1,2,3}, 西頭 英起^{1,2}, 一條 秀憲^{1,4} (¹ 東大院・薬・細胞情報, ² 東医歯大院・COE プログラム, ³ 東医歯大院・分子情報, ⁴CREST JST)
- 1PB-388 Spatial Regulation of the JNK Signaling Pathway by Bone Morphogenetic Protein Receptor II
Tada-aki Kudo^{1,2}, Takayasu Kobayashi¹, Ming Guang Li¹, Michihiko Ito³, Katsuji Yoshioka⁴, Hidenori Ichijo⁵, Kohei Miyazono⁶, Shinri Tamura^{1,2} (¹Tohoku Univ., IDAC., Dept. Biochem., ²Tohoku Univ., Grad. Sch. Dent. Mol. Pathgen. Oral Tumor, ³Kitazato Univ., Sch. Sci., Dept. Biosci., ⁴Kanazawa Univ., Cancer Res. Ins., Div. Cell Cycle Regul., ⁵Tokyo Univ., Grad. Sch. Pharmaceut. Sci., Lab. Cell Signal., ⁶Tokyo Univ., Grad. Sch. Med., Dept. Mol. Pathol.)
- 1PB-389 線虫 p38 MAP キナーゼカスケードは GSK3 とともに, 転写因子 SKN-1 の制御を介してアルセナイトストレス応答を行う
井上 英樹¹, 久本 直毅¹, 福田 真², 西田 栄介², Jae Hyung An³, T. Keith Blackwell³, 松本 邦弘¹ (¹ 名大院・理・生命理学, CREST・科技団, ² 京大・院・生命科学, ³Harvard Medical School)
- 1PB-390 シロイヌナズナにおける新規 MAP キナーゼカスケード MKK3-MPK6 の解析
高橋 史憲^{1,2}, 市村 和也^{1,5}, 吉田 理一郎³, 溝口 剛^{1,2}, 圓山 恭之進⁴, 篠崎 和子⁴, 篠崎 一雄^{1,2,3} (¹ 理研・植物分子, ² 筑波大・生命環境, ³ 理研 GSC・植物ゲノム, ⁴ 国際農研, ⁵John Innes Center)
- 1PB-391 プロテオーム解析技術を用いた p38 MAPK カスケード構成因子の網羅的同定と, 新規 MAPKAPK2 基質 BAG2 の機能解析。
植田 幸嗣¹, 小迫 英尊¹, 福井 泰久², 服部 成介¹ (¹ 東大・医科研, ² 東大・農・応生化)
- 1PB-392 p38 のスプライシング分子 Exip は, IRAK, Tollip と結合し NF- B 活性を抑制する。
須藤 龍彦, 矢ヶ崎 有希, 長田 裕之 (理研 中央研 抗生物質/バイオアーキテクト)
- 1PB-393 p38 欠損細胞の樹立及び解析
河合 香代子^{1,2}, 須藤 龍彦¹, 松崎 博², 長田 裕之^{1,2} (¹ 理研・中央研究所・抗生物質/バイオアーキテクト, ² 埼大院・理工・分子生物)
- 1PB-394 転写因子 ATF2 と p38 両方に結合する Sin1 の機能解析
牧野 千絵子^{1,2}, 佐野 祐治², 石井 俊輔² (¹ 筑波大・人間総合科学, ² 理研・筑波・分子遺伝)
- 1PB-395 Mnk1 と Mnk2 は mRNA キャップ結合タンパク質のリン酸化に必須である
上田 健¹, 福永 理恵^{1,3}, 福山 英啓^{1,2}, 長田 重一^{1,2,3}, 福永 理己郎^{1,2,3} (¹ 阪大院・医・遺伝, ² 阪大院・生命機能, ³JST/SORST)
- 1PB-396 VEGF が誘導する細胞遊走における LIMK1 活性化を介した新規シグナル伝達経路
小林 美穂, 西田 満, 大橋 一正, 水野 健作 (東北大・院・生命科学)
- 1PB-397 ストレス応答 MAPKKK MTK1 によるアポトーシス誘導機構の解析
有本 京子¹, 武川 睦寛^{1,2}, 斎藤 春雄¹ (¹ 東大医科研・分子細胞情報, ²JST・さきがけ研究)
- 1PB-398 プロテインホスファターゼ耐性 p38 変異体の単離と解析
金子 雅昭, 前田 達哉 (東大・分生研)
- 1PB-399 石油質化酵母 *Candida tropicalis* の菌糸形成過程でサブトラクション法により見出された CtPP1 (MAP キナーゼフォスファターゼ)
岩口 伸一 (奈良女大・理・生物科学)

- 1PB-400 線虫 MAP キナーゼホスファターゼ VHP-1 はストレス応答において新規 JNK 様シグナル伝達経路を制御する
水野 智亮¹, 久本 直毅¹, 寺田 敬¹, 近藤 多恵¹, 足立 誠², 西田 栄介², 松本 邦弘¹ (¹名古屋大・理 / CREST, ²京都大・生命科学)
- 1PB-401 プロテインホスファターゼ 2C (PP2C) による SAPK シグナル伝達路の制御
鳥海 晋之介^{1,2}, 齋藤 淳一¹, 佐々木 雅人¹, 栗野 健二郎¹, 齋藤 聡子¹, 金子 裕史^{1,2}, 島内 英俊², 小林 孝安¹, 田村 眞理¹ (¹東北大・加齢研・遺伝子情報, ²東北大院・歯・歯内歯周治療学)
- 1PB-402 PP2C による ASK1 シグナル伝達経路の制御機構
齋藤 淳一^{1,2}, 鳥海 晋之介¹, 佐々木 雅人¹, 栗野 健二郎¹, 草野 理恵¹, 一條 秀憲³, 佐々木 啓一², 田村 眞理¹, 小林 孝安¹ (¹東北大・加齢研・遺伝子情報, ²東北大・院・歯・口腔システム補綴学分野, ³東大・院・薬・細胞情報)
- 1PB-403 Plant mitogen-activated protein kinase phosphatase interacts with calmodulins
加藤 新平, 山川 博幹, 瀬尾 茂美, 光原 一郎, 大橋 祐子 (農業生物資源研究所)
- 1PB-404 線虫における Src ファミリーキナーゼの制御機構の解析
原田 壮史, 広瀬 隆, 岡田 雅人 (大阪大学, 理学部, 生物科学科)
- 1PB-405 Molecular identification and immunochemical characterization of Src tyrosine kinase in *Xenopus* eggs
Tetsushi Iwasaki¹, Ken-ichi Sato¹, Ken-ichi Yoshino^{2,4}, Keiko Kosuge^{1,3}, Keiichi Sakakibara³, Zhize Ou¹, Yasushi Ueda¹, Koji Owada⁵, Kazuyoshi Yonezawa^{2,4}, Yasuo Fukami^{1,3} (¹Research Center for Environmental Genomics, Kobe University, ²Biosignal Research Center, Kobe University, ³The Graduate School of Science and Technology, Kobe University, ⁴CRESTO, ⁵Kyoto Pharmaceutical University)
- 1PB-406 A raft-associated protein, *Xenopus* uroplakin III is exposed on egg surface and plays an important role in sperm-egg interaction process in egg fertilization.
Keiichi Sakakibara¹, Ken-ichi Sato², A.K.M. Mahbub Hasan¹, Zhize Ou², Tetsushi Iwasaki², Yasushi Ueda², Yasuhiro Iwao³, Yasuo Fukami^{1,2} (¹Kobe Univ., Grad. Sch. Sci. Tech., ²Kobe Univ., Res. Ctr. Environ. Genom., ³Yamaguchi Univ., Fac. Sci., Dept. Biol. Sci.)
- 1PB-407 *Xenopus* uroplakin III and uroplakin Ib cooperatively inhibit Src tyrosine kinase in HEK293 cells
A.K.M. Mahbub Hasan¹, Sato Ken-ichi², Keiichi Sakakibara¹, Tetsushi Iwasaki², Zhize Ou², Yasuo Fukami^{1,2} (¹Grad. Sch. Sci. Tech., kobe univ., ²Reas. Ctr. Environ. Genom., kobe Univ.)
- 1PB-408 Characterization of hnRNP K and Sam68 in *Xenopus* eggs
Teppei Fukuda¹, Ken-ichi Sato², Sette Claudio³, Tetsushi Iwasaki², Yasuo Fukami^{1,2} (¹Kobe University Graduate School of Science and Technology, ²Kobe University Research Center for Environmental Genomics, ³Department of Public Health and Cell Biology, University of Rome)
- 1PB-409 細胞周期 M 期における Src 型チロシンキナーゼの機能解析
久家 貴寿, 中山 祐治, 松田 大介, 笠原 広介, 山口 直人 (千葉大院・薬・分子細胞生物学)
- 1PB-410 Chk tyrosine kinase により誘導される中心体および核膜におけるチロシンリン酸化
中山 祐治, 五十嵐 あさ恵, 川名 亜紀子, 山口 直人 (千葉大・院薬・分子細胞生物)
- 1PB-411 形態形成のシグナル伝達における受容体型チロシンキナーゼ Ror2 と FGFR3 の機能関連解析
山本 裕之¹, 嶋田 直子¹, 可児 修一¹, 北川 元生², 西田 満¹, 依田 成玄¹, 南 康博¹ (¹神戸大・院医・ゲノム科学, ²千葉大・院医・腫瘍病理)
- 1PB-412 核内における Src 型チロシンキナーゼ Lyn を介したリン酸化反応
東山 幸弘, 中山 祐治, 山内 智弘, 増田 香織, 松下 晃子, 久家 貴寿, 山口 直人 (千葉大院・薬・分子細胞生物)
- 1PB-413 Lyn 誘導発現系樹立を目的とした誘導発現系の構築
二ノ倉 瑞妃, 中山 祐治, 東山 幸弘, 久家 貴寿, 山口 直人 (千葉大院・薬・分子細胞生物)
- 1PB-414 Src チロシンキナーゼの進化
勢川 裕子¹, 菅 裕², 岩部 直之³, 小川 輝⁴, 宮田 隆⁵, 岡田 雅人¹ (¹阪大・微研, ²パーゼル大, ³京大・院理, ⁴JT 生命誌, 早大・理工, 阪大・院理, ⁵蛋白研)

- 1PB-415 Akt キナーゼの活性を阻害するペプチドの同定
廣村 信¹, 岡田 太², 小畑 利之³, 野口 昌幸¹ (¹ 北大, 遺伝研, 癌生物, ² 山形大, 医学部, 生化学, ³ 徳島大学, 酵素研, 分子遺伝)
- 1PB-416 分裂酵母 Plc1 を介したイノシトールリン脂質シグナル伝達経路の解析
太田 和樹¹, 鄧 王路¹, 杉浦 麗子², 鈴木 正宏¹, 平田 雅人³, 中村 俊一⁴, 春藤 久人⁵, 久野 高義¹ (¹ 神戸大・院医・分子薬理・薬理ゲノム学, ² 近畿大・薬・分子医療薬科学, ³ 九州大・院歯・口腔細胞工学, ⁴ 神戸大・院医・生化学, ⁵ 神戸大・医・保健)
- 1PB-417 新規 Akt 結合タンパクのクローニングと, その作用
穴井 元暢¹, 柴田 健一¹, 小野 啓¹, 迫田 秀之², 藤城 緑², 堀家 なな緒³, 庄嶋 伸浩³, 栗原 浩基³, 浅野 知一郎³ (¹ 朝日生命糖尿病研究所, ² 東大・病院・内科, ³ 東大・医・生化学分子生物学)
- 1PB-418 コフィリンホスファターゼ Slingshot の活性化における Akt の機能解析
佐々木 一貴, 西田 満, 大橋 一正, 水野 健作 (東北大・院・生命科学)
- 1PB-419 Akt の活性化と細胞運動制御における PAK の新たな機能
樋口 麻衣子, 大西 啓介, 増山 典久, 後藤 由季子 (東京大・分生研)
- 1PB-420 分裂酵母 Tor1 はリボヌクレオチドレダクターゼを介して DNA 損傷応答に関わる
花尻 亜樹, 日高 秀敏, 上野 勝, 丑丸 敬史, 瓜谷 真裕 (静岡大・理)
- 1PB-421 分裂酵母 *tor2^Δ* の遺伝学的解析
瓜谷 真裕¹, 日高 秀敏¹, 登田 隆² (¹ 静岡大・理, ² Cancer Research UK)
- 1PB-422 栄養源存在下で有性生殖開始を負に制御している TOR 関連因子の解析
大坪 瑠子, 松尾 朋彦, 山本 正幸 (東京大 院理 生物化学)
- 1PB-423 酵母 TOR 経路構成因子 Lst8p と協調的に機能する因子の同定と解析
神谷 昌男, 米山 京, 前田 達哉 (東京大・分生研)
- 1PB-424 TOR による GCN 経路の制御機構
久保田 浩行¹, 松尾 龍^{1,2}, 太田 一寿¹, 伊藤 隆司¹ (¹ 東大・院新領域・情報生命, ² 九州大・院医・病態機能内科)
- 1PB-425 出芽酵母 EAP1 を介した GCN 経路と TOR 経路のクロストーク
松尾 龍^{1,2}, 久保田 浩行¹, 太田 一寿¹, 伊藤 隆司¹ (¹ 東京大・院新領域・情報生命, ² 九州大・院医・病態機能内科)
- 1PB-426 mTOR を中枢としたアミノ酸情報感知伝達 / 細胞成長制御システムを担う分子探索
吉野 健一^{1,2}, 大城 紀子^{1,2}, 高橋 里菜子^{1,2}, 江口 賢史^{1,2}, 中嶋 昭雄^{1,2}, 谷村 圭子^{1,2}, 大路 剛^{1,2}, 徳永 千春^{1,2}, 米澤 一仁^{1,2} (¹ 神戸大・バイオシグナル研, ² 科学技術振興機構・CREST)
- 1PB-427 mTOR 複合体を構成する WD リピート蛋白質 mLST8 の機能解析
中嶋 昭雄^{1,2}, 岡本 澄子^{1,2}, 徳永 千春^{1,2}, 吉野 健一^{1,2}, 川西 一平^{1,2}, 江口 賢史^{1,2}, 大城 紀子^{1,2}, 米澤 一仁^{1,2} (¹ 神戸大・バイオシグナル研, ² 科学技術振興機構・CREST)
- 1PB-428 YOB は TOR による転写因子の核内移行に関与する
河村 慶吾, 上野 勝, 瓜谷 真裕, 丑丸 敬史 (静岡大・理・生物)
- 1PB-429 ラパマイシンのラット自己免疫性心筋炎に対する効果
塩井 哲雄, 前田 佳代, 小杉 理恵, 吉田 友紀, 高橋 佳子, 和泉 徹 (北里大・医・内科学)
- 1PB-430 EMT 制御に関わる新規シグナル伝達経路の探索
石川 文博, 石島 孝広, 柴沼 質子, 野瀬 清 (昭和大・薬・微生物)
- 1PB-431 PKC mediates TGF β -induced growth inhibition of human keratinocytes via phosphorylation of S100C/A11
Masakiyo Sakaguchi¹, Miyazaki Masahiro¹, Hiroyuki Sonogawa¹, Takamasa Nukui¹, Kashiwagi Mariko², Ohba Motoi², Kuroki Toshio³, Namba Masayoshi⁴, Huh Nam-ho¹ (¹ Dept. Cell Biol, Okayama Univ. Med. and Dent., ² Inst. Mol. Oncol., Showa Univ., ³ Gifu Univ., ⁴ Niimi Colle.)
- 1PB-432 Smad3 の p300/CBP 依存的アセチル化による転写活性の制御
伊藤 友香¹, 井上 靖道¹, 安倍 健滋¹, 岡本 尚², 深水 昭吉³, 小野 菊夫¹, 林 秀敏¹ (¹ 名市大院・薬・生体防御, ² 名市大院・医・細胞分子生物, ³ 筑波大・TARA・応生)

- 1PB-433 TGF- 活性化反応ならびにシグナル伝達を標的とした肝再生の制御
近藤 和嘉子¹, 掛谷 秀昭², 斎尾 征直³, 大海 忍⁴, 宮園 浩平⁵, 長田 裕之², 奥野 正隆⁶, 小嶋 聡一¹ (¹ 理研・分子細胞病態学, ² 理研・抗生物質研, ³ 岐阜大・免疫病理学, ⁴ 東大・医科研, ⁵ 東大・院医・分子病理学, ⁶ 岐阜大・消化器内科)
- 1PB-434 マスト細胞における TGF- シグナリング: Smad3 と p38 MAP キナーゼの関与
舟場 正幸¹, 池田 輝雄², 村上 賢³, 小川 健司⁴, 西野 佳以², 土田 邦博⁵, 杉野 弘⁵, 阿部 又信¹ (¹ 麻布大・獣医・栄養, ² 麻布大・生物研, ³ 麻布大・獣医・分子生物, ⁴ 理研・細胞生化学, ⁵ 徳島大・分子酵素研)
- 1PB-435 マスト細胞における plasminogen activator inhibitor-1 (PAI-1) 遺伝子発現: activin A と MITF による調節
村上 賢¹, 池田 輝雄², 斎藤 大樹³, 小川 健司⁴, 西野 佳以², 中谷 航平¹, 舟場 正幸⁵ (¹ 麻布大・獣医・分子生物, ² 麻布大・生科研, ³ 北大・北方圏セ, ⁴ 理研・細胞生化学, ⁵ 麻布大・獣医・栄養)
- 1PB-436 TGF 1 誘導性上皮・間葉系形質転換過程における活性酸素種の関与の可能性
石島 孝広, 石川 文博, 柴沼 質子, 野瀬 清 (昭和大・薬・微生物)
- 1PB-437 アクチピンシグナル伝達における FKBP12 の役割
山口 巧¹, 栗崎 晃², 杉野 弘² (¹ 愛媛大 医学部附属病院 薬剤部, ² 徳島大 分子酵素センター)
- 1PB-438 LPS 活性化されたマクロファージにおける C-terminal Src kinase (Csk) の役割
安芸 大輔, 佐伯 和子, 吉村 昭彦 (九州大・医・免疫制御)
- 1PB-439 Toll-like receptor 4 を介したシグナル伝達系における TLR4-binding protein の同定とその機能解析
伊藤 誠敏, 藤倉 大輔, 上出 利光, 宮崎 忠昭 (北大・遺制研・分子免疫)
- 1PB-440 TAB2 and TAB3 Activate the NF- κ B Pathway through Binding to Polyubiquitin Chains
Atsuhiko Kanayama^{1,2}, Rashu B. Seth¹, Lijun Sun¹, Chee-Kwee Ea¹, Mei Hong¹, Abdullah Shaito¹, Yu-Hsin Chiu¹, Li Deng¹, Zhijian J. Chen¹ (¹ University of Texas Southwestern Medical Center, ² Department of Integrated Biosciences, Graduate School of Frontier Sciences, University of Tokyo)
- 1PB-441 Down-regulation of interleukine-1 triggered NF- κ B activation signaling by TXBP151 through its physical interaction with TRAF6.
Hidekatsu Iha, Jean-Marie Peloponese, Venkat Yedavalli, Kuan-Teh Jeang (MVS/LMM/NIAID/NIH)
- 1PB-442 ATL における転写因子 NF- κ B 活性化機構の解析
合田 仁, 入沢 正人, 井上 純一郎 (東大・医科研・分子発癌)
- 1PB-443 CPAP は NF- κ B の新規転写コアクチベーターである
小柳 三千代, 土方 誠, 渡土 幸一, 増井 修, 下遠野 邦忠 (京大・ウイルス研・がんウイルス)
- 1PB-444 NF-kappaB Inducing Kinase によるラット繊維芽細胞株トランスフォーメーション
斉藤 愛記, 岩崎 優紀, 山本 直樹, 山岡 昇司 (東京医科歯科大学・院医・ウイルス制御学)
- 1PB-445 分泌型 ST2 の THP-1 細胞への結合とその作用
竹迫 直樹, 早川 盛禎, 遠藤 仁司, 柳沢 健, 富永 眞一 (自治医大・生化学)
- 1PB-446 L6 筋管細胞における TNF (Tumor Necrosis Factor) によるインスリンシグナルの新しい修飾機構
荒井 俊哉, 大井 優子, 加藤 幸子, 福嶋 俊明, 伯野 史彦, 高橋 伸一郎 (東大・院・農学生命)
- 1PB-447 CYLD タンパク質の 3 つの CAP-Gly ドメインの構造比較
斉藤 謙平¹, 小柴 生造¹, 井上 真¹, 青木 雅昭¹, 鞆 康子¹, 矢吹 孝¹, 松田 貴意¹, 関 英子¹, 寺田 貴帆¹, 小原 収^{2,3}, 田仲 昭子¹, 白水 美香子¹, 木川 隆則¹, 横山 茂之^{1,4,5} (¹ 理研・GSC, ² かずさ DNA 研, ³ 理研・RCAI, ⁴ 理研・播磨, ⁵ 東大院・理)
- 1PB-448 IL-6 シグナルにおける複数のキナーゼ系の同定と STAT3 作用の決定機序
小島 裕正¹, 佐々木 孝則¹, 家村 俊一郎², 池田 亜優¹, 趙 虹¹, 國本 浩之¹, 夏目 徹², 中嶋 弘一¹ (¹ 大阪市大・院医・免疫制御学, ² 産総研・生物情報解析セ)
- 1PB-449 G-CSF 受容体 C 末端近傍の酸性アミノ酸残基の増殖及び分化誘導シグナルへの関与
岡 直美, 酒井 裕, 村上 宏 (岡山大・工・生物機能)
- 1PB-450 G-CSF 刺激による好中球の核の分葉化シグナルの解析
宮脇 亜希子, 佐伯 勇, 酒井 裕, 村上 宏 (岡山大・工・生物機能)

- 1PB-451 インターフェロンによって誘導される新規抗炎症分子 FLN29 の機能解析
真嶋 隆一, 真田 貴人, 箕田 泰昌, 吉村 昭彦 (九州大・生医研・免疫制御)
- 1PB-452 T 細胞シグナル伝達における RNF5 の役割
松田 達志^{1,2}, 米田 志保³, 南木 康作¹, 箕輪 明子^{1,2}, 松田 昭生³, 小安 重夫^{1,2} (¹慶大・医・微生物学免疫学, ²JST・CREST, ³旭化成ファーマ・ライフサイエンス研・創薬第二研)
- 1PB-453 BAFF-R を介するシグナル伝達機構の解析
岩井 淳, 中島 美都子, 上出 利光, 宮崎 忠昭 (北大・遺制研・分子免疫)
- 1PB-454 BASH 結合タンパク質 BNAS1 の機能解析
片平 高史¹, 今村 泰弘^{1,2}, 北村 大介¹ (¹東京理科大・生命研・分子生物, ²松本歯科大・歯科薬理)
- 1PB-455 樹状細胞群における IRF ファミリー転写因子の役割
柳井 秀元¹, 本田 賢也¹, 朝霧 政学¹, 根岸 英雄¹, 水谷 龍明¹, 島田 直也¹, 吉田 進昭², 大場 雄介¹, 高岡 晃教¹, 谷口 維紹¹ (¹東大・医・免疫, ²東大・医科研)
- 1PB-456 NADPH oxidase 成分 p47^{phox} の unmasking による Actin 結合性の変化
伊藤 克法, 中井 優子, 秋田 宏, 北原 博貴, 田村 実 (愛媛大・工・応化)
- 1PB-457 Nrarp はゼブラフィッシュの neural crest の発生に関与し, 古典的 Wnt シグナル伝達系を正に制御する。
石谷 太¹, 松本 邦弘², Ajay Chitnis³, 伊藤 素行¹ (¹名大・院理・神経形成シグナル学, ²名大・院理・生体応答論グループ, ³NICHD/NIH)
- 1PB-458 Frizzled7 と Dishevelled の Wnt リガンド依存的なクラスター形成
山中 洋昭, 西田 栄介 (京都大・院・生命科学)
- 1PB-459 ユビキチンリガーゼとして機能する NLK 結合因子 NARF による Wnt シグナル制御機構の解析
山田 美里, 大河原 美静, 川地 薫, 白壁 恭子, 澁谷 浩司 (東京医歯大・難治研・分子細胞生物学)
- 1PB-460 ヒト embryonic carcinoma cell (NEC 8) の分化過程における *dmrt-1* mRNA 発現制御機構
小路 仁^{1,2}, 山田 明², 長澤 俊彦², 蒲生 忍¹ (¹杏林大・保健・環境生命科学, ²杏林大・医・第一内科)
- 1PB-461 -Catenin 結合タンパク Duplin ノックアウトマウスは発生初期に死亡する
西山 正章^{1,4}, 中山 啓子^{2,4}, 恒松 良祐^{1,4}, 築山 忠雄^{1,4}, 菊池 章³, 中山 敬一^{1,4} (¹九大・生医研・分子発現, ²東北大・医・創生応用セ, ³広大・医・分子細胞情報, ⁴科技団・戦略的創造研究)
- 1PB-462 Cross-talk in vivo between Wnt/beta-catenin and estrogen signaling pathways
Alexander Kouzmenko^{1,2}, Ken-ichi Takeyama^{1,2}, Saya Ito¹, Takashi Furutani³, Shun Sawatsubashi¹, Akio Maki¹, Eriko Suzuki¹, Yoshihiro Kawasaki¹, Tetsu Akiyama¹, Tetsuya Tabata¹, Shigeaki Kato^{1,2} (¹IMCB, University of Tokyo, ²SORST, Japan Science and Technology, ³Yamanouchi Pharmaceutical Co., Ltd)
- 1PB-463 プラコグロビンの Wnt シグナル伝達系における機能
清水 正幸^{1,2,3}, 福永 剛隆^{1,2,3}, 永淵 昭良^{1,2,3} (¹熊本大学発生医学研究センター, ²21 世紀 COE, ³CREST/JST)
- 1PB-464 GSK-3 によるカボジ肉腫関連ヘルペスウイルス LANA のリン酸化修飾
藤室 雅弘^{1,3}, S. Diane Hayward², 横沢 英良¹ (¹北大・薬・生化学, ²Sidney Kimmel Cancer Center, Johns Hopkins Univ., USA, ³NEDO)
- 1PB-465 GSK-3 と BICD1 との結合による細胞機能制御
麓 勝己, 小林 剛, 日野 真一郎, 菊池 章 (広島大院・医歯薬・探索医科学)
- 1PB-466 Tau の Ser262 のリン酸化は, GSK-3 による MARK2 のリン酸化・活性化によって誘導される
小菅 真一, 梶岡 季史, 清水 良史, 田代 悦, 井本 正哉 (慶大・理工・生命情報)
- 1PB-467 膜局在型 Delta 細胞内領域は神経芽細胞において細胞突起の形成を誘導する
西出 賢次^{1,2}, 石谷 太^{1,2}, 松本 邦弘², 伊藤 素行¹ (¹名古屋大・院理・分子シグナル, ²名古屋大・院理・生体応答論)
- 1PB-468 O-フコース転移酵素をコードする Notch 情報伝達系構成遺伝子 *neurotic* は, 酵素活性非依存的に adherens junction 局在化と Notch のターンオーバーを制御する
笹村 剛司^{1,2}, 金井 麻衣子^{1,2}, 中尾 志保¹, 佐々木 伸雄¹, 松野 健治^{1,2} (¹東京理科大・基礎工, ²科学技術振興機構・さきがけ)

- 1PB-469 Notch の機能に必須な O - フコース転移酵素をコードする neurotic と遺伝学的相互作用を示す新規遺伝子の探索
中尾 志保¹, 笹村 剛司^{1,2}, 東 俊介¹, 松浦 瑛子¹, 金井 麻衣子^{1,2}, 相垣 敏郎³, 松野 健治^{1,2} (¹ 東京理科大学・基礎工, ² 科学技術振興機構・さきがけ, ³ 東京都立大・理)
- 1PB-470 O-フコース転移酵素 1 の小胞体における Notch 受容体に対する新たな役割
岡島 徹也, Xu Aiguo, Lei Liang, Irvine Kenneth D. (Waksman 研究所, Rutgers 大学)
- 1PB-471 Dock180 のユビキチン化と Elmo1 による抑制
牧野 吉倫¹, 津田 真寿美¹, 澤 洋文^{1,3}, 畠山 鎮次², 田中 伸哉¹, 長嶋 和郎¹ (¹ 北大院・医・分子細胞病理, ² 北大院・医・分子医化学, ³ 北大 COE)
- 1PB-472 脱ユビキチン化酵素 UBPY による増殖因子受容体のダウンレギュレーションの調節
水野 英美, 井浦 崇敦, 喜多村 直実, 駒田 雅之 (東工大院・生命理工)
- 1PB-473 C4 光合成におけるプロテインキナーゼのユビキチン化を介する分解制御機構
揚妻 正和¹, 土田 祐平¹, 古本 強¹, 柳澤 修一², 泉井 桂¹ (¹ 京大・院生命科学, ² 岡山大・資源生物研)
- 1PB-474 シロイヌナズナ LKP2 の相互作用因子群とその解析
深松 陽介¹, 光井 俊哉², 安原 正浩², 清末 知宏¹ (¹ 香川大, 総合生命科学, ² 香川大, 農)
- 1PB-475 SEI ファミリー核タンパク質による p53 転写活性の制御および p53 非依存性の増殖抑制と細胞死誘導
福永 理恵^{1,3}, 飯田 智¹, 清水 雄介¹, 長田 重一^{1,2,3}, 福永 理己郎^{1,2,3} (¹ 阪大院・医, ² 生命機能, ³ JST/SORST)
- 1PB-476 Hedgehog シグナルによる p53 抑制機構
阿部 芳憲, 飛梅 圭, 佐藤 (織田) 恵理, 田中 信之 (日本医大・老人研・免疫)
- 1PB-477 DNA 損傷による p53 癌抑制蛋白質と新規核および中心体蛋白質 p35 の相互作用
大和田 幸嗣¹, 岸本 三佳¹, 三瓶 浩史¹, 北川 有希¹, 大元 貴恵¹, 安田 茂晃¹, 金居 正幸², 三輪 正直² (¹ 京都薬大・生命研・分子生体制御, ² 筑波大・基礎医・生化)
- 1PB-478 細胞死シグナル, ミトコンドリア経路における apoptosome 形成の数理モデル
中林 潤, 佐々木 顕 (九州大学大学院理学部生物数理生物)
- 1PB-479 Fas リガンド刺激による AP-1 活性化の分子機構
松本 則彦, 今村 龍, 須田 貴司 (金沢大・がん研・分子標的薬剤開発センター)
- 1PB-480 SARS コロナウイルスの感染により誘導されるシグナル伝達の解析
水谷 哲也¹, 福士 秀悦¹, 村上 正晃², 西條 政幸¹, 倉根 一郎¹, 平野 俊夫², 森川 茂² (¹ 国立感染症研究所, ² 大阪大学)
- 1PB-481 長鎖遊離脂肪酸によるマウス腸管由来 STC-1 細胞のアポトーシス阻害作用
勝間 進, 波多江 典之, 類家 慶直, 平澤 明, 辻本 豪三 (京大院薬・ゲノム創薬科学)
- 1PB-482 TNF ファミリー分子 Eiger の下流で機能する細胞死抑制因子の網羅的探索とその機能解析
高橋 潤^{1,2}, 倉永 英里奈¹, 菅田 浩司^{1,3}, 西川 彰男², 三浦 正幸¹ (¹ 東大・院薬・遺伝, ² 島根大・院生資・生物科学, ³ 阪大・院医・時空生物)
- 1PB-483 新規の核内酸性タンパク質 (MTI-II) はグルコルチコイド受容体/コアクティベーター複合体の一員としてグルコルチコイド受容体の転写活性を促進する。
岡本 一起, 末松 直也, 磯橋 文秀 (聖マリアンナ医大・生化)
- 1PB-484 表皮角化細胞における AhR/ARNT の標的遺伝子
生田 統悟, 川尻 要 (埼玉がんセンター・研)
- 1PB-485 コムギ無細胞タンパク質合成法を用いたヒト核内レセプターの DNA への結合様式の網羅的解析法
小谷 佳子, 澤崎 達也, 遠藤 弥重太 (愛媛大・無細胞センター, VBL)
- 1PB-486 分裂酵母 *pmc1+* 及び *prz1+* のカルシニューリン応答機構の解析
高見 知徳², 杉浦 麗子¹, 前川 貴代², 竹内 真衣², 名畑 俊哉², 久野 高義² (¹ 近畿大・薬・分子医療薬科学, ² 神戸大・院医・ゲノム科学)

- 1PB-487 *in vivo* におけるカルシニューリンの活性化と抑制には制御サブユニットが必要である
末広 貴史¹, Susie O Sio¹, 杉浦 麗子^{1,2}, 竹内 真衣¹, 向井 秀幸³, 久野 高義¹ (¹神戸大・院医・ゲノム科学・分子薬理・薬理ゲノム学, ²近畿大・薬・医療科学分野・分子医療薬科学, ³神戸大学バイオシグナル研究センター)
- 1PB-488 分裂酵母 WASP ホモログ Wsp1 はカルシニューリンと機能的に関連する
宮本 郁弓¹, 石倉 里奈¹, 蛭名 秀峰¹, 岡本 麻利¹, 杉浦 麗子^{2,3}, 久野 高義³, 春藤 久人¹ (¹神戸大・医・保健, ²近畿大・薬・分子医療薬科学, ³神戸大・院医・ゲノム科学)
- 1PB-489 Cellular Signaling Mediated by Calphoglin-Induced Activation of IPP and PGM
Koichi Takahashi, Madoka Inuzuka, Tatsuya Ingi (Niigata Univ., BRI, Dept. physiol.)
- 1PB-490 Identification of Human Calphoglin-Induced Phosphoglucomutase Phosphorylation in Escherichia coli
Madoka Inuzuka, Tatsuya Ingi (Niigata Univ., BRI, Dept. physiol.)
- 1PB-491 Calcium Signal-induced Activation of Cofilin Phosphatase Slingshot through Calcineurin
Yan Wang¹, Futoshi Shibasaki², Kensaku Mizuno¹ (¹Tohoku Univ., Grad. Sch. Life. Sci., Dept. Biomol. Sci., ²Tokyo Met. Inst. Med. Sci.)
- 1PB-492 ミオシン V と syntaxin-1A の Ca²⁺ 依存性相互作用による開口放出の調節
渡部 通寿¹, 牛木 辰男², 石川 良樹³, 笹川 展幸⁴, 熊倉 鴻之助⁴, 池辺 光男⁵, 五十嵐 道弘¹ (¹新潟大院・医歯学・分子細胞機能学, ²新潟大院・医歯学・顕微解剖学, ³群馬大院・医・臓器病態薬理, ⁴上智大・生命科学研・神経化学, ⁵Dept Physiol, Univ Massachusetts Med Sch)
- 1PB-493 Arc の活性依存性シナプス後肥厚での発現と CaMKII 作用の増強
土内 瞳^{1,2}, 吉村 好之¹, 山内 卓¹ (¹徳島大・薬院・生化学, ²徳島文理大・薬・衛生化学)
- 1PB-494 ゼブラフィッシュ CaM 依存性プロテインキナーゼホスファターゼ (zCaMKP) と核局在型 zCaMKP-N はゼブラフィッシュの正常な初期発生に必須である
二村 貴樹¹, 末吉 紀行¹, 石田 敦彦², 北村 千枝美¹, 亀下 勇¹ (¹香川大・農・生命機能, ²旭川医大・医・一生化)
- 1PB-495 血管内皮細胞における PTP M の役割
清水 英寿¹, 山田 律彰¹, 中川 嘉¹, 塩田 正之¹, 田村 真理子¹, 木下 真志¹, 光山 勝慶², 宮崎 均¹ (¹筑波大学 遺伝子センター, ²熊本大学大学院 薬物治療講座)
- 1PB-496 Ptpnz による Git1 チロシンリン酸化レベルの調節
深田 斉秀^{1,2}, 藤川 顕寛^{1,2}, 野田 昌晴^{1,2} (¹基生研・統合神経生物学, ²CREST, JST)
- 1PB-497 siRNA を利用した 1 型 Ser/Thr 残基特異的プロテインホスファターゼの機能解析
岡田 只土, 田沼 延公, 島 礼, 菊池 九二三 (北大・遺伝研・情報調節)
- 1PB-498 出芽酵母プロテインホスファターゼ *SIW14*, *PPZ1* と全プロテインキナーゼの遺伝的相互作用
平崎 正孝, 堀口 昌也, 金子 嘉信, 原島 俊 (阪大院・工・応用生物)
- 1PB-499 シロイヌナズナにおけるタンパク質脱リン酸化酵素タイプ 2C (PP2C) の解析
石平 智美, 鈴木 香菜, 中沢 悠宏, 山田 将登, 和泉 俊介, 福原 敏行 (東京農工大・農・細胞分子)
- 1PB-500 HIF-1 機能抑制分子 IPAS の発現制御機構の解析
牧野 雄一¹, 田中 廣壽^{1,2}, 森本 幾夫², Lorenz Poellinger³ (¹東大・医科研・アレルギー免疫科, ²東大・医科研・先医セ・免疫病態, ³カロリンスカ研究所)
- 1PB-501 ストレス誘導タンパク質・ヘムオキシゲナーゼ 1 によるヘムおよび鉄代謝の調節
大城 聡¹, 曾根 敏雄² (¹東医歯大・難研・遺伝生化, ²埼玉医大・免疫)
- 1PB-502 メタロチオネンによる亜鉛応答性転写因子の活性修飾
木村 朋紀¹, 伊藤 徳夫², 曾根 知道¹, 磯部 正和¹, 田中 慶一² (¹摂南大・薬・毒理学, ²阪大院・薬・毒理学)
- 1PB-503 Involvement of protein kinase PKN1 in G2/M delay caused by arsenite
Takayuki Isagawa^{1,3}, Mikiko Takahashi², Tomohisa Kato², Hideyuki Mukai^{1,2}, Yoshitaka Ono^{1,2} (¹Kobe Univ., Grad. Sci., ²Kobe Univ., Biosignal., ³Tokyo Univ., RCAST)

- 1PB-504 Alternative splicing of *Drosophila* heat shock transcription factor regulates its transcriptional activity
Nobuhiro Fujikake¹, Yoshitaka Nagai¹, Helena Akiko Popiel¹, Masamitsu Yamaguchi², Tatsushi Toda¹
(¹Osaka Univ. Grad. Med., Div. Functional Genomics, ²Kyoto Inst. Tech., Div. Biotech., Chr. Tech. Group)
- 1PB-505 Oxidative stress by TNF α induces unfolded protein response (UPR) and UPR counteracts ROS accumulation induced by TNF α
Xin Xue, Jiang-Hu Piao, Akihito Nakajima, Sachiko Sakon-Komazawa, Yuko Kojima, Hideo Yagita, Ko Okumura, Hiroyasu Nakano (Juntendo Univ. Sch. Med. Dept. Immunol.)
- 1PB-506 シロイヌナズナの胞体ストレス応答に關与する bZIP 型転写因子の解析
岩田 雄二, 佐野 浩, 小泉 望 (奈良先端大・遺伝子センター)
- 1PB-507 茎頂および花粉の形成における SHEPHERD タンパク質の機能
大場 久美子, 丹羽 智子, 中村 研三, 石黒 澄衛 (名古屋大・院・生命農学)
- 1PB-508 出芽酵母ミトコンドリアシャペロン遺伝子群の発現制御に關わる情報伝達経路
馬淵 正¹, 竹田 真敏² (¹山梨大・医・生化, ²崇城大・工・応用生命)
- 1PB-509 メチルグリオキサールはシグナルイニシエーターとして酵母 MAP キナーゼ経路を活性化する
前田 和宏, 井沢 真吾, 井上 善晴 (京大院・農・応生科)
- 1PB-510 酵母のアルカリ pH / 塩ストレス応答に關与する Cpl1p-Rim101p 経路に ESCRT-I, -II, -III が必要とされる
林 道夫^{1,2}, 福澤 孝昭¹, 前田 達哉^{1,2} (¹東大・分生研, ²JST・CREST)
- 1PB-511 高浸透圧ストレスシグナリングにおける SnRK3 プロテインキナーゼ OsCIPK5 の活性制御
小林 裕子, 青田 友美, 南 秀幸, 服部 束穂 (名古屋大・生物機能セ)
- 1PB-512 シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 における活性酸素ストレス応答機構の解析
石塚 智和¹, 小林 真理², 片山 光徳¹, 池内 昌彦¹ (¹東大・院・総合文化, ²株式会社バイオマーカーサイエンス)
- 1PB-513 シロイヌナズナの ABA 誘導性転写因子 AREB1 の乾燥ストレス応答における役割
藤田 泰成¹, 藤田 美紀^{2,3}, 佐藤 里絵^{1,3}, 圓山 恭之進¹, Mohammad Parvez¹, 関 原明^{2,4}, 平津 圭一郎⁵, 高木 優^{3,5}, 篠崎 一雄^{2,3,4}, 篠崎 和子^{1,3,6} (¹国際農研・生物資源, ²理研・植物分子, ³科技园・CREST, ⁴理研 GSC・植物ゲノム, ⁵産総研・ジーン, ⁶東大院・農学生命)
- 1PB-514 bZIP 型転写因子 AREB1 による遺伝子発現制御
降旗 敬¹, 圓山 恭之進¹, 篠崎 一雄^{2,3}, 篠崎 和子^{1,3,4} (¹国際農研・生物資源, ²理研・植物分子, ³CREST, ⁴東大院・農学生命科学)
- 1PB-515 乾燥, 塩ストレス応答に關与する転写因子 DREB2A の活性型変異体過剰発現シロイヌナズナの解析
佐久間 洋¹, 圓山 恭之進¹, QIN Feng¹, 関 原明², 篠崎 一雄^{2,3}, 篠崎 和子^{1,3,4} (¹国際農研・生物資源, ²理研・GSC, ³JST・CREST, ⁴東大院, 農学生命科学)
- 1PB-516 サブトラクティブハイブリダイゼーション法による複合的ストレス応答性遺伝子群の単離
西澤 彩子¹, 漆畑 正俊¹, 丸田 隆典², 藪田 行哲¹, 重岡 成^{1,2} (¹近畿大・農・食栄, ²近畿大・院・応生命化)
- 1PB-517 シロイヌナズナにおける AtHsfA2 を介したストレス応答機構の解析
西澤 彩子¹, 吉田 絵梨子¹, 藪田 行哲¹, 重岡 成^{1,2} (¹近畿大・農・食栄, ²近畿大・院・応生命化)
- 1PB-518 化学的ストレスによってゼニゴケ培養細胞が分泌するホスファターゼ類
鈴木 靖人, 芦田 嘉之, 平田 敏文 (広島大院・理・数理分子生命)
- 1PB-519 ゼニゴケ培養細胞由来のストレス応答性遺伝子群の発現解析
高橋 紅奈, 芦田 嘉之, 平田 敏文 (広島大院・理・数理分子生命)
- 1PB-520 The novel gene U2 regulates adipocyte differentiation and fat deposition.
Yeon-Hee Hong, Sang-Gun Roh, Chizu Goto, Daisuke Hishikawa, Hisae Miyahara, Yukihiko Nishimura, Hiroaki Tuzuki, Shin-ichi Sasaki (Shinshu Univ., Fac. Agri., Dept. Food Prod Sci.)
- 1PB-521 高脂肪食摂取により脳内で ZPR1 の発現は上昇する
住吉 直樹, 矢中 規之, 野草 義人, 加藤 範久 (広島大院・生物圏科学・分子生命開発)

- 1PB-522 Point Mutations of 3BP2 Identified in Human Inherited Disease Cherubism Result in the Loss of Function
S. M. Shahjahan Miah, Tomoko Hatani, Xiujuan Qu, Hirohei Yamamura, Kiyonao Sada (Kobe Univ. Grad. Sch. Med., Div. Proteomics.)
- 1PB-523 破骨細胞分化における GSK3 の役割
栗原 傑, 工藤 明 (東京工業大学大学院生命理工学研究科生命情報専攻)
- 1PB-524 フラボン類およびイソキノリンアルカロイド類による破骨細胞の分化とアクチンリング形成の阻害
李 鍵炯, 安 哉龍, 長谷川 森一, 永井 和夫, 禹 濟泰 (中部大・応用生物・応生化)
- 1PB-525 Screening of the monoclonal antibodies that regulate the neural stem cell migration
Tokuichi Iguchi¹, Norikazu Mizuno¹, Takashi Yokota², Hiroshi Itoh¹ (¹Nara Ins. Sci. Tech., Grad. Sch. Biol. Sci., Dept. Cell Biol., ²Kanazawa Univ., Grad. Sch. Med. Sci., Dept. Stem Cell Biol.)
- 1PB-526 蛍光タイムラプスを用いたレチノイン酸応答遺伝子 RARP1 の HL-60 細胞内局在の検討
小松 亜位, 山下 浩, 大岩 亜子, 宮本 高秀, 柿澤 供子, 鈴木 悟, 橋爪 潔志 (信州大学院・加齢適応・加齢病態制御)
- 1PB-527 IV 型コラーゲン会合体構造が培養ヒト皮膚表皮細胞に与える影響
藤崎 ひとみ, 服部 俊治 ((株)ニッピバイオマトリックス研究所)
- 1PB-528 マウス甘味受容細胞における甘味受容・情報伝達分子, T1r3 と gustducin の発現解析
吉田 竜介, 重村 憲徳, 安松 啓子, 二ノ宮 裕三 (九大院・歯・口腔機能)
- 1PB-529 CYCLIC-AMP MEDIATES FIBROBLAST GROWTH FACTOR 7 UPREGULATION THROUGH ADENOSINE RECEPTOR IN HUMAN DERMAL PAPILLA CELLS.
Masato Iino¹, Ritsuko Ehama¹, Yosuke Nakazawa¹, Tokuro Iwabuchi¹, Masashi Ogo¹, Masahiro Tajima¹, Seiji Arase² (¹Shiseido Res. Ctr., ²Dept of Dermatol., Sch. of Med., Univ. of Tokushima)
- 1PB-530 An adenylyl cyclase, CyaB, of *Myxococcus xanthus* acts as an osmosensor during growth.
大谷 美香, 木村 義雄 (香川大・農・生命機能)
- 1PB-531 分裂酵母 P₅ 型 ATPase ホモログ SPAC29A4.19c はカルシウムホメオスタシスに関与している
古根 隆広, 元 佳奈子, 石黒 順平 (甲南大・理工・生物)
- 1PB-532 cAMP-regulated phosphoprotein 19kDa (ARPP-19) タンパク質の機能解析の探索
吉河 歩^{1,2}, 石浦 章一², 丸山 敬¹ (¹埼玉医大・薬理, ²東大・総合文化・生命)
- 1PB-533 Conservation of functional domain structure in bicarbonate-regulated "soluble" adenylyl cyclases in bacteria and eukaryotes
Mime Kobayashi, Jochen Buck, Lonny, R. Levin (Weill Med. College of Cornell Univ., Dept. Pharm.)
- 1PB-534 aPKC knockdown の及ぼす MDCK 細胞上皮極性への影響
上村 勝志, 鈴木 厚, 泉 奈津子, 平田 真樹, 山中 智行, 大野 茂男 (横浜市大・医・分子細胞生物)
- 1PB-535 哺乳動物上皮細胞極性の形成・維持において aPKC は PAR-1b の上流で機能している
鈴木 厚¹, 平田 真樹¹, 上村 勝志¹, 山中 智之¹, 水野 恵子¹, 岸川 優¹, 廣瀬 博子¹, 天野 芳子¹, 泉 奈津子¹, 三輪 佳宏², 大野 茂男¹ (¹横浜市大・医・分子細胞生物, ²筑波大学・基礎医・薬理)
- 1PB-536 哺乳類上皮細胞の極性制御における PAR-3 複合体, Lethal giant larvae 複合体の機能解析
山中 智行^{1,2}, 堀越 洋輔¹, 泉 奈津子¹, 鈴木 厚¹, 村松 玲子^{1,2}, 三輪 佳宏³, 大野 茂男¹ (¹横浜市立大学 医学部分子細胞生物学, ²木原記念横浜生命科学振興財団, ³筑波大学基礎医学系薬理)
- 1PB-537 乳腺組織形成における細胞極性制御システム aPKC-PAR システムの役割
守谷 真澄^{1,5}, 秋本 和憲¹, 長嶋 洋治², 河口 篤美¹, 栗田 晴代¹, 石橋 直子^{1,5}, 青木 一郎³, 田沼 靖一⁵, 野田 哲生⁴, 大野 茂男¹ (¹横浜市大・医・分子細胞生物, ²横浜市大・医・分子病態腫瘍病理, ³横浜市大・医・分子病態免疫病理, ⁴癌研・細胞生物, ⁵東理大・薬・生化)
- 1PB-538 脳における PKC および II と相互作用する分子の探索
三ヶ島 智恵, 平井 孝明, 千田 和広 (東大院・農生科・動物細胞制御学)
- 1PB-539 7 回膜貫通型 APJ 受容体を介した細胞骨格シグナル経路の解析
橋本 泰美¹, 石田 純治¹, 山本 理恵¹, 藤原 佳絵¹, 浅田 幸江¹, 菅谷 健¹, 粕谷 善俊², 望月 直樹³, 深水 昭吉¹ (¹筑波大・TARA セ, ²千葉大・医, ³国立循環器病セ)

- 1PB-540 ヒト滑膜肉腫細胞の癌化能におけるアダプター分子 CRK の解析
渡部 琢哉^{1,2}, 津田 真寿美¹, 澤 洋文¹, 三浪 明男², 田中 伸哉¹, 長嶋 和郎¹ (¹北海道大・医・分子細胞病理, ²北海道大・医・整形外科)
- 1PB-541 AICD と Fe65 複合体の転写活性化能における TPEER 配列の機能の同定
住岡 暁夫^{1,2}, 三浦 正幸¹, 鈴木 利治² (¹東大・薬・遺伝, ²北大・薬・神経)
- 1PB-542 新規ハブ毒由来 VEGF による特徴的な血管透過性シグナル伝達機構
高橋 宏行^{1,2}, 服部 正策³, 滝沢 始², 渋谷 正史¹ (¹東大・医科研・腫瘍抑制, ²東大院・医・内科・呼内, ³東大・医科研・奄美病害動物研)
- 1PB-543 超分散シミュレーション法による分子間相互作用の解析
山口 佳樹¹, 北川 哲次², 我妻 竜三¹, 山本 知幸³, 小長谷 明彦^{1,2} (¹理研 GSC, ²東工大, ³北陸先端大)
- 1PB-544 破骨細胞における RFP-TAPP1 融合タンパク質を用いた PI (3,4) P2 の可視化
水溜 めぐみ¹, 与語 圭一郎¹, 石田 教弘¹, 佐々木 雄彦², 竹家 達夫¹ (¹奈良先端大・細胞増殖, ²秋田大・医学研究科・COE プロジェクト)
- 1PB-545 p53 の存在下, 及び非存在下での温度感受性 SV40T 抗原の機能制御
鈴木 淳^{1,2,3}, 祐実 泰子^{2,3}, 赤城 剛², 花房 秀三郎², 宍戸 知行^{1,2} (¹奈良先端 細胞増殖, ²大阪バイオ分子腫瘍, ³阪大 院医)
- 1PB-546 SV40T 抗原で不死化した初代培養細胞の Small T 抗原による低血清下での細胞周期制御変化
川田 滋久, 鈴木 淳, 宍戸 知行 (奈良先端・細胞増殖)
- 1PB-547 Abelson 白血病ウイルスでガン化した pre-B 細胞における BCAP のリン酸化と Abi-1 への結合の検討
園岡 真宏¹, 吉田 佳代¹, 谷 佳津子², 宍戸 知行¹ (¹奈良先端・細胞増殖, ²東京薬科大・生命科学)
- 1PB-548 c-Abl の基質リン酸化メカニズム in vitro 再構成への試み; Abi-1 タンパク質の精製
福田 真知¹, 谷 佳津子², 宍戸 知行¹ (¹奈良先端・細胞増殖, ²東京薬科大・生命科学)
- 1PB-549 コムギ胚芽無細胞タンパク質合成法を用いたヒトプロテインカイネース遺伝子産物のカタログ化
橋本 奈央子¹, 松原 祐子^{1,2}, 玉井 綾¹, 澤崎 達也¹, 遠藤 弥重太¹ (¹愛媛大学・無細胞センター, VBL, ²現: (株)セルフリーサイエンス)
- 1PB-550 コムギ無細胞系を用いたゲノムワイドなヒトプロテインホスファターゼの合成
玉井 綾¹, 橋本 奈央子¹, 松原 祐子^{1,2}, 澤崎 達也¹, 遠藤 弥重太¹ (¹愛媛大・無細胞センター, VBL, ²現: (株)セルフリーサイエンス)
- 1PB-551 動物細胞内における非天然型アミノ酸のタンパク質への部位特異的導入による in vivo 光クロスリンク法の開発
樋野 展正^{1,2}, 岡崎 有羽子^{1,2,4}, 小林 隆嗣¹, 林 明子², 坂本 健作¹, 横山 茂之^{1,2,3} (¹東京大・院理・生化, ²理研・GSC, ³理研・播磨, ⁴現・東大・分生研)
- 1PB-552 表面プラズモン共鳴 (SPR) イメージングによる亜鉛化合物を用いたチップ上におけるペプチドのリン酸化に関する検出と定量化
稲森 和紀¹, 京 基樹¹, 西矢 芳昭¹, 井上 雄介², 園田 達彦², 木下 英司³, 小池 透³, 片山 佳樹² (¹東洋紡, ²九大院・工, ³広島大院・医歯薬)
- 1PB-553 チロシンリン酸化関連プロテオミクスによるシグナル伝達の体系的解析
松本 雅記^{1,5}, 小山田 浩二^{1,5}, 畠山 鎮次⁴, 夏目 徹^{2,3}, 中山 敬一^{1,5} (¹九州大・生医研・分子発現制御学, ²九州大・生医研・防御分子構築学, ³産総研・生物情報解析研究セ, ⁴北海道大学・院・生体機能学, ⁵JST・戦略的創造研究推進事業)
- 1PB-554 シロイヌナズナにおける時計関連 APRR1/TOC1 ファミリー: APRR9 の光誘導と概日リズムからの支配
伊藤 照悟, 中道 範人, 松鹿 昭則, 藤森 徹, 山篠 貴史, 水野 猛 (名大院・生命農・生物機構)
- 1PB-555 概日リズムの制御を受けるイネ転写因子 RDD1 遺伝子の機能解析
岩本 政雄, 高野 誠, 肥後 健一 (生物研)
- 1PB-556 シロイヌナズナ青色光受容体フォトトロピンの光によるキナーゼ活性制御機構について
松岡 大介, 徳富 哲 (大阪府大・先端研)

- 1PB-557 イネフィトクロム突然変異体における ACC oxidase の発現解析
清田 誠一郎¹, 謝 先芝¹, 岩本 政雄¹, 稲垣 言要², 高野 誠一郎¹ (¹ 生物研・生理・環境ストレス, ² 生物研・生理・光合成)
- 1PB-558 イネ・クリプトクロムのタンパク質の光不安定性とリン酸化
廣瀬 文昭^{1,2}, 原田 浩司^{1,2}, 島田 浩章², 高野 誠¹ (¹ 生物研・生理機能, ² 東京理科大・基礎工)
- 1PB-559 原始紅藻における Cryptochrome 遺伝子群の同定
丸山 真一郎, 田中 寛 (東大・分生研)
- 1PB-560 BTH によるイネの病害抵抗性誘導機構の遺伝子発現プロファイリングによる解析
霧野 真幸, 菅野 正治, 瀬尾 茂美, 大橋 祐子, 姜 昌杰, 高辻 博志 (農業生物資源研)
- 1PB-561 シロイヌナズナ新奇 5MT 抵抗性変異体 *rmt-1* の単離と解析
矢部 尚登^{1,2}, 土屋 瑞穂², 浅田 洋平^{2,3}, 石原 亨^{2,3}, 米田 好文¹, 若狭 暁^{2,4} (¹ 東京大院・理・生物科学, ² 科学技術振興機構, ³ 京大院・農, ⁴ 農研機構・作物研)
- 1PB-562 低温誘導性遺伝子を制御する転写因子 DREB1A の過剰発現植物体におけるトランスクリプトームおよびメタボローム解析
圓山 恭之進¹, 竹田 みぎわ², 鈴木 秀幸², 斉藤 和季^{2,3}, 柴田 大輔², 篠崎 一雄^{4,5}, 篠崎 和子^{1,6} (¹ 国際農研・生物資源, ² かずさ DNA 研究所, ³ 千葉大院・薬, ⁴ JST・CREST, ⁵ 理研・植物分子, ⁶ 東大院・農学生命科学)
- 1PB-563 ABA 誘導性受容体型キナーゼ RPK1 の ABA シグナル受容機構の解析
刑部 祐里子¹, 関原明², 圓山 恭之進¹, 篠崎 一雄^{2,3}, 篠崎 和子^{1,3,4} (¹ 国際農研・生物資源, ² 理研・植物分子生物, ³ CREST・JST, ⁴ 東大院・農学生命科学・植物分子生理)
- 1PB-564 RNAi 法を用いたエチレン応答性転写因子 (ERF) の発現抑制
夏地 智之, 中元 志穂, 伊福 健太郎, 佐藤 文彦 (京都大院・生命科学)
- 1PB-565 花成因子 Hd3a の細胞内局在と機能解析
松尾 祥一, 横井 修司, 島本 功 (奈良先端大・バイオ)
- 1PB-566 Tandem affinity purification (TAP) を利用したイネ花成因子 Hd3a タンパク質の機能解析
池田 美香, 黒谷 賢一, 横井 修司, 島本 功 (奈良先端大・バイオサイエンス)
- 1PB-567 *GUS* 遺伝子を利用したイネにおける *FT* 様遺伝子の発現調節機構の解析
玉置 祥二郎¹, 横井 修司¹, 矢野 昌裕², 島本 功¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 農業生物資源研究所)
- 1PB-568 イネ *OsMADS50/OsSOC1* の開花制御における役割
横井 修司¹, Shinyoung Lee², Gynheung An², 島本 功¹ (¹ 奈良先端大・バイオ・植物分子遺伝学, ² Pohang University of Science and Technology (POSTEC))
- 1PB-569 シロイヌナズナの新奇 ABA 関連突然変異体の分離とその解析
林 晋平¹, 西村 宜之¹, 村山 真紀¹, 吉田 知¹, 浅見 忠男³, 阿部 広幸¹, 篠崎 一雄², 平山 隆志^{1,2} (¹ 横浜市大・総合理学, ² 理研・植物分子生物, ³ 理研・植物機能)
- 1PB-570 シロイヌナズナ CO₂ 非感受性変異体 *cdi* の単離と原因遺伝子のマッピング
祢宜 淳太郎¹, 橋本 美海², 射場 厚² (¹ 九大院・システム生命, ² 九大院・理・生物)
- 1PB-571 出芽酵母 *IME1* 遺伝子の発現制御に関する因子の同定
佐々木 文, 粟津 美季子, 岩野 君夫, 中沢 伸重 (秋田県大院・生物資源)
- 1PB-572 出芽酵母のグルコース感知システムの解析
守屋 央朗¹, Mark Johnston², 北野 宏明¹ (¹ システムバイオロジー研究機構, ² ワシントン大学医学部)
- 1PB-573 糖応答性最小プロモーター *Spo^{min}* のリプレッサー, *HSI2* の解析
塚越 啓央¹, 柴田 大輔², 森上 敦³, 中村 研三¹ (¹ 名大・生命農・生物化学, ² かずさ DNA 研, ³ 名城大・生物資源)
- 1PB-574 分裂酵母新規栄養マーカー遺伝子の単離を目指した変異体スクリーニング
斉藤 真理子¹, 小池 敦資¹, 杉浦 麗子^{1,2}, 久野 高義¹ (¹ 神戸大・院医・ゲノム科学・分子薬理・薬理ゲノム学, ² 近畿大・薬・医療科学分野・分子医療薬科学)

- 1PB-575 出芽酵母のリン酸シグナル伝達系に関わる新規因子の網羅的解析
Auesukaree Choowong, 金子 嘉信, 原島 俊（阪大院・工・応用生物）
- 1PB-576 糸状菌 *Aspergillus nidulans* の浸透圧応答 MAPK 経路の解析
古川 健太郎¹, 星 由紀子¹, 前田 達哉², 阿部 敬悦¹, 中島 佑¹（¹ 東北大院・農, ² 東大・分生研）
- 1PB-577 糸状菌 *Aspergillus nidulans* の細胞壁構築に関する転写制御因子遺伝子 *rlmA* の機能解析
藤岡 智則, 古川 健太郎, 水谷 治, 阿部 敬悦, 山形 洋平, 中島 佑（東北大院・農・応生科）
- 1PB-578 糸状菌 *Aspergillus nidulans* における形態形成に関する新規転写制御因子
倉持 太一, 藤岡 智則, 阿部 敬悦, 中島 佑（東北大院・農・応生科）
- 1PB-579 RoIB タンパク質と結合する植物 14-3-3 に相互作用する因子
津山 善仁¹, 森内 寛¹, 町田 泰則², 田中 伸和¹（¹ 広大・院先端物質・分子生命, ² 名大・院理・生命理学）
- 1PB-580 *Pseudomonas aeruginosa* における Quorum Sensing 機構に介在する新規因子の解析
田代 陽介, 澤田 勇生, 倉島 宏明, 中島 敏明, 内山 裕夫, 野村 暢彦（筑波大・応生化）
- 1PB-581 枯草菌新規転写調節因子 YdiH の機能解析
佐藤 一郎¹, 芳賀 恒基², 権守 新吾¹, 佐藤 勉¹（¹ 農工大・農学研究科, ² 理研・生物基盤）
- 1PB-582 腸管病原性大腸菌（EPEC）の病原因子分泌制御スイッチ
三宅 眞実¹, 松澤 健志², 花嶋 美幸¹, 阿部 章夫², 堀口 安彦¹（¹ 阪大・微研・細菌毒素, ² 北里大・生命科学研・細菌感染制御）
- 1PB-583 腸管病原性大腸菌が誘導する actin 凝集束への ZO-1 の集積
花嶋 美幸¹, 松澤 健志², 阿部 章夫², 堀口 安彦¹, 三宅 眞実¹（¹ 阪大・微研・細菌毒素, ² 北里大・生命研・細菌感染制御）
- 1PB-584 大腸菌 Mg²⁺ stimulon を介する情報伝達ネットワーク
皆川 周¹, 小笠原 寛¹, 大蔵 良太¹, 土谷 浩基¹, 加藤 明宜¹, 山本 兼由², 平尾 貴世¹, 大島 拓³, 森 浩禎³, 石浜 明⁴, 内海 龍太郎^{1,2}（¹ 近畿大院・農・応生化, ² 近畿大・農化, ³ 奈良先端大, ⁴ 日生研）
- 1PB-585 大腸菌二成分制御系 EvgA/EvgS による酸耐性遺伝子群の発現制御
伊東 潤二, 江口 陽子, 内海 龍太郎（近畿大院・農・応生化）
- 1PB-586 細菌集団の生き残りを賭けたポリフェニズム
大橋 由明^{1,2}, 石井 公太郎², 七宮 英晃³, 河村 富士夫³, 富田 勝², 板谷 光泰^{2,4}（¹ ヒューマン・メタボローム・テクノロジーズ, ² 慶大・先端生命研, ³ 立教大・理・生命, ⁴ 三菱化学生命研）

第2日目 (12月9日 (木))

< PA 会場 >

.....(2a 複製 (DNA・RNA・染色体)).....

- 2PA-001 COLE2 プラスミド複製開始部位の機能構造
矢倉 勝, 伊藤 建夫 (信州大・理・生物科学)
- 2PA-002 黄色ブドウ球菌 *dnaA* 変異株の分離と脂質代謝関連遺伝子による抑圧
村井 長元, 黒川 健児, 市橋 伯一, 松尾 美記, 関水 和久 (東大院・薬)
- 2PA-003 大腸菌 *DnaA* タンパク質ドメイン 2 の必須部位と機能の検討
野崎 晋五, 小川 徹 (名大・院・理・生命理学)
- 2PA-004 大腸菌染色体の複製開始タイミング制御に必要な新規因子 *DiaA* は *DnaA* と直接結合する
石田 琢磨, 片山 勉 (九大院・薬・分子生物)
- 2PA-005 *Hda* タンパク質の機能構造解析:スライディングクランプとの相互作用及び, *DnaA* 結合性 ATP 加水分解に関する部位の同定
紫牟田 透, 末次 正幸, 片山 勉 (九大院・薬・分子生物)
- 2PA-006 大腸菌染色体複製制御因子 *hda* 遺伝子の低温感受性変異株の分離と解析
山口 陽子, 末次 正幸, 藤光 和之, 石田 琢磨, 片山 勉 (九大院・薬・分子生物)
- 2PA-007 大腸菌由来 *PriA* とオリゴヌクレオチドとの複合体の結晶化
佐々木 香織¹, 尾瀬 農之¹, 岡本 直明², 田中 卓³, 正井 久雄³, 前仲 勝実¹, 神田 大輔¹ (¹九大・生医研,
²オリンパス,³都臨床研)
- 2PA-008 大腸菌の細胞分裂と染色体分配に欠損のあるリボ蛋白質遺伝子欠失株コレクションのスクリーニング
久田 香織^{1,2}, 徳田 元³, 松山 伸一⁴, 仁木 宏典^{1,2} (¹総研大・生命科学,²遺伝研・RI,³東京大・分生研,
⁴立教大・理)
- 2PA-009 F プラスミド分配における *SopA* タンパク質の役割
波田野 俊之, 仁木 宏典 (国立遺伝学研究所 放射線・アイソトープセンター)
- 2PA-010 大腸菌における *MukB* タンパク質の細胞内局在および染色体複製開始同調系を用いた姉妹染色体分配の動態
平賀 壯太¹, 足立 隼² (¹京大・生命・遺伝機構,²京大・生命・認知情報)
- 2PA-011 サイトカイン遺伝子クラスター領域に見いだされた複製起点の解析
宮武 昌一郎¹, 林田 敏朗¹, 大沢 加奈子², 正井 久雄² (¹都臨床研・免疫,²都臨床研・細胞生物)
- 2PA-012 Perturbation of an origin firing program in pre-meiotic S phase
森 沙織^{1,2}, 白髭 克彦² (¹横浜市大 総合理学,²東工大 遺伝子)
- 2PA-013 分裂酵母第二染色体上の複製開始点の網羅的解析
林 真理¹, 加藤 由起², 伊藤 武彦³, 山田 芳樹¹, 高橋 達郎¹, 中川 拓郎¹, 白髭 克彦², 升方 久夫¹ (¹阪
大・院理・生物科学,²東工大・バイオ総合センター,³三菱総研)
- 2PA-014 DNA 結合タンパク質による染色体 DNA 複製の調節機構
神崎 秀嗣^{1,2}, 村上 洋太¹ (¹京大・ウイルス研・がんウイルス研究部門,²京都工繊大・ベンチャー)
- 2PA-015 The B-subunit dependent DNA Polymerase β -Primase Association with the Origin Recognition Complex (ORC) for Initiation of DNA Replication
Masashi Uchiyama^{1,2}, Teresa Wang¹ (¹Stanford Univ., Medical Center, Dept. Pathology, ²RIKEN GSC, Bioinfo. Grp., PQG Team)
- 2PA-016 マウス *Orc1*, *2*, *3* サブユニットの splicing variant の同定
三宅 康之^{1,3}, 水野 武^{1,2}, 柳 憲一郎^{1,2}, 花岡 文雄^{1,2,3} (¹理研・細胞生理,²科技振・CREST,³阪大・院・生命機能)
- 2PA-017 出芽酵母 *Cdt1*/*Tah11* の分子遺伝学的解析
小嶋 章裕, 川崎 泰生, 杉野 明雄 (大阪大・生命機能)

- 2PA-018 Cdt1 結合蛋白の網羅的探索
杉本のぞみ^{1,2}, 巽康年¹, 松影昭夫², 中山敬一³, 清野透¹, 藤田雅俊¹ (1 国立がんセンター・ウイルス, 2 日大・院・物質機能, 3 九大・生医研・分子発現)
- 2PA-019 アフリカツメガエル *geminin* による DNA 複製のライセンス化制御
吉田和真, 久保田弓子, 滝澤温彦 (阪大・院理・生物)
- 2PA-020 DNA 複製開始制御機構における Cdt1 と *geminin* の構造と機能の関係
渡辺沙里¹, 多田周右¹, Changwook Lee², Bumsoo Hong², Jung Min Choi², Yugene Kim², Youngchang Kim³, Yunje Cho², 津山崇¹, 関政幸¹, 榎本武美¹ (1 東北大・院薬・遺伝子, 2 Pohang Univ. Sci. Tech. Korea, 3 Argonne Nat Lab, USA)
- 2PA-021 マウス Cdt1-*geminin* システムの分子機構
水野武^{1,2}, 柳憲一郎^{1,2}, 花岡文雄^{1,2,3} (1 理研・細胞生理, 2 科研団・CREST, 3 阪大・院・生命機能)
- 2PA-022 ヒト Cdt1 の過剰発現は染色体 DNA 傷害を引き起こし ATM 系チェックポイントを活性化する
巽康年, 杉本のぞみ, 清野透, 藤田雅俊 (国立がんセンター・ウイルス)
- 2PA-023 線虫 *geminin* の cDNA クローニングと機能解析
柳憲一郎^{1,2}, 水野武^{1,2}, 飯田裕美³, 杉本亜砂子³, 津山崇⁴, 多田周右⁴, 榎本武美⁴, 浴俊彦⁵, 花岡文雄^{1,2,6} (1 理研・細胞生理, 2 科技振・CREST, 3 理研・CDB, 4 東北大・院・薬, 5 豊橋技科大・エコロジー, 6 阪大・院・生命機能)
- 2PA-024 出芽酵母新規 DNA 複製制御因子 Nog1 による MCM 量の維持
本間良美¹, 上野勝¹, 瓜谷真裕¹, 荒木弘之², 丑丸敬史¹ (1 静岡大・理, 2 遺伝研)
- 2PA-025 イトマキヒトデ卵の減数分裂・初期発生過程における MCM の挙動
効野友健, 原昌稔, 松平崇, 熊木勇一, 西山敦哉, 立花和則, 岸本健雄 (東工大・生命理工・生命情報)
- 2PA-026 哺乳類細胞における MCM4 リン酸化の多様性
石見幸男¹, 河野有紀¹, 清水久実子¹, 田中省二¹, 斎藤多佳子¹, 佐藤道夫¹, 加藤千恵子¹, 宋時栄¹, 岡安勲², 山田晃一³ (1 三菱化学生命科学研究所, 2 北里大・医学部, 3 国立健康・栄養研究所)
- 2PA-027 出芽酵母 *Cdc7/Dbf4* による *Mcm2-7* 複合体のリン酸化とその機能解析
中井渉¹, 川崎泰生¹, 関丘², 杉野明雄^{1,2} (1 阪大・院・生命機能, 2 名大・院理・生命理学)
- 2PA-028 出芽酵母新規 *mcm5* 変異株の解析
大木啓央, 川崎泰生, 杉野明雄 (阪大院・生命機能)
- 2PA-029 Sld2 is an essential, but not a sufficient target of CDK in the initiation of DNA replication.
Seiji Tanaka, Hiroyuki Araki (National Inst. Genetics, Div. Microbial Genetics)
- 2PA-030 A novel mechanism in the interaction between the two yeast replication proteins, the BRCT -protein Dpb11 and the Sld2 protein phosphorylated by Cdk
Yon-Soo Tak, Yoichiro Kamimura, Hiroyuki Araki (National Institute of Genetics, CREST/JST)
- 2PA-031 出芽酵母複製タンパク質 Sld2 を用いたサイクリン依存性キナーゼの基質特異性の解析
田中尚美, 遠藤静子, 荒木弘之 (国立遺伝研・微生物遺伝, CREST/JST)
- 2PA-032 DNA 複製開始における *Xenopus RecQ4/Sld2* の動き
真津野久美子, 久保田弓子, 滝澤温彦 (阪大・院理・生物)
- 2PA-033 出芽酵母複製タンパク質 Sld3 の機能解析
梅森稔子, 平井和之, 坂本佐知子, 上村陽一郎, 荒木弘之 (国立遺伝学研究所, 総研大, CREST/JST)
- 2PA-034 染色体 DNA 複製開始領域への複製タンパク質の集合機構
坂本佐知子, 上村陽一郎, 荒木弘之 (国立遺伝研・微生物遺伝, 総研大, CREST)
- 2PA-035 出芽酵母の GINS と DNA ポリメラーゼ 間の相互作用の解析
関丘¹, 橋本恵至², 王成忠², 坪田智明³, 真木智子³, 上村陽一郎⁴, 荒木弘之⁴, 杉野明雄^{1,4} (1 名大院・生命理学, 2 阪大院・生命機能, 3 奈良先端大・バイオサイエンス, 4 遺伝研・微生物遺伝)
- 2PA-036 分裂酵母変異株を用いた複製開始制御機構の解析
藪内隼人, 山田芳樹, 小玉侑加子, Tul Sunathvanichkul, 中川拓郎, 升方久夫 (阪大 院理 生物科学)

- 2PA-037 The Checkpoint Guard Rad53p Associates with the Chromatin in a dependent Manner on Active Dbf4 and Cdc7
Waleed Hasan, Osamu Tokuno, Yasuo Kawasaki, Hiroo Oogi, Akio Sugino (Osaka Univ. Fac.Sci. BioChm.&Molc.Dept. Research Inst. for Micr.Desaease)
- 2PA-038 DNA 複製フォーク安定化因子による複製伸長因子に対する作用機構
坂東 優篤¹, 加藤 由起², 古俣 麻希子³, 加納 豊², 白髭 克彦¹ (¹東工大・バイオセンター, ²理研・GSC, ³横浜市立大)
- 2PA-039 Identification of proteins involved in arrest and recover of replication fork under replicative stress
加藤 由起¹, 荒木 弘之², 白髭 克彦^{1,3} (¹理化学研究所・GSC, ²国立遺伝研・微生物遺伝, ³東工大・バイオ基盤センター)
- 2PA-040 DNA 複製停止タンパク質 Mrc1 と Tof1 の機能解析
古俣 麻希子^{1,2}, 坂東 優篤², 白髭 克彦² (¹横市大院, 総合理学, ²東工大)
- 2PA-041 DNA 複製チェックポイントにおける時計遺伝子 Tim1 / Tipin の機能解析
辻村 剛志, 滝澤 温彦 (阪大 院理 生物)
- 2PA-042 DNA 複製依存的 2 本鎖切断生成時における複製開始点と複製フォークの制御
杉村 和人, 竹林 慎一郎, 福島 義之, 石田 素子, 緒方 進, 田口 寛, 奥村 克純 (三重大・生資)
- 2PA-043 マウス DNA ポリメラーゼ の DNA 複製チェックポイント機構における役割
泉 雅子¹, 須沼 京子¹, 水野 武², 花岡 文雄^{2,3} (¹理研・加速器, ²同・細胞生理, ³阪大・院・生命機能)
- 2PA-044 A second human Dbf4/ASK-related protein, Drf1/ASKL1 is required for efficient completion of S phase
N Yoshizawa, A Ishii, C Taniyama, E Matsui, H Masai (Dep. Cell biology, Tokyo Metropolitan Institute of Medical Science)
- 2PA-045 マウス ASK 遺伝子の機能の遺伝学的解析
山下 信行^{1,2}, Jung Min Kim¹, 小祝 修², 正井 久雄¹ (¹東京都臨床研・細胞生物, ²東理大・理工・応用生物)
- 2PA-046 Cell cycle and developmental regulations of replication factors in mouse embryonic stem cells
Hiroko Fujii-Yamamoto¹, Jung-Min Kim¹, Ken-ichi Arai², Hisao Masai¹ (¹Tokyo Met. Inst. Med. Sci., Dept. Cell Biol., ²Tokyo Met. Inst. Med. Sci., Dept. Integ. Life Sci.)
- 2PA-047 Hsk1 キナーゼと複製フォークモニタリングに働く Swi1 および Mrc1 の遺伝的相互作用
松本 清治, 荻野 桂子, 正井 久雄 (都臨床研・細胞生物)
- 2PA-048 ヒト培養細胞から環状ミニ染色体を単離する簡便法の開発
森山 賢治, 正井 久雄 (都臨床研・細胞生物学)
- 2PA-049 Replication protein A の 5-formyluracil に対する親和性と ATR リクルート
入江 大輔¹, 伊豆田 俊二² (¹熊本大・大学院・自然科学, ²熊本大・理・生物)
- 2PA-050 高等植物の 3 種類存在する RPA (Replication Protein A) の相互作用解析
石橋 豊隆, 古賀 麻美, 山本 大地, 内山 幸信, 森 陽子, 木村 成介, 坂口 謙吾 (東理大・理工・応用生物)
- 2PA-051 PCNA の機能スイッチの研究: 2 つの PCNA ローダー, RFC と Chl12-RFC の特異性因子の検索
塩見 泰史¹, 杉本 勝則², 釣本 敏樹¹ (¹九大・院理, ²New Jersey Medical School)
- 2PA-052 ユビキチン化 PCNA の作成とその機能解析
村永 洋一¹, 立石 智², 釣本 敏樹¹ (¹九州大・院理・生物, ²熊本大・発生医学研究センター)
- 2PA-053 Aeropyrum pernix の 3 種の PCNA の機能的役割分担に関する解析
今村 馨¹, 福永 健三¹, 河原林 裕², 左子 芳彦³, 石野 良純¹ (¹九大院・農・遺資工, ²産総研・生物機能, ³京大院・農・応用生物)
- 2PA-054 超好熱性古細菌 *Pyrococcus furiosus* からの新規 DNA ポリメラーゼの検索
當利 和夫¹, 藤兼 亮輔¹, 岩井 成憲², 石野 良純¹ (¹九大院・遺資工, ²阪大・基礎工)
- 2PA-055 超好熱菌 *Pyrococcus horikoshii* 由来 DNA polymerase D 複合体のドメインポロジー
唐 暁峰, 申 玉龍, 松井 えり子, 松井 郁夫 (産総研 生物情報解析研究センター)
- 2PA-056 超好熱菌 *Pyrococcus horikoshii* 由来 FEN-1 の活性中心近傍に存在する芳香族性アミノ酸の stacking interaction は触媒反応に必須である
松井 えり子, 阿部 純子, 横山 英志, 松井 郁夫 (産総研)

- 2PA-057 *Thermus* sp. Strain KW11 由来の DNA ポリメラーゼ I の解析
松川 博昭, 黒沢 則夫（創価大・工・環境共生工）
- 2PA-058 DNA polymerase alpha and genomic stability
Atsuko Niimi¹, Siripan Limsirichaikul¹, Shigenori Iwai², Chikahide Masutani³, Fumio Hanaoka^{3,4}, Motoshi Suzuki¹（¹Nagoya Univ Grad Sch Med, CNDC, ²Osaka Univ, Grad Sch Eng Sci, ³Osaka Univ, Grad Sch Fro Biosci, ⁴RIKEN, Cell Phys）
- 2PA-059 Genetical analyses of the function of Pol31 by systematic introduction of mutations in conserved amino acids
Niloofer Davoodi Vijeh Motlagh, Masayuki Seki, Dana Branzei, Takemi Enomoto（Tohoku Univ., Grad. Sch. Pharm. Sci., Dept. Mol. Cell Biol.）
- 2PA-060 出芽酵母 DNA ポリメラーゼ の二本鎖 DNA 結合活性は転写サイレンシング制御に関与する
坪田 智明, 田島 理絵, 福西 菜穂子, 真木 寿治, 真木 智子（奈良先端大・バイオ）
- 2PA-061 ショウジョウバエ DNA ポリメラーゼ の機能解析
奥村 美江子¹, 井田 寛之¹, 吉田 英樹², 上田 龍³, 坂口 謙吾⁴, 山口 政光¹（¹京都工芸繊維大・繊維・応用生物, ²創価大・工学・生命情報工学, ³遺伝研, ⁴東京理科大・理工・応用生物）
- 2PA-062 キイロショウジョウバエにおける DNA ポリメラーゼ の解析
中邑 亮一, 高田 慶一, 島内 香, 村上 静, 武内 亮, 金井 良博, 類家 竜司, 安部 陽子, 坂口 謙吾（東京理科大・理工・応用生物）
- 2PA-063 DNA ポリメラーゼ における dGTP ミスインコーポレーションの pH 依存性
西本 奈央美¹, 伊豆田 俊二²（¹熊本大・自然科学, ²熊本大・理学部）
- 2PA-064 複製開始点と相互作用するクロマチン構造変換因子の検索
田中 宏和¹, 加藤 由起², 白髭 克彦^{1,2}（¹東工大・生体システム, ²理研・GSC）
- 2PA-065 分裂酵母 クロマチンアセンブリー因子の機能解析
道家 康平¹, Grewal Shiv², 田中 克典³, 片山 諭⁴, 村上 洋太¹（¹京都大学・院・生命科学, ²Center for Cancer Research, NCI, National Institutes of Health, Bethesda, MD 20892-4255, ³島根大学・生物資源, ⁴佐賀大・総合分析センター）
- 2PA-066 ゲノム DNA 複製に依存したクロマチン形成における CAF-1 および Asf1 の役割
新富 圭史, 岸本 健雄, 大隅 圭太（東工大・生命理工）
- 2PA-067 マウスセントロメアヘテロクロマチン領域の複製フォークの進行制御
福島 義之, 杉村 和人, 竹林 慎一郎, 緒方 進, 田口 寛, 奥村 克純（三重大・生物資源）
- 2PA-068 DNA 複製阻害に起因する G-rich リピート配列のゲノム不安定化と hnRNP A1 タンパク質の生物学的役割
樋口 久美子, 福田 博政, 土屋 直人, 杉村 隆, 中釜 斉（国立がんセ・研・生化）
- 2PA-069 XRCC3 遺伝子多型が関与する染色体不安定性と発癌
芳原 敬士, 宮川 清（広島大学原爆放射線医科学研究所ゲノム障害病理）
- 2PA-070 ヘテロクロマチンの維持に関与する分裂酵母 *mcl1/slr3* 遺伝子の解析
夏目 豊彰^{1,2}, 筒井 康博^{1,2}, 森下 卓³, 岩崎 博史⁴, 品川 日出夫³, 山尾 文明^{1,2}（¹国立遺伝研, ²総研大・遺伝学, ³阪大・微研, ⁴横浜市大・院・総合理学）
- 2PA-071 テロメア複製関連タンパク質の時期特異的局在化機構の解析
高田 英基, 松浦 彰（国立長寿医療セ・老年病）
- 2PA-072 hnRNP A1 タンパク質のテロメラーゼリクルート効果の研究
抽那 武¹, 永田 佳代子¹, 宮ノ入 洋平¹, 上杉 晴一¹, 福田 博政², 土屋 直人², 中釜 斉², 片平 正人¹（¹横国大・院環境情報, ²国立がんセンター）
- 2PA-073 hnRNP A3 の DNA 結合配列の特異性とテロメア維持への関与の可能性
田中 悦子, 福田 博政, 土屋 直人, 杉村 隆, 中釜 斉（国立がんセ・研・生化）
- 2PA-074 hnRNP D タンパク質とテロメア DNA の相互作用解析及び hnRNP D/hnRNP A1 がテロメア長等に及ぼす効果の検証
小西 由紀¹, 榎園 能章¹, 永田 佳代子¹, 高部 祥子¹, 大橋 肅¹, 上杉 晴一¹, 石川 冬木², 二見 和伸³, 嶋本 顕³, 片平 正人¹（¹横浜国大院・環境情報, ²京都大・生命科学, ³ジーンケア研）

- 2PA-075 **新規テロメラーゼ関連タンパク質 TAH (Telomerase Associated Helicase) の同定と機能解析**
 大山 美香¹, 金子 史央¹, 佐々木 成江¹, 垣内 康孝¹, 室伏 擴², 室伏 きみ子¹ (¹お茶女大・人間文化・ライフサイエンス, ²山口大・理工・自然情報)
- 2PA-076 **DNA ポリメラーゼ の複製スリップによるテロメア維持機構について**
 武村 政春¹, 杉村 和人², 奥村 克純², 山田 芳司¹ (¹三重大・生命セ・ヒト機能, ²三重大・生物資源・生命圏生命)
- 2PA-077 **Involvement of DRE/DREF system on transcriptional regulation of the Drosophila ORC2 gene**
 koji okudaira¹, katuhito ohno¹, hideki yoshida¹, humiko hirose², maki asano³, yuko nakashima¹, masamitsu yamaguchi¹ (¹Dept. of Appl. Bio., Kyoto Inst. Of Technol., Kyoto, ²Div. Chemother., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ³Dept. of Genetics. Duke Univ. Medical Center.)
- 2PA-078 **ショウジョウバエ複製関連遺伝子 dRFC140 の発現制御**
 土屋 彰広¹, 川瀬 由加里², 奥平 晃司¹, 大野 勝人³, 井上 喜博⁴, 山口 政光¹ (¹京都工織・繊維・応用生物, ²名大・医・病理病態, ³ジュネーブ大・動物, ⁴京都工織・ショウジョウバエセンター)
- 2PA-079 **ユビキチン様モチーフをもつ出芽酵母 Esc2 タンパク質の機能解析**
 新井 宏和, 菱田 卓, 大屋 知子, 品川 日出夫 (阪大・微研・遺伝子生物学分野)
- 2PA-080 **細胞増殖関連タンパク質 PA2G4 による DNA 複製制御**
 濱口 朋子¹, 伊豆田 俊二² (¹熊本大・自然科学, ²熊本大・理・生物)
- 2PA-081 **高等植物 RecQ 型 helicase 群の機能解析**
 早乙女 愛, 木村 成介, 諸橋 謙吾, 森 洋子, 坂口 謙吾 (東京理科・理工・応用生物)
- 2PA-082 **Xist RNA の反復配列に結合する蛋白の screening**
 高橋 一朗, 橋本 雄之 (国立感染症研究所遺伝子資源室)
- 2PA-083 **ピフィズス菌を高効率に形質転換できるシャトルベクターの開発**
 田中 邦人, 小河 美貴, 加納 康正 (京都薬大・生命研)
- 2PA-084 ***Bifidobacterium longum* における pUC18 由来 amp 遺伝子領域の制限と修飾**
 藤原 直人, 田中 邦人, 加納 康正 (京都薬大・生命研)
- 2PA-085 ***Bifidobacterium longum* 由来のプラスミド pTB4 の構造解析と応用**
 村山 寛樹, 藤原 直人, 古池 史, 加納 康正 (京都薬大・生命研)
- 2PA-086 **ピフィズス菌プラスミドベクターの構築とその性質の解析**
 小河 美貴, 田中 邦人, 藤原 直人, 加納 康正 (京都薬大・生命研)
- 2PA-087 ***Bifidobacteria* における GFP 発現**
 河野 享子, 田中 邦人, 藤原 直人, 廣岡 照大, 加納 康正 (京都薬大・生命研)
- 2PA-088 ***in vitro* SV40 DNA 複製反応系における開始複合体の 1 分子蛍光観察**
 清田 理映子¹, 松浦 俊一¹, 栗田 弘史², 桂 進司², 水野 彰², 村上 康文¹ (¹東京理大・基礎工・生物工, ²豊橋技科大・エコロジー)
- 2PA-089 **シロイヌナズナ細胞特異的にみられる *Brome mosaic virus* RNA2 非翻訳領域のウイルス RNA 蓄積に及ぼす影響**
 後藤 覚, 岩橋 福松, 藤崎 恒喜, 海道 真典, 奥野 哲郎, 三瀬 和之 (京大・院・農)
- 2PA-090 **麻疹ウイルス N 蛋白の機能領域の解析**
 飯嶋 益巳, 駒瀬 勝啓 ((社) 北里研究所・生物製剤研究所・開発研究部門)
-(2b 組換え・修復・変異)
- 2PA-091 **DNA ミスマッチ認識タンパク質を介したアポトーシス誘導機構の解析**
 日高 真純¹, 高野 朋子¹, 高木 康光², 関口 睦夫^{1,2} (¹生物分子工学研究所, ²福岡歯科大学)
- 2PA-092 **Apaf-1 ノックダウン条件下で見られるアルキル化剤によるアポトーシス誘導**
 高野 朋子¹, 日高 真純¹, 関口 睦夫^{1,2} (¹生物分子工学研究所, ²福岡歯科大)

- 2PA-093 体細胞突然変異, 主として染色体組換え突然変異におけるミスマッチ修復の関与
平健太郎, 藤井 亜世, 岡本 敬の介, 根岸 友恵 (岡山大・薬)
- 2PA-094 大腸菌二成分制御系 CpxR/CpxA によるウラシル DNA グリコシラーゼ (ung) 遺伝子の発現制御と突然変異
小笠原 寛¹, 寺本 潤¹, 平尾 貴世¹, 山本 兼由¹, 石浜 明², 内海 龍太郎¹ (¹ 近畿大農・院・応生化, ² 日生研)
- 2PA-095 グアニン酸化生成物, オキサゾロンの哺乳類における変異誘発能と修復機構
喜納 克仁^{1,2}, 伊藤 晋敏¹, 水野 武^{1,3}, 菅澤 薫^{1,3}, 杉山 弘^{4,5}, 高尾 雅⁶, 安井 明⁶, 宮澤 宏², 花岡 文雄^{1,3,7}
(¹ 理研 花岡細胞生理, ² 徳島文理大 香川薬 創薬, ³ 科学技術振興機構 CREST, ⁴ 京大院 理 化学, ⁵ 科学技術振興機構 SORST, ⁶ 東北大 加齢医学研, ⁷ 阪大院 生命機能)
- 2PA-096 植物 MutT 様タンパク質が酸化的ストレス耐性能に及ぼす影響
小川 貴央¹, 上田 弥生¹, 藤原 範己¹, 吉村 和也^{2,3}, 重岡 成^{1,2} (¹ 近畿大・院・応生命化, ² 近畿大・農・食栄, ³ 奈良先端大・バイオ)
- 2PA-097 植物における MutT/nudix タンパク質ファミリーの機能解析
上田 弥生¹, 小川 貴央¹, 吉村 和也^{2,3}, 愿山 郁³, 真木 寿治³, 重岡 成^{1,2} (¹ 近畿大・院・応生命化, ² 近畿大・農・食栄, ³ 奈良先端大・バイオ)
- 2PA-098 がん抑制遺伝子不活性化をもたらす DNA 損傷とその修復機構
河野 隆志, 佐々木 滋, 佐藤 正範, 横田 淳 (国立がんセ研・生物)
- 2PA-099 MYH 遺伝子のスプライシングアクセプター領域における SNP の同定とその機能解析
木村 純子, 前野 剛, 三牧 幸代, 粥川 (北嶋) 容子, 崎山 徳起, 太田 力, 大木 操, 吉田 輝彦 (国立がんセンター研究所 疾病ゲノムセンター)
- 2PA-100 硫酸還元菌由来の酸化的 DNA 損傷修復酵素 MutM 及び MutY 遺伝子の大腸菌での発現
真田 英明, 井上 英夫, 北村 昌也 (阪市大 院工 化生)
- 2PA-101 大腸菌 Orf135 の変異抑制能と 2-ヒドロキシ-dATP 分解活性との相関
紙谷 浩之¹, 飯田 恵美子¹, 三島 正規², 児嶋 長次郎², 原島 秀吉¹ (¹ 北大院・薬, ² 奈良先端大・バイオ)
- 2PA-102 MutT 機能領域の解析
遠藤 絢子, 佐々木 真弓, 小林 達矢, 久留主 泰朗 (茨城大・農・分子微生物工学)
- 2PA-103 線照射, 活性窒素により生じる損傷ヌクレオチドの in vivo における変異誘発能の解析
堀 美香, 石黒 智恵子, 原島 秀吉, 紙谷 浩之 (北大院・薬)
- 2PA-104 MutT タンパク質がヌクレオチドプールを浄化する機構
伊東 理世子¹, 関口 睦夫², 石橋 徹³ (¹ 福岡歯大・細胞分子生物学, ² 福岡歯大・フロンティア研究センター, ³ 生物分子工学研究所)
- 2PA-105 ホヤの 8-オキソグアニン DNA グリコシラーゼに関する研究
金 貴花, 張 秋梅, 佐藤 ゆたか, 佐藤 矩行, 米井 脩治 (京大院・理・生物科学)
- 2PA-106 MUTYH 蛋白質の 2-ヒドロキシアデニン DNA グリコシラーゼ活性についての機能解析
牛島 泰宏, 富永 洋平, 土本 大介, 作見 邦彦, 中別府 雄作 (九大・生医研・脳機能)
- 2PA-107 ヒト 8-oxoG DNA グリコシラーゼ, hOGG1 による酸化ストレス誘発細胞死の抑制
岡 素雅子, 大野 みずき, 土本 大介, 作見 邦彦, 古市 正人, 中別府 雄作 (九大・生医研・脳機能)
- 2PA-108 Biological significance of mouse Itpa gene encoding inosine triphosphate pyrophosphatase
Mehrddad Behmanesh, Kunihiro Sakumi, Kumiko Torisu, Yoshinori Ohnishi, Daisuke Tsuchimoto, Yusaku Nakabeppu (Div. Neurofunc. Genomics, Dept. Immunobiol. & Neurosci., Med. Inst. Bioreg. Kyushu Univ.)
- 2PA-109 *Mutyh* 遺伝子欠損マウスにおける酸化ストレス誘発突然変異の解析
山内 一己¹, 中津 可道¹, 中別府 雄作², 續 輝久¹ (¹ 九大・院医・基礎放射線医学, ² 九大・生医研・脳機能)
- 2PA-110 DNA glycosylase NEIL3 欠損マウスの樹立と NEIL3 の発現解析
鳥巢 久美子, 土本 大介, 中別府 雄作 (九大 生医研 脳機能制御)

- 2PA-111 MutS2 Nuclease Activity is Modulated by Association with MutS, a Mismatch-Recognition Protein
Kenji Fukui¹, Ryoji Masui^{1,2}, Seiki Kuramitsu^{1,2} (¹Dept. Biol., Grad. Sch. Sci., Osaka Univ., ²RIKEN Harima Inst./SPRING-8)
- 2PA-112 酸化傷害 DNA 修復酵素の基質認識及び AP リアーゼ活性に働く残基の解析
藤田 咲子¹, 中川 紀子^{1,2}, 増井 良治^{1,2}, 倉光 成紀^{1,2} (¹ 阪大・院理・生物科学, ² 理研・播磨研/SPRING-8)
- 2PA-113 酸化傷害 DNA 修復酵素における反応触媒残基の解析
秋山 直子¹, 中川 紀子^{1,2}, 増井 良治^{1,2}, 倉光 成紀^{1,2} (¹ 阪大・院理・生物科学, ² 理研・播磨研)
- 2PA-114 Fen1 deficient cells are initially proficient in SSB repair but exhibit latent hypersensitive to H₂O₂.
Keizo Tano¹, Noritaka Adachi², Eiichiro Sonoda³, Hiroshi Arakawa⁴, J.M. Buerstedde⁴, Hideki Koyama², Shunichi Takeda³, Jun Nakamura⁵ (¹Res. React.Inst.Kyoto Univ., ²Yokohama City Univ., ³Kyoto Univ., ⁴GSF-Natl. Res. Centr., ⁵Univ. of North Carolina)
- 2PA-115 Involvement of structure specific endonuclease Xpf in homologous DNA recombination
koji Kikuchi, Shunichi Takeda (Kyoto Univ., Grad. Sch. Med., Dept. Radiation Genetics)
- 2PA-116 神経発生期における BER と NHEJ の相互作用
新見 直子¹, 菅生 紀之², 荒谷 康昭¹, 小山 秀機¹ (¹ 横浜市大・木原生研, 同・院・総合理学, ² 阪大・生命機能)
- 2PA-117 AP エンドヌクレアーゼの AP 部位認識メカニズムの解析
金田 晃一, 関口 順一, 志田 敏夫 (信州大院・工・生物機能工学)
- 2PA-118 シロイヌナズナ DDB2 欠損株を用いた DDB2 の機能解析
古賀 麻美, 石橋 豊隆, 木村 成介, 坂口 謙吾 (東京理科大)
- 2PA-119 DDB1 の細胞内局在と新機能
若杉 光生, 長沢 敦, 平井 佑佳, 山田 佐紀, 今井 里佳, 沢田 俊朗, 松永 司 (金沢大院・薬)
- 2PA-120 分裂酵母 Ddb1 複合体の単離と解析
福本 泰典^{1,2,3}, 天野 英美¹, 堂前 直⁴, 横井 雅幸^{1,5}, 花岡 文雄^{1,2,3,5} (¹ 阪大・院生命, ² 阪大・院薬, ³ 理研・細胞生理, ⁴ 理研・バイオ解析チーム, ⁵CREST・科技団)
- 2PA-121 XPC 複合体および UV-DDB の損傷 DNA 結合活性に対するヌクレオソーム構造の影響
安田 武嗣^{1,2}, 菅澤 薫^{1,3}, 清水 祐一郎^{1,4}, 西 良太郎^{1,3,4,5}, 岩井 成憲⁶, 塩見 忠博², 花岡 文雄^{1,3,4,5} (¹ 理研・花岡細胞生理, ² 放医研・安全セ・低線量, ³ 科学技術振興機構・CREST, ⁴ 阪大院・生命機能, ⁵ 阪大院・薬, ⁶ 阪大院・基礎工)
- 2PA-122 ユビキチンリガーゼ活性をもつ DDB2 蛋白質複合体の機能解析
竹立 新人¹, 西條 将文^{1,2}, 加来 麻衣子¹, 田中 亀代次^{1,2} (¹ 阪大院・生命機能, ² 科技団・CREST)
- 2PA-123 転写と共役した DNA 修復機構に異常を持つ UV^s 症候群の分子病態の解析
堀端 克良^{1,2}, 岩本 有加^{1,3}, 倉岡 功^{1,3}, Jaspers Nicolaas G. J.⁴, 栗政 明弘⁵, 押村 光雄⁵, 市橋 正光⁶, 田中 亀代次^{1,3} (¹ 大阪大・生命機能, ² 大阪大・医, ³CREST, ⁴Erasmus Univ., Med. Gen. Clus., ⁵鳥取大・医, ⁶神戸大・医)
- 2PA-124 *ddb1* コンディショナルノックアウトマウスの作製
近藤 昌代^{1,2}, 竹内 聖二^{1,2}, 吉野 雅文², 東 雄二郎³, 近藤 寿人³, 田中 亀代次^{1,2} (¹CREST, ² 阪大院・生命機能・個体機能, ³ 阪大院・生命機能・細胞ネットワーク)
- 2PA-125 XAB2 複合体の機能解析
伊藤 伸介, 倉岡 功, 林田 美郁, 田中 亀代次 (大阪大 生命機能)
- 2PA-126 RNA polymerase II が DNA 損傷に遭遇したときの停止機構の解析
倉岡 功¹, 謝 美貴¹, 堀端 克良¹, 生方 学², 小島 英理², 岩井 成憲³, 半田 宏^{2,3}, 田中 亀代次¹ (¹ 大阪大, 生命機能, ² 大阪大, 基礎工, ³ 東工大, 生命)
- 2PA-127 分裂酵母のヌクレオチド除去修復因子 Rhp41, Rhp42, Rhp23 の機能解析
横井 雅幸^{1,2}, 田村 悦子³, 越智 雪乃³, 花岡 文雄^{1,2,3,4} (¹ 阪大・大学院生命機能研究科, ²CREST・科技団, ³ 阪大・大学院薬学研究科, ⁴ 理研・細胞生理)

- 2PA-128 Centrin 2 は XPC 蛋白質との複合体形成を介してヌクレオチド除去修復を促進する
西良太郎^{1,2,3,4}, 奥田友紀¹, 渡邊江理子¹, 森俊雄⁵, 岩井成憲⁶, 菅澤薫^{1,4}, 花岡文雄^{1,3,4} (1 理研・細胞生理, 2 阪大院・薬, 3 阪大院・生命機能, 4 科学技術振興機構・CREST, 5 奈良医大・RI, 6 阪大院・基礎工)
- 2PA-129 FEN1 および DNA ポリメラーゼ 欠損ニワトリ DT40 細胞を用いた塩基除去修復機構の解析
吉田和生, 松崎靖生, 鶴飼明子, 足立典隆, 小山秀機 (横浜市大 木原生研, 同・院・総合理学)
- 2PA-130 アラビドプシス RAD1, RAD2 変異体における相同組換え頻度の解析
大石竜也¹, 石川優一², 遠藤真咲³, 刑部敬史⁴, 阿部清美⁴, 市川裕章⁴, 安西弘行¹, 土岐精一⁴ (1 茨城大・遺伝子, 2 東北大院・生命科学, 3 筑波大院・生命環境科学, 4 農業生物資源研究所)
- 2PA-131 ヒト NTH1 と XPG および p53 との相互作用と活性調節
濱隆志¹, 尾山将樹¹, 若杉光生¹, 森岡弘志², 松永司¹ (1 金沢大院・薬, 2 北大院・薬)
- 2PA-132 塩基除去修復タンパク質 XRCC1 の修復以外における機能
高浪タカ子, 久保田美子, 清水新司, 堀内三郎 (岩手医大・医学部・生化学)
- 2PA-133 ヒト細胞における塩基除去修復経路の fidelity の解析
張秋梅¹, Dianov Grigory L.² (1 京都大院・理・生物科学, 2 Radiat. Genome Stability Unit MRC Harwell)
- 2PA-134 分裂酵母 AP エンドヌクレアーゼ Apn2 の DNA 塩基除去修復における役割
井川絵美, 谷東春奈, 山田絢子, 池田正五 (岡山理大・理・生物化学)
- 2PA-135 分裂酵母のエンドヌクレアーゼ III ホモログのアルキル化および酸化損傷 DNA の塩基除去修復における役割
杉本崇至¹, 松原真由美², 井出博², 池田正五¹ (1 岡山理大・理・生物化学, 2 広島大・院・理・数理分子生命理学)
- 2PA-136 出芽酵母 Rad51-Rad52 複合体による Heteroduplex joint 形成
新井直人¹, 伊藤大輔¹, 井上正¹, 柴田武彦², 高橋秀夫¹ (1 日大・生物資源・応用生物, 2 理研・遺伝生化)
- 2PA-137 出芽酵母 Xrs2 蛋白による Mre11 蛋白の核移行と Mre11 蛋白複合体の機能制御
塚本恭正, 三岡周子, 寺澤匡博, 小川英行, 小川智子 (岩手看護短期大学)
- 2PA-138 2 つの DNA 二重鎖切断修復経路における MRX 複合体の機能
篠原美紀¹, 押海裕之¹, 篠原彰^{1,2,3} (1 阪大・蛋白研・生合成, 2 阪大・院理・生物科学, 3 JST・さきがけ)
- 2PA-139 減数分裂期のサイクリン依存性リン酸化酵素による交叉型組換えの制御
押海裕之¹, 篠原美紀¹, 篠原彰^{1,2,3} (1 阪大・蛋白研, 2 阪大・院理・生物, 3 科技団・さきがけ)
- 2PA-140 生体内での DSB 修復時における組換え蛋白質, 及びチェックポイント蛋白質の挙動の解析
宮崎敏子¹, Debra Bressan², 篠原美紀¹, James Haber², 篠原彰^{1,3} (1 大阪大学 院 理, 2 Brandeis Univ., 3 PRESTO JST)
- 2PA-141 減数分裂期組換えに関わる新規因子 Mei5 の機能解析
早瀬温子^{1,2}, 篠原美紀², 篠原彰^{1,2,3} (1 阪大・院理・生物科学, 2 阪大・蛋白研, 3 JST・さきがけ)
- 2PA-142 減数分裂期組換えに関わる SAE3 遺伝子の機能解析
高木美聡¹, 篠原美紀^{2,3}, 篠原彰^{2,3} (1 阪大・院理, 2 阪大・蛋白研, 3 JST・さきがけ)
- 2PA-143 酵母ミトコンドリア DNA の相同組換え・複製に働く Mhr1 蛋白質の機能解析
増田ときは^{1,2}, 吉益雅俊^{2,4}, 美川務^{1,2,3,4}, 伊藤隆^{1,2,3,4}, 凌楓², 柴田武彦^{1,2} (1 横浜市大院・総合理学, 2 理研・中央研究所, 3 理研・播磨研究所, 4 CREST/JST)
- 2PA-144 DNA 組換えに依存した複製フォーク進行阻害の回復に関与する出芽酵母 Mgs1 蛋白質の機能解析
大屋知子, 菱田卓, 品川日出夫 (阪大・微研・遺伝子生物)
- 2PA-145 分裂酵母における Swi5 依存的組換え修復経路の解析
赤松由布子¹, 品川日出夫², 岩崎博史¹ (1 横浜市大・総合理学, 2 阪大・微研)
- 2PA-146 組換え修復に関与する F-box DNA ヘリケースの機能モチーフの解析
坂口周子, 森下卓, 品川日出夫 (大阪大・微生物研究所)

- 2PA-147 Rad62 protein functionally and physically associates with the Smc5/Smc6 protein complex and is required for chromosome integrity and recombination repair in fission yeast.
Hirofumi Morikawa¹, Takashi Morishita¹, Shiho Kawane¹, Hiroshi Iwasaki², Hideo Shinagawa¹ (¹Res. Inst. for Microbial Disease, Osaka Univ., ²Grad. School Integr. Sci., Yokohama City Univ.)
- 2PA-148 分裂酵母窒素源枯渇下 G0 細胞の DNA 損傷応答
持田 悟¹, 柳田 充弘^{1,2} (¹ 科学技術振興機構沖縄大学院大学先行的研究事業, ² 京都大・院・生命科学)
- 2PA-149 プラスミド再環状化を用いた分裂酵母二重鎖切断修復スペクトルの解析
安平 進士 (京大・原子炉・放射線生命)
- 2PA-150 転写に依存した相同組み換え活性化機構の解析
芹澤 尚美, 堀内 嵩, 小林 武彦 (基生研)
- 2PA-151 DNA 複製障害に依存した機能をもつ poly (A) 分解酵素複合体 Ccr4/Caf1
高橋 真也, 作野 剛士, 荒木 保弘, 星野 真一, 堅田 利明 (東大・院薬・生理化学)
- 2PA-152 アカパンカビにおける RAD51 パラログ遺伝子の解析
村山 泰斗, 鈴木 啓一郎, 井上 弘一 (埼玉大理 生体)
- 2PA-153 アカパンカビ DNA 修復遺伝子 mus-27 の解析
児島 玲奈, 井上 弘一 (埼玉大・理・生体)
- 2PA-154 DNA 複製時の DNA 二本鎖切断の修復に関与すると考えられる新規遺伝子の解析
横山 美佳^{1,2}, 井上 弘一², 石井 千津², 村上 洋太¹ (¹ 京大・ウイルス研, ² 埼玉大・理・生体制御)
- 2PA-155 線虫のゲノム安定化に関与する新規ヘリカーゼ様遺伝子の機能解析
中村 正晴¹, 大懸 俊康¹, 安藤 瑠美¹, 和田 茜¹, 林 理恵¹, 花岡 文雄^{2,3,4}, 浴 俊彦¹ (¹ 豊橋技科大・エコロジー, ² 理研・細胞生理, ³ 阪大院・生命機能, ⁴ 科技団・CREST)
- 2PA-156 An *sgs1 mus81 rad51* synthetic-lethal screen in yeast identifies RNaseH2
Miki Ii, Tatsuya Ii, Steven J. Brill (Rutgers Univ., Dept. of Mol. Biol. & Biochem.)
- 2PA-157 ゲノムの安定維持における出芽酵母 *SGS1* の役割: 組換え修復および複製後修復との関係
安島 潤, 真木 寿治, 梅津 桂子 (奈良先端大・バイオ)
- 2PA-158 ゲノムの安定維持における出芽酵母 *SRS2* の役割
中磯 和敏, 吉田 純平, 真木 寿治, 梅津 桂子 (奈良先端大・バイオ)
- 2PA-159 DNA 複製阻害時における分裂酵母 MCM と Rqh1 ヘリケースの役割
二谷 直樹¹, 藪内 隼人¹, Johanne M. Murray², 升方 久夫¹, 中川 拓郎¹ (¹ 阪大・理・生物, ² Susses Univ., Sch. Biol. Sci.)
- 2PA-160 分裂酵母を用いた染色体安定性の解析
中村 健一^{1,2}, 村上 成文^{1,2}, 升方 久夫¹, 中川 拓郎¹ (¹ 阪大・院・理・生物科学, ² 阪大・院・生命機能)
- 2PA-161 Dm.RECQ5/QE 強制発現による複眼形成異常
中山 実^{1,2}, 菅田 浩司³, 川崎 勝己^{1,4}, 松本 幸次², 伊藤 文昭⁴, 柴田 武彦¹ (¹ 理研・遺伝性化学, ² 埼大院・理工, ³ 東大院・薬・遺伝, ⁴ 摂南大・薬・生化)
- 2PA-162 Spn-A と RECQ5/QE の相互作用
大喜田 法子, 伊藤 文昭, 川崎 勝己 (摂南大・薬・生化学)
- 2PA-163 DNA 損傷への RECQ5/QE ヘリカーゼの役割
川崎 勝己¹, 中山 実^{2,3}, 柴田 武彦², 伊藤 文昭¹ (¹ 摂南大・薬・生化学, ² 理研・遺伝生化学, ³ 埼大院・理工)
- 2PA-164 ブルーム症候群とロスモンド-トムソン症候群の分子病態解析: ショウジョウバエと出芽酵母を用いて
迫山 優一¹, 山名 良正¹, Dena Johnson-Schlitz², Christina Preston², William Engels², 草野 好司¹ (¹ 九州工大・院・生命体工学, ² Univ. Wisconsin-Madison, Dept. Genetics)
- 2PA-165 DNA 傷害時におけるロスモンド-トムソン症候群原因遺伝子産物 RecQL4 の挙動の生化学的解析
熊田 裕司, 多田 周右, 二藤 望, 小林 貴之, 薫 宇鵬, 津山 崇, 関 政幸, 榎本 武美 (東北大・院薬・遺伝子)

- 2PA-166 キイロショウジョウバエの新規 RAD2 ファミリーヌクレアーゼ, DmGEN の生物学的機能
金井 良博¹, 石川 玄¹, 高田 慶一¹, 島内 香¹, 村上 静¹, 武内 亮¹, 類家 竜司¹, 中邑 亮一¹, 安部 陽子¹, 井原 あゆみ¹, 木村 成介¹, 古川 智之³, 山口 政光², 坂口 謙吾¹ (¹東理大・理工, ²京都工繊・織維, ³東理大・基礎工)
- 2PA-167 キイロショウジョウバエにおける新規 PCNA (DmPCNA2) の解析
類家 竜司, 武内 亮, 島内 香, 村上 静, 金井 良博, 安部 陽子, 中邑 亮一, 坂口 謙吾 (東京理大・理工・応用生物)
- 2PA-168 昆虫の染色体外 DNA 二重鎖切断修復に関わる遺伝子の機能解析
月岡 春奈¹, 日下部 宜宏¹, 岡野 和広², 三田 和英³, 嶋田 透⁴, 高橋 将晃¹, 門 宏明¹, 河口 豊¹ (¹九州大・院・農, ²理研, ³生物研, ⁴東京大・院・農生科)
- 2PA-169 カイコ染色体における相同組換え修復の解析
門 宏明, 日下部 宜宏, 河口 豊 (九大院・生資環)
- 2PA-170 オリゴ DNA マイクロアレイによる高等植物の紫外線誘導性遺伝子の解析
田平 安枝, 木村 成介, 内山 幸伸, 石橋 豊隆, 森 陽子, 坂口 謙吾 (東京理科大・理工・応用生物)
- 2PA-171 高等植物の DNA 修復遺伝子 Snm1 の機能解析
木村 成介, 森 陽子, 坂口 謙吾 (東京理科大学 応用生物科学科)
- 2PA-172 シロイヌナズナの BRCA2 遺伝子欠損変異体の解析
阿部 清美¹, 石川 優一², 刑部 敬史¹, 遠藤 真咲³, 伊藤 祐司¹, 山ノ内 宏昭¹, 吉岡 照高¹, 武弓 利雄¹, 黒森 崇⁴, 篠崎 一雄^{4,5}, 市川 裕章¹, 亀谷 寿昭², 土岐 精一¹ (¹農業生物資源研究所, ²東北大院・生命科学, ³筑波大院・生命環境科学, ⁴理研・植物分子, ⁵理研 GSC・植物ゲノム)
- 2PA-173 アラビドプシス CAF-1 欠損変異株における相同組み換え, 非相同組み換え関与遺伝子の発現解析
石川 優一¹, 遠藤 真咲², 刑部 敬史³, 阿部 清美³, 伊藤 祐司³, 亀谷 寿昭¹, 柴原 慶一⁴, 賀屋 秀隆⁵, 荒木 崇⁵, 市川 裕章³, 土岐 精一³ (¹東北大・院生命科, ²筑波大・院生命環境, ³生物研, ⁴遺伝研, ⁵京都大・院理)
- 2PA-174 RAD2/XPG ヌクレアーゼファミリーに属するイネ新規遺伝子 OsRAD の解析
森藤 暁¹, 川原 美保子¹, 井澤 毅³, 秋山 昌広², 真木 寿治², 島本 功¹ (¹奈良先端大・バイオ・植物分子遺伝学講座, ²奈良先端大・バイオ・原核生物分子遺伝学講座, ³現 農業生物資源研究所)
- 2PA-175 葉緑体に局在する二種類の DNA ポリメラーゼ AtPoll-like の機能解析
森 陽子, 木村 成介, 山本 大地, 石橋 豊隆, 内山 幸伸, 早乙女 愛, 坂口 法洋, 田平 安枝, 古賀 麻美, 榊原 陽子, 清原 裕之, 坂口 謙吾 (東京理科大・理工・応用生物)
- 2PA-176 Characterization of Rad6 from a higher plant, rice (*Oryza sativa* L.) and its interaction with Sgt1, a subunit of the SCF ubiquitin ligase complex
Taichi Yamamoto¹, Yoko Mori¹, Toyotaka Ishibashi¹, Yukinobu Uchiyama¹, Norihiro Sakaguchi¹, Junji Hashimoto², Seisuke Kimura¹, Kengo Sakaguchi¹ (¹University of Tokyo, Dept. of Appl. Biol. Sci., ²National Institute of Agrobiological Resources)
- 2PA-177 ヒト Dmc1 のダブルリング構造
柁淵 隆¹, 香川 亘¹, 榎本 りま¹, 柴田 武彦², 胡桃坂 仁志³, 横山 茂之^{1,4,5} (¹理研・GSC, ²理研・遺伝生化学, ³早大・理工, ⁴理研・播磨, ⁵東大・院理・生化)
- 2PA-178 マウス TBPIP/Hop2 の機能解析
榎本 りま¹, 柁淵 隆¹, 佐藤 真^{2,3}, 八木 秀司², 柴田 武彦⁴, 胡桃坂 仁志^{1,5}, 横山 茂之^{1,6,7} (¹理研・ゲノム科学総合研究センター, ²福井大・医, ³科技団・SORST, ⁴理研・遺伝生化学, ⁵早稲田大・理工, ⁶理研・播磨研究所, ⁷東大・院理)
- 2PA-179 分裂酵母 Hsk1 キナーゼの減数分裂期 DNA 二重鎖切断およびクロマチンの制御
荻野 桂子¹, 廣田 耕志², 松本 清治¹, 太田 邦史², 正井 久雄¹ (¹都臨床研・細胞生物, ²理研・遺伝ダイナミクス)
- 2PA-180 減数分裂期組換えに関与する DNA 修復合成
寺澤 匡博, 小川 英行, 小川 智子 (岩手看護短期大学)

- 2PA-181 担子菌 *Coprinus cinereus* における Lim15/Dmc1 と SUMO 結合酵素 Ubc9 の相互作用
越山 暁代, 濱田 文香, 行川 賢, 石崎 貴志, 石井 里美, 岩端 一樹, 山口 大樹, 菅原 弘子, 坂本 藍子, 坂口 謙吾 (東京理大・理工・応用生物)
- 2PA-182 担子菌ヒトヨタケ減数分裂期の相同組換えに関するヘリカーゼ (MER3) の解析
菅原 弘子¹, 行川 賢¹, 岩端 一樹¹, 濱田 文香¹, 越山 暁代¹, 山口 大樹¹, 鎌田 堯², 坂口 謙吾¹ (¹ 東京理大・理工・応用生物, ² 岡山大・理・生物)
- 2PA-183 担子菌 *C. cinereus* 減数分裂組織における Lim15 蛋白質と相互作用する因子の探索
岩端 一樹, 石井 里美, 行川 賢, 濱田 文香, 越山 暁代, 山口 大樹, 奈良 貴幸, 坂口 謙吾 (理科大・理工・応用生物)
- 2PA-184 2 種のイネ *DMC1* 相同遺伝子 *OsDMC1A/B* の機能解析
中島 麻里奈¹, 耳田 直純^{1,2}, 島津 樹一^{2,3}, 新聞 稔³, 小野寺 治子¹, 宮尾 安藝雄¹, 廣近 洋彦¹, 浦和 博子^{4,5}, 堀内 嵩⁴, 黒森 崇⁶, 篠崎 一雄⁶, ホーン パーバラ⁷, 土岐 精一¹, 市川 裕章¹ (¹ 生物研, ² 農研機構, ³ 弘前大, ⁴ 基生研, ⁵ 製品評価技術基盤機構, ⁶ 理研 GSC, ⁷ スイス FMI)
- 2PA-185 減数分裂期 DNA 二本鎖切断形成機構の解析
笹沼 博之^{1,2}, 久郷 和人^{1,2}, 柴田 武彦³, 太田 邦史^{1,2,3} (¹ 理研・染色体ダイナミクス, ² 埼大院・理工, ³ 理研・遺伝生化学)
- 2PA-186 抗体遺伝子座での相同組換え制御におけるクロマチン構造の役割
升岡 美恵子^{1,2}, 瀬尾 秀宗^{1,2}, 武田 俊一³, 室伏 擴⁴, 柴田 武彦⁵, 太田 邦史¹ (¹ 理研・遺伝ダイナミクス, ² 埼玉県中小企業振興公社 / REDS, ³ 京大院医, ⁴ 山口大院理, ⁵ 理研・遺伝生化学)
- 2PA-187 耐熱性制限酵素の誘導活性化による体細胞相同組換えの促進
小林 清子^{1,2}, 廣田 耕志^{1,2}, 細野 - 佐久間 美子², 瀬尾 秀宗^{1,2}, 柴田 武彦³, 太田 邦史^{2,3} (¹ 埼玉県中小企業振興公社・埼玉バイオ, ² 理研・遺伝ダイナミクス, ³ 理研・遺伝生化学)
- 2PA-188 脊椎動物細胞 *RAD18* 変異株のカンプトテシン高感受性の解析
吉村 明¹, 関 政幸¹, 西野 克明¹, 多田 周右¹, 園田 英一朗², 武田 俊一², 石井 裕³, 榎本 武美¹ (¹ 東北大・院薬, ² 京大・院医, ³ 阪大・院医)
- 2PA-189 チェックポイントタンパク Rad17 活性化における MMR 及び NERDNA 修復系の役割
平野 龍洋¹, 小林 昌彦¹, 塩谷 文章², 若林 敬二², 山本 健一¹ (¹ 金沢大・がん研・細胞分子病態, ² 国立がんセンター研究所・がん予防基礎研究)
- 2PA-190 NBS1 による DNA 二重鎖切断損傷の認識には 2 種類の機構がある
小林 純也¹, 田内 広², 田代 聡³, 坂本 修一⁴, 森島 賢一⁵, 松浦 伸也⁵, 小松 賢志⁴ (¹ 広島大院・医歯薬総研・歯放, ² 茨城大・理, ³ 広島大院・医歯薬総研・医化学, ⁴ 京大・放生研, ⁵ 広島大・原医研)
- 2PA-191 多型を持つ *nbs1* 遺伝子の解析
立田 大輔^{1,2}, 小田川 麗子^{1,3}, 崎山 徳起¹, 清水 喜美子¹, 松影 昭夫³, 吉田 輝彦¹, 大木 操^{1,2}, 太田 力¹ (¹ 国立がんセンター研究所, ² 医薬品医療機器総合機構, ³ 日本女子大学)
- 2PA-192 相同組換え修復における NBS1 の作用機構の解析
坂本 修一¹, 田内 広², 飯島 健太², 中村 恭介¹, 勅使河原 計介^{3,4}, 小林 純也⁵, 松浦 伸也⁶, 小松 賢志¹ (¹ 京都大 放生研 ゲノム動態, ² 茨城大 理 地球生命環境科学, ³ (株)リンパ球バンク, ⁴ 京都大 放生研 晩発効果, ⁵ 広島大院 医歯薬 歯科放射線, ⁶ 広島大 原医研 放射線ゲノム)
- 2PA-193 ヒト細胞における BLM と非相同末端連結経路の遺伝的相互作用
曾 彩玲¹, 足立 典隆¹, Michael.R Lieber², 小山 秀機¹ (¹ 横浜市大・木原生研, 同・院・総合理学, ² 南カリフォルニア大・医)
- 2PA-194 ブルーム症候群原因遺伝子産物の相同組換え機構における機能
大槻 誠, 関 政幸, 井上 絵里, 加藤 源太, 西野 克明, 多田 周右, 榎本 武美 (東北大院・薬)
- 2PA-195 HRDC ドメインを介した WRN 蛋白質の DNA 二重鎖切断部位への集積
蘭 利¹, 中嶋 敏¹, 嶋本 顕², 大嶋 純子³, 安井 明¹ (¹ 東北大・加齢研, ² 神奈川・ジーンケア研究所, ³ アメリカ・ワシントン大学)

- 2PA-196 ヒト Rad51 N 末端ドメイン結合タンパク質 Sip1 の機能解析
滝沢 由政¹, 柴田 武彦^{1,2}, 胡桃坂 仁志^{1,3} (¹横浜市大・院総理, ²理研・遺伝生化学, ³早大・理工)
- 2PA-197 Rad51 パラログ分子の遺伝的相互作用の解析
米谷 泰一, 山添 光芳, 武田 俊一 (京都大学, 医, 放遺)
- 2PA-198 Rad51C 機能低下によるチェックポイント活性化
桂 真理, 敦賀 孝則, 宮川 清 (広島大・原医研・ゲノム障害病理)
- 2PA-199 Genomic structure of the mouse RAD51L3/D/TRAD gene and the multiple transcripts
Masahiro Kawabata¹, Teruyuki Kawabata² (¹Dept. Pharmacol., Grad. Sch. Med. Dent., Okayama Univ., ²Dept. Med. Engi., Facul. Sci., Okayama Univ. Sci.)
- 2PA-200 DNA 二重鎖切断損傷認識蛋白質 Ku の生細胞内動態とヘテロダイマー形成の役割
小池 学¹, 小池 亜紀¹, 伊吹 裕子² (¹放医研・放射線障害, ²静岡県大・環境科学研究所)
- 2PA-201 ヒト Nalm-6 細胞を用いた Ku70 破壊株の作製
植垣 幸一, 足立 典隆, 小山 秀機 (横浜市大・木原生研)
- 2PA-202 ATM and DNA-PK (catalyticdomain) are cell cycle specially cooperate for the regulation of IR induced cellular responses
guangyu zhao, eiichiro sonoda, shunich takeda (kyoto University., faculty of medicine., Department of radiationgenetics)
- 2PA-203 複製フォークの進行に伴う DNA 二本鎖切断に対する DNA-PK の挙動
逆井 良¹, 市島 洋介¹, 沖田 直之^{1,2}, 朝比奈 欣治¹, 寺岡 弘文¹ (¹東京医歯大・難研・病態生化, ²東京理大・院薬・生化学)
- 2PA-204 ジーンタ - ゲティング法による *Parp-1* 欠損マウス ES 細胞における相対的組み換えの検討
吉田 智子^{1,2}, 鈴木 宏志³, 小林 静子², 中釜 斉¹, 杉村 隆¹, 益谷 美都子¹ (¹国立がんセ・研・生化, ²共立薬大, ³帯畜大・原虫セ)
- 2PA-205 *Parp-1* 欠損マウス胚性線維芽細胞における DNA の end joining 型修復の検討
柴田 淳史^{1,2}, 寺岡 弘文¹, 鈴木 宏志³, 中釜 斉¹, 杉村 隆¹, 益谷 美都子¹ (¹国立がんセ・研・生化, ²東京医歯大・難研, ³帯畜大・原虫セ)
- 2PA-206 トポイソメラーゼを介した DNA 損傷とその修復機構
足立 典隆, 飯泉 晋, 曾 彩玲, 小山 秀機 (横浜市大・木原研)
- 2PA-207 リンカーヒストン H1 バリエーション間での DNA 損傷に対する感受性の差異
橋本 秀春^{1,2}, 高見 恭成³, 園田 英一朗⁴, 武田 俊一⁴, 中山 建男³, 立花 誠¹, 眞貝 洋一^{1,2} (¹京大・ウイルス研・感染症モデル, ²京大・院・生命, ³宮崎医大・医・生化学, ⁴京大・医・放射線遺伝)
- 2PA-208 53BP1 チェックポイント遺伝子欠損 DT40 ニワトリ B リンパ細胞の作製
谷口 善仁, 川本 卓男, 武田 俊一 (京大・医)
- 2PA-209 ファンconi 貧血原因遺伝子 *FancD2* の核内動態制御の解析
松下 暢子, 北尾 洋之, 平野 世紀, 石合 正道, 高田 穰 (川崎医科大学)
- 2PA-210 Fanconi 貧血症原因蛋白 *FANCD2* の会合因子の検索と解析
関 聰介^{1,2}, 石合 正道¹, 高田 穰¹ (¹川崎医大・免疫, ²川崎医大・病態運動生理)
- 2PA-211 DNA 鎖間架橋修復タンパク質 *SNM1A* と *PIAS1* の相互作用は核内フォーカス形成に重要である
石合 正道, 高田 穰 (川崎医大・免疫)
- 2PA-212 損傷乗り越え DNA 合成に関わる DNA ポリメラーゼの多様性について
小久保 清子^{1,2}, 山田 雅巳¹, 菅家 祐輔², 能美 健彦¹ (¹国立衛研・変異, ²大妻女大院・家政)
- 2PA-213 大腸菌 *sodI/fur* 欠損株での酸化損傷ヌクレオチド取り込みに対する Y-ファミリー DNA ポリメラーゼの関与
山田 雅巳¹, 布柴 達男², 松井 恵子¹, 能美 健彦¹ (¹国立衛研・変異遺伝, ²東北大院・生命科学)
- 2PA-214 ポリメラーゼ活性を欠損した大腸菌 *DinB*, *UmuDC* 蛋白質の酸化損傷 DNA 前駆体による変異誘発に対する影響
佐藤 和哉¹, 山田 雅巳², 能美 健彦², 原島 秀吉¹, 紙谷 浩之¹ (¹北大・院・薬, ²国立衛研)

- 2PA-215 大腸菌の自然突然変異の発生における損傷乗り越え型 DNA ポリメラーゼの役割
蟹江 聡, 愿山 郁, 真木 寿治 (奈良先端大・バイオサイエンス)
- 2PA-216 正確な CPD 損傷バイパス DNA 合成におけるアフリカツメガエル DNA ポリメラーゼ と の役割
八木 義彦¹, 小河原 大地¹, 秋山 昌広¹, 岩井 成憲², 花岡 文雄³, 真木 寿治¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 阪大・基礎工, ³ 阪大・生命機能)
- 2PA-217 *Xenopus laevis* 初期発生過程における DNA ポリメラーゼ の量的・質的挙動
小河原 大地, 八木 義彦, 秋山 昌広, 真木 寿治 (奈良先端・バイオ)
- 2PA-218 DNA ポリメラーゼ の A 及び B 領域内の点突然変異体の塩基選択性への影響
近藤 雄二^{1,3}, 楊 さんさん^{1,3}, 益谷 央豪^{1,2}, 岩井 成憲⁴, 花岡 文雄^{1,2,5} (¹ 阪大・生命機能, ²CREST, 科技団, ³ 阪大・院薬, ⁴ 阪大・基礎工, ⁵ 理研・細胞生理)
- 2PA-219 分裂酵母の損傷乗り越え複製機構に関わる *dinB*, *eso1* 遺伝子の遺伝学的解析
河野 智^{1,2}, 杉本 大気^{1,2}, 横井 雅幸^{2,3}, 花岡 文雄^{1,2,3,4} (¹ 阪大・院薬, ² 阪大・生命機能, ³CREST・科技団, ⁴ 理研・細胞生理)
- 2PA-220 損傷乗り越え DNA 合成に関与するタンパク質間の相互作用の解析
大橋 英治¹, 花房 朋¹, 官上 菜保¹, 村雲 芳樹², 大森 治夫¹ (¹ 京大・ウイルス研, ² 名大・医)
- 2PA-221 マウス Pol 細胞株における DNA 損傷バイパスの特異性の解析
石黒 麻梨子¹, 大橋 英治¹, 田中 亀代次², 大森 治夫¹ (¹ 京大・ウイルス研, ² 阪大・生命機能)
- 2PA-222 脱塩基部位の損傷乗り越え複製における Rev1 タンパク質の BRCT 領域の役割について
大塚 智恵¹, David Loakes², 根岸 和雄¹ (¹ 岡山大・支援セ・ゲノム, ²MRC, UK)
- 2PA-223 ヒト REV1 タンパク質と DNA との相互作用
増田 雄司, 神谷 研二 (広島大・原医研・分子発がん制御)
- 2PA-224 ヒト細胞における pol - REV1 相互作用の生理的意義の解析
赤木 純一^{1,2}, 益谷 央豪^{1,3}, 占部 久美子^{1,2}, 森 俊雄⁴, 花岡 文雄^{1,3,5} (¹ 阪大・生命機能, ² 阪大・薬, ³CREST・科技団, ⁴ 奈良県医大, ⁵ 理研・細胞生理)
- 2PA-225 マウス DNA ポリメラーゼ 活性によるミスマッチ修復タンパク質 Msh2 の発現とアポトーシス細胞死誘導の解析
梶原 景正^{1,2}, 星野 健司², 木村 穰^{2,3} (¹ 東海大学・総医研, ² 医・東洋医学, ³ 基礎医学系)
- 2PA-226 大気汚染物質由来 DNA 付加体の乗り越え複製と突然変異
菅野 毅治¹, 川西 優喜¹, 八木 孝司¹, 高村 (塩谷) 岳樹², Fuchs Robert³ (¹ 大阪府大・先端研, ² 国立がんセンター・がん予防, ³UPR-9003 du CNRS)
- 2PA-227 キロジョウジョウバエの DNA polymerase と Recombination Repair Protein 1 の相互作用
武内 亮, 島内 香, 村上 静, 金井 良博, 類家 竜司, 安部 陽子, 中邑 亮一, 井原 あゆみ, 坂口 謙吾 (東京理大・理工・応用生物)
- 2PA-228 植物の Y ファミリー DNA ポリメラーゼの機能解析
榎原 陽子, 内山 幸伸, 木村 成介, 坂口 謙吾 (東京理大・理工・応用生物)
- 2PA-229 担子菌 *Coprius cinereus* の減数分裂期における DNA polymerase m および l の解析
坂本 藍子, 岩端 一樹, 越山 暁代, 山口 大樹, 菅原 弘子, 石崎 貴志, 坂口 謙吾 (東京理大・理工・応用生物)
- 2PA-230 Site-directed mutagenesis analysis of structural interactions of low molecule compounds binding to the N-terminal 8kDa domain of DNA polymerase
Shizuka Murakami¹, Shinji Kamisuki¹, Kei-ichi Takata¹, Nobuyuki Kasai¹, Seisuke Kimura¹, Yoshiyuki Mizushima², Fumio Sugawara¹, Kengo Sakaguchi¹ (¹Tokyo Univ. of Sci., Fac. Sci. and Tech., Dept. Applied Biol. Sci., ²Koube-Gakuin Univ., Fac. Nutr., Dept. Food and Nutr.)
- 2PA-231 Characterization of human DNA polymerase lambda
Noriko Shimazaki, Osamu Koiwai (Tokyo Univ. of Science, Fac. Sci. and Tech., Dept. Appli. Biol.)
- 2PA-232 Discrete Cancer Phenotypes in Mice Deficient for DNA Polymerase-delta or -epsilon Proofreading
Masanori Ogawa, James Bugni, Laura Hays, Robert Goldsby, Brian Rubin, Bradley Preston (Dept. Pathology, Univ. Washington, Seattle, USA)

- 2PA-233 RecA/Rad51 ファミリー蛋白質のコア領域の構造機能解析
美川 務^{1,3}, 伊藤 隆^{1,3}, 柴田 武彦^{2,3} (¹ 理研・播磨研, ² 理研・中央研, ³ 理研・生体超分子構造・機能 G)
- 2PA-234 高度好熱菌 RecX の構造機能解析
神保 公大郎^{1,2}, 伊藤 隆^{1,2,3,4}, 美川 務^{1,2,3,4}, 柴田 武彦^{1,2} (¹ 横浜市大・院・総合理学, ² 理研・中央研究所, ³ 理研・播磨研究所, ⁴CREST/JST)
- 2PA-235 Functional analyses of *Thermus thermophilus* RecO
Jin Inoue^{1,2,3}, Masayoshi Honda^{1,2,3}, Tsutomu Mikawa^{1,2,4,5}, Yutaka Ito^{1,2,4,5}, Takehiko Shibata^{1,2,3} (¹Grad. Sch. of Integrated Sci., Yokohama City Univ., ²Bio-supermol. Struct Func. Group, RIKEN, ³RIKEN Discovery Research Institute, ⁴RIKEN Harima Institute, ⁵CRECT/JST)
- 2PA-236 超好熱性アーキア *Pyrococcus furiosus* Hjm ヘリカーゼの機能・構造解析
吉永 亜耶¹, 藤兼 亮輔^{1,2}, 大山 拓次³, 岡 勇人¹, 森川 耿右³, 品川 日出夫², 石野 良純¹ (¹ 九大院・遺子工, ² 阪大・微研, ³ 生物分子工研)
- 2PA-237 変異型 RuvA を用いた分岐点移動反応機構の考察
真柳 浩太, 藤原 芳江, 宮田 知子, 森川 耿右 (生物分子工研・構造解析)
- 2PA-238 大腸菌 RecQ のミスマッチ修復における機能
山名 良正, 草野 好司 (九州工大・院・生命体)
- 2PA-239 大腸菌 SMC 様蛋白質 RecN の機能解析
柴田 竜也, 菱田 卓, 品川 日出夫 (大阪大学・微生物病研究所・遺伝子生物学分野)
- 2PA-240 RecE/T によって誘導される非相同組換えにおける UvrD 及び HelD タンパク質の役割
白石 航也¹, 今井 雪穂¹, 吉崎 慎二¹, 小方 康至², 池田 日出男¹ (¹ メディネット・先端医学研究所, ² 国立遺伝研・RI センター)
- 2PA-241 糖由来の変化生成物ジドロピラジン類による突然変異部位の同定
武知 進士¹, 野村 創², 峰松 俊夫³, 山口 忠敏¹ (¹ 宮崎大・医・衛生, ² 宮崎大・医・臨床検査, ³ 愛泉会 日南病院・疾病制御研)
- 2PA-242 大腸菌プラスミドにおける複製阻害点 (*Ter*) 依存的な組み換えとその経路
氏家 義史^{1,2}, 工藤 善弘², 堀内 嵩¹ (¹ 山形大・理工, ² 基生研)
- 2PA-243 枯草菌 *sacB* 遺伝子を用いた放射線抵抗性細菌の変異スペクトル解析
鳴海 一成¹, 大庭 寛史^{1,2}, エスガーヤル ハイサム^{1,3}, 佐藤 勝也¹ (¹ 原研高崎・バイオ, ² 農工大院・連合農, ³ 群馬大院・工)
- 2PA-244 放射線抵抗性細菌 *Deinococcus radiodurans* PprI 蛋白質に制御される新規 DNA 損傷応答機構の解析
大庭 寛史^{1,2}, 佐藤 勝也², ハイサム エスガーヤル^{2,3}, 菊地 正博², 柳沢 忠⁴, 鳴海 一成² (¹ 農工大院・連合農, ² 原研高崎・バイオ, ³ 群馬大院・工, ⁴ 宇都宮大・農)
- 2PA-245 放射線抵抗性細菌 *Deinococcus radiodurans* の DNA 損傷応答機構における LexA ホモログの役割
佐藤 勝也¹, 大庭 寛史^{1,2}, エスガーヤル ハイサム^{1,3}, 菊地 正博¹, 鳴海 一成¹ (¹ 原研高崎・バイオ, ² 農工大院・連農, ³ 群馬大院・工)
- 2PA-246 新規組み換え機構に関与する Srp 蛋白質群の機能解析
海藤 晃弘¹, 刀禰 高広¹, 小古間 時夫² (¹ 北東海大・工・生物工, ² ニューメキシコ大・癌研・米国)
- 2PA-247 *Synechocystis* sp. PCC6803 株の DNA 修復遺伝子に関する研究
若林 裕子, 中野 施里奈, 朝山 宗彦, 白井 誠 (茨城大 農 分子遺伝)
- 2PA-248 メダカ 2 本鎖切断修復突然変異体変異体を用いた個体・組織レベルでの放射線感受性解析
三谷 啓志, 頼 加奈子, 橋本 裕信, 深町 昌司, 相澤 浩一 (東大・新領域・先端生命)
- 2PA-249 放射線感受性関連遺伝子探索を目的にしての, 培養されたヒト癌由来細胞 54 株の放射線感受性を指標とした分類
伴 貞幸, 今井 高志 (放医研・フロンティア研究センター)
- 2PA-250 ヒトゲノム中に生じた DNA 二本鎖切断の運命
桜庭 真弓, 本間 正充, 小泉 朋子, 高島 良生, 坂本 浩子, 林 真 (国立衛研・変異遺伝)

- 2PA-251 **アデノウイルスベクターを用いた相同組換えによる染色体操作**
 大林 富美, 岸本 充弘, 相澤 絵美, 諸山 由紀, 三谷 幸之介 (埼玉医科大学 ゲノム医学研究センター 遺伝子治療部門)

.....(3c 細胞間認識)

- 2PA-252 Mammalian Fat1 cadherin regulates actin dynamics and cell-cell contacts
 Takuji Tanoue, Masatoshi Takeichi (RIKEN, CDB)
- 2PA-253 **bFGF が骨芽細胞様細胞 (MC3T3-E1) 内のカドヘリン発現に及ぼす影響**
 甲元 友久, 山中 威典, 正木 千尋, 赤川 安正 (広大院・先端歯科補綴学研究室)
- 2PA-254 **細胞間接着分子 E-カドヘリンのシス-二量体形成は, 接着装置形成と独立に起こる**
 竹田 寛 (札幌医科大学附属がん研究所・分子病理病態学部門)
- 2PA-255 **アフアディンと Rap1 による p120ctn を介した E-カドヘリンのエンドサイトーシスの制御**
 馬場 威, 匂坂 敏朗, 山田 知広, 星野 崇, 木村 敏啓, 高井 義美 (阪大院・医・分子生理化学)
- 2PA-256 **ネクチンによる細胞間接着形成と維持におけるアクチン細胞骨格系の役割**
 山田 章夫, 入江 賢児, 福原 淳範, 大塩 貴子, 高井 義美 (阪大院・医・分子生理化学)
- 2PA-257 **Cx43 C 末端領域新規結合タンパク質の同定とその機能解析**
 秋山 元英, 与語 圭一郎, 石田 教弘, 竹家 達夫 (奈良先端大・バイオ)
- 2PA-258 **上皮組織構築における, SFK/Csk の役割解析**
 八木 玲子¹, 名田 茂之¹, 和栗 聡², 内山 安男², Alexander Tarakhovski³, 岡田 雅人¹ (1 阪大・微研, 2 阪大・医, 3Rockefeller Univ.,USA)
- 2PA-259 **肝細胞と血管内皮細胞の重層化共培養における肝特異的遺伝子発現の変化**
 谷口 彰良¹, 高山 剛¹, 黒澤 康紀¹, 岡野 光夫² (1 物材研, 生体センター, 2 東京女子医大, 先端研)
- 2PA-260 **EGF 様リピートをもつ新規膜貫通蛋白質の細胞内ドメイン**
 真鍋 貴行, 西嶋 亜矢子, 伊藤 文昭, 川崎 勝己 (摂南大学 薬 生化学)
- 2PA-261 **トリグリセリド合成及び脂肪酸組成を調節する細胞外マトリックス・テネイシン X**
 松本 健一¹, 佐藤 貴繁², 岡 征子³, 井ノ口 仁一², 有賀 寛芳¹ (1 北海道大・院・薬・分子生物, 2 北海道大・院・薬・生体機能, 3 北海道大・機器分析センター)
- 2PA-262 **オステオポンチンの翻訳後修飾による受容体の変化 - 第 2 報: トランスグルタミナーゼによる重合の影響 -**
 東川 史子¹, 横崎 恭之¹, 田中 久美², 粟屋 智一¹, 山下 敬介³, 斉藤 佑尚⁴, 烏帽子田 彰¹ (1 広島大・院 医歯薬・病態情報, 2 整形外科, 3 解剖・発生生物学, 4 東工大・生命理工学)
- 2PA-263 **エラスチン ラミニン受容体を介したマクロファージの活性化とアテローム性動脈硬化**
 樋口 智紀, 森 一郎, 中村 美砂, 中村 靖司, 覚道 健一 (和歌山医大, 第二病理)
- 2PA-264 **Lipid Microdomain Rafts Serve As Platforms for Cellular Trafficking and Clustering of Nephrin: A New Insight into the Disease Pathogenesis Underlying Nephrotic Syndrome.**
 Xiaosong Qin, Hiroyasu Tsukaguchi, Akemi Shono, Toshio Doi (Dept Clin Biol Med, Institute of Health Biosciences, The University of Tokushima Graduate School)
- 2PA-265 **ポドサイト細胞接着装置における脂質マイクロドメインの多様性 糸球体硬化症遺伝子産物 Podocin と接着因子 Coxsackievirus and Adenovirus receptor (CAR) を用いた解析**
 庄野 朱美¹, 塚口 裕康¹, 矢尾板 永信², 行田 正晃², 竹谷 豊³, 山本 格², 土井 俊夫¹ (1 徳大院・医・病態情報診断学, 2 新潟大・腎研・構造病理学, 3 徳大院・栄・臨床栄養学)
- 2PA-266 **他種微生物が生産するシグナル物質による *Pseudomonas aeruginosa* の抗生物質耐性向上**
 八幡 穰, 間世田 英明, 中島 敏明, 内山 裕夫, 野村 暢彦 (筑波大 応生化)
- 2PA-267 **緑膿菌における Quorum-sensing の詳細な解析**
 倉島 宏明, 間世田 英明, 中島 敏明, 内山 裕夫, 野村 暢彦 (筑波大・応生化)

- 2PA-268 *Pseudomonas aeruginosa* における Quorum Sensing の脱室への関与
 豊福 雅典, 間世田 英明, 澤田 勇生, 倉島 宏明, 中島 敏明, 内山 裕夫, 野村 暢彦 (筑波大・応生化)
-(4b 発生・分化・形態形成 1)
- 2PA-269 The *eyes absent* homolog, *eya-1*, is involved in proper differentiation of various tissues in *C. elegans*.
 miwa furuya, asako sugimoto (RIKEN., CDB.,)
- 2PA-270 線虫 *C. elegans* の胚性致死 RNAi 表現型による遺伝子クラスタリング
 丸山 理香¹, 早川 智英¹, 小原 雄治², 杉本 亜砂子¹ (1 理研・CDB, 2 遺伝研・遺伝資源情報)
- 2PA-271 *C. elegans* 初期胚から L1 幼虫の細胞種特異的な構造体・特定の細胞内器官を認識するモノクローナル抗体
 の効率的作製
 竹田 和正, 早川 智英, 杉本 亜砂子 (理研 CDB 発生ゲノミクス)
- 2PA-272 線虫 *C. elegans* の DBL-1/TGF- 信号伝達系に関する体の大きさの制御機構の解析
 太田 博允, 藤原 学, 大島 靖美, 石原 健 (九大・院理・生物科学)
- 2PA-273 *C. elegans* の細胞移動変異体 *mig-31* の解析
 村上 量子^{1,2}, 佐野 光枝¹, 坂本 博², 西脇 清二¹ (1 理研・発生再生セ, 2 神戸大, 自然科学)
- 2PA-274 *C. elegans* の細胞移動に働く *mig-22* と *sqv-5* の発現と機能
 鈴木 教郎¹, 豊田 英尚², 佐野 光枝¹, 西脇 清二¹ (1 理研・発生再生セ, 2 千葉大・薬学)
- 2PA-275 Dipeptidyl Peptidase IV-like Proteases are Essential for Control of Distal Tip Cell Migration in *C. elegans*
 吉名 佐和子¹, 安藤 恵子², 三谷 昌平^{2,3}, 飯野 雄一⁴, 井上 英史¹, 高橋 健治¹ (1 東京薬大・生命, 2 東女
 医大・医・第二生理, 3PRESTO, 4 東大・遺伝子)
- 2PA-276 *C. elegans* の細胞移動を制御する ADAM プロテアーゼと fibulin-1C ホモログの相互作用
 久保田 幸彦, 黒木 理恵, 西脇 清二 (理化学研究所 発生・再生科学総合研究センター)
- 2PA-277 IV 型コラーゲン遺伝子の特異的な変異は線虫 *C. elegans* の *mig-17* 変異体の細胞移動異常を抑制する
 大蔵 清貴, 西脇 清二 (理研・発生再生セ)
- 2PA-278 線虫 RUNX 転写因子 RNT-1 は Wnt シグナルと細胞の非対称分裂を仲介する
 鹿兒島 浩¹, 梶原 淳子¹, 澤 育^{2,3}, 三谷 昌平⁴, BUERGLIN Thomas R.⁵, 重定 勝哉⁶, 小原 雄治¹ (1 国立
 遺伝学研究所, 2 理化学研究所, CDB, 3 神戸大学, 4 東京女子医科大学, 5 カロリンスカ研究所, 6 京都大学)
- 2PA-279 線虫の非対称分裂における娘細胞の特異性は, Wnt による細胞極性と Hox による位置 identity の統合によ
 り決定する。
 荒田 幸信¹, 幸池 浩子^{2,3}, 岡野 栄之^{2,3}, 澤 育^{1,4} (1 理研 発生再生センター, 2 慶応大 医 生理,
 3CREST, 4 神戸大 自然科学 生命機構科学)
- 2PA-280 *C. elegans* サイクリン E は非対称分裂において分化を抑制する
 藤田 正樹¹, 竹下 久子¹, 澤 育^{1,2} (1 理研, CDB, 細胞運命, 2 神戸大, 自然科学, 生命機構科学)
- 2PA-281 SWI/SNF 染色体構造変換複合体の構成因子 PSA-10 及び PSA-13 は線虫において非対称分裂を制御する
 内田 真啓¹, 小央 良二², 竹下 久子¹, 岡野 栄之^{3,4}, 澤 育^{1,5} (1 理研 CDB・細胞運命, 2 神戸大・理・生
 物, 3 慶応大・医・生理, 4CREST JST, 5 神戸大・自然科学・生命機構)
- 2PA-282 *C. elegans* において Mediator 複合体の CDK-8 CyclinC は非対称分裂を制御する
 柴田 幸政¹, 竹下 久子¹, 澤 育^{1,2} (1 理研 CDB, 2 神戸大 自然科学 生命機構科学)
- 2PA-283 線虫 *C. elegans* における雄性前核の移動の原動力は微小管の長さ依存の"引く力"である
 木村 暁¹, 大浪 修一^{1,2} (1 慶大・院理工, 2 科技構・BIRD)
- 2PA-284 線虫の DAZ タンパク質と相互作用する CPEB ホモログ CPB-3 の解析
 Eri Hasegawa, Eisuke Sumiyoshi, Takeshi Karashima, Masayuki Yamamoto (東大・院理・生化)
- 2PA-285 線虫 *C. elegans* の DAZ タンパク質と生体で結合している mRNA の単離
 杉岡 賢史¹, 辛島 健¹, 上杉 ひろ子², 小原 雄治², 山本 正幸¹ (1 東大・院理・生化, 2 遺伝研・遺伝資源
 情報)

- 2PA-286 線虫 *C. elegans* の SQD-1 hnRNP と結合する mRNA の単離
辛島 健, 八杉 徹雄, 山本 正幸 (東大・院理・生化)
- 2PA-287 線虫において mog 遺伝子群は減数分裂開始を促進する
花澤 桃世¹, Alessandro Puoti², Tim Schedl¹ (¹Washington Univ. School of Med., ²Univ. of Fribourg)
- 2PA-288 線虫ユビキチン結合蛋白質の生殖細胞形成における新しい機能
嶋田 益弥, 兼松 健二, 川原 裕之, 横沢 英良 (北大・院・薬・生化学)
- 2PA-289 線虫 *C. elegans* の DAZ 相同遺伝子は生殖細胞の性決定に関与する
鴻 宗義, 辛島 健, 山本 正幸 (東大・院理・生化)
- 2PA-290 線虫体壁筋遺伝子の発現調節に CeMyoD と協調して働く LIM-8 の機能解析
中山 典子¹, 小坂田 裕子¹, 大内 正明¹, 板東 哲哉¹, 香川 弘昭^{1,2} (¹岡山大・院・自然科学, ²岡山大・理・生物)
- 2PA-291 線虫 Zn-finger 因子 CeTIS11 の体壁筋遺伝子発現における制御機能
中川 貴美子¹, 中山 典子¹, 小坂田 裕子¹, 板東 哲哉¹, 香川 弘昭^{1,2} (¹岡山大・院・自然科学, ²岡山大・理・生物)
- 2PA-292 線虫母性 mRNA 翻訳制御における poly (A) 鎖伸長の役割
安達 佳樹¹, 大浪 修一^{1,2,3}, 小原 雄治¹ (¹遺伝研・生物遺伝資源情報, ²慶応大・院理工, ³科技园・BIRD)
- 2PA-293 線虫胚発生における細胞形状モデルの半自動生成システム
平木 秀明, 小原 雄治 (遺伝研・生物遺伝資源情報)
- 2PA-294 線虫の二つの SSRP1 相同遺伝子, *hmg-3* と *hmg-4* の生殖系列および体細胞系列における発現と機能
前田 郁麻¹, 杉本 亜砂子^{1,2}, 山本 正幸¹ (¹東大・院理・生化, ²理研・発生再生セ)
- 2PA-295 *mab-21* 遺伝子の転写制御機構の解析
小島 拓哉^{1,2}, 松井 理恵¹, 高橋 直樹² (¹奈良先端大・バイオ, ²東大・院・農生)
- 2PA-296 *Mab21l2* 遺伝子のマウス網膜および体壁形成過程における機能
山田 竜一¹, 伊東 史弘², 古関 明彦³, 高橋 直樹^{1,2} (¹奈良先端大・バイオ, ²東大・院・農生, ³千葉大・医)
- 2PA-297 線虫ホメオボックス型転写因子 MAB-18 と CEH-14 は貯精囊において耐性幼虫期特異的のコラーゲン遺伝子の発現を抑制する
板東 哲哉¹, 香川 弘昭^{1,2} (¹岡山大・院・自然科学, ²岡山大・理・生物)
- 2PA-298 初期発生過程における線虫 CCCH 型 zinc-finger タンパク質群 MOE の機能解析
嶋田 益弥, 横沢 英良, 川原 裕之 (北大・院・薬・生化学)
- 2PA-299 線虫 MRP-1 (ABC トランスポーター) は耐性幼虫形成に関与する
矢部 智子^{1,2}, 鈴木 教郎^{1,2,3}, 木村 幸太郎^{1,2}, 石原 健^{1,2,4}, 桂 勲^{1,2} (¹総研大, ²遺伝研, ³理研 CDB, ⁴九州大)
- 2PA-300 MAP キナーゼ BMK1/ERK5 ホモログ SMA-5 による *C. elegans* の個体の大きさの制御
渡辺 直春, 石原 健, 大島 靖美 (九大・院理・生物科学)
- 2PA-301 線虫における新規 LET-60 活性化因子 ROG-1 の機能解析
松原 陽介¹, 漆山 誠一², 保田 朋波流¹, 白形 正樹¹, 飯野 雄一³, 澁谷 浩司², 山梨 裕司¹ (¹東医歯大・難治研・細胞制御, ²東医歯大・難治研・分子細胞生物, ³東大・遺伝子実験施設)
- 2PA-302 線虫を用いた AAA タンパク質 Spastin (C24B5.2) の解析
松下 由佳, 山中 邦俊, 小椋 光 (熊本大・発生研・細胞複製)
- 2PA-303 体壁筋型トロポニン C の変異は線虫の発生, 形態, 運動に異常をもたらす
高谷 智英¹, 寺見 浩美¹, 宗田 充宏², 飯尾 隆義², 香川 弘昭¹ (¹岡大院・自然科学, ²名大院・理・物理)
- 2PA-304 ショウジョウバエグルクロン酸転移酵素群の機能解析
大前 佳子¹, 吉田 英樹^{1,2}, 飯田 真巳³, 豊田 英尚⁴, 上田 龍⁵, 西原 祥子^{1,2} (¹創価大・工, ²JST・CREST, ³生化学工業, ⁴千葉大・薬, ⁵国立遺伝研)

- 2PA-305 ショウジョウバエ *O*-マンノース転移酵素 (POMT:protein *O*-mannosyltransferase) の RNAi knock down 体を用いた機能解析
 一宮 智美^{1,2}, 萬谷 博³, 大前 佳子¹, 吉田 英樹^{1,2}, 上田 龍^{2,4}, 遠藤 玉夫³, 西原 祥子^{1,2} (1 創価大・工・生命情報, 2JST・CREST, 3 都老人研・糖鎖生物, 4 遺伝研・系統生物セ)
- 2PA-306 *Drosophila* NAT1 遺伝子の変態期における機能解析
 吉兼 奈美^{1,2}, 上野 直人², 山中 伸弥¹, 中村 真² (1 奈良先端大・遺伝子教育研究センター, 2 基生研・形態形成)
- 2PA-307 ショウジョウバエ発生過程における転写因子 NF-Y の役割
 須鎗 理¹, 吉岡 泰秀¹, 井田 寛之¹, 林 裕子², 山口 政光¹ (1 京都工織大・繊維・応用生物, 2 愛知がんセ研・発がん制御)
- 2PA-308 ショウジョウバエ転写因子 dNF-Y の機能解析
 吉岡 泰秀¹, 須鎗 理¹, 山田 幹浩¹, 大野 勝人², 林 裕子³, 山口 政光¹ (1 京都工芸繊維大・応用生物, 2 ジュネーブ大・動物, 3 愛知がんセ・研・発がん制御)
- 2PA-309 ショウジョウバエ母性 Nanos タンパク質による極細胞のアポトーシス抑制
 林 良樹¹, 小林 悟^{1,2,3} (1 総研大・生命科学, 2 岡崎統合バイオ・基生研, 3CREST・JST)
- 2PA-310 ショウジョウバエの極細胞質に局在する新規プロテインキナーゼの機能解析
 佐藤 仁泰^{1,2}, 二宮 裕一³, 向 正則^{1,4}, 有田 佳代^{1,2}, 重信 秀治^{1,4}, 小林 悟^{1,2,4} (1 岡崎統合バイオ, 2CREST・JST, 3 広島大・院医歯薬・免疫, 4 基生研)
- 2PA-311 新規蛍光プローブを用いた生体内におけるカスパーゼ活性のモニタリング
 近藤 周^{1,2}, 三浦 正幸^{1,2}, 広海 健^{2,3,4} (1 東大・薬・遺伝, 2CREST, JST, 3 遺伝研・発生遺伝, 4 総研大・遺伝)
- 2PA-312 EGFR シグナルによる遺伝子の領域特異的な発現調節機構の解析
 辻 拓也, 小嶋 徹也, 西郷 薫 (東大・院理・生化)
- 2PA-313 ショウジョウバエ・ホスホリパーゼ D 遺伝子の同定と強制発現による解析
 立井 一明, 和泉 孝志 (群馬大・院医・機能分子生化)
- 2PA-314 *Drosophila* *nug1* (*dnug1*), *dnug2* および Pi3k シグナル伝達経路と相互作用する新規遺伝子の探索
 常泉 和秀¹, 菅野 周平¹, 上田 龍², 西郷 薫³, 松本 正吾¹ (1 理研, 2 三菱・生命研, 3 東大・院理・生化)
- 2PA-315 新規 *deltex* 突然変異体を用いた Notch 情報伝達系における *deltex* の機能解析
 不破 尚志¹, 堀 一也¹, 笹村 剛司^{1,2}, 松野 健治^{1,2} (1 東理大・基礎工, 2 科学技術振興機構 さきがけ)
- 2PA-316 GDP-フコース生合成に関わる GDP-マンノース脱水素酵素 (GMD) はショウジョウバエ Notch 情報伝達に必須である
 石川 裕之¹, 笹村 剛司^{2,3}, 鮎川 友紀², 東 俊介², 相垣 敏郎⁴, 野田 勝久⁵, 三善 英知⁵, 谷口 直之⁵, 松野 健治^{1,2,3} (1 理科大・ゲノム創薬研究センター, 2 理科大・基礎工, 3 科学技術振興機構・さきがけ, 4 都立大・理, 5 阪大・医)
- 2PA-317 ショウジョウバエ JNK フォスファターゼ Puckered は前胃及び中腸前部の左右性を制御している
 谷口 喜一郎¹, 大池 雅¹, 穂積 俊矢¹, 前田 礼男¹, 笹村 剛司¹, 相垣 敏郎², 松野 健治¹ (1 東理大・基礎工・生物工, 2 都立大・理・生物)
- 2PA-318 ショウジョウバエ *souther* 突然変異体は, 胚と成虫の内臓器官の左右性が逆転する
 穂積 俊矢¹, 前田 礼男¹, 南 麻子¹, 谷口 喜一郎¹, 大池 雅¹, 笹村 剛司¹, 相垣 敏郎², 村上 柳太郎³, 松野 健治¹ (1 東京理科大学 基礎工 生物工, 2 東京都立大学 理 生物, 3 山口大学 理 自然情報)
- 2PA-319 ショウジョウバエ胚正中線構造は消化管の正常な左右性に必須である。
 前田 礼男¹, 穂積 俊矢¹, 谷口 喜一郎¹, 笹村 剛司¹, 村上 柳太郎², 松野 健治¹ (1 東理大・基礎工・生物工, 2 山口大・理・自然情報科学)
- 2PA-320 ショウジョウバエにおける左右性を制御する遺伝子の遺伝的スクリーンによる同定
 大池 雅¹, 谷口 喜一郎¹, 穂積 俊矢¹, 白壁 修一¹, 藤原 普夫¹, 小林 克次¹, 相垣 敏郎², 松野 健治¹ (1 東理大・基礎工・生物工, 2 都立大・理・生物)

- 2PA-321 ショウジョウバエ変態期の脳形態変化に伴う神経束の構造変化の解析。
新道 真代^{1,2}, 栗崎 健^{1,3}, 伊藤 啓^{1,2} (¹ 東大・分生研, ² 科技振・ BIRD, ³ 科技振・ PRESTO)
- 2PA-322 ショウジョウバエ軸索誘導遺伝子 *lola* における組織特異的なスプライシング制御
堀内 貴之¹, 萩原 奈津子¹, 寺島 九和¹, 上田 龍², 高橋 邦明², 西郷 薫³, 相垣 敏郎¹ (¹ 都立大・理・生物, ² 国立遺伝研, ³ 東大・理)
- 2PA-323 Functions of Seven-up in Drosophila CNS development
Makoto KANAI^{1,3}, Masataka OKABE^{1,2}, Yasushi HIROMI^{1,2} (¹National Institute of Genetics, ²The Graduate Univ. for Advanced Studies, ³Tokyo univ. of Agri. and Tech.)
- 2PA-324 ショウジョウバエ極細胞中で発現する減数分裂制御遺伝子の解析
向 正則^{1,2}, 北館 祐³, 重信 秀治^{1,2}, 小林 悟^{1,4} (¹ 岡崎統合バイオ, ² 基生研, ³ 総研大・生命科学, ⁴CREST・JST)
- 2PA-325 カルシニューリン制御因子 Sra/DSCR1 はショウジョウバエの卵活性化を制御する
武尾 里美, 津田 学, 松尾 隆嗣, 相垣 敏郎 (都立大・院理・生物科学)
- 2PA-326 ショウジョウバエの卵形成における Btk29A の機能と Prt によるその調節
濱田 典子, 山元 大輔 (早大・理・電生)
- 2PA-327 Bonus は, ショウジョウバエ性決定カスケードの一員である転写因子 Fruitless の co-factor として機能する。
伊藤 弘樹¹, 松本 健¹, 山元 大輔^{1,2} (¹ 早大・理工総研, ² 早大・理工)
- 2PA-328 ショウジョウバエ *fruitless* 遺伝子抑圧因子の機能解析
嶋 誠悟¹, 近藤 俊三², 相垣 敏郎³, 従二 直人⁴, 山元 大輔⁵ (¹ 早大・院・人間, ² 三菱化学・生命研, ³ 東京都立大・院理・生物, ⁴ 京都工繊大・ショウジョウバエ遺伝資源センター, ⁵ 早大・理工)
- 2PA-329 オス妊性に影響を与えるショウジョウバエ新規遺伝子 *gccC1* の機能解析
松岡 信弥, 西田 育巧 (名大院, 理, 生命)
- 2PA-330 キイロショウジョウバエのローレンス筋形成に関わる遺伝子メカニズムの解明
曽根 広行¹, 従二 直人², 川崎 陽久³, 伊藤 弘樹³, 山元 大輔¹ (¹ 早大・理工, ² 京都工繊大・ショウジョウバエ遺伝資源センター, ³ 早大・理工総研)
- 2PA-331 ショウジョウバエのオス特異的筋肉 MOL の数はどのようにして種ごとに变化したのか？
館野 実¹, 小松 明², 山元 大輔¹ (¹ 早大・理工, ² 東京女子医大・医)
- 2PA-332 ショウジョウバエ卵殻形態進化における *rho* エンハンサー機能と位置情報の意義に関する研究
中村 征史¹, 影沢 達夫¹, 林 良樹², 小林 悟^{3,4}, 新美 輝幸^{5,6}, 松野 健治¹ (¹ 東京理科大・基礎工・生物工, ² 総研大・生命, ³ 岡崎機構・統合バイオ・基生研, ⁴ 戦略・科技団, ⁵ 名大・院生命農, ⁶ 科技団・PRESTO)
- 2PA-333 The LRR protein CAPS mediates differential cell positioning in the Drosophila limb
Kayoko Sakurai^{1,2}, Toshiro Aigaki², Shigeo Hayashi¹ (¹Morphogenetic Signaling Group, CDB, RIKEN, ²Dept. Biol. Sci., Tokyo Met.Univ.)
- 2PA-334 ショウジョウバエミオシンホスファターゼの上皮組織における機能
神戸中 智章, 水野 智亮, 西田 育巧 (名大・院理・生命)
- 2PA-335 ショウジョウバエ Toll 様受容体遺伝子 Toll-6, Toll-7 の遺伝学的解析
遠藤 玄崇, 西田 育巧, 八木 克将 (名大・院・理・生命理学)
- 2PA-336 クロマチンリモデリング因子 Mi-2 のショウジョウバエ感覚器官における機能
山崎 泰豊, 西田 育巧 (名大院理・生命理学)
- 2PA-337 平面内細胞極性形成における Fz::GFP の極性輸送と微小管の偏った配向
島田 裕子¹, 米村 重信², David Strutt³, 上村 匡^{1,4} (¹ 京大院生命, ² 理研・CDB, ³ Univ. of Sheffield, ⁴CREST, JST)
- 2PA-338 PCP 経路と異なる, Dishevelled を介した RhoA 活性化, 及び, F-actin の制御機構
大村 朋美, 佐藤 渉, 下野 明彦 (理研神戸, CDB)

- 2PA-339 原腸陥入における細胞運動の協調性のメカニズム
布施 直之, 広瀬 進 (国立遺伝学研究所)
- 2PA-340 ショウジョウバエ口器唇弁領域で保存された主要パターンニング遺伝子の発現
安永 桂一郎, 小嶋 徹也, 西郷 薫 (東大・院理・生化)
- 2PA-341 ショウジョウバエ触角特異性決定に関わる *spineless* (*ss*) 遺伝子の新規変異体 *ss^{am}* の解析
坪田 拓也, 小嶋 徹也, 西郷 薫 (東大・院理・生化)
- 2PA-342 ショウジョウバエ脚形成における PCP 経路と Notch, EGFR シグナルの働き
白井 哲哉, 切通 成登, 中越 英樹 (岡大院・自然科学)
- 2PA-343 異所的発現によりショウジョウバエの複眼から翅への器官改変を引き起こす新規遺伝子, *CG31151* の同定と機能解析
勝山 朋紀¹, 菅原 知¹, 大島 吉輝¹, 相垣 敏郎², 倉田 祥一郎¹ (1 東北大・院薬, 2 都立大・院理)
- 2PA-344 ショウジョウバエ胚発生期における翅原基と気管の接触: その発生学的意義について
井上 淑子, 林 茂生 (理研・発生再生研)
- 2PA-345 ショウジョウバエ間接飛翔筋発生における Antp 機能
荒井 秀朗, 辻村 秀信 (農工大・発生生物)
- 2PA-346 ショウジョウバエ成虫肢の分節化を担う転写因子の下流遺伝子の網羅的探索
田尻 怜子, 小嶋 徹也, 西郷 薫 (東大・理・生化)
- 2PA-347 ショウジョウバエ触角形成における *dve* 遺伝子の機能解析
切通 成登, 白井 哲哉, 中越 英樹 (岡山大・大学院自然科学研究科)
- 2PA-348 ショウジョウバエ光受容細胞の機能分化における *dve* 遺伝子の解析
竹内 将人 (岡山大・院・自然科学)
- 2PA-349 ショウジョウバエにおける気管形成の初期過程, 外胚葉上皮の陥入に関する研究
西村 真由子^{1,2}, 井上 淑子¹, 林 茂生^{1,2} (1 理研・発生再生研, 2 神戸大院・自然科学)
- 2PA-350 Proximo-distal subdivision of the *Drosophila* tracheal system by two receptor tyrosine kinases, dEGFR and dFGFR
Ryo Matsuda, Chie Hosono, Kaoru Saigo (Tokyo Univ., Gra. Sch. of Sci., Dept. Biophys. & Biochem.)
- 2PA-351 フタホシコオロギの胚発生における Notch シグナリングの役割
松下 貴, 新明 洋平, 宇田 知弘, 石舟 智恵子, 宮脇 克行, 三戸 太郎, 大内 淑代, 野地 澄晴 (徳島大・工・生物工・進化発生工学)
- 2PA-352 フタホシコオロギの付属肢形成における *homothorax* 及び *extradenticle* 遺伝子の役割
宇田 知弘, 宮脇 克行, 新明 洋平, 三戸 太郎, 大内 淑代, 野地 澄晴 (徳島大・工・生物工・進化発生工学)
- 2PA-353 フタホシコオロギ体節形成における *hunchback* 及び *Kruppel* 遺伝子の機能の解析
三戸 太郎, 岡本 治子, 新明 洋平, 竹内 亜衣, 宮脇 克行, 大内 淑代, 野地 澄晴 (徳島大・工・生物工)
- 2PA-354 カイコ W 染色体と性決定遺伝子
味村 正博¹, 佐原 健², 阿部 広明³, 嶋田 透⁴, 三田 和英¹ (1 生物研, 2 北大・院農, 3 農工大・農, 4 東大・農)
- 2PA-355 カイコ pre-mRNA cleavage factor I 相同体遺伝子の構造と発現
高橋 道佳, 嶋田 透 (東大院・農生科)
- 2PA-356 性決定遺伝子 *doublesex* のカイコホモログ *Bmdsx* の性特異的スプライシングに必要なシスエレメントの解析
鈴木 雅京¹, 今西 重雄², 松本 正吾¹, 嶋田 透³ (1 理研・分子昆虫, 2 生物研, 3 東大・農)
- 2PA-357 カイコ精巢における Aha1 タンパク質の発現局在及び機能解析
宮川 世志幸, 李 在萬, 古賀 克己, 河口 豊, 日下部 宣宏 (九大院・生資環)
- 2PA-358 オリゴヌクレオチドマイクロアレイを用いたカタユウレイボヤにおけるレチノイン酸標的遺伝子群の探索
石橋 知子¹, 藤江 学², 安住 薫^{2,3}, 佐藤 矩行^{2,4}, 藤原 滋樹¹ (1 高知大・理, 2CREST, 3 北大創成科学, 4 京大・院理)

- 2PA-359 イトマキヒトデ胚の間充織細胞が発現する MC5 分子の構造と機能
長谷 純崇¹, 澤田 佳一郎², 松本 緑³, 星 元紀³, 金子 洋之¹ (¹慶應大・生物, ²階層生物ラボ, ³慶應大・院理工)
- 2PA-360 p90 Rsk によるヒトデ成熟未受精卵の G1 期停止制御
森 雅志, 立花 和則, 岸本 健雄 (東工大・生命理工)
- 2PA-361 ミミズの生殖戦略とその分子基盤
蒲生 忍, 鈴木 知晴, 平山 - 皆川 智美, 松本 誠治, 本田 誠 (杏林大・保健・環境生命科学)
- 2PA-362 海棲巻貝イボニシ (*Thais clavigera*) の生殖腺特異的遺伝子の検索
小田切 浩二, 林 悠子, 畠山 元, 梶原 昌朗, 吉見 立也, 高橋 滋, 高橋 勇二 (東葉大・生命・環境ストレス生理学)
- 2PA-363 淡水産巻貝 *Lymnaea stagnalis* の巻型決定遺伝子候補の探索
藤倉 航平¹, 清水 美穂², 黒田 玲子^{1,2} (¹東大院・総文・生命, ²JST・ERATO/SORST・黒田プロジェクト)
- 2PA-364 モルフォゲン分子 DIF-1 とホメオボックス遺伝子 *Wariai* を軸とした細胞性粘菌の細胞型比率調節機構の解析
梶原 誠, 森尾 貴広, 田仲 可昌 (筑波大院・生命環境・情報)
- 2PA-365 分裂酵母の G0 期停止と栄養増殖再開のポストゲノムの解析
島貴 瑞樹¹, Soo-yoel Chung³, 川崎 洋祐³, 畠中 内子¹, 近重 裕次², 平岡 泰², 小布施 力史^{1,3}, 柳田 充弘^{1,3} (¹JST・沖縄大学院大・先行事業, ²通総研・関西先端, ³京大・院・生命科学)
- 2PA-366 アフリカツメガエル胚の左右性決定における *Xnr-1* の役割
豊泉 龍児¹, 竹内 重夫¹, 茂木 和枝² (¹神奈川大・理・生物, ²神奈川大・理・総理研)
- 2PA-367 BMP-3b 前駆体タンパク質のプロセッシング酵素の検討
西松 伸一郎¹, 日野 純², 寒川 賢治², 松尾 壽之², 濃野 勉¹ (¹川崎医大・分子生物, ²国立循環器病セ・研・生化学)
- 2PA-368 アフリカツメガエル胚発生過程における *Makorin1* の機能
吉田 徳之¹, 船江 良彦¹, 広常 真治² (¹大阪市大・院医・生体機能解析学, ²大阪市大・院医・細胞機能制御学)
- 2PA-369 アフリカツメガエル卵における histone acetyltransferase 1 の役割
柳 愛美, 鈴木 賢一, 吉里 勝利 (広島大・院理・生物科学)
- 2PA-370 アフリカツメガエルにおける胚型表皮から幼生型表皮への分化
鈴木 賢一, 吉里 勝利 (広島大・理・生物)
- 2PA-371 アフリカツメガエル新規表皮化因子 *Xzar2* の単離と機能解析
仲島 由佳, 岡本 治正, 久保 泰 (産総研・脳神経情報)
- 2PA-372 アフリカツメガエル胚の生殖質に局在している新規 mRNA
金城 一貴, 池西 厚之, 小宮 透 (大阪市立大学・院理・生物)
- 2PA-373 A DIFFERENTIAL PROTEOME DISPLAY DURING XENOPUS EGG FERTILIZATION AS REVEALED BY SUBTRACTIVE IMMUNIZATION
Ken-ichi Sato¹, Keiichi Sakakibara¹, Tetsushi Iwasaki¹, Kazuyuki Kitamura², Yasuo Fukami¹ (¹Kobe Univ., Res. Ctr. Environ. Genom., ²Yanaihar Institute)
- 2PA-374 アフリカツメガエル胚 CCCH 型 zinc-finger タンパク質の細胞周期依存的リン酸化
近藤 真, 嶋田 益弥, 川原 裕之, 横沢 英良 (北大・院・薬・生化学)
- 2PA-375 Identification of a cell surface protein as a physiological substrate of stromelysin-3 in intestinal remodeling during frog metamorphosis
TOSIKAZU AMANO, LIEZHEN FU, OLIVIA KWAK, ANASTASIA MARSHAK, YUN-BO SHI (LGRD/NICHD/NIH)
- 2PA-376 アフリカツメガエル AhR-interacting protein (xAIP) の機能解析
藤田 吉明, 大井 浩明, 村山 信浩, 佐口 健一, 樋口 成定 (昭和大・薬)

- 2PA-377 **アフリカツメガエル sonic hedgehog (Xshh) 遺伝子の発現制御**
林 香織, 伊藤 弓弦, 久原 哲, 田代 康介 (九大院・農学研究院・遺伝子資源工・遺伝子制御)
- 2PA-378 **アフリカツメガエル初期発生における TSC-22 の役割**
Akiko Hashiguchi¹, Makoto Asashima^{2,3} (¹Dept. of Biol. Sci., Univ. of Tokyo, ²Dept. of Life Sci., Univ. of Tokyo, ³ICORP)
- 2PA-379 **Xhairy2b はアフリカツメガエルの背側正中組織の分化に関与する**
山口 真未, 橋本 主税 (大阪大・院理・生物)
- 2PA-380 **アフリカツメガエルの中樞神経系に発現する転写因子 Xhairy2b の機能解析**
永友 寛一郎, 橋本 主税 (大阪大・院理・生物, JT 生命誌研究館)
- 2PA-381 **Sprouty による ERK 活性化のフィードバック制御は中胚葉背腹軸形成に必要である。**
花房 洋¹, 松本 邦弘¹, 西田 栄介² (¹名古屋大・理・生命理学, ²京都大・生命科学)
- 2PA-382 **Xenopus の原腸形成期の細胞運動における新規因子 XGAP の機能解析**
兵頭 - 三浦 純子, 山本 隆正, 兵頭 亜紀子, 上野 直人 (基生研)
- 2PA-383 **予定中脳・後脳境界領域に発現する bHLH 転写抑制因子 XHR1 はプリパターン因子として働く**
高田 仁実¹, 服部 太祐¹, 喜多山 篤², 上野 直人², 平良 真規^{1,3} (¹東大・院理・生物科学, ²基生研・形態形成, ³科技団・CREST)
- 2PA-384 **胚性外胚葉に発現する分泌性因子 Epithelin は, アフリカツメガエルの神経堤形成に必要である。**
長田 真一^{1,2,3}, 大森 慎也^{1,2}, 稲森 雅子^{1,2}, 平良 真規^{1,2} (¹東大・院理・生物, ²科技構・CREST, ³秋田大・院医・COE)
- 2PA-385 **アフリカツメガエル予定脳領域特異的に発現する新規遺伝子群の構造と機能解析**
徳田 博志, 高橋 範行, 平良 真規 (東大院・理・生物科学)
- 2PA-386 **アフリカツメガエルの初期発生における FGF レセプター様蛋白質 XFGFRL1/NDK の機能解析**
松田 真弥, 林 周一, 平良 真規 (東大・院理・生物科学)
- 2PA-387 **アフリカツメガエル胚オーガナイザー領域における Xlim-1, Ldb1, Rnf12, 及び XSsdp の機能的相互作用の解析**
呉屋 夕季, 平谷 伊智朗, 徳田 博志, 平良 真規 (東大・院理・生物科学)
- 2PA-388 **細胞分裂調節因子 xBtg2 のツメガエル初期発生における機能解析**
杉本 薫¹, 浅島 誠^{1,2} (¹東大・総合・生命, ²ICORP)
- 2PA-389 **解離処理したアフリカツメガエル胚未分化細胞からのアクチビンとアンジオポエチン 2 共処理による血管誘導**
長嶺 憲太郎^{1,3}, 古江 美保², 福井 彰雅³, 浅島 誠^{3,4} (¹栄研化学・生化研 2, ²神奈川歯大・生化, ³東大・院・総合, ⁴ICORP)
- 2PA-390 **XTRAP-1, one of subunits of translocin associated protein complexes is necessary for the pronephros tubulogenesis in xenopus laevis**
DongHui Li¹, TeChuan Chan⁵, Reiko Satow³, Shinnji Komazaki⁴, Kouhei Hashizume¹, Makoto Asashima^{2,5} (¹The university of Tokyo, Fac. Med., Dept. Pediatric Surgery., ²iversity of Tokyo, Dept.Life Sciences, ³iversity of Tokyo, Dept.Biological Sciences, ⁴Saitama med. univ., Dept. Anatomy, ⁵The university of tokyo, ICORP by JST.)
- 2PA-391 **Dullard は BMP シグナル調節因子である**
佐藤 礼子¹, 浅島 誠^{1,2,3} (¹東大・院理・生物科学, ²東大・院・総合・生命, ³ICORP)
- 2PA-392 **メダカ生殖細胞分化段階の解析**
青木 裕美子^{1,3}, 長尾 一生², 金城 政孝², 田中 実³ (¹北大・院理・生物科学, ²北大・電子研, ³基生研・生殖遺伝)
- 2PA-393 **蛍光相関分光法および FRAP を用いたメダカ生殖顆粒の生体内動態解析**
長尾 一生¹, 青木 裕美子², 田中 実², 金城 政孝¹ (¹北大・電子研, ²基生研・生殖遺伝)
- 2PA-394 **メダカ始原生殖細胞の移動に関わる二つの経路**
黒川 紘美^{1,2}, 青木 裕美子^{1,2}, 中村 修平^{1,2}, 江部 陽子¹, 田中 実² (¹北大・院理・生物科学, ²基生研・生殖遺伝)

- 2PA-395 **被覆層で発現するメダカ新規 Fox 遺伝子はエビボリーの進行に重要な役割を果たす**
 岡本 裕之¹, 名古屋 博之¹, 廣野 育生², 荒木 和男¹, 青木 宙² (¹水産総合セ・養殖研・生産技術, ²東京海洋大大学院・海洋科学技術)
- 2PA-396 Analysis of a medaka mutant *headfish*, defective in trunk and tail development
 Hayato Yokoi¹, Daisuke Kobayashi¹, Shigeo Takashima¹, Takanori Narita¹, Tomoko Jindo¹, Tetsuaki Kimura², Tadao Kitagawa³, Takahiro Kage^{1,8}, Atsushi Sawada⁴, Kiyoshi Naruse¹, Syuichi Asakawa⁵, Nobuyoshi Shimizu⁵, Hiroshi Mitani⁶, Akihiro Shima⁶, Makiko Tsutsumi⁷, Hiroshi Hori⁷, Yuji Ishikawa⁸, Yumiko Saga⁹, Hiroyuki Takeda¹, Kazuo Araki¹⁰ (¹Univ. Tokyo, ²Tokai Univ., ³Kinki Univ., ⁴RIKEN, CDB, ⁵Keio Univ., ⁶Univ. Tokyo, ⁷Nagoya Univ., ⁸Natl. Inst. Radiol. Sci., ⁹Natl. Inst. Genet., ¹⁰Natl. Res. Inst. Aquaculture)
- 2PA-397 **尾芽伸長および頭部形態形成に異常をきたすゼブラフィッシュ母性効果変異 *bobtail* の解析**
 岸本 康之¹, 越田 澄人², 川上 厚志³, 古谷 清木 誠⁴, 近藤 寿人^{4,5}, 川上 浩一¹ (¹国立遺伝研, ²自然機構・岡崎統合バイオ, ³東大院理生物科学, ⁴ERATO/SORST, JST, ⁵阪大・生命機能)
- 2PA-398 **ゼブラフィッシュ後方組織形成における *wnt* と *caudal* 遺伝子との相互作用**
 清水 貴史, Bae Young-ki, 村岡 修, 日比 正彦 (理研・CDB)
- 2PA-399 **メダカヒレ再生突然変異体及びヒレ突然変異体の解析**
 坂口 小枝¹, 高松 尚文², 堀 寛², 今井 義幸¹, 工藤 明¹ (¹東工大・院生命理工, ²名大・院理)
- 2PA-400 **ゼブラフィッシュ新規 *Fgf* の同定と胸ビレ形成における役割**
 野村 涼坪, 水野 伸一, 小西 守周, 三宅 歩, 伊藤 信行 (京大院・薬・遺伝子)
- 2PA-401 **ゼブラフィッシュ膜鱗形成における FGF シグナルの機能**
 阿部 玄武, 米井 小百合, 井出 宏之, 田村 宏治 (東北大・院生命科学)
- 2PA-402 **ゼブラフィッシュ *Fgf19* の眼形成における役割**
 中山 喜明, 三宅 歩, 伊藤 信行 (京大院・薬・遺伝子)
- 2PA-403 **ゼブラフィッシュ眼柄収斂の細胞動態と眼球形成の遺伝学的解析**
 武内 昌哉^{1,2}, 岡本 仁^{3,4}, 政井 一郎² (¹理研・基礎特, ²理研・政井ユニット, ³理研・脳センター・発生遺伝子, ⁴JST, CREST)
- 2PA-404 **網膜幹細胞の分化に異常を示すゼブラフィッシュ突然変異体 *pinball eye* の解析**
 山口 雅裕¹, 藤森 典子¹, 岡本 仁^{2,3}, 政井 一郎¹ (¹理研・政井独立主幹研究ユニット, ²理研・脳センター・発生遺伝子制御, ³科学技術振興機構)
- 2PA-405 **転写抑制活性を持つ新規 *forkhead* 型転写因子のゼブラフィッシュ脳発生過程での役割**
 中田 千紗子, 渡辺 すみ子 (東京大学医科学研究所 染色体制御分野)
- 2PA-406 **レチノイン酸分解酵素 *Cyp26a1* はゼブラフィッシュにおいて後脳と脊髄の境界を決定するのに重要である**
 江本 裕美¹, 和田 浩則², 岡本 仁^{2,3}, 工藤 明¹, 今井 義幸¹ (¹東工大・院・生命理工, ²理研・脳センター発生遺伝子, ³科学技術振興事業団)
- 2PA-407 ***Kaede* を用いたゼブラフィッシュにおける器官・神経原基の隣接関係の研究**
 辻井 仁美, 八田 公平 (理化学研究所・発生再生科学総合研究センター・ポディプラン研究)
- 2PA-408 **脊索・神経管底板形成における細胞分化と細胞選別**
 竹内 雅貴, 辻井 仁美, 荒巻 真介, 八田 公平 (理研 発生・再生)
- 2PA-409 **胸腺の器官発生に異常を示すメダカ変異体の解析**
 岩波 礼将¹, 李 杰¹, Sadiqur Rahman Talukder¹, 樋口 知一¹, 三谷 啓志², 佐々木 貴史³, 清水 信義³, 近藤 寿人⁴, 古谷 清木 誠⁴, 高浜 洋介¹ (¹徳島大・ゲノム機能研究センター, ²東大・新領域創成, ³慶大・医・分子生物, ⁴科技団・SORST)
- 2PA-410 Establishment of *rag1*-GFP-transgenic medaka
 Jie Li, Norimasa Iwanami, Yousuke Takahama (Division of Experimental Immunology, Institute for Genome Research, University of Tokushima)
- 2PA-411 **メダカ血球突然変異体の解析**
 田中 公子¹, 丸山 耕一², 武田 洋幸³, 今井 義幸¹, 工藤 明¹ (¹東工大・生命理工, ²放医研, ³東大・生物科学)

- 2PA-412 **ゼブラフィッシュ造血にかかわる Melk-like kinase の解析**
齋藤 理佳, 田畑 陽子, 武藤 彰彦, 新井 賢一, 渡辺 すみ子 (東大医科研・染色体制御分野)
- 2PA-413 **ゼブラフィッシュ新規 Fgf の同定と造血における役割**
山内 肇¹, 三宅 歩¹, 川原 敦雄², 伊藤 信行¹ (¹ 京大院・薬・遺伝子, ² 京大院・医・先端領域)
- 2PA-414 **Cell non-autonomous role of the yolk syncytial layer (YSL) for myocardial migration in zebrafish**
Takuya Sakaguchi^{1,2}, Yutaka Kikuchi², Le Trinh¹, Atsushi Kuroiwa², Hiroyuki Takeda³, Didier Stainier¹
(¹UCSF, ²Nagoya University, ³University of Tokyo)
- 2PA-415 **ゼブラフィッシュ胚の心臓発生におけるホメオボックス転写因子 Meis1 の役割**
峯畑 健一, 鈴木 健之 (京大・院医・先端領域融合医学研究機構)
- 2PA-416 **Zebrafish *polyhomeotic* homolog *ph2* gene acts downstream of FGF signaling and is required for paraxial mesoderm formation**
Yuta Komoike, Chie Sato, Junichi Sato, Robert Shiurba, Toru Higashinakagawa (Waseda Univ., Schl. Edu., Dept. Biol.)
- 2PA-417 **体節形成に関わる新規ゼブラフィッシュ変異体の解析**
赤沼 啓志¹, 越田 澄人¹, 岸本 康之², 内海 秀子¹, 川村 哲規¹, 古谷 清木 誠³, 近藤 寿人^{3,4}, 高田 慎治¹
(¹ 自然機構・岡崎統合バイオ, ² 遺伝研, ³ERATO/SORST, JST, ⁴ 阪大・生命機能)
- 2PA-418 **ゼブラフィッシュ体節形成における Integrin-Fibronectin 相互作用の役割**
越田 澄人¹, 岸本 康之², 内海 秀子¹, 清水 俊弘³, 古谷 清木 誠⁴, 近藤 寿人^{4,5}, 高田 慎治¹ (¹ 自然機構・岡崎統合バイオ, ² 遺伝研, ³ 京大・院理, ⁴ERATO/SORST, JST, ⁵ 阪大・生命機能)
- 2PA-419 **ストレス応答性キナーゼ MKK4 と MKK7 のゼブラフィッシュ初期胚形成における役割**
徐 正媛¹, 仁科 博史¹, 近藤 寿人², 古谷 清木 誠², 堅田 利明¹ (¹ 東大・院薬・生理化学, ² 科学技術振興機構 SORST 近藤研究チーム)
- 2PA-420 **新規 PCP 関連因子 CERP2 の機能解析**
佐藤 隆行¹, 木田 泰之², 福田 敏史², 小椋 利彦^{1,2} (¹ 東北大・院生命科学, ² 東北大・加齢研)
- 2PA-421 **Medaka temperature-sensitive mutant UT006 reveals a novel role of *chordin* in left-right axis determination**
Shigeo Takashima¹, Daisuke Kobayashi¹, Hayato Yokoi¹, Takanori Narita¹, Tomoko Jindo¹, Takahiro Kage², Tadao Kitagawa³, Tetsuaki Kimura⁴, Koshin Sekimizu¹, Ryouhei Murakami¹, Davin Setiamarga¹, Akimitsu Miyake¹, Shinya Ooki¹, Ken Kakihara¹, Sachiko Tsuda¹, Kiyoshi Naruse¹, Hiroshi Mitani⁵, Akihiro Shima⁵, Yuji Ishikawa², Kazuo Araki⁶, Yumiko Saga⁷, Hiroyuki Takeda¹ (¹Dept. Biol. Sci., The University of Tokyo, ²Natl. Inst. Radiol. Sci., ³Kinki Univ., ⁴Tokai Univ., ⁵Univ. Tokyo, ⁶Natl. Res. Inst. Aquaculture, ⁷Natl. Inst. Genet.)
- 2PA-422 **メダカ縦扁形胚変異体 *hirame* の細胞遺伝学的解析**
浅香 聡¹, 仁科 博史¹, 堅田 利明¹, 近藤 寿人², 古谷 清木 誠² (¹ 東大・院薬・生理化学, ² 科学技術振興機構 SORST 近藤研究チーム)
- 2PA-423 **異体類の左右非対称な視交差形成に関する分子機構の解析**
澤田 鮎子¹, 政井 一郎², 橋本 寿史³, 鈴木 徹⁴, 有瀧 真人⁵, 岡本 仁⁶, 井出 宏之¹, 田村 宏治¹ (¹ 東北大・院生命科学, ² 理研・政井独立主幹, ³ 名大・生物応答セ, ⁴ 東北大・院農, ⁵ 水産総合研究セ・宮古, ⁶ 理研・脳センター・発生遺伝子)
- 2PA-424 **GAL4-UAS システムを利用したゼブラフィッシュにおける遺伝子及びエンハンサートラップ法の開発**
小倉 絵里, 近藤 寿人, 蒲池 雄介 (阪大・生命機能)
- 2PA-425 **ゼブラフィッシュの遺伝子トラップ法による脊椎動物中枢神経系で発現する遺伝子の探索**
永吉 さおり, 川上 浩一 (遺伝研・初期発生)
- 2PA-426 **ゼブラフィッシュにおけるトランスポゾンを用いた Gal4 エンハンサートラップ法の構築**
浅川 和秀¹, 伊藤 安希¹, 浦崎 明宏¹, Ghislaine Morvan¹, 小谷 友也¹, 佐々木 剛², 永吉 さおり¹, 岸本 康之¹, 日比 正彦³, 川上 浩一¹ (¹ 遺伝研・初期発生, ² 基生研・種形成, ³ 理研 CDB・体軸形成)

- 2PA-427 **ゼブラフィッシュにおけるトランスポゾン *Tol2* を用いた新しい発生遺伝学的方法論の開発**
浦崎 明宏, 川上 浩一 (遺伝研・初期発生)
- 2PA-428 ***Tol2* 転移システムを用いたゼブラフィッシュの母性遺伝子トラップ**
小谷 友也, 川上 浩一 (遺伝研・初期発生)
- 2PA-429 The role of Mi-2 in skin stem cells
Mariko Kashiwagi, Katia Georgopoulos (CBRC, Massachusetts General Hospital)
- 2PA-430 ROSA-TET システム: ES 細胞における使い易い遺伝子発現量操作法
升井 伸治, 下里 大輔, 矢木 利香, 高橋 一恵, 丹羽 仁史 (理化学研究所発生再生センター)
- 2PA-431 in vitro ES 細胞分化誘導システムを用いたマウス中内胚葉細胞における遺伝子発現プロファイリング
木下 将樹¹, 江良 択実¹, 多田 真輔¹, ヤークト マーティン², 岡田 光浩², 西川 伸一¹ (理研・発生再生研・幹細胞, ²先端医療振興財団)
- 2PA-432 Rnf2 (Ring1b) deficiency causes inhibition of cell division and proper differentiation in early embryonic development
遠藤 充浩, 古関 明彦 (横浜理研・免疫アレルギーセンター・免疫器官形成)
- 2PA-433 細胞融合法を用いた幹細胞における多能性, 未分化性維持に関わる染色体同定
白吉 安昭¹, 川添 真史郎¹, 吉江 幸司¹, 押村 光雄² (¹鳥取大・医・生命・細胞工学, ²鳥取大・医・機能・遺伝子)
- 2PA-434 Nullipotent EC 細胞との共培養が ES 細胞の分化能に与える影響
川添 真史郎¹, 押村 光雄², 白吉 安昭¹ (¹鳥取大・医・生命・細胞工学, ²鳥取大・医・機能・遺伝子)
- 2PA-435 ストレス応答性 p38 MAP キナーゼのマウス ES 細胞分化における役割
久保田 順子, 仁科 博史, 堅田 利明 (東大・院薬・生理化学)
- 2PA-436 マウス ES 細胞から誘導される色素芽細胞の同定とその解析
本橋 力, 青木 仁美, 國貞 隆弘 (岐阜大・院医・再生医科学)
- 2PA-437 赤血球系細胞分化の転写因子 GATA-1 による増殖・分化調節機構
鄭 潔¹, 北島 健二¹, 仲野 徹¹, 峯岸 直子², 山本 雅之³ (¹阪大・医・病理, ²東北大・先進医工学, ³筑波大・TARA センター)
- 2PA-438 マスト細胞分化における Friend of GATA-1 (FOG-1) の機能
田中 誠人, 北島 健二, 芝谷 尚紀, Zheng Jie, 仲野 徹 (阪大・院・病理)
- 2PA-439 マウス胎仔 AGM 分散培養により得られる血球細胞の運命付け
信久 幾夫, 大津 直樹, 田賀 哲也 (熊本大・発医研・転写制御)
- 2PA-440 胎生中期マウスの AGM 領域における HIPK2 の機能解析
大津 直樹, 信久 幾夫, 餅田 みゆき, 田賀 哲也 (熊本大・発医研・転写制御)
- 2PA-441 造血組織発生における GATA-1 分子のダイマー化の役割
清水 律子¹, 大根田 絹子¹, 西川 恵三¹, 山本 雅之^{1,2} (¹筑波大学・TARA センター/人間総合科学研究科, ²科技機構・ERATO)
- 2PA-442 成体型血液細胞の発生過程における c-Myb の役割
坂本 比呂志, 戴 国友, 辻野 薫里, 橋本 和明, 黄 昕, 小川 峰太郎 (熊本大学・発生医学研究センター・造血発生)
- 2PA-443 転写伸長因子 S-II 遺伝子欠損マウスにおける赤血球産生異常
有光 なぎさ¹, 伊藤 貴浩¹, 竹内 真樹², 川村 暢幸¹, 名取 俊二¹, 宮島 篤², 関水 和久¹ (¹東大院・薬・発生, ²東大分生研, 機能形成研究分野)
- 2PA-444 条件付き遺伝子ノックアウトマウスを用いた GATA-1 の成体造血における機能解析
鈴木 未来子¹, 向井 陽美^{1,2}, 大根田 絹子¹, 山本 雅之^{1,2} (¹筑波大院・人間総合, ²科技機構・ERATO)

- 2PA-445 Critical roles of interferon regulatory factor 4 in CD11b^{high}CD8⁻ dendritic cell development
Atsushi Kumatori¹, Shoichi Suzuki¹, Kiri Honma⁴, Akitoyo Ichinose³, Takashi Suematsu⁶, Kan Toriyama², Kazuo Yamamoto⁵, Kazuo Suzuki⁷, Toshifumi Matsuyama⁵, Katsuyuki Yui⁴, Michio Nakamura¹ (¹Dept. Biochem., ²Pathol., ³Cent. Lab., Ins. Trop. Med., ⁴Div. Immun., Dept. Transla. Med. Sci., ⁵Dept. Mol. Microbiol. and Immun., ⁶Elect. Microsc. Cent., Grad. Sch. Biomed. Sci., Nagasak Univ., ⁷Labo. of Biodef., Nat. Ins. of Infect. Dis.)
- 2PA-446 遺伝子欠損マウスを用いた小児急性白血病関連遺伝子の機能解析
浦野 敦司^{1,2}, 遠藤 正紀³, 和田 忠士³, 伊藤 美由紀², 片岡 由起⁴, 赤澤 宏⁵, 滝 智彦⁶, 中島 秀明⁷, 小室 一成⁵, 森川 吉博⁸, 吉田 進昭⁴, 林 泰秀⁹, 半田 宏³, 北村 俊雄², 野阪 哲哉¹ (¹東大医科研・造血因子探索, ²東大医科研・細胞療法, ³東工大・生命理工・生命情報, ⁴東大医科研・遺伝子機能, ⁵千葉大・医・循環病態医科学, ⁶京都府立医大・分子病態検査医学, ⁷東大医科研・研究拠点形成, ⁸和歌山県立医大・解剖学, ⁹群馬県立小児医療センター)
- 2PA-447 C3H10T1/2 細胞におけるガラクトシルセラミド発現因子 - 1 による筋分化誘導
小倉 潔, 新野 由子, 田井 直 (都臨床研・腫瘍免疫)
- 2PA-448 筋芽細胞の融合を阻害する抗体の作製と対応する抗原をコードする遺伝子の単離
徳弘 圭造, 池西 厚之, 小宮 透 (大阪市大・院理・動物機能)
- 2PA-449 筋芽細胞における APC 遺伝子発現抑制の影響
村岡 正敏, 原 孝彦 (都臨床研, 腫瘍生化学)
- 2PA-450 ウシ骨格筋形成初期段階及び骨格筋再生過程における Myostatin 及び骨格筋形成関連遺伝子の発現
柴田 昌宏¹, 松本 和典¹, 相川 勝弘¹, 門脇 基二² (¹近畿中国四国農業研究センター畜産草地部, ²新潟大学農学部)
- 2PA-451 骨格筋成長制御における Periostin の役割
島崎 雅司^{1,2}, 宮越・鈴木 友子², 武田 伸一², 工藤 明¹ (¹東工大院生命理工, ²国立精神・神経セ・神経研・遺伝子疾患治療)
- 2PA-452 腱細胞分化マーカー Tenomodulin の Scleraxis による発現制御
角花 美和, 滝本 晶, 開 祐司, 宿南 知佐 (京大・再生研・生体分子設計)
- 2PA-453 ES 細胞から心筋細胞への分化における足場タンパク質 JSAP1 の機能解析
佐藤 時春¹, 西田 純¹, 麦 威¹, Gantulga Davaakhuu¹, 日高 京子², 森崎 隆幸², 中別府 雄作³, 善岡 克次¹ (¹金沢大・がん研, ²国立循環器病セ研・バイオサイエンス, ³九州大・生医研)
- 2PA-454 Guidance of myocardial patterning in cardiac development by Sema6D reverse signaling
Toshihiko Toyofuku, Atsushi Kumanogoh, Hitoshi Kikutani (Osaka University, Research Institute for Microbial Diseases, Department of Molecular Immunology)
- 2PA-455 ニワトリ胚心臓における PCP 系分子の発現解析
飯尾 明生¹, 勝又 崇^{1,2}, 小出 正文³, 森崎 隆幸^{1,2} (¹国循セ・研・バイオサイエンス, ²大阪大・院薬・分子生理病態, ³モレニアムラボラトリーズ)
- 2PA-456 Cell commitment of teratocarcinoma cells during cardiomyocyte differentiation
Shizuka Uchida¹, Kazuo Fushimi^{1,2}, Machiko Sabi¹, Toshifumi Tsukahara^{1,2} (¹JAIST, ²CREST)
- 2PA-457 転写因子 MesP1 および MesP2 はマウス心筋細胞の分化に必須である
北嶋 聡¹, 相崎 健一¹, 五十嵐 勝秀¹, 中津 則之¹, 井上 達², 菅野 純¹, 相賀 裕美子³ (¹国立衛生研・毒性部, ²国立衛生研・生物セ, ³国立遺伝研・発生工学)
- 2PA-458 心臓形態形成における, T-box 遺伝子 *Tbx2* の機能解析
白井 学¹, 今中 恭子², 大谷 修³, Robert J. Schwartz⁴, 森崎 隆幸^{1,5} (¹国循セ・研・バイオサイエンス, ²三重大学・医・病理, ³富山医薬大・医・解剖, ⁴Dept. Mol. Cell. Biol., Baylor Col. Med., ⁵阪大院・薬・分子生理病態)
- 2PA-459 マウス心臓における Notch1 シグナリングの機能解析
渡辺 裕介¹, 小久保 博樹¹, 宮川一富田 幸子², 五十嵐 勝秀³, 菅野 純³, 相賀 裕美子¹ (¹遺伝研, 発生工学, ²東京女子医大, 循環器小児科, ³国立衛研, 毒性部)

- 2PA-460 心臓血管形成における *hesr1* と *hesr2* の協調的な機能
小久保 博樹¹, 宮川一富田 幸子², 相賀 裕美子¹ (¹ 遺伝研・発生工学, ² 東京女子医大, 小児循環)
- 2PA-461 平面単培養条件を用いた胚性幹細胞の血球および血管内皮細胞への分化誘導の試み
村上 能庸¹, 平田 大二¹, 田中 洋介², 井上 加代子¹, 戸坂 真子¹, 中森 修子¹, 堀井 美希¹, 浅原 孝之^{1,2}, 川真田 伸¹ (¹ 先端医療振興財団, ² 理研 CDB)
- 2PA-462 マウス ES 細胞由来血管前駆細胞および血管内皮細胞の核移植
天野 朋和¹, 片岡 恵一郎², 高橋 幸子², 鈴木 宏志^{1,3}, 栗原 裕基² (¹ 東京大・医・発生医療, ² 東京大・医・代謝生理, ³ 帯広畜大・原虫病センター)
- 2PA-463 ヒト臍帯静脈内皮細胞 (HUVECs) およびマウス胚性幹 (ES) 細胞由来の血管内皮細胞におけるホメオボックス転写因子 Prox1 の機能解析
三嶋 弘一¹, 今泉 奈津子¹, 渡部 徹郎¹, 升井 伸治², 丹羽 仁史², 宮園 浩平^{1,3} (¹ 東大・院医・分子病理, ² 理研・発生再生研, ³ 癌研・生化)
- 2PA-464 マウス胚性幹細胞および始原生殖細胞における遺伝子発現の包括的解析
淵上 拓也¹, 三瀬 名丹¹, 杉本 道彦¹, 小早川 智¹, 池 郁生², 多田 高³, 野瀬 俊明⁴, 阿部 訓也¹ (¹ 理研, BRC, 動物変異, ² 理研, BRC, 実験動物, ³ 京大, 再生研, 発生分化, ⁴ 三菱生命研)
- 2PA-465 PDGF-B/PDGFR シグナル系の増強が VEGF-A/FGF-2 共刺激による血管新生機構において重要である
狩野 光伸^{1,2}, 森下 保幸¹, 岩坂 茂¹, 大内 耐義², 宮澤 恵二¹, 宮園 浩平¹ (¹ 東京大・院・医・分子病理, ² 東京大・院・医・老年病学)
- 2PA-466 Runx1 は IGFBP-3 遺伝子の転写抑制を介して血管分化を促進する
原 孝彦, 岩槻 健 (都臨床研・腫瘍生化学)
- 2PA-467 Notch シグナル伝達系標的遺伝子 *hesr1* の動脈特異的エンハンサーの解析
斉藤 航^{1,2}, 小久保 博樹¹, 恒松 康彦², 相賀 裕美子¹ (¹ 遺伝研・発生工学, ² 東京理科大・理工・応用生物)
- 2PA-468 血管平滑筋アクチンの特異的遺伝子発現機構と急性炎症時発現の役割
竹治 正展, 守山 敏樹, 三輪 岳志 (大阪大・遺伝情報)
- 2PA-469 Foxc2 遺伝子が欠損したリンパ管内皮細胞は厚い基底膜に囲まれ, 平滑筋細胞が付着する異常を呈する
玉越 智樹¹, Abhishek Chandra¹, Tatiana Petrova², Kari Alitalo², 三浦 直行¹ (¹ 浜松医大・医・生化学第2, ² Biomedicum Helsinki and Univ. Helsinki)
- 2PA-470 ES 細胞の肝細胞分化及び成熟化を制御する分子メカニズムの解析
山本 雄介^{1,2}, 寺谷 工¹, 村田 成範³, 池田 理恵子^{2,3}, 木下 健司³, 松原 謙一³, 加藤 尚志^{2,4}, 落谷 孝広¹ (¹ 国立がんセンター研究所がん転移, ² 早稲田大院・理工・生命理工, ³ DNA チップ研究所, ⁴ 早稲田大・教育・生物学)
- 2PA-471 増殖因子の同定に適した新たな肝芽細胞の初代培養法の確立
三木 梨可, 横内 裕二 (熊大・発医研・パターン形成)
- 2PA-472 マウス肝臓腎臓の生後発生における *Sox17*, *Sox18* による血管形成の制御
松井 利康¹, 金井 正美², 九郎丸 正道¹, 川上 速人², 米川 博通³, George E.O. Muscat⁴, Peter Koopman⁴, 金井 克晃¹ (¹ 東京大・農学生命・獣医, ² 杏林大・医・解剖, ³ (財) 東京都臨床研・実験動物, ⁴ Queensland 大・分生研)
- 2PA-473 胎仔肝臓の細胞表面マーカーの探索
鈴木 香^{1,2}, 田中 稔^{1,2}, 渡辺 夏巳^{1,2}, 岡部 繭子^{1,2}, 宮島 篤^{1,2} (¹ 東大・分生研・機能形成, ² CREST)
- 2PA-474 肝分化における細胞膜表面タンパク質 Tim2 の機能解析
渡辺 夏巳^{1,3}, 田中 稔^{1,3}, 鈴木 香^{1,3}, 熊ノ郷 淳^{2,3}, 菊谷 仁^{2,3}, 宮島 篤^{1,3} (¹ 東大・分生研・機能形成, ² 阪大・微研, ³ CREST)
- 2PA-475 マウス肝発生における MAT1A 遺伝子プロモーター領域の CpG メチル化パターンの解析
池田 玲子, 西田 知弘, 酒井 綾子, 逆井 良, 齋藤 佳子, 朝比奈 欣治, 堀川 三郎, 寺岡 弘文 (東京医歯大・難研・病態生化学)

- 2PA-476 マウス肝臓発生における Sox17 遺伝子の役割
永田 工¹, 金井 正美², 松井 利康¹, 的場 章悟¹, 川上 速人², 米川 博通³, 九郎丸 正道¹, 金井 克晃¹ (¹ 東大・農・獣医解剖, ² 杏林大・医, ³ (財) 東京都臨床研・実験動物)
- 2PA-477 肝細胞の胆汁分泌能獲得に対するアミノペプチダーゼ N の役割
松井 等, 宮島 篤 (東大・分生研・機能形成)
- 2PA-478 FGF シグナルはニワトリ胚肝前駆細胞の胆管系細胞への分化増殖を促進する
柳井 雅明¹, 遠藤 文夫², 横内 裕二¹ (¹ 熊大, 発生研, パターン形成, ² 熊大, 医, 小児科)
- 2PA-479 GFR 2 / NRTN シグナルは肝臓発生時における肝芽の移動に関する
辰巳 徳史, 横内 裕二 (熊大・発医研・パターン形成)
- 2PA-480 肝芽形成における BMP antagonist PRDC による肝芽と腸管の領域化
蓮沼 昇^{1,2}, 柳井 雅明^{1,2}, 中山 瑞穂¹, 勝 賢二郎¹, 遠藤 文夫², 横内 裕二¹ (¹ 熊大・発医研・パターン形成, ² 熊大・医・小児科)
- 2PA-481 膵 細胞内における Maf 群転写因子の機能解析
下畑 誉¹, 楊 景堯², 森戸 直記¹, 工藤 崇¹, 高橋 智¹ (¹ 筑波大学 大学院人間総合科学研究科 解剖学 発生学, ² 筑波大学 大学院人間総合科学研究科 腎臓病態医学分野)
- 2PA-482 MafA 欠損マウスの表現型解析
江崎 律子¹, 張 川¹, 森口 尚¹, 梶原 美和子¹, 原田 絢子¹, 下畑 誉¹, 大石 久史¹, 濱田 理人¹, 森戸 直記¹, 長谷川 和輝¹, 工藤 崇¹, Engel James Douglas², 山本 雅之³, 高橋 智¹ (¹ 筑波大・人間総合科学・解剖発生, ² Michigan Univ. Med., ³ TARA センター)
- 2PA-483 EphA2/EphA4 ダブル遺伝子変異マウスに現れた腎形成異常の解析
成瀬 智恵¹, Andrew Boyd², 浅野 雅秀¹ (¹ 金沢大・学際・遺伝子改変動物, ² Queensland Inst. of Med. Res., Leukaemia Found. of Queenslan)
- 2PA-484 改良遺伝子トラップ法により得られた Wtap 遺伝子変異マウスの機能解析
福住 好恭, 成瀬 智恵, 柿内 太, 浅野 雅秀 (金沢大・学際セ・動物)
- 2PA-485 遺伝子変異マウスを用いた HP1 (Heterochromatin Protein 1) の機能解析
柿内 太, 成瀬 智恵, 福住 好恭, 浅野 雅秀 (金沢大・学際セ)
- 2PA-486 マウス Ad4BP/SF-1 の胎仔副腎特異的なエンハンサーにおける 2 つのステップ活性化機構
Mohamad Zubair^{1,3}, 岡 早苗¹, 河和 寛恵¹, Fatchiyah¹, 石原 悟¹, 藤井 義明^{2,3}, 諸橋 憲一郎¹ (¹ 基礎生物学研究所・性差生物学研究部門, ² 筑波大・TARA, ³ SORST)
- 2PA-487 PCR サブトラクション法を用いた脂肪細胞分化関連遺伝子の検索 (Glutathione peroxidase plasma isoform (GPx-P) の発現解析)
山崎 肇史^{1,2}, 田原 浩司¹, 井上 (村山) 美穂³, 麻生 久⁴, 伊藤 慎一³ (¹ ビー・エム・エル総研, ² 岐阜大・連農, ³ 東北大院・農・機能形態, ⁴ 岐阜大・応用生物学)
- 2PA-488 Meltrin の脂肪細胞分化における機能の解析
正木 めぐみ, 栗崎 知浩, 瀬原 淳子 (京大・再生研・再生増殖)
- 2PA-489 成熟脂肪細胞由来の前駆脂肪細胞株 DFAT-D1 の樹立
八木 研¹, 近藤 大輔², 二階堂 愛¹, 加野 浩一郎², 岡崎 康司¹ (¹ 埼玉医大・ゲノム医学研究セ・ゲノム科学, ² 日大院・生物資源)
- 2PA-490 グリーンマウス成熟脂肪細胞に由来する前駆脂肪細胞株 DFAT-GFP の樹立
信末 博行, 市村 篤芳, 加野 浩一郎 (日大院・生物資源)
- 2PA-491 成熟脂肪細胞由来の前駆脂肪細胞株 DFAT は骨芽細胞に分化転換する
大峯 敏志¹, 伏島 美汐², 沖 嘉尚¹, 加野 浩一郎¹ (¹ 日大院・生物資源, ² 日大・生物資源)
- 2PA-492 成熟脂肪細胞に由来する前駆脂肪細胞株は軟骨細胞に分化転換する
藤井 智子, 遠藤 克, 加野 浩一郎 (日大院・生物資源)
- 2PA-493 成熟脂肪細胞由来の前駆脂肪細胞株 DFAT は骨格筋細胞へ分化転換する
風間 智彦¹, 野呂 幸代¹, 麦島 秀雄², 遠藤 克¹, 加野 浩一郎¹ (¹ 日大院・生物資源, ² 日大院・医)

- 2PA-494 DFAT-D1 は脂肪細胞と骨芽細胞の形質を同時に示す
沖 嘉尚, 加野 浩一郎 (日大院・生物資源)
- 2PA-495 乳腺上皮細胞は脂肪細胞へ分化転換する
市村 篤芳¹, 栗原 さやか², 加野 浩一郎¹ (1 日大院・生物資源, 2 日大・生物資源)
- 2PA-496 ブタ顆粒膜細胞は種々の間葉系細胞に分化転換する
小田 佳奈子, 遠藤 克, 加野 浩一郎 (日大院・生物資源)
- 2PA-497 ケトン体代謝酵素 (アセトアセチル CoA 合成酵素) の脂肪細胞分化における遺伝子発現変動
山崎 正博, 鈴木 宏明, 長谷川 晋也, 高橋 典子, 福井 哲也 (星薬大・薬・衛生)
- 2PA-498 フォークヘッド型転写因子 Foxo による脂肪細胞制御機構の解析
宗片 圭祐, 坂本 和一 (筑波大・生命環境科学)
- 2PA-499 脂肪細胞における inducible PFK-2 の発現と機能
渡邊 礼, 渥美 敏也, 吉岡 成人, 小池 隆夫 (北大院・医・病態内科)
- 2PA-500 Nemo-like kinase regulates skeletal cell differentiation
二藤 彰^{1,2}, 出野 尚¹, 大山 巖雄², 野田 政樹², 白壁 恭子³, 澁谷 浩司³ (1 放医研先端遺伝子発現研究センター, 2 東京医歯大難研分子薬理, 3 東京医歯大難研分子細胞生物)
- 2PA-501 RANKL, TNF-alpha, LPS, 及び peptidoglycan は破骨細胞分化における細胞融合を直接誘導する
佛坂 育祉, 松尾 謙一郎, 坂井 詠子, 吉田 教明, 中山 浩次 (長崎大・院・医歯薬・発生分化機能再建)
- 2PA-502 破骨細胞におけるリン処理機構について
拝藤 紗貴子, 伊藤 美紀子, 酒井 佑子, 中村 理恵, 瀬川 博子, 桑波田 雅士, 山本 浩範, 宮本 賢一 (徳大・大学院・分子栄養学)
- 2PA-503 破骨細胞形成に必須の 7 回膜貫通型受容体 DC-STAMP
野見山 尚之¹, 三浦 洌¹, 義江 修², 久木田 敏夫³ (1 熊大・大学院医薬研究部, 2 近大・医学部, 3 九大・大学院歯学研究院)
- 2PA-504 破骨細胞分化で発現が誘導される遺伝子の解析
葛蒲池 健夫¹, 久木田 明子¹, 山形 和恒², 市川 仁², 大木 操², 久木田 敏夫³, 小橋 修¹ (1 佐大・医・病因病態科学, 2 国立がん研・研, 3 九大・歯院・口腔細胞分子生物学)
- 2PA-505 破骨細胞の分化過程における細胞形質の変化
望月 文子^{1,2}, 高見 正道¹, 川和 忠治², 芝 燁彦², 鈴木 玲奈³, 佐々木 崇寿³, 上條 竜太郎¹ (1 昭和大・歯・口腔生化学, 2 昭和大・歯・歯科補綴学, 3 昭和大・歯・口腔組織学)
- 2PA-506 骨芽細胞の初期分化マーカーであるアルカリフォスファターゼ活性に及ぼすレチノイン酸と BMP2 の影響
唐木田 丈夫¹, 油井 龍五², 鈴木 敏彰², 深江 允¹, 大井田 新一郎¹ (1 鶴見大・歯・生化, 2 全薬工業 (株) 中央研究所)
- 2PA-507 骨芽細胞分化における BMP2 シグナルと Wnt シグナルの相互作用
中島 愛子¹, 片桐 岳信², 田村 正人¹ (1 北大・院歯, 2 埼玉医大・ゲノム医学研究セ)
- 2PA-508 骨細胞を誘導的に ablate するトランスジェニックマウスの開発
辰巳 佐和子^{1,2}, 松田 明生², 河野 憲二³, 池田 恭治² (1 医薬品医療機器総合機構, 2 国立長寿医療センター 運動器疾患研究部, 3 奈良先端大 遺伝子教育研究センター)
- 2PA-509 ALK3 は頭蓋骨縫合部形成に必須である
丸山 顕潤¹, 島山 信也¹, Chung C², 真鍋 友則¹, 三輪 岳志³, 三品 裕司⁴, 野田 政樹², 西森 克彦¹ (1 東北大・農・分子生物, 2 東京医歯大・難治研, 3 阪大・遺伝実験施設, 4 NIEHS・Lab. REprod. & Dev. Toxic.)
- 2PA-510 クラウン系医用ミニブタ歯根膜由来細胞株の樹立とその機能解析
和田 悟史¹, 山本 松男², 衣斐 美歩¹, 張 桂霞¹, 中島 愛子¹, 和泉 雄一³, 高尾 尊身^{2,3}, 飯田 順一郎¹, 田村 正人¹ (1 北大・院歯, 2 鹿大・生命科学資源開発研究セ, 3 鹿大・院歯)
- 2PA-511 新規分泌性 BMP antagonist, Ectodin の歯形成における役割の解明
葛西 義明¹, 堀田 祐平¹, 高田 慎治², Jukka Jernvall³, Irma Thesleff³, 伊藤 信行¹ (1 京大院・薬・遺伝子, 2 基生研・統合バイオ, 3 ヘルシンキ大学・生命工学)

- 2PA-512 マイクロアレイを用いたレチノイン酸による中胚葉および外胚葉への分化誘導の解明
佐飛 真知子¹, 内田 靖哉¹, 伏見 和郎^{1,2}, 辰濱 隆志¹, 塚原 俊文^{1,2} (¹北陸先端大・ナノマテリアルテクノロジセンター, ²CREST)
- 2PA-513 神経分化関連因子 RaiWD スプライシングバリエント RaiWD (+) に結合する Ppia の神経分化における機能解析
飯塚 正幸, 橋 良美, 浦野 有美子, 川崎 靖, 杉山 晶規, 田代 文夫 (東京理科大・基礎工)
- 2PA-514 P19 細胞の神経分化における RaiWD の機能解析
浦野 有美子, 飯塚 正幸, 橋 良美, 川崎 靖, 杉山 晶規, 田代 文夫 (東京理科大・基礎工)
- 2PA-515 Trip15/CSN2 は Oct-3/4 の転写抑制を介して神経分化を誘導する
高鍋 奈津子, 松本 岳, 田代 洋介, 秋山 弘匡, 川崎 靖, 杉山 晶規, 田代 文夫 (東京理科大・基礎工・生物工)
- 2PA-516 RaiWD スプライシングバリエントである RaiWD (+) の神経分化における機能解析
橋 良美¹, 浦野 有美子¹, 飯塚 正幸¹, 川崎 靖¹, 杉山 晶規¹, 郡司 涉^{1,2}, 宇津木 孝彦^{1,2}, 村上 康文^{1,2}, 田代 文夫^{1,2} (¹東京理科大・基礎工, ²東京理科大・ゲノム創薬セ)
- 2PA-517 P19 細胞の神経分化における転写因子 MIBP1 の発現解析
福地 成彦, 脇 万里子, 岩下 雄二, 田平 知子, 林 健志 (九大・生医研・遺伝情報・ゲノム構造学)
- 2PA-518 細胞外来性因子による神経幹細胞増殖促進と分化抑制機構の解析
清水 健史, 鹿川 哲史, 田賀 哲也 (熊本大・発医研・転写制御)
- 2PA-519 神経幹細胞の未分化維持機構に関する遺伝子の探索
柏木 太一¹, 落合 和^{1,2}, 田賀 哲也¹ (¹熊本大・発医研・転写制御, ²熊本大・医・細胞情報薬理学)
- 2PA-520 ホメオティック因子 ATBF1 は神経細胞分化に伴う細胞周期抑制を誘導する
三浦 裕¹, 川口 誠², 飛田 秀樹³, Jung Cha-gun³, Kim Hye-Jung³, 浅井 清文¹, 西野 仁雄³ (¹名市大院・医・分子神経, ²新潟労災病院・病理, ³名市大院・医・脳神経)
- 2PA-521 海馬領域神経前駆細胞に対する Wnt3a の作用
吉永 豊^{1,2}, 鹿川 哲史¹, 清水 健史¹, 井上 俊洋¹, 高田 慎治³, 矢野 茂敏², 森岡 基浩², 倉津 純一², 田賀 哲也¹ (¹熊本大・発生研・転写制御, ²熊本大・医・脳神経外科, ³岡崎統合バイオ・分子発生)
- 2PA-522 網膜発生に関する DD76 遺伝子の神経系特異的発現制御機構の解析
武藤 彰彦, 新井 賢一, 渡辺 すみ子 (東大医科研・染色体制御)
- 2PA-523 網膜形成過程における *Otx5* と *Opn4* 遺伝子の発現パターンの解析
桑野 武志¹, 赤松 志野¹, 友成 さゆり¹, 清水 美幸¹, 足立 太郎¹, 林原 康典², 大島 健², ミツ森 正之², 野地 澄晴^{1,2}, 大内 淑代^{1,2} (¹徳島大・工・生物工・発生進化学, ²徳島知的クラスター)
- 2PA-524 *Sox2* 遺伝子の前方神経板における発現を担う N-2 enhancer の解析
吉田 雄三, 岩淵 真木子, 竹本 龍也, 内川 昌則, 近藤 寿人 (阪大・生命機能)
- 2PA-525 *Sox2* エンハンサーの活性化による水晶体分化の開始機構
井上 将, 内川 昌則, 近藤 寿人 (阪大 院生命機能)
- 2PA-526 水晶体プラコードでの Pax6 自己発現制御について
青田 伸一¹, 吉川 俊一², 古田 泰秀², 岡崎 賢二¹ (¹生物分子工学研究所, ²MD Anderson 癌研 テキサス大学)
- 2PA-527 レンズ発生における SIP1 と FoxE3 の関係を調べる
西郷 有香, 好本 あき, 近藤 寿人 (阪大・生命機能)
- 2PA-528 成体マウス眼組織を構成する神経堤由来細胞の特性の検討
金久保 佐知子, 野村 真, 若松 義雄, 大隅 典子 (東北大・院医・創生応用医学研究セ・形態形成)
- 2PA-529 SOX10 によるエンドセリン B 型受容体遺伝子の転写制御機構の解析
横山 悟, 武田 和久, 柴原 茂樹 (東北大院・医・分子生物)
- 2PA-530 神経堤由来細胞の分化における Src チロシンキナーゼの機能解析
高塚 敦子¹, 名田 茂之¹, Alexander Tarakhovski², 岡田 雅人¹ (¹阪大・微研, ²Rockefeller Univ., USA)

- 2PA-531 脊椎動物 *Slitrk* ファミリーの発現部位の解析
井上 貴史, 畑山 実, 太田 摩耶, 有賀 純 (脳研, 比較神経)
- 2PA-532 レチノイン酸によるラット胎仔表皮の粘膜上皮への分化転換機構の解析
山口-宮地 まり¹, 岡崎 雪湖¹, 秋元 義弘², 帯刀 章子¹ (¹帝京大・薬・生理化, ²杏林大・医・解剖)
- 2PA-533 乾癬において過剰発現している Epidermal fatty acid binding protein による表皮細胞の増殖分化の調節
草刈 良之¹, 奥山 隆平¹, 小川 英作¹, 大和田 佑二², 北中 のり子², 近藤 尚武², 田上 八朗¹, 相場 節也¹
(¹東北大学大学院 医学研究科 皮膚科, ²東北大学大学院 医学研究科 細胞組織学)
- 2PA-534 マウス眼瞼形成における FGF10 の役割
田尾 嘉誉¹, 楠本 涼¹, 小野 勝彦², 野地 澄晴¹, 大内 淑代¹ (¹徳島大・工・生物工, ²自然科学研究機構・生理研)
- 2PA-535 ヒト Hornerin の同定と再生皮膚および乾癬皮膚における発現の検討
高石 樹朗¹, 牧野 輝彦², 諸橋 正昭², 許 南浩¹ (¹岡大・院・歯学総合・細胞生物, ²富山医薬大・医・皮膚科)
- 2PA-536 Identification of novel keratinocyte-secreted peptides, dermokine- /- , and a new stratified epithelium-secreted protein gene complex on human chromosome 19q13.1
Takeshi Matsui¹, Fumie Hayashi-Kisumi¹, Yoko Kinoshita¹, Sayaka Katahira¹, Kazumasa Morita², Yoshiki Miyachi², Yuichi Ono¹, Toshio Imai¹, Yoko Tanigawa¹, Tohru Komiya¹, Shoichiro Tsukita³ (¹KAN Research Institute, Inc. , ²Department of Dermatology, Graduate School of Medicine, Kyoto University, ³Department of Cell Biology, Faculty of Medicine, Kyoto University)
- 2PA-537 ephrin-A3 の毛周期に及ぼす影響について
翠川 辰行¹, 山田 裕子¹, 吉野 輝彦¹, 大寺 基靖¹, 荒瀬 誠治² (¹ライオン・生物科学センター, ²徳島大・医・皮膚)
- 2PA-538 男性ホルモンによる毛周期制御の解析
内藤 厚志¹, 佐藤 隆², 松本 高広², 武山 健一^{2,3}, 吉野 輝彦¹, 加藤 茂明^{2,3}, 大寺 基靖¹ (¹ライオン・生物科学センター, ²東大分生研, ³科技団・SORST)
- 2PA-539 毛周期に伴うリポキシゲナーゼおよびシクロオキシゲナーゼの発現変動
三澤 雅子¹, 地坂 光生², 松崎 貴² (¹鳥取大・連院農, ²島根大・生物資源)
- 2PA-540 抜去毛髪 1 本からの表皮ケラチノサイト培養系の樹立
笹原 祐介¹, 玉置 (橋本) 知子¹, 喜多野 征夫^{2,3}, 家本 敦子¹, 森永 伴法¹, 白川 太郎³ (¹兵庫医大・遺伝, ²兵庫医大, ³京大・医・健康増進)
- 2PA-541 レトロウイルスベクターを用いたマウス頬髯毛包への遺伝子導入
香山 尚子¹, 猪原 節之介², 松崎 貴² (¹島根大・院生資・生物科学, ²島根大・生資・生物科学)
- 2PA-542 FGF-7 の毛成長促進効果とヘパラン硫酸プロテオグリカンの関わり
岩淵 徳郎¹, 中沢 陽介¹, 傳田 澄美子¹, 飯野 雅人¹, 奥山 隆平², 松永 純², 相場 節也², 田島 正裕¹ (¹資生堂研, ²東北大医・皮膚科)
- 2PA-543 生殖細胞特異的な AMY-1 の発現解析
後藤 健吾¹, 松本 健一^{1,3}, 石崎 玲^{1,3}, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大院・薬, ²北大院・農, ³科技構・CREST)
- 2PA-544 核内オーファンレセプター: ERR- 遺伝子の始原生殖細胞発生過程における発現・機能解析
光永 佳奈枝¹, 水崎 博文^{2,3}, 諸橋 憲一郎^{2,3}, 中瀬 直己⁴, 春名 享子⁵, Vincent Giguere⁶, 阿部 訓也⁷, 荒木 喜美¹, 山村 研一¹ (¹熊大 発医研 臓器, ²基生研, ³CREST, ⁴熊大 CARD, ⁵ユージーン(株), ⁶MacGill Univ., ⁷BRC)
- 2PA-545 受精卵における PGC7/Stella の機能解析
中村 肇伸^{1,4}, 木村 透^{1,2}, 榎原 宏紀^{1,4}, 谷口 寿章³, 関元 敏博¹, 米田 悦啓⁴, 仲野 徹^{1,2,4} (¹阪大・院医, ²阪大・微研・遺伝子動態, ³理研・播磨研究所, ⁴阪大・院・生命機能)
- 2PA-546 マウス生殖原基の性分化の初期過程における前後軸に沿った体細胞の動態
平松 竜司, 金井 克晃, 城所 知秀, 九郎丸 正道 (東京大・農・獣医)

- 2PA-547 マウス精子セリンプロテアーゼ TESP5 の受精における役割
本多 新^{1,2}, 小倉 淳郎², 馬場 忠¹ (¹筑波大・生命環境科学研究科, ²理研・BRC)
- 2PA-548 WT1 の発現に対する Sry の影響について
伊藤 雅方, 村田 千怜, 館 鄰, 多比良 和誠 ((独)産技総研・ジーンファンクション)
- 2PA-549 マウス生殖腺における Emx2 遺伝子の機能解析
日下 雅友^{1,2}, 杉山 紀之¹, 福井 由宇子¹, 諸橋 憲一郎¹ (¹基礎生物学研究所, ²総合研究大学院大学)
- 2PA-550 フォークヘッド遺伝子 Fkh3 の機能解析
大脇 亜希子¹, 福井 由宇子¹, 水崎 博文^{1,2}, 佐藤 優子^{1,2}, 諸橋 憲一郎¹ (¹基礎生物学研究所, ²総合研究大学院大学)
- 2PA-551 生殖系列において変異型 DNA ポリメラーゼ を過剰発現させたトランスジェニックマウスの解析
内村 有邦^{1,2}, 古澤 満^{3,4}, 八木 健^{1,2} (¹阪大・生命機能, ²科学技術振興機構,CREST, ³第一製薬, ⁴(株)ネオ・モルガン研究所)
- 2PA-552 出生初期におけるマウス雄性生殖細胞 (gonocyte) の増殖再開始期に発現する P450 アロマトラーゼとスプライシングバリエーションの研究
永野 麗子^{1,4}, 大迫 誠一郎², 原田 信広³, 後藤 英夫⁴ (¹JSPS, ²国立環境研, ³藤田保健衛生大・医, ⁴農業生物研)
- 2PA-553 ラット精子における -Citryl-L-Glutamate 及び, マーカータンパクの免疫細胞学的局在の検討
楢原 正則, 藤野 克哉, 原田 知子, 三宅 正治 (神戸学院大・薬・生理化学)
- 2PA-554 Ddx1 遺伝子の精巣形成過程における発現と機能解析
田中 貴代子¹, 藤野 隆介¹, 田村 浩¹, 石川 雄一郎², 原 孝彦¹ (¹都臨床研, 腫瘍生化学, ²マイクロアレイ室)
- 2PA-555 精原細胞依存的にセルトリ細胞内で活性化される 24p3 遺伝子のプロモーター領域解析
藤野 隆介^{1,2}, 田中 貴代子¹, 田村 和広², 向後 博司², 原 孝彦¹ (¹都臨床研・腫瘍生化学, ²東京薬大・薬・内分泌分子薬理学)
- 2PA-556 精巣における TZF と PIAS との相互作用
田村 徳久¹, 小高 みれい¹, 大島 裕隆¹, 石塚 晶道¹, 萩原 啓実² (¹東工大院・生命理工, ²桐蔭横浜大学・工)
- 2PA-557 外生殖器形成過程における Msx 遺伝子の機能解析
鈴木 聖太郎¹, 尾木 秀直¹, 西田 尚代¹, 三枝 愛子¹, Chen Yiping², 山田 源¹ (¹熊大・生命資源 (CARD), ²Tulane University)
- 2PA-558 マウス精巣の網羅的 in situ hybridization スクリーニングで同定された遺伝子の発現時期・領域を指標とした分類と spermatogenesis における機能的な考察
谷川 葉子¹, 池西 厚之¹, 上村 泰央², 土居 洋文², 小宮 透¹ (¹大阪市大・院理・動物機能, ²セレスター・レキシコ・サイエンシズ (株))
- 2PA-559 マウス精細胞特異的遺伝子プロモーターの解析
野崎 正美¹, Somboontham Pranee¹, 大田 浩², 山田 秀一³, 池 晶子¹, 大西 正剛¹, 西宗 義武¹ (¹阪大・微生物病研究所, ²理研・CDB, ³京大・ウイルス研究所)
- 2PA-560 精子形成過程におけるマウス nanos2 3'非翻訳領域 (3'UTR) の役割
津田 雅之^{1,2}, 鈴木 敦^{1,3}, 相賀 裕美子^{1,2,3} (¹遺伝研・発生工学, ²CREST・JST, ³総研大)
- 2PA-561 精子形成と受精でのマウスフゼレリンの機能解析
金 益均¹, 西村 仁^{1,2}, 中西 友子¹, 柏原 真一¹, 馬場 忠¹ (¹筑波大・生命環境科学研究科, ²カリフォルニア大デビス校)
- 2PA-562 A Targeted Deletion of Nkd1 Impairs Mouse Spermatogenesis
Qin Li¹, Tomo-o Ishikawa², Hiroyuki Miyoshi¹, Masanobu Oshima¹, M Makoto Taketo¹ (¹Kyoto Univ., Grad. Sch. Med., Dept. Pharm., ²UCLA, David Geffen Sch. Med., Dept. Pham.)
- 2PA-563 精巣特異的細胞質ポリ A ポリメラーゼ TPAP による mRNA ポリ A 鎖伸長機構
科内 尊則, 柏原 真一, 馬場 忠 (筑波大学・生命環境科学研究科)

- 2PA-564 CREM 及び TISP40 による半数体精子細胞における転写カスケードの同定
永森 一平¹, 蓬田 健太郎², Paolo Sassone-corsi³, 野島 博¹ (¹ 阪大・微研・分子遺伝, ² 武庫女・分子栄養学, ³ ルイ・パスツール大学)
- 2PA-565 新生仔期 Diethylstilbestrol 投与により引き起こされる精子形成障害の標的細胞の探索-生殖細胞移植技術を用いた解析-
高 圭範¹, 外山 芳郎², 小宮山 政敏^{1,3}, 足達 哲也⁴, 森 千里^{1,5} (¹ 千葉大・院医・環境生命医学, ² 千葉大・院医・形態形成学, ³ 千葉大・環境健康フィールド科学センター, ⁴ 京都大・院薬・ゲノム創薬科学, ⁵CREST)
- 2PA-566 熱ストレスにより産生される活性酸素種が精子形成細胞死を引き起こす
石井 達矢^{1,2}, 松木 真吾¹, 井内 良仁¹, 岡田 太¹, 豊崎 晋二郎¹, 富田 善彦², 池田 義孝³, 藤井 順逸¹ (¹ 山形大院・生命環境医科学・生体分子機能, ² 同・医・腎泌尿器外科学, ³ 佐賀大・医・細胞生物)
- 2PA-567 精巢特異的に発現する新規 PKC 分子種
新野 由子¹, 川口 隆史^{1,2}, 菊山 榮², 塩田 清二¹ (¹ 昭和大・医・第一解剖, ² 早大・教育・生物)
- 2PA-568 鳥類の性決定に PKCI-Z, PKCI-W が関与するというモデルの *in vitro* 実験系による評価
森山 隼介¹, 藤原 聡美¹, 荻原 淳¹, 加藤 順¹, 堀 哲也², 水野 重樹¹ (¹ 日本大・生物資源・農化, ² 国立遺伝研)
- 2PA-569 ニワトリ胚生殖腺形成に対するフォリスタチンの影響
星野 安信, 八杉 貞雄 (都立大・院理・生物科学)
- 2PA-570 雌ニワトリ初期胚 cDNA マクロアレイの解析により得られた雌特異的に発現する 2 種の W 染色体上新規遺伝子の遺伝情報解析
小山 善幸, 山田 大輔, 小林 みどり, 中本 絢子, 仁位 亮介, 荻原 淳, 加藤 順, 水野 重樹 (日本大学・生物資源科学・農化)
- 2PA-571 マウス胎盤における Sox15 と Hand1 による栄養膜巨細胞への分化制御
山田 佳代¹, 神田 宏美¹, 相原 孝至¹, 伊藤 道彦¹, 田中 智², 高松 信彦¹, 柴 忠義¹ (¹ 北里大・理・生物科学, ² 東大院・応用動物・細胞生化)
- 2PA-572 Hepatocyte growth factor activator inhibitor type 1 (HAI-1) は胎盤形成に必須である: ノックアウトマウスを用いた解析
小濱 和代, 長池 幸樹, 田中 弘之, 福島 剛, 内山 周一郎, 長沼 誠二, 伊藤 浩史, 片岡 寛章 (宮崎大・医・2 病理)
- 2PA-573 着床前後の子宮における着床関連遺伝子の発現について
柳本 佳子, 李 東洙, 鈴木 宏志 (帯広畜産大学・原虫病研究センター・ゲノム機能学講座)
- 2PA-574 マウス着床前胚で特異的に発現する遺伝子群の同定と機能解析
堺 弘介, 村山 裕治, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 2PA-575 Expression profile analysis を用いた未受精卵特異的アポトーシス関連遺伝子群 NALP family の同定
山本 まゆ, 宮崎 竜志, 倭 英司, 宮崎 純一 (大阪大・院医・幹細胞制御)
- 2PA-576 卵母細胞および初期胚特異的新規遺伝子 Oog1 の機能に関する研究
塚本 智史¹, 伊原 良¹, 相沢 明², 南 直次郎¹, 今井 裕¹ (¹ 京大院農・生殖生物, ² 家畜改良研究所)
- 2PA-577 マウス受精卵に見出した母性 RNA のポリ A 鎖伸縮様式には多様な形態が存在する。
桜井 敬之^{1,2}, 木村 穰^{1,2} (¹ 東海大学医学部, ² 東海大学遺伝子工学実験動物研究センター)
- 2PA-578 マウス 2cell 期における CalyculinA-Responsive Gene の解析
服部 聡, 檜原 正則, 静間 陽子, 河合 裕一, 三宅 正治 (神戸学院大・薬・生理化学)
- 2PA-579 マウス初期発生に関与する巨大蛋白質の機能解析
秦 利幸¹, 飯田 美登里², 古関 明彦², 小原 収^{1,2,3}, 中山 学^{1,3} (¹ 千葉大・薬院, ² 理研・免疫アレルギーセ, ³ かずさ DNA 研)
- 2PA-580 マカクサル胎生初期に発現している遺伝子群の網羅的解析
浅岡 一雄¹, 飯田 景子¹, 森 千里², 久保田 俊一郎³ (¹ 京都大学・豊長類研究所, ² 千葉大学・医学部, ³ 東京大学・大学院総合文化研究科)

- 2PA-581 マウス初期胚で発現する rhophilin-2 遺伝子と相互作用する因子の探索
 松岡 俊樹¹, 松本 和也^{1,2}, 天野 朋子¹, 安齋 政幸², 三谷 匡², 加藤 博己², 細井 美彦^{1,2}, 佐伯 和弘^{1,2}, 入谷 明^{1,2} (¹ 近大・生物理工, ² 近大・先端技総研)
- 2PA-582 マウス初期胚における時計遺伝子群の発現解析
 松下 聡紀¹, 天野 朋子¹, 松本 和也^{1,2}, 安齋 政幸², 三谷 匡², 加藤 博己², 細井 美彦^{1,2}, 佐伯 和弘^{1,2}, 入谷 明^{1,2} (¹ 近大・生物理工, ² 近大・先端技総研)
- 2PA-583 マウス初期胚における胚性遺伝子発現機構への DNA メチル化及びヒストンアセチル化の関与
 山本 由美¹, 松本 和也^{1,2}, 天野 朋子¹, 栗原 隆¹, 安齋 政幸², 三谷 匡², 加藤 博己², 細井 美彦^{1,2}, 佐伯 和弘^{1,2}, 入谷 明^{1,2} (¹ 近大・生物理工, ² 近大・先端技総研)
- 2PA-584 マウス初期胚におけるメチル化 DNA のパイオイメーキング
 山崎 大賀, 山縣 一夫, 山下 美鈴, 丸山 靖子, 馬場 忠 (筑波大・生命環境科学研究科)
- 2PA-585 NAD 依存性ヒストン脱アセチル化酵素 Sir2 の核細胞質間輸送
 堀尾 嘉幸, 坂本 淳 (札幌医大・医・薬理)
- 2PA-586 ニワトリ胚胚盤葉下層細胞の分化能
 藤木 真, 八杉 貞雄, 福田 公子 (都立大・院理・生物科学)
- 2PA-587 ニワトリの成体型ペプシノーゲン遺伝子の胚時期における発現パターン解析
 伊田 健一郎, 八杉 貞雄 (都立大・院理・生物科学)
- 2PA-588 ニワトリ発生におけるオポアルブミンの機能解析
 岩崎 司¹, 篠原 広志², 松尾 佳菜子¹, 青木 孝良¹, 山口 泰平³, 松元 光春⁴, 杉元 康志² (¹ 鹿児島大・農・生物資源化, ² 鹿児島大・連合農研, ³ 鹿児島大・歯・口腔保健推進, ⁴ 鹿児島大・農・獣医)
- 2PA-589 ホメオタンパク質に含まれる共通ドメインホメオボックスの分類と代表構造の決定
 鎌足 雄司¹, 斉藤 講平¹, 泉 顕也¹, 金野 大助^{1,2}, 中村 安里^{1,3}, 阿部 孝政¹, 清宮 恭子¹, 葛西 卓磨^{1,4}, 栃尾 尚哉¹, 近山 英輔¹, 小柴 生造¹, 林 文晶¹, 廣田 洋^{1,5}, 好田 真由美¹, 井上 真¹, 矢吹 孝¹, 青木 雅昭¹, 鞆 康子¹, 関 英子¹, 寺田 貴帆^{1,6}, 白水 美香子^{1,6}, 田中 昭子¹, 小原 収^{7,8}, 菅野 純夫⁹, 関 原明¹, 篠崎 一雄¹, 林 崎 良英¹, 川井 悟³, 木川 隆則¹, 横山 茂之^{1,4,6} (¹ 理研・GSC, ² 東大院・総合文化, ³ 東京電機大・理工, ⁴ 東大院・理, ⁵ 横市大院・総理, ⁶ 理研・播磨, ⁷ 理研・RCAI, ⁸ かずさ DNA 研, ⁹ 東大・医科研)
- 2PA-590 発生調節遺伝子群 Dlx3-7 の発現調節 cis-因子の同定とその進化
 隅山 健太, 金 亨哲, 斎藤 成也 (国立遺伝研 集団遺伝)
- 2PA-591 前方臓側内胚葉における *Otx2* 遺伝子の発現調節機構の解析
 木村一吉田 千春, 中野 博, 松尾 勲 (理研・CDB・ボディプラン・ヘッドオーガナイザープロジェクト)
- 2PA-592 胚体外胚葉の増殖・分化に関するマウス *t*-complex 変異 *tclw5* の責任遺伝子の探索
 杉本 道彦¹, 杠 美佐子¹, 目加田 和之², 辛島 裕子³, Minoru S. H. Ko⁴, Ramaiah Nagaraja⁴, Seong-Seng Tan⁵, 高木 信夫³, 阿部 訓也¹ (¹ 理研・BRC・動物変異, ² 理研・BRC・実験動物, ³ 北大・地球環境, ⁴ NIA/NIH, USA, ⁵ Univ. Melbourne, Australia)
- 2PA-593 Tead 転写因子は Wnt シグナリングと協調して *Foxa2* の発現を制御しオーガナイザーを維持する
 澤田 篤志¹, 西崎 有利子³, 佐藤 寛子¹, 巳波 やよい¹, 近藤 寿人², 佐々木 洋¹ (¹ 理研・発生再生セ, ² 阪大・生命機能, ³ Kyoto Univ., Institute for Frontia Medical Science)
- 2PA-594 *Mesp2* は L-fringe を誘導し, Notch-signaling を抑制する事で分節境界を確立する
 森本 充, 相賀 裕美子 (遺伝研・発生工学)
- 2PA-595 マウス *EphA4* 遺伝子の体節形成における発現制御機構の解析
 中島 由郎¹, 相賀 裕美子^{1,2} (¹ 遺伝研・発生工学, ² 総研大)
- 2PA-596 器官形成における間充織 - 上皮転換と *Cdc42*・*Rac1* の役割: 体節形成をモデルとした解析
 仲矢 由紀子^{1,2}, 黒田 真也³, 貝淵 弘三⁴, 片桐 友二¹, 高橋 淑子^{1,2} (¹ 理研 CDB, ² 奈良先端大・バイオ, ³ 東京大・生物情報科学, ⁴ 名古屋大・院医)
- 2PA-597 体節中胚葉の分節境界形成における *cMeso-1*, *EphA4* と Notch シグナルの関わり
 渡邊 忠由^{1,2}, 佐藤 有紀², 神山 淳³, 岡野 栄之³, 高橋 淑子^{1,2} (¹ 奈良先端大学・バイオ, ² 理研・CDB, ³ 慶應大・医・生理)

- 2PA-598 カメにおける尾部形成の組織学的, 遺伝子発現解析
 棚治 隆史¹, 原口 竜摩¹, 佐藤 義彦¹, 工樂 樹洋², 倉谷 滋² (¹ 熊本大・生命資源・技術開発, ² 理研 CDB・形態進化)
- 2PA-599 胎児外生殖器と尾芽の協調した形態形成プロセス
 原口 竜摩¹, 佐藤 義彦¹, 棚治 隆史¹, Chi-chung Hui², Maria Ros³, Suzanne Mansour⁴, Anne Moon⁵, 山田 源¹ (¹ 熊本大・生命資源・技術, ² Toront univ., ³ Cantabria univ., ⁴ Utah univ., ⁵ Univ. Utah School Medi.)
- 2PA-600 マウス発生過程において, *Sfrp1* と *Sfrp2* は尾側体軸伸長と体節形成を調節する
 佐藤 渉¹, 大村 朋美¹, 後藤 貴文², 下野 明彦¹ (¹ 理研神戸, CDB, ² 九大 農学部附属農場)
- 2PA-601 ニワトリ胚の尾部形成過程における尾と後腸の協調した形成機構の解析
 太田 将¹, 鈴木 堅太郎¹, 立花 克郎², 山田 源² (¹ 熊大・CARD, ² 福大・解剖)
- 2PA-602 Involvement of Tsukushi in organizer formation by inhibition of BMP activity in cooperation with chordin
 太田 訓正^{1,3}, Giuseppe Lupo⁴, 大沼 信一⁴, 栗山 正^{1,2}, 田中 英明^{1,2} (¹ 熊本大・院・医薬, ² 熊本大・COE, ³ 科技構・さきがけ 21, ⁴ Univ. Cambridge)
- 2PA-603 ニワトリ胚の左右軸形成過程における *Danae* の機能解析
 勝 賢二郎, 横内 裕二 (熊本大・発生研・パターン形成)
- 2PA-604 *Fgf8* シグナルの調節による峽部形成機構
 鈴木 平野 明日香, 佐藤 達也, 仲村 春和 (東北大・加齢研)
- 2PA-605 初代トランスジェニックマウス胚を用いた *Fgf10* の組織特異的発現を調節する制御領域の解析
 樋口 裕明, 平野 みえ, 稲葉 宏幸, 舩本 寛, 黒岩 厚 (名大・院理・生命)
- 2PA-606 マウス胚における FGF10 下位遺伝子群の DNA マイクロアレイ-ISH 法による解析
 林原 康典¹, 大島 健¹, 三ッ森 正之¹, 大内 淑代^{1,2}, 野地 澄晴^{1,2} (¹ 徳島知的クラスター, ² 徳島大 工生物工)
- 2PA-607 T-box 遺伝子 *Tbx5/4* の組織分化に対する影響
 恩田 伸彦¹, 米井 小百合¹, 黒岩 厚², 井出 宏之¹, 田村 宏治¹ (¹ 東北大学・院生命科学, ² 名古屋大学・院理)
- 2PA-608 四肢の形態形成における Wnt-Frizzled 相互関係
 笹岡 俊輔¹, 宇田川 潔¹, 伊藤 聡², 濃野 勉¹ (¹ 川崎医大・分子生物学, ² 川崎医大・口腔外科)
- 2PA-609 ニワトリ胚肢芽における可溶性 Flt-1 強制発現による血管形成阻害とその骨格への影響
 滝本 晶¹, 角花 美和¹, 開 祐司¹, 渋谷 政史², 宿南 知佐¹ (¹ 京大・再生研・生体分子設計, ² 東大・医科研・腫瘍抑制)
- 2PA-610 鼻部形態形成に異常を示す *Nax* マウスの表現型解析
 川上 穂¹, 山下 良¹, 三池 浩一郎¹, 井手 幸恵², 中潟 直己², 山村 研一¹ (¹ 熊大・発生研・臓器形成, ² 熊大・生命資源・資源開発)
- 2PA-611 Label-retaining cells (presumptive stem cells) in the mouse tongue papillae: location and proliferation potential in vitro
 山田 陽子¹, 太田 正人¹, 種村 健太郎², 近藤 隆², 江藤 一洋¹ (¹ 東医歯大・院医歯総合・分子発生, ² 理化学研究所・脳科学総合研究センター)
- 2PA-612 味蕾細胞の寿命と味蕾に発現する因子の発現時期についての解析
 濱道 良子, 浅野 三好 美咲, 榎森 康文 (東大院・理・生化)
- 2PA-613 DANCE は LTBP-2 と結合し, 弾性線維を形成する。
 平井 希俊¹, 大林 徹也², 堀口 真仁¹, 北 徹¹, 中邨 智之² (¹ 京大・院・医・循環器内科, ² 京大・院・医・先端領域融合医学)
- 2PA-614 Conditional Inhibition of Wnt Signaling by Adenoviral Expression of SDF-5 in Adult Mice
 Masaya Ikegawa¹, Masakazu Nakano¹, Takashi Shimada², Kazuko Matsumoto³, Ryosuke Matsui¹, Kazuhito Yoneda^{1,4}, Hideshi Hujiwake², Kei Tashiro¹ (¹ Kyoto Pref. Univ. Med., Dept. Genomic Sciences, ² Shimadzu Corporation, ³ Waseda Univ., Dept. Chemistry, ⁴ Kyoto Pref. Univ. Med., Dept. Ophthalmology)
- 2PA-615 Indian Hedgehog Gene Is a Target of the Bone Morphogenetic Protein Signaling Pathway
 KENJI SEKI^{1,2}, KOHEI SHIOTA¹, AKIKO HATA² (¹ Kyoto Univ., Grad Sch Med., Dept. Anat. & Dev., ² New England Medical Center, Mol. Cardiol. Res. Ins.)

- 2PA-616 マウス spin 遺伝子ファミリーの発現解析と機能解明の試み
 吉田 瞳^{1,3}, 柳澤 比呂子^{2,3,6}, 豊田 雅士³, 中野 芳朗⁵, 宮下 俊之³, 山田 正夫³, 山元 大輔^{2,4} (¹早稲田大・人間科学部, ²早稲田大・理工総研, ³国立成育医療研究セ・成育遺伝, ⁴早稲田大・理工・遺伝, ⁵兵庫医大・医・遺伝, ⁶(現)三菱化学生命研)
- 2PA-617 Notch3 遺伝子ノックアウトマウスの作成
 北本 武郎¹, 高橋 慶吉², 早坂 美智子¹, 滝本 博明³, 富塚 一磨⁴, 田平 武², 花岡 和則¹ (¹北里大学・理・生物科学・分子発生, ²国立長寿医療センター研, ³北里大学・理・生物科学・生体防御, ⁴キリンビール医薬探索研)
- 2PA-618 Six1 および Six4 タンパク質の生体機能の相違は DNA 結合特異性の違いによる
 安藤 善一, 佐藤 滋, 川上 潔 (自治医大・分子病態治療研・細胞生物)
- 2PA-619 外分泌腺の機能分化を共通に制御する転写因子 CP2-like1
 山口 良文^{1,2}, 米村 重信³, 高田 慎治^{2,4} (¹京大・院・生命科学, ²岡崎統合バイオ・分子発生, ³理研 CDB・細胞形態, ⁴総研大)
- 2PA-620 新規 HMG 型転写因子のマウス胚発生における発現解析
 石村 昭彦¹, 平良 眞規², 長田 真一¹ (¹秋田大・医・21世紀 COE プログラム, ²東大・院理・分子生物)
- 2PA-621 BRAP2/IMP は p21Cip1 の細胞質保持タンパクとして機能する
 Minoru Asada¹, Shuki Mizutani², Dominico Delia³, Akira Yuo⁴, Hidenori Suzuki¹ (¹Nippon Med. Sch., Dept. Pharmacol., ²Tokyo Med. Dent. Univ., Dept. Develop. Biol. & Ped., ³Inst. Nazl. Tumori., Italy, Dept. Exp. Oncol., ⁴Res. Inst. IMCJ, Dept. Hematol.)
- 2PA-622 Identification and functional analysis of Calpain6 as a molecule downstream to endothelin-1 signaling in branchial arch formation.
 Kazuo Tonami¹, Yukiko Kurihara¹, Takahiro Sato¹, Tomokazu Amano¹, Hiroyuki Aburatani², Atushi Kato³, Hiroki Kurihara¹ (¹Dept. of Phys. Chem. and Meta., Grad. Sch. of Med., the Univ of Tokyo, ²Tokyo Univ., RCAST., ³National Institute of Infectious Diseases.)

< PB 会場 >

.....(3b 細胞質オルガネラの構造・機能・形成)

- 2PB-001 AAA-ATPase ペルオキシシン Pex1p および Pex6p のペルオキシソーム膜局在化機構の解析
 柏木 敦子¹, 松崎 高志^{2,3}, 藤木 幸夫^{2,3} (¹ 九大院・システム生命, ² 九大院・理・生物科学, ³ SORST・JST)
- 2PB-002 Membrane biogenesis of peroxisomes: Pex3p and Pex19p are major players
 Takashi Matsuzaki^{1,2}, Yukio Fujiki^{1,2} (¹ Dept. of Biol., Fac. of Sci., Univ. of Kyushu., ² SORST・JST)
- 2PB-003 ペルオキシソーム形成因子 Pex10p の膜局在化機構: Pex2p および Pex12p の関与
 古賀 敬子¹, 奥本 寛治², 藤木 幸夫^{2,3} (¹ 九大院・システム生命, ² 九大院・理・生物科学, ³ SORST・JST)
- 2PB-004 ペルオキシソーム形成因子 Pex26p の機能領域
 松元 奈緒美¹, 田村 茂彦¹, 古木 聡美¹, 藤木 幸夫^{1,2} (¹ 九大院・理・生物科学, ² 科技構・SORST)
- 2PB-005 ペルオキシソーム形態制御に関する新たな因子の探索
 小林 慎太¹, 田中 敦², 藤木 幸夫^{1,2,3} (¹ 九大院・システム生命・生物, ² 九大院・理・生物, ³ SORST・JST)
- 2PB-006 ペルオキシソーム形成因子 PEX13 欠損シロイヌナズナでは PTS1 および PTS2 両輸送経路の効率が低下している: ペルオキシソーム形成突然変異体 *apm2* の解析
 真野 昌二^{1,2}, 中森 ちひろ¹, 二藤 和昌¹, 近藤 真紀¹, 西村 幹夫^{1,2} (¹ 基生研・細胞生物, ² 総合研究大学院大・生命科学)
- 2PB-007 植物ペルオキシソーム局在型リン酸化タンパク質の検索
 新井 祐子¹, 深尾 陽一朗², 林 誠¹, 西村 幹夫¹ (¹ 基生研・細胞生物, ² 京大院・理・植物)
- 2PB-008 メタノール酸化酵母 *H. polymorpha* の PEX17 遺伝子の単離と PEX17 欠失変異株の作製
 松浦 剛¹, Jan A.K.W. Kiel², Marten Veenhuis², 小森 雅之¹ (¹ 阪府大院・農学生命科学, ² Univ. of Groningen, The Netherlands)
- 2PB-009 相同 DNA 対合活性によって開始されるミトコンドリア DNA のローリングサイクル複製に働く Din7 蛋白質の同定
 堀 晶子^{1,2}, 凌 楓¹, 柴田 武彦¹ (¹ 理研・柴田遺伝生化学研, ² 埼玉大・理工・分子生物)
- 2PB-010 大腸菌を用いた相同 DNA 対合蛋白質群を単離するシステムの開発
 和田 昌憲², 凌 楓¹, 柴田 武彦^{1,2} (¹ 理化学研究所・遺伝生化学, ² 横浜市立・院・総合理学)
- 2PB-011 ヒメツリガネゴケミトコンドリアにおける RecA 相同タンパク質の機能解析
 小田原 真樹¹, 井上 貴之¹, 藤田 知道², 長谷部 光泰², 黒岩 晴子¹, 黒岩 常祥¹, 関根 靖彦¹ (¹ 立教大・理・生命, ² 基生研・種分化 2)
- 2PB-012 Effect of tea catechins on mitochondrial DNA deletions in human leucocytes
 Koichi Iwai¹, Yukio Iwamura¹, Shuhei Yamashita¹, Ayumi Okada¹, Yasuyoshi Wadano¹, Noboru Mesaki²
 (¹ Ibaraki Prefectural University of Health Sciences, ² University of Tsukuba)
- 2PB-013 Mito-mice は欠失突然変異型 mtDNA の蓄積により難聴を発症するが, 糖尿病は発症しない
 中田 和人^{1,2,3}, 佐藤 晃嗣^{1,4}, 曾根 英行⁵, 笠原 敦子¹, 池田 勝久⁶, 香川 靖雄⁵, 米川 博通⁴, 林 純一^{1,2}
 (¹ 筑波大・院生命環境, ² 筑波大・TARA, ³ さきがけ, ⁴ 都臨床研, ⁵ 女子栄養大, ⁶ 順大・医)
- 2PB-014 ショウジョウバエミトコンドリア DNA における点突然変異と老化の関連性
 由比 良子¹, 松浦 悦子² (¹ お茶大・院・人間環境科学, ² お茶大・理・生物)
- 2PB-015 高等植物ミトコンドリアは頻繁に分裂と融合を行う
 有村 慎一, 山本 純子, 藤本 優, 堤 伸浩 (東大院・農学生命科学)
- 2PB-016 細胞分裂期におけるミトコンドリア形態のダイナミクス
 田口 奈緒子, 城福 章裕, 石原 直忠, 三原 勝芳 (九大・医院・分子生命)

- 2PB-017 ラット OPA1 の生合成とミトコンドリア形態調節機構
藤田 優, 石原 直忠, 三原 勝芳 (九州大大学院 医学研究院 分子生命 機能高分子設計学講座)
- 2PB-018 ヒト FLJcDNA クローンを用いたミトコンドリア局在タンパク質の網羅的な同定と解析.
富樫 卓志¹, 木須 康智^{2,3}, 河村 義史¹, 園 佐紀¹, 望月 宏美¹, 松倉 進¹, 吉田 顕¹, 桑山 久史¹, 五島 直樹², 菅野 純夫^{2,4}, 野村 信夫² (1 (社) バイオ産業情報化コンソーシアム・生物情報解析研究センター, 2 産総研・生物情報解析研究センター, 3 製品評価技術基盤機構, 4 東京大学・大学院新領域創成科学研究科)
- 2PB-019 ヒト複合体 II (コハク酸 - ユビキノン酸化還元酵素) フラボプロテインサブユニット (Fp) 変異を用いたアイソフォームの解析
冨塚 江利子¹, 後藤 雄一², 北 潔¹ (1 東大院・医・生物医化学, 2 国立精神神経セ・神経研究所・二部)
- 2PB-020 呼吸鎖に関わる銅輸送分子間の相互作用と脳神経系における発現様式の解析
加香 孝一郎^{1,2}, 稲田 佳子¹, 高橋 良徳¹, 竹原 章雄¹, 池本 光志³, 宗像 英輔¹, 久野 節二⁴, 深水 昭吉^{1,2} (1 筑波大院・生命環境, 2 筑波大・TARA セ, 3 産総研・年齢軸セ, 4 筑波大院・人間総合)
- 2PB-021 ユビキノン (CoQ10) は clk-1 欠損マウスにおけるウルトラディアンリズムの遅延をレスキューする
高橋 真由美, 清水 孝彦, 森泉 栄子, 白澤 卓二 (東京都老人研・分子老化)
- 2PB-022 エネルギー代謝抑制による神経分化の促進と細胞死の阻害
大澤 郁朗, 石井 徳恵, 西槇 貴代美, 太田 成男 (日本医大院・加齢科学・細胞生物)
- 2PB-023 核遺伝子産物 MIDAS によるミトコンドリアの増殖と siRNA によるその抑制
上村 尚美, 麻生 定光, 太田 成男 (日本医大院, 加齢科学, 細胞生物)
- 2PB-024 ミトコンドリア型アルデヒド脱水素酵素欠損トランスジェニックマウスにおける酸化ストレスの蓄積はビタミン E の摂取により軽減する
西槇 貴代美, 大澤 郁朗, 小平 恵理, 太田 成男 (日本医大院・加齢科学・細胞生物)
- 2PB-025 核遺伝子の抑制変異によるミトコンドリア tRNA の塩基修飾回復と塩基修飾に関与する酵素遺伝子分離の試み
山縣 久美¹, 桐野 陽平², 鈴木 勉², 杉本 泉^{1,2}, 安川 武宏^{1,2}, 林 純一³, 渡辺 公綱², 太田 成男¹ (1 日本医大院・加齢科学・細胞生物, 2 東大院・新領域・先端生命, 3 筑波大・生物科学)
- 2PB-026 部位特異的変異法を用いた酵母 2 型 AAC の第 5 膜貫通領域の構造解析
岩橋 晶洋^{1,2}, 市橋 直子^{1,2}, 木平 孝高^{1,2}, 篠原 康雄^{1,2} (1 徳島大・薬, 2 徳島大・ゲノム機能研究セ)
- 2PB-027 ナデシコ目におけるミトコンドリア *rps19* - *rps3* 遺伝子クラスターの進化
高橋 愛也, 長野 宏則, Amy Estiati, 久保 友彦, 三上 哲夫 (北大院・農)
- 2PB-028 野生ビート由来の細胞質雄性不稔性原因ミトコンドリア遺伝子の探索
品田 博史, 山本 将之, 小巻 千尋, 久保 友彦, 三上 哲夫 (北海道大学大学院農学研究科)
- 2PB-029 テンサイの花粉稔性回復遺伝子 *Rfx* 座にコードされるミトコンドリア型メタロプロテアーゼ遺伝子
松平 洋明, 浜口 祐子, 萩原 栄揮, 久保 友彦, 三上 哲夫 (北大院・農)
- 2PB-030 シロイヌナズナの色素体に局在する単量体 GTP 結合タンパク質 AtOBG1 は植物体の発達に必須である
梅田 哲也, 中平 洋一, 竹葉 剛, 椎名 隆 (京都府大・人間環境)
- 2PB-031 葉緑体シグマ因子 AtSIG5 の過剰発現体による機能解析
野添 幹雄¹, 石崎 陽子¹, 角山 雄一², 坪倉 由記¹, 加藤 晃³, 新名 惇彦³, 中平 洋一¹, 椎名 隆¹ (1 京都府大・人間環境, 2 京大・RI 総合センター, 3 奈良先大・バイオサイエンス)
- 2PB-032 ヒメツリガネゴケ葉緑体で機能する RecA 相同タンパク質の解析
井上 貴之¹, 小田原 真樹¹, 藤田 知道², 長谷部 光泰², 関根 靖彦¹ (1 立教大・理・生命, 2 基生研・種分化 2)
- 2PB-033 植物ミトコンドリア・葉緑体で機能する RecA 相同タンパク質の解析
桑沢 重隆¹, 井上 貴之¹, 小田原 真樹¹, 藤田 知道², 長谷部 光泰², 関根 靖彦¹ (1 立教大・理・生命, 2 基生研・種分化 2)
- 2PB-034 Pale-green 表現型を示すシロイヌナズナ Hsp101 ホモログ変異体 *apg6* の解析
明賀 史純¹, 本橋 令子^{1,2}, 黒森 崇¹, 永田 典子³, 篠崎 一雄^{1,4} (1 理研・ゲノム科学・植物ゲノム機能, 2 静岡大・農, 3 日本女子大・物質生物, 4 理研・植物分子生物)

- 2PB-035 **マイクロアレイを用いた葉緑体機能変異体の解析**
佐藤 将一^{1,2}, 本橋 令子^{1,3}, 豊田 哲郎², 小長谷 明彦², 篠崎 一雄¹ (¹ 理研・GSC・植物ゲノム, ² 理研・GSC・ゲノム情報, ³ 静岡大・農学部・生物生産)
- 2PB-036 **植物葉緑体における 70S リボソーム依存型 (p) ppGpp 合成酵素活性の生化学的解析**
戸澤 譲^{1,2}, 笠井 光治², 菅野 拓也^{1,2}, 若狭 暁^{2,3}, 遠藤 弥重太¹ (¹ 愛媛大・無細胞科工研, ² JST/CREST, ³ 農研機構・作物研)
- 2PB-037 **Firefly luciferase as a useful vital reporter for monitoring gene expression in tobacco chloroplasts**
Yoichi Nakahira, Go Takeba, Takashi Shiina (Fac. of Human & Environment, Kyoto Prefectural Univ.)
- 2PB-038 **細胞周期依存的な ER exit site のダイナミクス (I) : Cdc2 キナーゼ活性化による ER exit site の分解**
加納 ふみ¹, 田中 亜路¹, 山内 忍¹, 近藤 久雄², 村田 昌之¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境, ² ケンブリッジ大)
- 2PB-039 **細胞周期依存的な ER exit site のダイナミクス (II) : ER-ゴルジ体間小胞輸送への影響**
山内 忍¹, 加納 ふみ¹, 近藤 久雄², 田中 亜路¹, 土田 マーク彰¹, 細川 暢子³, 永田 和宏³, 村田 昌之¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境, ² ケンブリッジ大, ³ 京大・再生研)
- 2PB-040 **ユビキチン-プロテアソーム系による ABCA1 の分解過程制御**
田中 亜路¹, 加納 ふみ¹, 山内 忍¹, 植田 和光², 村田 昌之¹ (¹ 東大院・総合文化・生命環境, ² 京大院・農・応用生命)
- 2PB-041 **小胞体由来の新規構造体 (ER body) の形成を制御する NAI1 遺伝子の解析**
松島 良¹, 深尾 陽一朗¹, 西村 幹夫², 西村 いくこ¹ (¹ 京大院・理・植物, ² 基生研・細胞生物)
- 2PB-042 **過剰発現されたタンパク質のユビキチン化と特異膜構造物形成**
小田 敏明¹, 服部 隆行¹, 北川 恭子¹, 内田 千晴¹, 横田 貞記², 北川 雅敏¹ (¹ 浜松医大・生合一, ² 山梨大・院・医工)
- 2PB-043 **小胞体ストレスによって誘導されるオートファジー**
緒方 麻衣子¹, 森川 恵介¹, 水島 昇², David Ron³, 今泉 和則¹ (¹ 奈良先端大・バイオサイエンス・細胞構造, ² 東京都臨床医学総合研究所・代謝制御研究部門, ³ Skirball Institute, NYU School of Medicine)
- 2PB-044 **小胞体ストレスセンサー IRE1 を介して活性化されるオートファジー**
森川 恵介¹, 緒方 麻衣子¹, 水島 昇², 浦野 文彦³, David Ron⁴, 今泉 和則¹ (¹ 奈良先端大・バイオサイエンス・細胞構造, ² 東京都臨床医学総合研究所・代謝制御研究部門, ³ University of Massachusetts Medical School, ⁴ Skirball Institute, NYU School of Medicine)
- 2PB-045 **酵母オートファジーに必須な膜タンパク質 Atg9 の細胞内局在解析**
関藤 孝之, 大隅 良典 (基生研・分子細胞生物学)
- 2PB-046 **Characterization of COG and GEARs in the COG-5 siRNA-mediated knock down cells**
Toshihiko Oka^{1,2}, Monty Krieger² (¹ Dept. Mol. Biol., Grad. Sch. Med. Sci., Kyushu Univ., ² Dept. Biol., MIT)
- 2PB-047 **脂肪滴に局在する新規 PAT ドメインタンパク質 NPAT の機能解析**
松下 周平, 山口 智広, 廣瀬 富美子, 大隅 隆 (兵庫県立大院・生命理学)
- 2PB-048 **ペリリピンと相互作用する脂肪滴局在タンパク質 CGI-58 の機能解析**
大松 尚登, 山口 智広, 松下 周平, 廣瀬 富美子, 大隅 隆 (兵庫県立大院・生命理学)
- 2PB-049 **コレステロール量の変化に伴う caveolae の機能の変化**
佐々木 幹雄, 野村 亮介, 田所 忠弘, 山本 祐司 (東農大・農・農化)
- 2PB-050 **ヒストン脱アセチル化酵素 HDAC6 によるトランスフェリンのエンドサイトーシス抑制機構**
亀村 和生^{1,2}, 伊藤 昭博¹, 吉田 稔^{1,2} (¹ 理研・吉田化学遺伝, ² CREST・JST)
- 2PB-051 **Mice deficient for the axonemal protein tektin-t suffer from immotile cilia syndrome, and exhibit male infertility due to impaired sperm motility**
Hiromitsu Tanaka¹, Naoko Iguchi¹, Yoshiro Toyama², Kouichi Kitamura¹, Tohru Takahashi¹, Kazuhiro Kaseda¹, Mamiko Maekawa², Yoshitake Nishimune¹ (¹ Osaka Univ., Res. Inst. for Microbial Dise., ² Chiba Univ., Graduate School of Medicine)

- 2PB-052 精巢と癌にのみ高発現する D40 遺伝子産物の検出と細胞内局在
瀧本 将人¹, 笹尾 拓巳^{1,2}, KONSTANTIN BODGANOV¹, YURI URATA¹, 葛巻 暉¹ (¹ 北大・遺制研・癌遺伝子制御, ² 札医大・泌尿器)
- 2PB-053 細胞内膜系の構造異常を示すシロイヌナズナ *katamari1* 変異体
田村 謙太郎¹, 嶋田 知生¹, 近藤 真紀², 西村 幹夫², 西村 いくこ¹ (¹ 京大院・理, ² 基生研・細胞生物)
- 2PB-054 植物の 2 次細胞壁合成変異体カマイラズ (bc-3) 原因遺伝子のポジショナルクローニング
平野 恒¹, 小竹 敬久², 神原 久美子¹, 綱 香穂理², 川崎 信二¹ (¹ 独) 農業生物資源研究所, ² 埼玉大・理・分子生物)
- 2PB-055 Ultrastructural stability under high temperature or intensive light stresses conferred by HspA constitutively expressed in *Synechococcus* sp. strain PCC 7942
Hitoshi Nakamoto¹, Koji Nitta², Nobuaki Suzuki¹, Daisuke Honma¹, Yasuko Kaneko² (¹ Saitama Univ., Dept. Biochem. Mol. Biol., ² Saitama Univ., Dept. Regul. Biol.)

.....(3d タンパク質のプロセッシング・輸送・局在化).....

- 2PB-056 FLJcDNA クローンを用いた大規模タンパク質細胞内局在解析
木須 康智^{1,2}, 富樫 卓志³, 園 佐紀³, 望月 宏美³, 山口 圭³, 高田 奈美子³, 桑山 久史³, 松倉 進³, 吉田 顕³, 関 友恵³, 村尾 晃平^{3,4}, 須田 修二^{3,4}, 大谷 秀二³, 恒川 隆洋^{3,4}, 成瀬 正俊⁵, 宮脇 敦史⁶, 五島 直樹¹, 菅野 純夫^{1,7}, 野村 信夫¹ (¹ 産総研 生物情報解析研究センター, ² 製品評価技術基盤機構 バイオテクノロジーセンター, ³ JBiC 生物情報解析研究センター, ⁴ 富士通 バイオ IT 開発事業部, ⁵ 富士通大分ソフトウェアラボラトリ, ⁶ 理研 脳科学総合研究センター, ⁷ 東大 大学院新領域創成科学研究科)
- 2PB-057 オルガネラ膜 Na⁺/H⁺ 交換輸送体の細胞内局在決定部位の同定
大垣 隆一, 福良 尚美, 中村 徳弘, 三井 慶治, 金澤 浩 (阪大・院理・生物)
- 2PB-058 MtlA の膜挿入に関する膜内在性新因子
西山 賢一^{1,2}, 徳田 元², Matthias Müller¹ (¹ フライブルク大・生化学研究所, ² 東大・分生研)
- 2PB-059 緑膿菌におけるリポタンパク質の選別シグナルの解析
成田 新一郎, 徳田 元 (東大・分生研)
- 2PB-060 大腸菌リボ蛋白質の膜からの遊離を触媒する ABC トランスポーター LolCDE の ATP 分解機構
金丸 京子¹, 松山 伸一², 徳田 元¹ (¹ 東大分生研, ² 立教大理)
- 2PB-061 ABC トランスポーター LolCDE サブユニット間の機能的相互作用の解析
松澤 仁美¹, 伊東 靖子¹, 松山 伸一², 徳田 元¹ (¹ 東大分生研, ² 立教大・理)
- 2PB-062 大腸菌リボ蛋白質特異的キャリアー LolA における Arg43 のアミノ酸置換による機能解析
溪口 直弘¹, 松山 伸一², 徳田 元¹ (¹ 東大・分生研, ² 立教大・理)
- 2PB-063 リボ蛋白質局在化反応における LolA の C 末端領域の役割
奥田 傑, 渡辺 祥司, 徳田 元 (東大・分生研)
- 2PB-064 大腸菌リボ蛋白質の外膜受容体 LolB の可溶性変異体による機能解析
塚原 淳, 成田 新一郎, 徳田 元 (東大分生研)
- 2PB-065 Tow novel proteins in the mitochondrial outer membrane mediate β -barrel protein assembly
Daigo Ishikawa, Hayshi Yamamoto, Yasushi Tamura, Kaori Moritoh, Toshiya Endo (Dept. Chem., Grad. Sch. Sci., Nagoya Univ.)
- 2PB-066 Characterization of Tim23 variants that have mutations in their intermembrane space domains
田村 康, 山本 林, 遠藤 斗志也 (名古屋大学大学院 理学研究科 物質理学専攻)
- 2PB-067 新規ミトコンドリアタンパク質 Tim40 は Small Tim のアセンブリーに関与する
直江 真里, 大和 幸昌, 石川 大悟, 大嶋 智恵, 西川 周一, 山本 林, 遠藤 斗志也 (名大・院・理)
- 2PB-068 ラット Tom20 タンパク質と ALDH プレ配列複合体の X 線結晶構造解析
井倉 真由美¹, 帯田 孝之¹, 尾瀬 農之¹, 遠藤 斗志也², 前仲 勝実¹, 神田 大輔¹ (¹ 九大・生医研, ² 名大・院理)

- 2PB-069 植物における tRNA スプライシング・エンドヌクレアーゼ複合体の細胞内局在
中田 恵子¹, 小宮 正明¹, Markus Englert², Hildburg Beier², 赤間 一仁¹ (¹ 島根大・生物資源・生物科学, ² ヴェルツブルグ大・生化研)
- 2PB-070 ペルオキシソーム膜 ABC タンパク質 PMP70 の局在化シグナルの解析
柏山 恭範, 朝比奈 幸太, 守田 雅志, 今中 常雄 (富山医薬大・薬・分子細胞機能)
- 2PB-071 ペルオキシソーム複合体 Pex10p/Pex12p の E3 活性とペルオキシソーム形成制御
奥本 寛治¹, 野田 浩美¹, 藤木 幸夫^{1,2} (¹ 九大院・理・生物科学, ² 科技団・SORST)
- 2PB-072 C 型肝炎ウイルスコア蛋白質の細胞内局在を規定するシグナルの解析
鈴木 亮介¹, 坂本 真一郎¹, 堤 武也¹, 松田 麻未¹, 森石 恆司², 松浦 善治², 宮村 達男¹, 鈴木 哲朗¹ (¹ 国立感染研ウイルス第二部, ² 阪大微研エマージング感染症センター)
- 2PB-073 昆虫細胞におけるシグナル配列の構造条件
土屋 佳紀, 森岡 一樹, 白井 淳資, 吉田 和生 (動物衛生研究所)
- 2PB-074 出芽酵母タンパク質 Sec39p の分泌過程における機能解析
今井 裕, 中島 春紫, 北本 勝ひこ (東大院・農生科・応生工)
- 2PB-075 植物膜結合型ペプチジルプロリン水酸化酵素の細胞質領域に存在する小胞体からゴルジ装置への輸送シグナル
松岡 健, 高田 沙織, 豊岡 公德, 福田 裕穂 (理研 植物センター)
- 2PB-076 酵母 p24 ファミリーにおける新奇因子の解析
二瓶 浩一¹, 中野 明彦^{1,2} (¹ 理研・中央研・中野生体膜, ² 東大・院理・生物科学)
- 2PB-077 *Arabidopsis thaliana* における COPII 小胞輸送系構成因子 (ATSEC31, ATSEC13) の解析
日野 武志¹, 田中 克典², 川向 誠², 松田 英幸², 中川 強¹ (¹ 島根大・総科センター・遺伝子, ² 島根大・生物資源)
- 2PB-078 Cation effect on the Sec12p-Sar1p interaction in the initial step of vesicle formation
上島 珠美¹, 五十嵐 教之¹, 佐藤 健², 佐藤 美由紀², 矢原 夏子², Stephanie Monaco³, Laurence Dumon-Seignover^{3,4}, 富崎 孝司^{3,5}, 須藤 恭子^{1,6}, 中野 明彦², 若槻 壮市¹ (¹ 高エネルギー加速器研究機構 物質構造科学第二 構造生物, ² 理化学研究所 生体膜, ³ European Synchrotron Radiation, ⁴ Avidis, ⁵ Swiss Light Source, ⁶ NEC ソフト)
- 2PB-079 SNAP-25 endocytosed by ARF6 regulates endosomal membrane trafficking events.
YOSHIKATSU AIKAWA, THOMAS MARTIN (Department of Biochemistry, University of Wisconsin)
- 2PB-080 -Taxilin 結合蛋白質の探索と解析
吉田 憲司^{1,2}, 野上 識¹, 田中 - 中館 佐和子¹, 佐藤 幸江¹, 平石 秀幸², 寺野 彰², 白瀧 博通¹ (¹ 獨医大・医総研・分子細胞生物, ² 獨医大・消化器内科)
- 2PB-081 Src 型チロシンキナーゼ Lyn の Golgi 体から細胞膜への局在機構
小幡 裕希, 中山 祐治, 笠原 広介, 松田 大介, 久家 貴寿, 山口 直人 (千葉大院・薬・分子細胞生物)
- 2PB-082 Constitutive cycling of c-Src between the plasma membrane and the late endosomes is inhibited by the SH2 domain
笠原 広介, 中山 祐治, 久家 貴寿, 松田 大介, 池田 喜久子, 山口 直人 (千葉大院・薬・分子細胞生物)
- 2PB-083 インスリン受容体基質 (IRS) -1 の細胞内局在とその制御機構
武 和巳, 株田 智弘, 伯野 史彦, 高橋 伸一郎 (東大・院・農学生命)
- 2PB-084 EGF 受容体の動態に関する Retromer 複合体の役割の解析
山本 慎也¹, 飯塚 真央¹, 秦 俊文¹, 五十鈴川 和人¹, 張 奎泰², 今川 和彦¹ (¹ 東大・院農・動物育種繁殖学教室, ² 韓国生命工学研究院・霊長類資源室)
- 2PB-085 細胞内タンパク輸送制御分子群 (Hrs と STAMs) : ユビキチン・プロテアソーム系との関連
小林 秀行¹, 田中 伸幸¹, 浅尾 裕信², 菅村 和夫¹ (¹ 東北大学・院・医・免疫, ² 山形大学・医・免疫)
- 2PB-086 低分子量 GTPase Rab5 によるエンドソーム膜輸送の解析
廣田 有子, 黒仁田 敏雄, 姫野 勝, 藤田 英明, 田中 嘉孝 (九大院・薬・細胞生物)

- 2PB-087 腸管寄生原虫赤痢アメーバ Rab7A の機能解析
津久井 久美子¹, 中野 由美子¹, アリ バハブ¹, 岡田 麻美^{1,2,3}, 徳丸 文恵^{1,3}, 野崎 智義^{1,3} (¹ 感染研・寄生動物, ² 東大・院医・国際保健, ³ 科学技術振興機構・さきがけ)
- 2PB-088 出芽酵母 Pir1 タンパク質の細胞内局在及びその反復配列の役割
角田 徹, 横尾 岳彦, 地神 芳文 (産総研・糖鎖工学研究センター)
- 2PB-089 出芽酵母の GPI アンカー合成系は Tat2p の膜への局在化に必要である
岡本 美智代, 横尾 岳彦, 梅村 真理子, 仲山 賢一, 地神 芳文 (産総研・糖鎖工学センター)
- 2PB-090 タバコ植物体における外来タンパク質高効率分泌生産系の構築
松井 健史, 堀 満千子, 志澤 暢子, 仲山 英樹, 新名 惇彦, 吉田 和哉 (奈良先端大・バイオ)
- 2PB-091 西洋ワサビにおける C1a ペルオキシダーゼの細胞内局在性
田林 綾子, 松井 健史, 高橋 咲都紀, 竹村 光一, 岩野 恵, 新名 惇彦, 吉田 和哉 (奈良先端大・バイオ)
- 2PB-092 液胞貯蔵タンパク質の細胞内輸送に関するシロイヌナズナ変異体の解析
嶋田 知生¹, 李 立新¹, 河本 恭子¹, 近藤 真紀², 西村 幹夫², 西村 いくこ¹ (¹ 京都大・院理・植物, ² 基生研・細胞生物)
- 2PB-093 ABCG1 と ABCG4 の細胞内局在解析
松尾 道憲, 清水 裕二, 木岡 紀幸, 植田 和光 (京都大・院農・応用生命)
- 2PB-094 Rab3 エフェクター分子 Noc2 による開口分泌の制御機構
三木 隆司¹, 松本 正成², 柴崎 忠雄¹, 清野 進¹ (¹ 神戸大・医・細胞分子医学, ² 千葉大・医・細胞分子医学)
- 2PB-095 結節性硬化症原因遺伝子 TSC2 による細胞内タンパク質の局在制御
一條 昌志, 田所 忠弘, 山本 祐司 (東農大, 農, 農化)
- 2PB-096 線虫新規キナーゼ LRK-1 は神経細胞における極性的な選別輸送を制御する
坂口 愛沙¹, 久本 直毅^{1,2}, Yishi Jin³, 松本 邦弘^{1,2} (¹ 名大院・理・生命理学, ² 科技団・CREST, ³ HHMI/UCSC)
- 2PB-097 線虫 *C.elegans* の感覚情報をもとにした体のサイズの制御機構
藤原 学¹, Steven McIntire², 大島 靖美¹, 石原 健¹ (¹ 九大・院理・生物科学, ² Dept. of Neurology, UCSF)
- 2PB-098 精子形成におけるマウス DNA Ligase IV の発現と局在
若尾 昌平¹, 水田 真平¹, 市原 慶和^{1,2} (¹ 藤田保健衛生大学, 院, 分子遺伝, ² 藤田保健衛生大学, 衛生, 衛生技術)
- 2PB-099 亜鉛トランスポーター ZnT5 と ZnT6 と ZnT7 による分泌型亜鉛酵素アルカリフォスファターゼの活性化
鈴木 智之, 石原 香織, 見垣 育, 永尾 雅哉, 岩井 裕子, 神戸 大朋 (京都大・生命・統合)
- 2PB-100 出芽酵母 Unfolded Protein Response による広範囲な転写制御
木俣 有紀, 木俣 行雄, 河野 憲二 (奈良先端大・遺伝子セ)
- 2PB-101 出芽酵母 Rot1p は BiP/Kar2p 制御能を持つ分子シャペロンである
竹内 雅人, 木俣 行雄, 河野 憲二 (奈良先端大・遺セ)
- 2PB-102 シロイヌナズナ小胞体の DnaJ ホモログ
西川 周一, 山本 雅也, 丸山 大輔, 小池 仁, 遠藤 斗志也 (名古屋大・院・理)
- 2PB-103 IRE1-XBP1 経路で制御される新規遺伝子 CERD1/Derlin-2 の機能解析
小田 裕香子², 岡田 徹也¹, 吉田 秀郎^{1,3}, Randal J. Kaufman⁴, 永田 和宏², 森 和俊¹ (¹ 京大・院・理・ゲノム情報, ² 京大・再生研・細胞機能調節, ³ SORST, JST, ⁴ Univ. Michigan Medical Center, Dept. Bio Chem.)
- 2PB-104 小胞体ストレス応答に關与する膜結合性転写因子 ATF6 の内腔領域に位置するシステイン残基の還元が site-1 protease による ATF6 の効率的な切断に必要である
灘中 里美¹, 吉田 秀郎^{1,2}, 安達 雄亮³, 森 和俊¹ (¹ 京大・理・生物物理, ² 科技機構, ³ 京大院・生命科学)
- 2PB-105 OASIS, an ER stress transducer in astrocytes, is processed in response to ER stress by the same proteases that process ATF6
Tomohiko Murakami, Shinichi Kondo, Kazunori Imaizumi (Division of Structural Cellular Biology, Nara Institute of Science and Technology, NAIST)

- 2PB-106 ER ストレス刺激における GADD34 の遺伝子発現調節の解析
羽根田 正隆, 伊藤 佐知子, 磯部 健一（国立長寿セ 老化機構研究部）
- 2PB-107 酸化ストレスセンサー Keap1 は, Cul3 型 E3 ライゲースアダプターとして転写因子 Nrf2 の速い代謝回転を制御する。
小林 聡^{1,2,3}, 姜 文一^{1,2,3}, 大辻 摩希子^{1,2,3}, Kit Tong^{1,2,3}, 千葉 智樹⁴, 山本 雅之^{1,2,3}（¹筑波大・TARA センター,²人間総合,³ERATO,⁴都臨床研）
- 2PB-108 小胞体膜タンパク質 TMX によるレドックス調節機構の解析
松尾 禎之¹, 近藤 科江², 岡 新一¹, 近藤 則彦¹, 孫 安生¹, 増谷 弘¹, 淀井 淳司¹（¹京都大・ウイルス研・感染防御,²京都大・医・21世紀COE）
- 2PB-109 分子内チオール-ジスルフィド交換反応を介した酵母 Yap1 転写因子の過酸化水素感知機構
岡崎 祥子, 永治 陽子, 眞野 成康, 後藤 順一, 永沼 章, 久下 周佐（東北大・院薬）
- 2PB-110 糖タンパク質小胞体関連分解（GERAD）における小胞体内レクチン EDEM の役割
松本 和花子¹, 佐伯 佳奈², 佐伯 晃一^{1,2}, 徳永 文稔^{2,3}, 小出 武比古^{1,2}（¹兵庫県大・院・生命理学,²姫路工大・院・理学,³大阪市大・院医・分子制御）
- 2PB-111 小胞体膜結合性プロテアソーム（ERb）の構造特性
矢部 公彦¹, 谷口 隆雄², 小出 武比古^{1,2}（¹兵庫県大・院・生命理学,²姫路工大・院・生命科学）
- 2PB-112 小胞体膜結合性プロテアソームによる GERAD の促進
佐伯 晃一, 小出 武比古（兵庫県大・院・生命理学）
- 2PB-113 変異型アンチトロンピン（C95R）による Russell body 様構造体形成機構の解析
田中 幸¹, 小澤 哲夫², 横田 貞記³, 今中 常雄¹（¹富山医薬大・薬・分子細胞機能,²富山医薬大・医・臨床検査,³山梨大院・医学工学総合研）
- 2PB-114 哺乳類 HRD1 ホモログの基質選択の解析
森戸 大介¹, 平尾 和義¹, 細川 暢子^{1,2}, 永田 和宏^{1,2}（¹京都大・再生研,²科技団・CREST）
- 2PB-115 糖鎖認識ユビキチンリガーゼは変性蛋白質の糖鎖を認識する
吉田 雪子, 吹谷 加奈子, 田中 啓二（都臨床研）
- 2PB-116 ラット小脳における phospholipase A2 activating protein（PLAP）の機能解析
白井 良憲, 小野 弘子, 伊藤 正男（理研・脳センター・記憶学習）
- 2PB-117 Nep98p 温度感受性変異体 Nep98-7p の分解
横尾 匡, 西川 周一, 遠藤 斗志也（名古屋大・院理・物質理学）
- 2PB-118 Analysis of the Recognition and Degradation Mechanism of the Ubiquitinated Proteins by 26S Proteasome in vitro
佐伯 泰, 東江 昭夫（東大院・理・生物科学）
- 2PB-119 出芽酵母 26S プロテアソーム lid 変異体を用いた基質分解活性と構造の解析
磯野 江利香, 斎藤 奈央子, 鎌田 直子, 佐伯 泰, 東江 昭夫（東大院・理・生物科学）
- 2PB-120 Generation of PA200 knockout mice
Hiromasa Matsumoto, Hideki Yashiroda, Keiji Tanaka, Tomoki Chiba（Dept. Mol. Oncol., Tokyo Metro. Inst. Med. Sci.）
- 2PB-121 Novel proteasome-interacting molecules that facilitate the formation of the precursor complex of the mammalian 20S proteasome
Yuko Hirano¹, Hideki Yashiroda¹, Shun-ichiro Iemura², Tohru Natsume², Keiji Tanaka¹, Shigeo Murata^{1,3}（¹Tokyo Metro Inst Med Sci., Dept. Mol Oncol., ²JBIRC, AIST, ³PRESTO, JST）
- 2PB-122 Genetic analysis of Rpn10 subunit in mice
Jun Hamazaki^{1,2}, Tomoki Chiba¹, Shinichi Hisanaga², Keiji Tanaka¹, Shigeo Murata^{1,3}（¹Mol. Oncol., Tokyo Metro. Inst. Med. Sci., ²Dept. of Bio. Sci., Grad. Sch. of Sci., Tokyo Metro. Univ., ³PRESTO, JST.）
- 2PB-123 出芽酵母 *Saccharomyces cerevisiae* の Sem1 はプロテアソームの安定性を高めるプロテアソームの 19S RP のサブユニットである
舟越 稔, 小林 英紀（九州大・医・分子生命・細胞工学）

- 2PB-124 分裂酵母 E2 酵素 Rhp6 は Cut8 の分解を介して 26S プロテアソームの核局在を制御する
 武田 綱二郎¹, 柳田 充弘² (¹ 京都大学理学研究科, ² 京都大学生命科学研究科)
- 2PB-125 分子シャペロン hsp70 は hsp40 と共にプロテアソーム機能を制御する
 吉田 由紀¹, 山野 武寿¹, 水上 修作^{1,2}, 鷗殿 平一郎¹ (¹ 理研・免疫研・シャペロン, ² 長大・院・医歯薬・免疫)
- 2PB-126 A novel protein-conjugating system for Ufm1, a ubiquitin-fold modifier
 Masaaki Komatsu^{1,2}, Kanako Tatsumi¹, Tomoki Chiba¹, Eiki Kominami², Keiji Tanaka¹ (¹ Tokyo Metro. Inst. Med. Sci., Dept. Mol. Oncol., ² Juntendo Univ. Sch. Med., Dept. Biochem.)
- 2PB-127 マシャド・ジョセフ病原因遺伝子産物 Ataxin-3 と HR23a との相互作用の NMR 解析
 坂田 絵理¹, 住吉 晃¹, 山口 芳樹¹, Wei Li², Claudio A.P. Joazeiro², 田中 啓二³, 加藤 晃一¹ (¹ 名市大・院薬・生命分子構造学, ² Genom. Inst. of Novartis Res. Found., ³ 都臨床研・分子腫瘍)
- 2PB-128 HOIL-1 を含む RING 型ユビキチンリガーゼ複合体は活性化 PKC を選択的に識別する
 中村 宗浩¹, 徳永 文稔^{1,2}, 桐浴 隆嘉^{1,2}, 岩井 一宏^{1,2} (¹ 大市大・院医, ² CREST)
- 2PB-129 VHL-box および SOCS-box タンパク質と Cullin-Rbx との結合特異性は Cul2-box および Cul5-box 配列により決定される
 嘉村 巧^{1,2}, 中山 敬一^{1,2} (¹ 九大・生医研・分子発現制御学, ² 科技団・戦略的創造研究)
- 2PB-130 ユビキチン-プロテアソーム系を介したシグナル伝達因子 SEK1 の分解機構の解析
 宮下 千明¹, 伊藤 道彦¹, 神田 宏美¹, 善岡 克次², 高松 信彦¹, 柴 忠義¹ (¹ 北里大・理・生物科学, ² 金沢大・がん研)
- 2PB-131 アンチザイム 2 の相互作用分子の探索
 村井 法之, 松藤 千弥 (慈恵医大 生化 2)
- 2PB-132 ダイオキシン受容体とエストロゲン受容体のクロストークを制御するユビキチンリガーゼ複合体の精製
 大竹 史明¹, 馬場 敦史¹, 三木 ひろみ¹, 高田 伊知郎¹, 藤井 義明^{2,3}, 加藤 茂明^{1,3} (¹ 東大分生研, ² 筑波大 TARA, ³ SORST)
- 2PB-133 Mdm2 依存性のユビキチン化における p300 または MDMX の影響について
 内田 千晴¹, 三輪 清一², 北川 恭子¹, 服部 隆行¹, 安田 秀世³, 北川 雅敏¹ (¹ 浜松医大・医・生化 1, ² 浜松医大・医・第二内科, ³ 東京大・理・化学)
- 2PB-134 オートファジー必須な Atg8-PE 結合の in vitro 解析
 一村 義信, 今村 優子, 大隅 良典 (基生研)
- 2PB-135 植物オートファジー: オートファジー欠損植物は早く老化する
 吉本 光希¹, 花岡 秀樹^{1,2}, 佐藤 修正³, 加藤 友彦³, 田畑 哲之³, 野田 健司¹, 大隅 良典¹ (¹ 基生研, ² 国際バイオインフォマティクス研, ³ かずさ DNA 研究所)
- 2PB-136 植物細胞におけるタンパク質凝集体分解機構の解析
 豊岡 公德, 福田 裕穂, 松岡 健 (理研・植物センター)
- 2PB-137 PHD/RING-CH フィンガーマチーフを有する新規膜タンパク質の同定
 徳田 雅樹, 中村 信大, 広瀬 茂久 (東工大・生命理・生体システム)
- 2PB-138 シロイヌナズナ F-box タンパク質の細胞内局在解析
 黒田 浩文¹, 堀井 陽子¹, 関 原明², 篠崎 一雄², 松井 南¹ (¹ 理研・植物変異探索, ² 理研・植物変異開発)
- 2PB-139 ユビキチンリガーゼ Smurf2 の TGF- β による転写誘導とそのメカニズムの解析
 大橋 温¹, 山本 龍夫¹, 内田 千晴², 戸川 証¹, 深澤 洋敬¹, 藤垣 嘉秀¹, 鈴木 小由里^{1,2}, 北川 恭子², 服部 隆行², 小田 敏明², 林 秀敏³, 菱田 明¹, 北川 雅敏² (¹ 浜松医科大学 第一内科, ² 浜松医科大学 生化学第一, ³ 名古屋市立大学薬学部)
- 2PB-140 腎線維化に伴う Smad7 の分解亢進とその分子機構の解析
 深澤 洋敬¹, 山本 龍夫¹, 戸川 証¹, 大橋 温¹, 鈴木 小由里^{1,2}, 内田 千晴², 北川 恭子², 服部 隆行², 小田 敏明², 菱田 明¹, 北川 雅敏² (¹ 浜松医大, 内科学第一, ² 浜松医大, 生化学第一)
- 2PB-141 HPV16E6 蛋白質と結合する宿主蛋白質 E6AP の機能調節機構の解析
 下地 徹, 勝二 郁夫, 梶山 裕一, 松田 麻未, 宮村 達男 (国立感染症研究所ウイルス第二部)

- 2PB-142 出芽酵母 Rsp5 結合タンパク質の機能解析
篠田 淳郎¹, 甲斐田 大輔², 東江 昭夫¹, 菊池 淑子¹ (¹ 東大院・理・生物, ² 理研)
- 2PB-143 Tom1 GAT ドメインによるユビキチン認識の分子機構
阿久津 誠人^{1,2}, 川崎 政人², 志波 智生², 加藤 洋平³, 加藤 龍一^{1,2}, 中山 和久³, 若槻 壮市^{1,2} (¹ 総研大
物構, ² 高エネ研 構造生物, ³ 京都・薬・生体情報制御)
- 2PB-144 高等植物シロイヌナズナにおける SUMO 翻訳後修飾機構の解析
長瀬 美緒¹, 松田 英幸^{1,2}, 川向 誠¹, 中川 強², 田中 克典¹ (¹ 島根大・生物資源・生命工, ² 島根大・総科
研センター)
- 2PB-145 分裂酵母 SUMO E3 リガーゼ Siz2 の機能解析
Jeong Hee-tae, 藤瀬 次弘, 松田 英幸, 川向 誠, 田中 克典 (島根大・生物資源・生命工)
- 2PB-146 Zinc フィンガー蛋白 BCL11A/ Evi9 は SUMO 化による翻訳後修飾を受ける
桑田 健, 中村 卓郎 (癌研・研・発がん)
- 2PB-147 骨軟部腫瘍細胞におけるユビキチン化蛋白と SUMO 化蛋白の網羅的機能解析
石原 孝也^{1,2}, 堀田 晶子^{1,2}, 横井 左奈², 井本 逸勢^{2,4}, 小谷 秀示^{2,3}, 稲澤 譲治^{2,3,4} (¹ 東京医歯大・院・医
歯学総合, ² 東京医歯大・難研・分子細胞遺伝, ³ 東京医歯大 COE プロジェクト, ⁴ 科技団・CREST)
- 2PB-148 Alcadein の細胞内代謝とアルツハイマー病診断マーカー開発への展望
宮城 尚美¹, 荒木 陽一^{1,2}, 山本 一夫³, 西村 正樹⁴, 樋口 美保¹, 中矢 正¹, 鈴木 利治¹ (¹ 北大院・薬・神
経, ² 東大院・薬・神経生物物理, ³ 東大院・新領域, ⁴ 滋賀医・分子神経科学研究センター)
- 2PB-149 Alcadein family の切断機構と切断による機能発現
加藤 直子¹, 荒木 陽一^{1,2}, 住岡 暁夫^{1,3}, 山本 一夫⁴, 中矢 正¹, 鈴木 利治¹ (¹ 北大・院薬・神経科学, ² 東
大・院薬・神経生物物理科学, ³ 東大・院薬・遺伝学, ⁴ 東大院・新領域)
- 2PB-150 APP の sialylation により A ペプチドの分泌が促進される
中川 和博¹, 北爪 しのぶ¹, 丸山 敬², 西道 隆臣³, 橋本 康弘¹ (¹ 理研・FRS, ² 埼玉医大・薬理, ³ 理研・
BSI)
- 2PB-151 ヒト皮膚構成細胞におけるビタミン A 誘導 TGF- 活性化反応の解析
今 裕美^{1,2}, 近藤 和嘉子¹, 坪井 良治³, 下仲 基之², 小嶋 聡一¹ (¹ 理化学研究所・分子細胞病態学研究
ユニット, ² 東京理科大学・理学部化学科, ³ 東京医科大学・皮膚科学教室)
- 2PB-152 癌抑制遺伝子産物 MM-1 による c-Myc 分解機構解析
木村 優美子¹, 永尾 安理沙¹, 佐藤 亜希子¹, 藤岡 優子¹, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹ 北大
院・薬, ² 北大院・農, ³ 科技構・CREST)
- 2PB-153 c-Myc 結合タンパク質 MM-1 による Wnt-4 発現調節の解析
佐藤 俊浩¹, 萩尾 祐子¹, 北浦 廣剛^{1,3}, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹ 北大院・薬, ² 北大院・
農, ³ 科技構・CREST)
- 2PB-154 膜プロテアーゼヘプシンの前立腺における基質探索
山本 圭, 倉地 幸徳 (産業技術総合研究所・年齢軸生命工学センター)
- 2PB-155 ヒト エノラーゼ遺伝子 (ENO1) 産物の多様性
伊藤 聡¹, 笹岡 俊輔², 宇田川 潔², 細田 超¹, 本間 隆義², 濃野 勉² (¹ 川崎医大・口外, ² 川崎医大・分子
生物)
- 2PB-156 Plasminogen N-terminal activation peptide および Plasminogen-related protein B の血管新生阻害効果の
検討
林 もゆる, 齊藤 綾子, 佐藤 基, 下仲 基之 (東京理科大・理・化学)
- 2PB-157 フォトリポリン 1 の細胞内シグナル伝達に関する研究
阪本 康司, 島崎 研一郎 (九大・理・生物)
- 2PB-158 タンパク質の核移行, 核外移行の予測に向けたシグナル配列の同定
小杉 俊一^{1,2}, 長谷部 雅子¹, 松村 展敬², 高嶋 秀昭², 宮本 悦子², 柳川 弘志² (¹ 慶應大・先端生命研,
² 慶應大・院理工)

- 2PB-159 蛍光相関分光法を用いたアポトーシスの解析
松村 展敬, 品川 洋, 清水 純子, 土居 信英, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 2PB-160 Calcium-dependent interaction of phospholipase C 1 with importin 1
Masashi Okada, Yoko Naito, Takayuki Ishimoto, Hideaki Kamata, Hajime Hirata, Hitoshi Yagisawa
(Graduate School of Life Science, University of Hyogo)
- 2PB-161 nPKC による HDAC4 の細胞内局在制御
西野 智則^{1,2}, 宮崎 雅也¹, 堀之内 未治¹, 吉田 稔^{1,2,3} (¹ 東大院・農生科, ² 理研・化学遺伝, ³CREST・JST)
- 2PB-162 HLH 型転写抑制因子 Id2 の細胞内局在制御
黒岡 尚徳, 横田 義史 (福井大・医・分子遺伝)
- 2PB-163 Effect of human nucleolin on subcellular localization of telomerase.
Shilagardi Khurts¹, Kenkichi Masutomi², Luvsanjav Delgermaa¹, Naoki Oishi¹, Hideki Mizuno¹, Naoyuki Hayashi¹, William C Hahn², Seishi Murakami¹ (¹Dept. Mol. Oncol., Cancer Res. Ins., Kanazawa Univ., ²Dept. Med. Oncol., Dana-Farber Cancer Res. Ins., Harvard Med. School)
- 2PB-164 神経細胞における RNA 輸送 ~ Pur -mRNP 複合体の解析~
大橋 祥世, 安西 偕二郎 (日本大・薬・生化)
- 2PB-165 HnRNP D/AUF1 の核 - 細胞質間シャトリング配列の同定
鈴木 麻衣子, 飯島 恵, 西村 章, 友添 祐介, 山田 道之 (横浜市大院・総合理)
- 2PB-166 HnRNP A1 の核 - 細胞質間シャトリング配列 M9 コアの同定
飯島 恵, 鈴木 麻衣子, 西村 章, 山田 道之 (横浜市大院・総合理)
- 2PB-167 核-細胞質間輸送関連新規膜タンパク質の解析
柳田 光昭¹, 吉川 美加¹, 藤村 務¹, 岩淵 和久^{2,3}, 村山 季美枝¹ (¹ 順大院・医・研基セ生体分子, ² 順大院・医・環医研, ³ 順大・医療看護・生化)
- 2PB-168 新規 Brr6 相同核膜タンパク質, BRL1 の機能解析
斉藤 洋平¹, Anne de Bruyn kops², Christine Guthrie², 西本 毅治¹ (¹ 九州大・院医・分子生命, ²UCSF・Med・Biochem.Biophys.)
- 2PB-169 熱ショック蛋白質 hsc70 は核内輸送担体 importin の細胞質へのリサイクリングを促進する
小瀬 真吾, 今本 尚子 (理研・中央研・今本細胞核機能)
- 2PB-170 Kid (kinesin like DNA binding protein) の核内移行の解析
田原 清志^{1,2}, 小瀬 真吾², 今本 尚子² (¹ 総研大, ² 理研 細胞核機能)
- 2PB-171 Stauf2 isoforms use two different nuclear export pathways
Takashi Miki, Yoshihiro Yoneda (Lab. Biomol Networks., Dept. Frontier Biosci., Grad. Sch. Frontier Biosci., Osaka Univ.)
- 2PB-172 酸化ストレスによる Ran の局在変化の分子機構
安田 善也¹, 宮本 洋一¹, 才脇 卓也², 米田 悦啓^{1,2} (¹ 阪大・生命, ² 阪大・医)
- 2PB-173 RanGAP1 の新規リン酸化部位の同定とその役割
武田 英里¹, 檜枝 美紀², 片平 じゅん¹, 米田 悦啓¹ (¹ 大阪大 院 生命機能, ² 愛媛大 院 医)
- 2PB-174 蛍光相関分光法を用いたグルココルチコイド受容体の細胞内動態解析
三國 新太郎, 田村 守, 金城 政孝 (北大・電子研)

.....(5c 糖鎖工学).....

- 2PB-175 N 型糖鎖付加周辺アミノ酸の糖鎖付加におよぼす影響
藤枝 花苗¹, 佐藤 荘^{1,2}, 細田 泰弘¹, 川原 彰人¹, 木村 太地¹, 菊池 正和^{1,3} (¹ 立命館大・理工, ² 現 大阪大・医, ³ 現 立命館大・情報理工)
- 2PB-176 N 型糖鎖付加部位を認識する単鎖抗体 3E4 の認識機構の解明
松林 孝¹, 武田 達樹¹, 西川 泰央¹, 小島 武紘¹, 木村 太地¹, 堀部 智久^{1,3}, 菊池 正和^{1,2} (¹ 立命館大 理工, ² 現 立命館大 情報理工, ³ 現 La Trobe Univ)

- 2PB-177 キシラナーゼの触媒活性部位の求核アミノ酸残基を非求核性アミノ酸に置換することにより作製したグリコシターゼについて
杉村 雅広, 西本 完, 北岡 本光 (食品総合研究所)
- 2PB-178 Expression and Characterization of Human Hyaluronan Synthase 2 (h-HAS2) in Escherichia coli
Hiroko Hoshi¹, Hiroaki Nakagawa¹, Rie Uematsu², Susumu Nishiguchi^{3,4}, Shin-Ichiro Nishimura¹
(¹Hokkaido Univ., Bio-Macromol. Sci., Dept. Biol., ²Basic res. Lab., Kanebo Ltd., ³JAPAN BIOINDUSTRY ASSOCIATION, ⁴TOYOBO Co., LTD.)
- 2PB-179 免疫制御に関与する T 細胞共刺激分子 AILIM/ICOS と B7h 結合における糖鎖機能の解析
福井 理恵^{1,2}, 梶原 康宏³, 掛樋 一晃⁴, 北條 裕信⁵, 辻 孝^{1,2} (¹東京理科大学・基礎工・生物工, ²東京理科大学・学術フロンティア再生工学研究センター, ³横浜市大院・総合理, ⁴近畿大・薬・医療科学, ⁵東海大学・工・生命化学)
- 2PB-180 エパネッセント励起蛍光検出型マイクロアレイによる糖鎖-レクチン間相互作用解析
内山 昇¹, 久野 敦¹, 江部 洋史², 山田 雅雄², 平林 淳¹ (¹産総研・糖鎖工学セ・糖鎖構造解析チーム, ²(株)モリテックス)
- 2PB-181 糖鎖とレクチンの親和性を利用した糖鎖構造推定ソフトウェアおよびデータベースの開発
高橋 順子¹, 菊池 紀広¹, 中村 祥子², 平林 淳² (¹三井情報開発(株)・バイオサイエンス本部, ²産総研・糖鎖工学研究センター)
-(4c 再生・幹細胞).....
- 2PB-182 High-Throughput Sequencing による造血幹細胞機能分子の検索
八代 嘉美¹, 坂内 英夫², 屋比久 友秀³, 箕輪 貴司⁴, 大澤 光次郎¹, 岩間 厚志¹, 宮野 悟², 中内 啓光¹
(¹東京大学医科学研究所幹細胞治療研究分野, ²東京大学医科学研究所ヒトゲノム解析センター DNA 情報解析分野, ³琉球大学理工学研究科総合知能工学専攻, ⁴日立製作所ライフサイエンス推進事業部)
- 2PB-183 次世代フローサイトメトリー技術を用いた生細胞自動単離・分注システムの開発
高橋 亨¹, 月井 健¹, 徐 傑¹, 岡本 治正², 亀山 仁彦² (¹古河電気工業株式会社, ²独立行政法人 産業技術総合研究所 脳神経情報研究部門)
- 2PB-184 マウス骨髄造血系幹細胞と間葉系幹細胞の関連
松崎 有未^{1,3}, 謙太郎 金城², 福田 恵一², 岡野 栄之^{1,3} (¹慶應・医・生理, ²慶應・医・内科, ³CREST, JST)
- 2PB-185 ポリコム遺伝子群による造血幹細胞増幅制御における Cdt1 の役割
安永 晋一郎¹, 大坪 素秋¹, 石川 暢恒^{1,2}, 岡田 賢^{1,2}, 宮地-島迫 里佳¹, 小林 正夫², 瀧原 義宏¹ (¹広島大学・原爆放射線医科学研究所・幹細胞機能学研究分野, ²広島大学大学院・医歯薬総合研究科・展開医科学専攻・病態情報医科学講座(小児科学))
- 2PB-186 幹細胞の DNA 複製制御におけるポリコム遺伝子群の役割
大坪 素秋¹, 安永 晋一郎¹, 岡田 賢^{1,2}, 石川 暢恒^{1,2}, 宮地-島迫 里佳¹, 小林 正夫², 瀧原 義宏¹ (¹広島大・原爆放射線医科学研究所, ²広島大・医歯薬学総合研究科・病態情報医科学(小児科))
- 2PB-187 新規コロニーアッセイ法を用いた胎生マウス腎臓前駆細胞の単離
長船 健二^{1,2}, 浅島 誠², 西中村 隆一^{1,3} (¹東大医科研・幹細胞シグナル, ²東大院・総合文化, ³熊本大・発生研)
- 2PB-188 ショウジョウバエにおける生殖幹細胞ニッチの形成機構
浅岡 美穂^{1,2,4}, 北館 祐³, 重信 秀治^{3,4}, 小林 悟^{3,4}, 広海 健^{1,2,4} (¹遺伝研・発生遺伝, ²総研大・遺伝学専攻, 分子生物機構論専攻, ³基生研・岡崎統合バイオ, ⁴科技機構・CREST)
- 2PB-189 成体マウス精巣における精原細胞の連続観察による幹細胞の解析
吉田 松生^{1,2}, 助野 真美子¹, 鍋島 陽一¹ (¹京都大・院・医, ²JST・さきがけ)
- 2PB-190 精子形成過程で見られる活性化 Notch シグナルの切換は Notch3 の特異的な分解が関与している
角川 裕造, 徳田 倍将, 丸野内 椋 (藤田保衛大・総医研・応用細胞)

- 2PB-191 イモリの再生能 (再生開始) に直接関わる分子カスケードの解明をめざして
 芋川 浩¹, 田端 義巖², 孫 富艶^{1,2}, 鈴木 展子^{1,2}, 荒木 良子², 安倍 真澄², 阿形 清和¹ (¹ 理研・CDB・進化再生, ² 放医研・先端遺伝子発現)
- 2PB-192 角膜輪部上皮 SP 細胞の幹細胞様の性質と増殖能
 梅本 晃正¹, 大和 雅之¹, 西田 幸二², 河野 千夏¹, 田野 保雄², 岡野 光夫¹ (¹ 女子医大・先端生命研, ² 阪大・院医・眼科)
- 2PB-193 成体網膜幹細胞に対する Wnt シグナルの増殖促進作用
 井上 俊洋^{1,2}, 鹿川 哲史¹, 福島 美紀子², 谷原 秀信², 田賀 哲也¹ (¹ 熊本大・発医研・転写制御, ² 熊本大・医・視機能病態)
- 2PB-194 未分化網膜細胞を特異的に標識する表面抗原, SSEA-1
 高祖 秀登¹, 南 千春¹, 新井 賢一², 渡辺 すみ子¹ (¹ 東京大学医科学研究所染色体制御, ² 東京都臨床医学総合研究所)
- 2PB-195 内分泌かく乱化学物質の胎児神経幹細胞に対する作用
 五十嵐 勝秀, 高橋 芳樹, 菅野 純 (国立衛研・毒性部)
- 2PB-196 Visualization of embryonic neural stem cells using Hes promoters in transgenic mice
 Toshiyuki Ohtsuka^{1,2}, Itaru Imayoshi¹, Ryoichiro Kageyama¹, Susan McConnell² (¹ Kyoto Univ., Inst. Virus Res., ² Stanford Univ., Dept. Biol. Sci.)
- 2PB-197 Delta 細胞内ドメインは TGF- β /Activin シグナルを介して神経幹細胞からニューロンへの分化を調節する
 平橋 正博¹, 林 健太郎¹, 今村 健志², 中山 耕造¹ (¹ 信州大・医・人体構造学, ² (財) 癌研究会・癌研究所・生化学部)
- 2PB-198 Valproic acid による神経幹細胞のニューロン分化誘導
 中島 欽一^{1,2}, Jenny Hsieh², 桑原 知子², Fred H. Gage² (¹ 奈良先端大・バイオ, ² ソーク研究所)
- 2PB-199 Sox-2 遺伝子のエンハンサー, SRR2 は終脳神経幹/前駆細胞特異的に機能する
 宮城 聡^{1,2}, 西本 正純², 村松 正実², 奥田 晶彦² (¹ JST・埼玉県地域結集型共同研究事業, ² 埼玉医大・ゲノム)
- 2PB-200 マウス骨格筋幹細胞 (筋サテライト細胞) 系譜のクローン培養による解析
 橋本 有弘¹, 村瀬 毅^{1,2}, 奥田 明日子¹, 稲川 匡代¹ (¹ 三菱化学生命研, ² 北里大・理・生命科学)
- 2PB-201 セミンタクト細胞を用いた平滑筋細胞の形質変換における SRF co-activator 郡の細胞内挙動可視化解析
 木原 隆典, 田中 亜路, 加納 ふみ, 村田 昌之 (東大院・総合文化・生命環境)
- 2PB-202 Follistatin を用いた Myostatin 特異的阻害分子の開発
 中谷 直史^{1,2}, 土田 邦博¹, 高原 由香¹, 村上 達也³, 杉野 弘¹ (¹ 徳島大・分子酵素学研究センター・分子細胞, ² 日本学術振興会特別研究員, ³ 癌研究会癌研究所・蛋白創製研究部)
- 2PB-203 筋再生における Thymosin α_4 の発現と機能
 中山 由紀¹, 戸倉 由香², 松田 良一², 原 孝彦¹ (¹ 都臨床研・腫瘍生化学, ² 東大・院理)
- 2PB-204 イモリ正常肢抽出液に存在する哺乳類筋管細胞 S 期誘導因子に関する研究
 矢野 修一郎, 五十嵐 武典, 矢野 智弘, 石田 雄二, 吉里 勝利 (広島大・院理・生物科学)
- 2PB-205 フタホシココロギの脚再生過程における *Egfr* 遺伝子の機能解析
 中村 太郎, 宮脇 克行, 新明 洋平, 三戸 太郎, 大内 淑代, 野地 澄晴 (徳島大・工・生物工・進化発生工学)
- 2PB-206 創傷治癒過程で発現する FGF ファミリー遺伝子の加齢に伴う発現変化の解析
 倉持 (小見) 明子¹, 川野 光子^{1,2}, 浅田 真弘¹, 鈴木 理¹, 隠岐 潤子¹, 今村 亨¹ (¹ 産業技術総合研究所, ² 筑波大学・生命環境科学研究科)
- 2PB-207 p53 類似遺伝子の p51/p63 が Notch signal を抑制することで, 表皮細胞の未分化な状態は維持される
 小川 英作¹, 奥山 隆平¹, 草刈 良之¹, 相場 節也¹, 田上 八朗¹, 帯刀 益夫², 井川 俊太郎² (¹ 東北大学大学院 医学研究科 皮膚科, ² 東北大学 加齢医学研究所 分子発生)
- 2PB-208 胎児表皮細胞は Notch1 と caspase3 が高活性のため最終分化しやすい
 奥山 隆平¹, 小川 英作¹, Bach-Cuc Nguyen², G Paolo Dotto², 相場 節也¹, 田上 八朗¹ (¹ 東北大学 医 皮膚科, ² CBRC, Massachusetts General Hosp. and Harvard Med. Sch.)

- 2PB-209 p53 欠損マウスの口腔上皮由来株細胞の解析
高橋 千穂, 友岡 康弘 (東京理科大学・基礎工・生物工, 生命研究所・再生工学研究センター)
- 2PB-210 p53 欠損マウス歯胚由来クローン株細胞の樹立と解析
未永 桃子¹, 相沢 慎一², 友岡 康弘¹ (¹東京理科大・基礎工・生物工, 生命研究所・再生工学研究センター, ²理研・発生研・ボディプラン)
- 2PB-211 骨芽細胞刺激因子を導入した幹細胞による骨粗鬆症遺伝子治療モデルの開発
辻村 敦, 橋本 保 (京都府立医大・老化研・分子遺伝)
- 2PB-212 Gene expressions of interstitial stem cell lineage in hydra
Jung Shan Hwang^{1,3}, Chiemi Nishimiya-Fujisawa², Toshi Fujisawa², Kazuho Ikee¹, Takashi Gojobori¹
(¹National Institute of Genetics, CIB and DDBJ, ²National Institute of Genetics, Dept. Dev. Gen., ³Japan Science and Technology Corporation)
- 2PB-213 Oval 細胞の細胞表面マーカー分子の探索
岡部 蘭子^{1,2}, 田中 稔^{1,2}, 宮島 篤^{1,2} (¹東大・分生研, ²CREST)
- 2PB-214 Hepatic Stem/Progenitor Cells Separated by Flow Cytometry from Rat Fetus Resulted in High Liver Regeneration post Transplantation
Yun-Wen Zheng^{1,2}, Astushi Suzuki³, Nobuhiro Ohkohchi², Hideki Taniguchi^{1,4} (¹Dept. of Regenerative Med., Grad. Sch. of Med., Yokohama City Uni., ²Dept. of Surgery, Inst. of Clinical Med, Tsukuba Uni., ³Gene Expression Lab., The Salk Inst. for Biological Studies, ⁴Research Unit for Organ Regeneration, CDB, RIKEN)
- 2PB-215 新生仔ブタ脾臓由来 SP (side population) 細胞の性質
谷口 繁生¹, 大河原 久子², 土谷 健³, 土谷 まり子⁴, 大河内 仁志⁵, 鎌木 康志¹, 安田 和基¹ (¹国際医セ研・代謝, ²東女医大・総研, ³東女医大・四内, ⁴東女医大・成人医セ, ⁵国際医セ研・再生)
- 2PB-216 脾幹細胞の可視化と選択的分離による系譜的解析
石川 桃太郎¹, 川下 金明¹, 大島 祐二¹, 松本 征倫², 久武 幸司², 禾 泰壽², 谷口 英樹^{1,3} (¹横浜市大院・医・臓器再生, ²埼玉医科大・分子生物学, ³理研・CDB・臓器再生研究ユニット)
- 2PB-217 Polyoma virus-based vector system を用いたマウス成体脾管由来細胞における遺伝子機能解析系の構築
馬場 庸平, 倭 英司, 山本 恒彦, 神谷 幸成, 田代 文, 宮崎 純一 (阪大院・医・幹細胞制御)
- 2PB-218 アデノウイルスベクターを用いた脾β細胞関連遺伝子の脾管内導入によるインスリン産生細胞の再生 - pdx-1 発現マウスを用いた解析 -
宮崎 早月, 田代 文, 倭 英司, 宮崎 純一 (大阪大・医・幹細胞制御)
- 2PB-219 内胚葉系前駆細胞の単離による脾 細胞の分化制御システム
松本 征仁¹, 川下 金明³, 宮城 有美², 久武 幸司¹, 茅野 秀一², 石川 桃太郎³, 谷口 英樹³, 禾 泰壽¹ (¹埼玉医大・分子生物, ²埼玉医大・病理, ³横浜市大・臓器再生)
- 2PB-220 Different forms of Glucagon-like peptide 1 can convert diverse types of intestinal epithelial cells into insulin-secreting cells
Shuxia Guo¹, Kaneaki Kawashimo¹, Eriko Tago¹, Momotarou Ishikawa¹, Hideki Taniguchi^{1,2} (¹Dep. of Regenerative Med., Grad. Sch. of Med., Yokohama City Univ., ²Research Unit for Organ Regeneration, CDB, RIKEN)
- 2PB-221 ヒト神経幹細胞の可塑性を利用したインスリン産生細胞の分化誘導
堀 裕一, 竹長 真紀, 平原 志乃, 黒田 嘉和 (神戸大・医・COE)
- 2PB-222 新規コモンマームセット胚性幹細胞株の樹立とその細胞特性
佐々木 えりか¹, 花澤 喜三郎², 谷岡 功邦¹, 大西 保行¹, 石井 一¹, 栗田 良⁴, 末盛 博文³, 中辻 憲夫³, 玉置 憲一¹, 谷 憲三朗⁴ (¹実験動物中央研究所, ²順天堂大学浦和病院, ³京都大学再生医科学研究所, ⁴九州大学生体防御医学研究所)
- 2PB-223 ラット受精卵の内部細胞塊から樹立した ES 細胞の特徴
寺谷 工¹, 小川 正博², 落谷 孝広¹ (¹国立がんセンター研究所, ²日本クレア株式会社)

- 2PB-224 E-カドヘリンモデルタンパク質を用いた ES 細胞の高効率培養法の確立
長岡 正人¹, 小清水 右一², 福田 恵一³, 赤池 敏宏¹ (¹ 東工大・院・生命理工, ² (株) 第一サントリー生物医学研究所, ³ 慶應大・医)
- 2PB-225 LIF の固定型融合タンパク質を用いたマウス ES 細胞の新規培養系の構築
萩原 祐子, 長岡 正人, 赤池 敏宏 (東工大・院・生命理工)
- 2PB-226 X 線照射プラナリアへの移植による幹細胞特異的遺伝子発現細胞の挙動の解析
齋藤 由美¹, 柴田 典人^{1,2}, 寺元 万智子^{1,3}, 阿形 清和¹ (¹ 理研 CDB・進化再生, ² 基生研・形態形成, ³ 神戸大・理・自然科学)
- 2PB-227 マウス ES 細胞の亜集団比較解析による分化制御因子の探索
古澤 軌, 池田 光美, 濱野 岳人, 大越 勝広, 徳永 智之 (独法農業生物資源研)
- 2PB-228 マウス胚性幹細胞における低線量放射線応答遺伝子の網羅的解析
法喜 ゆう子, 荒木 良子, 田端 義蔵, 安倍 真澄 (放医研・先端遺伝子発現研セ)
- 2PB-229 未分化状態の ES 細胞で発現するタンパク質のプロテオーム解析
栗崎 晃¹, 浜崎 辰夫³, 岡林 浩嗣², 栗木 智子⁴, 西根 勤⁴, 長南 律¹, 木戸 博¹, 浅島 誠², 杉野 弘¹ (¹ 徳島大 分子酵素センター, ² 東大・院・総合, ³ 国立国際医療センター・細胞組織再生医学, ⁴ 島津製作所・ライフサイエンス研)
- 2PB-230 サルおよびマウス ES 細胞における siRNA を用いた遺伝子発現抑制
高田 達之¹, 根本 憲一¹, 山下 晃弘¹, 加藤 雅也², 近藤 靖³, 鳥居 隆三¹ (¹ 滋賀医大・動物生命科学研究センター, ² 石原産業 (株)・中央研究所, ³ 田辺製薬 (株)・創薬研究所)
- 2PB-231 GENE TARGETING IN STEM CELLS USING FLUORESCENT PROTEINS AND NO DRUGS
Seigo Hatada¹, Larry W. Arnold², John Cowhig¹, Tomoko Hatada¹, Oliver Smithies¹ (¹ Dept. of Pathology and Laboratory Medicine, School of Medicine, ² Dept. of Microbiology and Immunology, Univ. of North Carolina at Chapel Hill)
- 2PB-232 幹細胞特異的遺伝子 *Nanog* の生殖細胞系列での発現パターン
山口 新平¹, 木村 博信¹, 多田 政子^{1,2}, 中辻 憲夫¹, 多田 高^{1,3} (¹ 京大・再生研・発生分化, ² (株) リプロセル, ³ 京大・再生研・幹加工)
- 2PB-233 Octamer/Sox 配列が *Nanog* の転写を制御する
黒田 貴雄¹, 多田 政子^{1,5}, 久保田 広志², 木村 博信¹, 秦野 慎矢¹, 末盛 博文³, 中辻 憲夫¹, 多田 高^{1,4} (¹ 京大・再生研・発生分化, ² 細胞機能, ³ 胚性幹, ⁴ 幹加工, ⁵ (株) リプロセル)
- 2PB-234 転写因子 *Nanog* に制御される胚性幹細胞の未分化性
秦野 慎矢¹, 多田 政子^{1,4}, 木村 博信¹, 山口 新平¹, 河野 友宏⁵, 仲野 徹⁶, 末盛 博文², 中辻 憲夫¹, 多田 高³ (¹ 京大・再生研・発生分化, ² 京大・再生研・幹細胞, ³ 京大・再生研・幹加工, ⁴ (株) リプロセル, ⁵ 東京農大・バイオ・発生工学, ⁶ 阪大・医・病理)
- 2PB-235 ES 細胞の多能性を維持する遺伝子 STAT3 及び, *Nanog* の標的遺伝子探索
徳澤 佳美, 山中 伸弥 (奈良先端大, 遺伝子セ)
- 2PB-236 マウス ES 細胞で発現する Sry 関連遺伝子 Sox2 と ECAT10 の標的遺伝子の探索
丸山 昌良, 一阪 朋子, 山中 伸弥 (奈良先端大・遺伝子教育研究センター)
- 2PB-237 未分化 ES 細胞で発現する TGF- 関連遺伝子 ECAT9 の機能解析
小田 泰昭, 一阪 朋子, 山中 伸弥 (奈良先端大・遺伝子教育研究センター)
- 2PB-238 ES 細胞で特異的に発現する ECAT2 の機能解析
天野 恭志, 一阪 朋子, 山中 伸弥 (奈良先端大, 遺伝子教育研究センター)
- 2PB-239 未分化 ES 細胞特異的に発現する遺伝子群 ECAT のエピジェネティックな発現調節機構の解明
今村 公紀, 山中 伸弥 (奈良先端大・遺伝子教育研究センター)
- 2PB-240 ECAT20 遺伝子のマウス ES 細胞および精巣特異的発現における DNA メチル化の関与
坪岡 則子, 山中 伸弥 (奈良先端大・遺伝子教育研究センター)

- 2PB-241 マウス胚性幹細胞における Cyp26 の mRNA 発現とレチノイン酸による誘導
長井 克浩¹, 井上 博章¹, 田川 陽一², 松永 民秀¹, 大森 栄¹ (¹ 信州大・病・薬剤, ² 信州大・ヒト環境科
研・動物実験)
- 2PB-242 Oct-3/4 下流遺伝子 UTF1 の ERas を介した ES 細胞増殖への関与
西本 正純¹, 宮城 聡¹, 丹羽 仁史², 村松 正實¹, 奥田 晶彦¹ (¹ 埼玉医科大学ゲノム医学研究センター発
生・分化・再生部門, ² 理研・発生再生研・多能性幹細胞)
- 2PB-243 新規 ES 細胞特異的遺伝子 CES1 の解析
宮崎 竜志, 後藤田 奈々香, 宮崎 早月, 安野 徹, 田代 文, 倭 英司, 宮崎 純一 (大阪大・医・幹細胞制御)
- 2PB-244 Akt によるマウス ES 細胞の分化多能性制御機構
渡部 晶子^{1,2}, 木村 透^{1,3}, 岡部 勝⁴, 仲野 徹^{1,2,3} (¹ 阪大・医・病理, ² 阪大・院・生命機能, ³ 阪大・微研,
⁴ 阪大・遺伝情報実験センター)
- 2PB-245 多分化能を持つ ES 細胞における Rox-1 の機能解析
中武 悠樹, 柴山 正樹, 佐藤 充治, 吉田 進昭 (東大・医科研・遺伝子機能)
- 2PB-246 未分化細胞特異的に発現する ETn は Oct-1 を含むレギュレーター・アクチベーターメカニズムにより制御
されている
古谷 美央, 吉田 進昭, 佐藤 充治 (東大・医科研・ヒト疾患モデル・遺伝子機能)
- 2PB-247 霊長類 ES 細胞の未分化維持における STAT3 の役割
角 智行¹, 藤本 康子¹, 中辻 憲夫^{1,2}, 末盛 博文¹ (¹ 京都大・再生研・幹細胞医学研究センター, ² 京都
大・再生研・発生分化)
- 2PB-248 ES 細胞の増殖制御における TGF- スーパーファミリーシグナルの役割
齋藤 朗¹, 鈴木 洋¹, 渡部 徹郎¹, 小川 和也², 丹羽 仁史², 宮園 浩平^{1,3} (¹ 東大・院医・分子病理, ² 理
研・発生・再生研, ³ 癌研・生化)
- 2PB-249 胎盤組織の幹細胞における FGF4 による Bmp4 発現誘導の機能解析
室橋 道子¹, 中村 能久², 田中 智³, 栗原 達也⁴, 澁谷 正史¹, 後藤 典子¹ (¹ 東京大・医科研・腫瘍抑制,
² 東京大・医科研・癌細胞シグナル, ³ 東京大・獣医生化学, ⁴ 第一サントリー生物医学研究所)
- 2PB-250 細胞膜表面マーカーを用いたドーパミン産生ニューロン前駆細胞の分離
坂本 佳正¹, 皆木 康子¹, 中谷 智哉¹, 水原 英理¹, 井上 陽子¹, 濱口 晶子¹, 佐藤 啓子¹, 西村 美由希¹, 今
井 俊夫¹, 寺本 哲之², 小谷 定治², 山内 敏彦², 尾野 雄一¹ (¹ 株式会社カン研究所, ² エーザイ・創薬第一
研究所)
- 2PB-251 マウス ES 細胞を用いた *in vitro* 歯胚組織誘導システムの検討
土本 洋平^{1,2}, 田川 陽一¹, 完山 学², 神吉 昭子¹, 吉田 靖弘³, 鈴木 一臣³, 窪木 拓男² (¹ 信大・ヒト環境
科学・動物実験, ² 岡大院・医歯学総合・顎口腔機能制御学, ³ 岡大院・医歯学総合・生体材料学)
- 2PB-252 胚性幹 (ES) 細胞から中胚葉・内胚葉・間葉系細胞への分化
江良 択実, 西川 伸一 (理研・発生再生研・幹細胞)
- 2PB-253 Sox17 による胚性幹細胞の内胚葉細胞への分化
下田 雅史, 宮崎 早月, 倭 英司, 宮崎 純一 (大阪大・院医・幹細胞制御)
- 2PB-254 Nodal 強制発現による ES 細胞からの definitive endoderm への分化誘導
竹長 真紀, 平原 志乃, 黒田 嘉和, 堀 裕一 (神戸大学大学院医学系研究科消化器外科学 COE)
- 2PB-255 マウス ES 細胞から作製した肝組織の肝特異的機能の解析
小川 真一郎¹, 田川 陽一², 神吉 昭子², 中山 淳³, 橋倉 泰彦¹, 宮川 眞一¹ (¹ 信州大・医・外科, ² 信州
大・ヒト環境科学・動物実験, ³ 信州大・医・病理)
- 2PB-256 肝特異的遺伝子 Cyp7a1 によるマウス ES 細胞から分化誘導した肝細胞の可視化
藤森 浩彰, 齊藤 佳子, 寺岡 弘文, 朝比奈 欣治 (東京医歯大・難研・病態生化学)
- 2PB-257 ES 細胞を肝細胞へ分化誘導する組織切片培養担体とその分子生物学的特徴
竹内 朋代¹, 落谷 孝広², 竹澤 俊明¹ (¹ 独法生物研・動物細胞 T, ² 国立がんセ・研)
- 2PB-258 ES 細胞からのリンパ球系・骨髄球系共通前駆細胞株の樹立
今道 慎也¹, 大場 美奈子¹, 安西 弘子², 井川 洋二³, 天沼 宏¹, 渥美 忠男¹ (¹ 理研・分子細胞生物, ² (株)
リブテック, ³ 理研・井川特別研究室)

- 2PB-259 小型霊長類コモンマーマセット ES 細胞を用いた血球および免疫細胞分化誘導系の検討
横尾 朋子¹, 栗田 良¹, 佐々木 えりか², 寛山 隆³, 橋口 隆生¹, 伊澤 清子⁴, 石井 一², 谷岡 功邦², 中崎 有恒¹, 谷 憲三朗¹ (¹九州大学生体防御医学研究所ゲノム病態, ²実験動物中央研究所動物実験センター, ³理研バイオリソースセンター, ⁴東京大学医科学研究所分子療法分野)
- 2PB-260 間葉系細胞株 10T 1/2 を用いたカニクイザル胚性幹細胞の造血細胞への分化誘導
寛山 隆, 前田 るい, 青木 尚子, 須藤 和寛, 三原田 賢一, 中村 幸夫 (理研・BRC・細胞材料開発室)
- 2PB-261 ヒト臍帯由来繊維芽細胞を Feeder としたカニクイザル胚性幹細胞の培養
青木 尚子, 寛山 隆, 前田 るい, 須藤 和寛, 三原田 賢一, 中村 幸夫 (理研・BRC・細胞材料開発室)
- 2PB-262 マウス核移植 ES 細胞の造血細胞への分化能
前田 るい¹, 寛山 隆¹, 須藤 和寛¹, 三原田 賢一¹, 山海 直³, 小倉 淳郎², 中村 幸夫¹ (¹理研・BRC・細胞材料開発室, ²理研・BRC・遺伝工学基盤技術室, ³国立感染症 霊長類センター)
- 2PB-263 マウス骨髄由来多能性幹細胞の同定と性状の解析
須藤 和寛, 関山 佐知子, 寛山 隆, 三原田 賢一, 中村 幸夫 (理研・BRC・細胞材料開発室)
- 2PB-264 ヒト間葉系幹細胞とヒト繊維芽細胞の比較
戸塚 早英里, 須藤 和寛, 寛山 隆, 関山 佐知子, 西條 薫, 中村 幸夫 (理研・BRC・細胞材料開発室)
- 2PB-265 ヒト臍帯血由来間葉系細胞の樹立
吉野 佳織, 須藤 和寛, 西條 薫, 関山 佐知子, 寛山 隆, 中村 幸夫 (理研・BRC・細胞材料開発室)
- 2PB-266 ES 細胞を用いた in vitro vasculogenesis モデル系におけるエピジェネティック制御の解析
長谷川 聡¹, 浅原 孝之^{1,2} (¹理研 CDB 幹細胞医療応用研究チーム, ²東海大・医・再生医療科学)
- 2PB-267 胎児心臓における Friend-of-GATA-2 の N 末端ドメインと相互作用する抑制因子
平山 園子^{1,2}, 川真田 伸¹, 川嶋 成之亮², 大杉 峻也³, 秋丸 - 吳 恵理佳³, 秋丸 裕司³, 倉田 寛一³ (¹先端医療振興財団・細胞組織工学研究部, ²神戸大・院医・循環病態学講座, ³株式会社カルディオ)
- 2PB-268 A subset of common precursor for cardiomyocyte and vascular endothelial cell expresses CD44 and PDGFRalpha, but not Integrin alpha 4 or Integrin alpha 5 in combination with Flk1 in ES mesodermal differentiation
田中 洋介¹, 平田 大二², 村上 能庸², 井上 加代子², 浅原 孝之², 川真田 伸² (¹理研 CDB 幹細胞研究グループ, ²先端医療振興財団)
- 2PB-269 Generation of cardiac myocytes derived from embryonic stem cells in serum free culture
Mariko Matsue¹, Toshihumi Tsukahara^{1,2} (¹Japan Advanced Inst. of Science and Technology, Center for Nano materials and Technology, ²CREST, JST)
- 2PB-270 マウス胚性幹細胞の心筋分化過程における遺伝子の経時的発現解析
成宮 博理¹, 日高 京子¹, 油谷 浩幸², 森崎 隆幸^{1,3} (¹国循セ・研・バイオサイエンス, ²東大・先端科学技術研究センター・ゲノムサイエンス, ³阪大院・薬・分子生理病態)
- 2PB-271 ES 細胞における siRNA 発現システムの構築
鄭 国棟¹, 日高 京子¹, 岡部 勝², 森崎 隆幸^{1,3} (¹国循セ研・バイオサイエンス, ²阪大・遺伝情報実験セ, ³阪大院・薬・分子生理病態)
- 2PB-272 血清除去によるマウス ES 細胞の心筋分化の促進
寺見 浩美¹, 日高 京子¹, 飯尾 明生¹, 森崎 隆幸^{1,2} (¹国循セ研・バイオサイエンス, ²阪大院・薬・分子生理病態)
- 2PB-273 特異的プロモーターを用いた ES 細胞由来心筋細胞の単離・回収の検討
溝瀨 秀敏¹, 日高 京子², 森崎 隆幸^{1,2} (¹阪大院・薬・分子生理病態, ²国循セ研・バイオサイエンス)
- 2PB-274 胚様体における心筋前駆細胞の探索
日高 京子¹, 溝瀨 秀敏², 森崎 隆幸^{1,2} (¹国循セ研・バイオサイエンス, ²阪大院・薬・分子生理病態)

.....(1c ゲノム情報・インフォマティクス).....

- 2PB-275 進化系統解析のための配列決定支援システム
 上月 登喜男¹, 川瀬 和哉¹, 山本 佑¹, 佐藤 元², 市原 正巳², 原山 重明², 中川 智¹ (¹(株) ザナジェン,
²(独) 製品評価技術基盤機構)
- 2PB-276 遺伝子の重複と変換: 霊長類におけるアルコール分解酵素 (ADH) 遺伝子クラスターの分子進化
 太田 博樹¹, Casey DUNN², William C. SPEED¹, Judith R. KIDD¹, Kenneth K. KIDD¹ (¹ イェール大・
 医・遺伝, ² イェール大・環境進化生物)
- 2PB-277 Secret Sequence Comparison on the Grid
 Ken-ichi Kurata¹, Vincent Breton², Hiroshi Nakamura¹ (¹Univ. of Tokyo, RCAST, ²CNRS, France)
- 2PB-278 酵素活性部位付近にみられるアミノ酸配列パターン解析
 藤本 顕士^{1,2}, 斎藤 輪太郎¹, 冨田 勝^{1,2} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・環境情報)
- 2PB-279 Optimized MAFFT: improvement in accuracy of multiple sequence alignment
 加藤 和貴¹, 隈 啓一¹, 藤 博幸¹, 宮田 隆^{2,3} (¹ 京大・化研, ² 生命誌研究館, ³ 早大・理工)
- 2PB-280 Evolutionary Trace 法の結果を利用したタンパク質機能予測のための機能部位類似尺度
 佐藤 卓也, 竹中 要一, 松田 秀雄 (阪大院・情報科学・バイオ情報)
- 2PB-281 立体構造情報を利用したタンパク質機能予測システム: FCANAL
 鈴木 歩¹, 安藤 格士¹, 山登 一郎¹, 宮崎 智² (¹ 東京理科大・基礎工・生物工, ² 東京理科大・薬・薬)
- 2PB-282 Convergent Evolution of Domain Architectures
 Julian Gough (RIKEN, GSC, Genome Expl Res Drp./ Genome Sci Lab.)
- 2PB-283 カルボキシエステラーゼ 1 (CES1) 遺伝子プロモーター遺伝子多型による転写活性および ACE インヒビタ
 ーイミダプリルの反応性
 芳村 美佳¹, 木村 友美¹, 下司 映一², 片桐 敬², 村松 正明¹ (¹ 東京医科歯科大 難治疾患研究所, ² 昭和
 大学第三内科)
- 2PB-284 Functional Analysis of Novel Single Nucleotide Polymorphisms in Exon 4 of CYP2A6 Gene
 Kazuma Kiyotani¹, Masaki Fujieda¹, Tsutomu Shimada², F. Peter Guengerich², Andrew Parkinson³, Goro
 Honda⁴, Kazuko Nakagawa⁵, Hiroshi Yamazaki¹, Tetsuya Kamataki¹ (¹Hokkaido Univ., Grad. Sch. Pharm.
 Sci., ²Vanderbilt Univ. Sch. Med., ³XenoTech, ⁴Kokura Memorial Hospital, ⁵Kuamoto Univ., Grad. Sch.
 Med. and Pharm. Sci.)
- 2PB-285 イネカルシウム依存性プロテインキナーゼ遺伝子族の解析
 浅野 敬幸, 田中 直樹, 林 長生, 中村 英光, 市川 裕章, 宮尾 安藝雄, 廣近 洋彦, 小松 節子 (農業生物資源研
 究所)
- 2PB-286 新規 G タンパク質共役型タンパク質の網羅的抽出
 高橋 昌義, 小野 恵秀, 山中 生太, 菱垣 晴次 (大塚製薬株式会社・バイオインフォマティクス室)
- 2PB-287 ヒトリボソームタンパク質遺伝子の網羅的解析
 石井 強太^{1,2}, 鷲尾 尊規^{1,4}, 上地 珠代³, 吉浜 麻生³, 剣持 直哉³, 冨田 勝^{1,2} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・
 環境情報, ³ 宮崎大・フロンティア, ⁴ 奈良先端大・情報)
- 2PB-288 SNARE 分子のパラログ数変化に基づく真核細胞内輸送経路の多様化の考察
 吉沢 明康, 奥田 修二郎, 伊藤 真純, 守屋 勇樹, 川島 秀一, 五斗 進, 金久 實 (京大・化研・バイオインフ
 オマティクスセンター)
- 2PB-289 メダカとフグの比較ゲノムによる配列の挿入欠失パターンの解明
 今井 周一郎^{1,2}, 清水 厚志², 佐々木 貴史², 石川 サビヌ 和子², 浅川 修一², 堀 寛¹, 清水 信義² (¹ 名大・
 院・理・生命理学, ² 慶應大・医・分子生物)
- 2PB-290 比較ゲノム解析に基づくパチルス属ゲノムの共通コア構造の解明
 内山 郁夫¹, 高見 英人² (¹ 自然科学研究機構計算科学研究センター, ² 海洋研究開発機構)

- 2PB-291 神経疾患遺伝子の霊長類ホモログに関する研究
楠田 潤¹, 平田 誠¹, 田沼 玲子¹, 長田 直樹², 平井 百樹³, 橋本 雄之¹ (¹ 感染研・遺資, ² シカゴ大, ³ 東京女子医大・循環器内科)
- 2PB-292 カニクイザル精巢 cDNA とヒト相同遺伝子との配列比較 - 27 % の 5'UTR に変化
橋本 雄之¹, 長田 直樹², 平田 誠¹, 田沼 玲子¹, 楠田 潤¹ (¹ 国立感染研・遺伝子資源, ² シカゴ大)
- 2PB-293 *In silico* accounting for radioresistance and radiosensitivity in the *Thermus/Deinococcus* group
Haitham Sghaier^{1,2}, Hirofumi Ohba^{1,3}, Katsuya Satoh¹, Hiroshi Mitomo², Issay Narumi¹ (¹JAERI Takasaki, ²Gunma Univ., Fac. Eng., ³Tokyo Univ. Agric. Tech., United Grad. Sch. Agric. Tech.)
- 2PB-294 DNA メチル化酵素の有無の塩基置換への影響
高橋 直生, 中島 広志 (金沢大・医学・保健)
- 2PB-295 遺伝子発現制御配列と反復配列の進化的変動の分析
大島 一彦, 持田 恵一 (長浜バイオ大・バイオサイエンス)
- 2PB-296 Identifying functional features in the ribosomal NTS by sequence comparison of several *Saccharomyces* species
Austen Ganley, Kouji Hayashiji, Takashi Horiuchi, Takehiko Kobayashi (Natl. Inst. Basic Biol.)
- 2PB-297 多種間における情報学的手法を用いた uORF の解析
岡田 祐輝^{1,2}, 松井 求^{1,2}, 安藤 文雄^{1,2}, 里宇 文生^{1,3}, 斎藤 輪太郎^{1,2}, 冨田 勝^{1,2} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・環境情報, ³ 同・総合政策)
- 2PB-298 複数の遺伝子発見プログラムを組み合わせることで発見された新規ヒト遺伝子の実験的検証
十時 泰¹, 小沢 里津子¹, 奥村 玲奈¹, 榊 佳之¹, 矢田 哲士², 竹田 忠行¹ (¹ 理研・ゲノム科学総研セ, ² 京大院・情報)
- 2PB-299 BAC エンド配列の近縁種ゲノムへの高精度マッピングとそれを用いたブレイクポイントの推定
村上 勝彦, 榊 佳之 (理研・GSC)
- 2PB-300 日本語によるバイオ情報利用システム-バイオポータル-の開発
藤山 秋佐夫¹, 北本 朝展¹, 武田 英明¹, 小林 悟志¹, 出宮 スウェンミノル¹, 水田 洋子¹, ムリアディヘンドリー¹, 鈴木 聡¹, 川本 祥子², 荒木 次郎³, 伊藤 武彦³, 吉成 泰彦³, 岩間 久和⁵, 竹崎 直子⁵, 宮崎 智⁴, 五條 堀 孝⁵, 菅原 秀明⁵ (¹ 情報研, ² 奈良先端大, ³ 三菱総研, ⁴ 東京理科大, ⁵ 遺伝研)
- 2PB-301 バイオポータルプロジェクトにおける日本語専門用語辞書及びオントロジーの構築と利用について
川本 祥子¹, 荒木 次郎², 伊藤 武彦², 吉成 泰彦², 小林 悟志³, 水田 洋子³, 出宮 スウェンミノル³, ムリアディヘンドリー³, 鈴木 聡³, 北本 朝展³, コリア ナイジェル³, 武田 英明³, 藤山 秋佐夫³ (¹ 奈良先端大, ² 三菱総研, ³ 情報研)
- 2PB-302 メタゲノム解析のためのバイオインフォマティクスツール
中川 智, 上月 登喜男, 川瀬 和哉, 江口 有 ((株) ザナジェン)
- 2PB-303 ゲノムを特徴づける種々の指標のデータベース化とそれらによる生物種進化の考察
奥田 修二郎, 吉沢 明康, 守屋 勇樹, 伊藤 真純, 五斗 進, 金久 實 (京大・化研・バイオインフォマティクスセンター)
- 2PB-304 ChloroplastNet - 葉緑体・光合成関連遺伝子データベース
中邨 真之¹, 小川 知之², 伊藤 有紀², 近藤 鋭治², 木下 邦則², 小保方 潤一³, 杉浦 昌弘¹ (¹ 名市大院システム自然科学, ² (株) 中電 CTI ライフサイエンス推進 G, ³ 名大 遺伝子)
- 2PB-305 線虫 *C.elegans* 機能未知タンパク質のデータベース。
西野 智, 坂田 和実, 若林 篤光, 新貝 柳蔵, 小栗 栖 太郎 (岩手大・工)
- 2PB-306 STEPSTONE: A Novel Method to Detect Inter-spread Repeat in DNA sequence
Hiroo Murakami¹, Nobuyoshi Sugaya¹, Akira Imaizumi^{1,2}, Sachiyo Aburatani¹, Katsuhisa Horimoto¹ (¹ Lab. of Biostatistics, HGC, Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo, ² Adv. Tech. Dept., Ferm. & Biotech. Lab., AJINOMOTO CO., INC.)
- 2PB-307 配列相同性に基づいた翻訳時の終止コドンリードスルーの予測
服部 美樹子^{1,2}, 佐藤 みさき^{1,3}, 斎藤 輪太郎¹, 金井 昭夫^{1,2}, 冨田 勝^{1,2} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・環境情報, ³ 同・政策・メディア・バイオインフォマティクスプログラム)

- 2PB-308 ヒト遺伝子の組織特異的発現と遺伝子発現転写制御領域の関係の解析
高橋 洋¹, 谷野 元彦³, 渡辺 賢¹, 田村 卓郎⁴, 今西 規², 五條堀 孝^{2,5} (¹ 富士通株式会社, ² 産業技術総合研究所 生物情報解析研究センター, ³ 社団法人バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, ⁴ ビッツ株式会社, ⁵ 国立遺伝学研究所 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-309 ヒトとマウスのゲノム比較解析による新規 p53 標的遺伝子の同定
丸山 玲緒^{1,4}, 豊田 実^{1,2}, 明石 浩史^{1,3}, 青木 文夫³, 佐々木 泰史^{1,2}, 見田 裕章^{1,2}, 垣内 英樹⁴, 辰巳 治之⁵, 時野 隆至², 今井 浩三¹ (¹ 札医大・医・1 内, ² 札医大・医・分子生物, ³ 札医大・医・情報センター, ⁴ 札幌慈啓会病院, ⁵ 札医大・医・解 1)
- 2PB-310 ヒトゲノム全塩基配列とマウスゲノム全塩基配列における核内受容体クラス 1 に対する完全ダイレクトリピート型応答配列の比較
和田 康彦^{1,2}, タッタ パタナボン¹ (¹ 佐賀大・農・動物生産, ² JST, BIRD)
- 2PB-311 比較ゲノムに基づいたヒトプロモータ領域の予測
野口 英樹, 榊 佳之 (理研・GSC)
- 2PB-312 ヒト - マウス間でのプロモーター領域のゲノム比較
千葉 啓和, 中井 謙太 (東大・医科研・HGC)
- 2PB-313 植物 tRNA 遺伝子の転写開始点予測
湯川 泰¹, 續 伯彦², 小川 知之³, 杉浦 昌弘¹ (¹ 名市大院・システム自然, ² 愛知学院大・情報社会政策, ³ (株) 中電 CTI)
- 2PB-314 ベイズ統計を用いた枯草菌転写制御予測とグラム陽性菌の制御配列比較
蒔田 由布子^{1,2}, デホン ミヒル¹, 宮野 悟¹, 小笠原 直毅³, 中井 謙太¹ (¹ 東大医科研・ヒトゲノム解析センター, ² 名大・工・応物, ³ 奈良先端大)
- 2PB-315 *Lactobacillus reuteri* JCM1112^T の全ゲノムシーケンスからみたプロバイオティクスに関わる遺伝子群の解析
森田 英利¹, 政岡 俊夫¹, 堀川 洋¹, 鈴木 武人¹, 大島 健志朗², 藤 英博^{2,3}, 山下 敦士², 村上 賢¹, 加藤 行男¹, 服部 正平^{2,4} (¹ 麻布大・獣, ² 北里大・北里生命研, ³ 北里研究所, ⁴ 理研・ゲノム科学総合研究センター)
- 2PB-316 ツェツェバエの二次共生菌 *Sodalis glossinidius* のゲノムシーケンスとその解析
藤 英博^{1,2}, 山下 敦士¹, 大島 健志朗¹, Serap Aksoy³, 服部 正平^{1,4} (¹ 北里大学・北里生命科学研究所, ² 北里研究所, ³ Yale Univ., ⁴ 理化学研究所 GSC)
- 2PB-317 共生細菌 *Symbiobacterium toebii* のゲノム解析
山下 英俊¹, 小松 龍太¹, 金田 智志¹, KIM Kwang², SUNG Moon-Hee^{2,3}, 増井 良治⁴, 倉光 成紀⁴, 北川 正成¹, 浅田 起代蔵¹ (¹ タカラバイオ (株) , ² (株) バイオリーダーズ, ³ Dept. Bio&Nanochem., Kookmin Univ., ⁴ 阪大院・理・生物)
- 2PB-318 ドラフトシーケンスに対応した微生物ゲノムアノテーションシステム
鈴木 徹, 杉浦 保子, 山下 英俊, 丸山 有紀, 鈴木 健介, 印田 智雄, 田丸 良子, 浅田 起代蔵, 北川 正成 (タカラバイオ (株) ドラゴンジェノミクスセンター)
- 2PB-319 微生物ゲノムシーケンシングプロジェクト
山下 敦士^{1,2}, 大島 健志朗^{1,3}, 藤 英博^{1,4}, 藤岡 満^{2,3}, 古谷 恵子², 伊東 紀子², 中澤 麻子², 山下 恭江², 吉野 智絵², 有田 ゆう子^{2,3}, 鈴木 章代^{2,3}, 柴 忠義², 服部 正平^{1,5} (¹ 北里大・北里生命研, ² 北里大・理, ³ 日立計測器サービス, ⁴ 北里研究所, ⁵ 理研・ゲノム科学総研セ)
- 2PB-320 系統的, 網羅的な大腸菌遺伝子破壊株の作製 - 細胞増殖に必須な遺伝子の同定
櫻本 薫¹, 山田 明子¹, 田中 直樹², 山本 義弘³, 松田 秀雄², 磯野 克己⁴, 森 浩禎⁵, 堀内 嵩⁶, 三木 健良¹ (¹ 福岡歯科大, ² 大阪大院・情報科学, ³ 兵庫医大, ⁴ 神戸大・理, ⁵ 奈良先端大・遺伝子センター, ⁶ 基生研)
- 2PB-321 ムラサキの二次代謝発現に伴う暗黒下特異的発現遺伝子の網羅的クローニング
矢野 真理子¹, 水戸 光司², 鈴木 秀幸³, 柴田 大輔³, 佐藤 文彦¹, 矢崎 一史² (¹ 京大・生命, ² 京大・応用生命, ³ かずさ DNA 研究所)

- 2PB-322 FGF ファミリー mRNA の網羅的定量系の確立とマウス脳の発生成熟過程における発現変動解析
鈴木 理, 隠岐 潤子, 川野 光子, 小山 芳典, 今村 亨 (産業技術総合研究所)
- 2PB-323 ヒト完全長 cDNA のアノテーション・プロジェクト: H-Invitational
今西 規¹, 野村 信夫¹, 菅野 純夫^{1,2}, 五條堀 孝^{1,3}, H-Invitational コンソーシアム (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 東京大学 新領域創成科学研究科, 3 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-324 ヒト完全長 cDNA 配列の大規模な計算機解析による統合データベース構築
河村 敏行^{1,2}, 松矢 明宏^{1,3}, 高林 和彦⁴, 山本 尚幸^{1,5}, 川島 洋昭^{1,6}, 塗本 伸^{1,7}, 田村 卓郎⁸, 細田 誠吾^{1,9}, 山崎 千里¹⁰, 藤井 康之^{1,10}, 伊藤 剛^{10,11}, 今西 規¹⁰, 五條堀 孝^{10,12} (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 富士通株式会社, 3 株式会社日立製作所, 4 日立ソフトウェアエンジニアリング株式会社, 5 株式会社シーズ・ラボ, 6 株式会社ダイナコム, 7 三井情報開発株式会社, 8 ビッツ株式会社, 9 株式会社 CRC ソリューションズ, 10 産総研 生物情報解析研究センター, 11 農業生物資源研究所, 12 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-325 ヒトゲノムへのヒト完全長 cDNA のマッピングによるヒト遺伝子の同定
小柳 香奈子¹, 藤井 康之^{2,3}, 坂井 寛章^{2,3,4}, 羽原 拓哉^{2,3}, 佐藤 慶治², 伊藤 剛^{2,5}, 今西 規^{1,2}, 五條堀 孝^{2,6}, H-Invitational コンソーシアム (1 北海道大学, 2 産総研 生物情報解析研究センター, 3 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 4 協和発酵工業株式会社, 5 農業生物資源研究所, 6 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-326 G-integra : ヒトゲノムアノテーションの統合データベース
羽原 拓哉^{1,2}, 山口 香織¹, 藤井 康之^{1,2}, 小柳 香奈子³, 五條堀 孝^{2,4}, 今西 規² (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 産総研 生物情報解析研究センター, 3 北海道大学 大学院情報科学研究科, 4 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-327 完全長ヒト cDNA を用いた Alternative splicing 解析
武田 淳一¹, 鈴木 穰², 今西 規¹, 五條堀 孝^{1,3}, H-Invitational コンソーシアム (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 東大 新領域創成科学研究科メディカルゲノム専攻, 3 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 4 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター)
- 2PB-328 H-Invitational における統合的ヒト遺伝子機能アノテーション
山崎 千里¹, 谷野 元彦^{1,2}, 平川 美夏³, 大城戸 利久⁴, 真島 淳⁴, 武田 淳一¹, O' Donovan Claire⁵, Mulder Nicola⁵, Shimoyama Mary⁶, 岡崎 康司⁷, 宮崎 智⁸, 伊藤 剛^{1,9}, 今西 規¹, 五條堀 孝^{1,4}, H-Invitational コンソーシアム (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 3 京都大学化学研究所 バイオインフォマティクスセンター, 4 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 5 EMBL, EBI, 6RGD, Medical College of Wisconsin, 7 埼玉医科大学 ゲノム医学研究センター, 8 東京理科大学 薬学部, 9 農業生物資源研究所)
- 2PB-329 統合的自動アノテーションシステム (TACT) の開発および評価
山崎 千里¹, 川島 洋昭^{2,3}, 富所 布紗乃³, 谷野 元彦^{1,2}, 伊藤 剛^{1,4}, 五條堀 孝^{1,5}, 今西 規¹ (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 3 株式会社ダイナコム, 4 農業生物資源研究所, 5 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-330 ヒト完全長 cDNA からの機能性 RNA 候補の検出と機能解析
原田 えりみ^{1,2}, Roberto Barrero³, 武田 淳一², Charles Auffray⁴, 鈴木 穰⁵, Inna Dubchak⁶, Laurens Wilming⁷, 菅野 純夫⁵, 今西 規², 五條堀 孝^{2,3}, Libin Jia⁸, H-Invitational コンソーシアム (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 産総研 生物情報解析研究センター, 3 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 4UMR7091 CNRS, 5 東大院 新領域創成科学研究科, 6Lawrence Berkeley National Laboratory, 7Wellcome Trust Sanger Institute, 8National Cancer Institute, NIH)
- 2PB-331 ANFA: A Computational Annotation System for Non-Protein Coding Transcripts
Hao Zhang^{1,2}, Roberto Barrero³, Erimi Harada^{1,4}, Tamura Taku^{1,2}, Takashi Gojobori^{3,4}, Tadashi Imanishi⁴ (1JBIRC, JBIC, 2BITS Co., Ltd., 3CIB-DDBJ, NIG, 4BIRC, AIST)

- 2PB-332 The Human Anatomic Gene Expression Library (H-ANGEL), the H-Inv Integrative Display of Human Gene Expression across Disparate Technologies and Platforms
 谷野 元彦^{1,2}, Marie-Anne Debily³, 田村 卓郎^{1,4}, 日紫喜 光良², 池尾 一穂⁵, 今西 規², 五條堀 孝^{2,5}, Charles Auffray³, Winston Hide⁶, 大久保 公策^{2,5}, H-Invitational コンソーシアム (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 産総研 生物情報解析研究センター, 3 CNRS, 4 (株) ビッツ, 5 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 6 SANBI)
- 2PB-333 H-Inv GTOP - H-Invitational タンパク質予測立体構造データベース
 福地 佐斗志¹, 坂本 盛宇², 本間 桂一¹, 藤井 康之^{3,4}, Gough Craig^{3,4}, 伊藤 剛⁵, 今西 規³, 五條堀 孝^{1,3}, 西川 建¹, H-Invitational コンソーシアム (1 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 2 (株) ゲノムネットワーク, 3 産総研 生物情報解析研究センター, 4 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 5 農業生物資源研究所)
- 2PB-334 ヒト完全長 cDNA と遺伝子多型
 山口 由美¹, 松本 竜三², 早川 陽介^{2,3}, 細田 誠吾^{3,4}, 今西 規¹, 五條堀 孝^{1,5}, H-Invitational Consortium¹ (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 日立ソフトウェアエンジニアリング株式会社, 3 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 4 株式会社 CRC ソリューションズ, 5 国立遺伝学研究所 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-335 ヒトゲノムに対する高速 SNP マッピング法と遺伝子構造との対応
 早川 陽介^{1,2}, 山口 由美³, 田村 卓郎^{1,4}, 五條堀 孝^{3,5}, 今西 規³ (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 日立ソフトウェアエンジニアリング株式会社, 3 産総研 生物情報解析研究センター, 4 ビッツ株式会社, 5 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-336 ヒト遺伝子の分子進化データベースと大規模解析向けアノテーションツール
 松矢 明宏^{1,2,3}, 高橋 愛子³, 小柳 香奈子⁴, 太田 聡史⁵, 金子 弥生^{3,6}, 花田 耕介⁷, 坂手 龍一³, 鈴木 善幸⁷, 今西 規⁸, W Makalowski⁹, 遠藤 俊徳⁴, 池尾 一穂⁷, 平井 百樹¹⁰, 斎藤 成也⁷, 五條堀 孝^{7,8}, 伊藤 剛^{8,11} (1 日立製作所, 2 日立公共システムエンジニアリング, 3 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 4 北大院・情報, 5 理研 バイオリソース, 6 三菱化学生命科学研究所, 7 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 8 産総研 生物情報解析研究センター, 9 ペンシルバニア州立大, 10 東京女子医科大学, 11 農業生物資源研 ゲノム情報)
- 2PB-337 ヒト遺伝子の統合アノテーションデータベース: H-Invitational Database
 今西 規¹, 藤井 康之^{1,2}, 山崎 千里¹, 伊藤 剛^{1,3}, 小柳 香奈子⁴, Roberto Barrero⁵, 田村 卓郎^{2,6}, 山口 由美¹, 谷野 元彦^{1,2}, 武田 淳一¹, 最知 直美^{1,2}, 菅野 雅子^{1,2}, 野村 信夫¹, 菅野 純夫^{1,7}, 五條堀 孝^{1,5}, H-Invitational コンソーシアム (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 3 農業生物資源研究所, 4 北大院情報科学, 5 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 6 ビッツ株式会社, 7 東大新領域)
- 2PB-338 H-Invitational Database CIB-DDBJ Flat File Server の構築
 大城戸 利久¹, 重元 康昌², 松尾 昌嗣², 小池 匡², 福地 佐斗志¹, 今西 規³, 宮崎 智⁴, 館野 義男¹, 五條堀 孝^{1,3} (1 遺伝研・生命情報・DDBJ, 2 富士通, 3 産総研・生物情報解析研究センター, 4 東京理大・薬)
- 2PB-339 H-Invitational ヒト完全長 cDNA データ解析から見つかった挿入アミノ酸配列
 福地 佐斗志¹, 深海 薫², 本間 桂一¹, 太田 元規³, 西川 建¹ (1 遺伝研・生命情報・DDBJ, 2 理研・バイオリソース, 3 東工大・学国情セ)
- 2PB-340 微生物における遺伝子多様性の解明
 菅原 秀明¹, 宮崎 智², 中村 洋路³, 福地 佐斗志¹, 小菅 武英¹, 大城戸 利久¹, 真島 淳¹, 橋爪 亜紀⁴, 田中 尚人⁵, 丸山 穰⁵, 平島 壮規⁵, 阿部 貴志¹, 西川 建¹, 館野 義男¹, 五條堀 孝¹ (1 遺伝研・CIB-DDBJ, 2 東京理科大, 3 北大, 4 NITE, 5 JST・BIRD)
- 2PB-341 比較ゲノム解析ツール「G-InforBIO」の開発
 田中 尚人^{1,2}, 阿部 貴志¹, 宮崎 智³, 菅原 秀明¹ (1 遺伝研生命情報・DDBJ, 2 科技団・BIRD, 3 東京理科大・薬学)

- 2PB-342 環境由来 DNA 配列に基づいた自己組織化地図法 (Self-Organizing Map) による培養困難な微生物群の系統推定手法の開発
阿部 貴志^{1,2,3}, 池村 淑道³, 中川 智², 上月 登喜男², 木ノ内 誠⁴, 金谷 重彦⁵, 菅原 秀明^{1,3} (1 遺伝研・CIB-DDBJ, 2 ザナジェン, 3 総研大, 4 山大, 5 NAIST)
- 2PB-343 Comparative genomics of human bidirectional gene pairs and its implications for the evolution of a transcriptional regulation system
Kanakano Koyanagi¹, Masato Hagiwara^{2,3}, Takeshi Itoh^{4,5}, Takashi Gojobori^{5,6}, Tadashi Imanishi^{1,5} (1 Grad. Sch. Info. Sci. Tech., Hokkaido Univ., 2 JBIRC, JBIC, 3 AxioHelix, Co. Ltd., 4 NIAS, 5 BIRC, AIST, 6 CIB-DDBJ, NIG)
- 2PB-344 ヒトとマウスゲノムにおけるプロセス型偽遺伝子の予測
坂井 寛章^{1,2,3}, 小柳 香奈子⁴, 藤井 康之^{1,2}, 今西 規^{1,4}, 五條堀 孝^{1,5}, 伊藤 剛^{1,6} (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 3 協和発酵工業株式会社, 4 北海道大学, 5 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 6 農業生物資源研究所)
- 2PB-345 ヒト-マウス間でのゲノムアラインメントの作成と比較ゲノム解析ウェブツール"G-compass"
坂手 龍一^{1,2}, 藤井 康之^{1,2}, 松矢 明宏³, 羽原 拓哉^{1,2}, 山口 香織¹, 金子 弥生¹, 小柳 香奈子⁴, 今西 規², 五條堀 孝^{2,5}, 伊藤 剛^{2,6} (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 産総研 生物情報解析研究センター, 3 日立製作所, 4 北海道大学大学院情報科学研究科, 5 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 6 農業生物資源研究所)
- 2PB-346 H-Invitational Disease Edition における疾患 - 遺伝子関連データベースの構築
日紫喜 光良¹, 長田 直樹¹, 司馬 理恵^{1,2}, 鶴岡 慶雅³, 大田 朋子³, 佐藤 学⁴, 中西 紘子⁴, 辻井 潤一⁵, 山口 由美¹, 今西 規¹, 五條堀 孝^{1,6} (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 3 JST, CREST, 4 東大院情報理工, 5 東大情報学環, 6 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 2PB-347 新規疾病感受性遺伝子予測のためのデータマイニングシステムの構築
田中 進^{1,2}, 谷家 貴之^{1,3}, 花岡 秀樹⁴, 前川 陽俊^{1,5}, 山崎 千里³, Roberto Barrero⁶, Boris Lenhard⁷, Milton Datta⁸, Mary Shimoyama⁹, 今西 規³, 五條堀 孝^{3,6} (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 東京都精神医学総合研究所, 3 産総研 生物情報解析研究センター, 4 株式会社国際バイオインフォマティクス研究所, 5 株式会社シーズ・ラボ, 6 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター, 7 Center for Genomics and Bioinformatics, Karolinska Institute, 8 Winship Cancer Institute, Emory University School of Medicine, 9 Rat Genome Data Base, Medical College of Wisconsin)
- 2PB-348 DNA 配列中に高頻度で出現する配列モチーフを見つけ出す新手法
塗本 伸^{1,2}, 穂刈 大樹², 谷野 元彦^{1,3}, 武田 淳一³, 杉崎 太郎², 今西 規³ (1 バイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 2 三井情報開発株式会社, 3 産総研 生物情報解析研究センター)
- 2PB-349 ブタ完全長 cDNA ライブラリーによる EST 収集とそのデータベース (PEDE) の構築
上西 博英^{1,2}, 小川 (江口) 智子^{1,2}, 鈴木 恒平^{1,3}, 沢崎 哲哉^{1,3}, 土岐 大輔^{1,3}, 新開 浩樹^{1,3}, 堂向 美千子^{1,3}, 田中 麻衣子^{1,3}, 松本 敏美^{1,3}, 奥村 直彦^{1,3}, 浜島 紀之^{1,2}, 安藤 麻子⁴, 栗田 崇^{1,2} (1 家畜ゲノム解析研究プログラム, 2 生物研, 3 STAFF 研, 4 東海大医)
- 2PB-350 イネ害虫トビロウカの EST ならびに完全長 cDNA 解析
野田 博明, 小泉 蓉子, 河合 佐和子, 王 景明, 張 薔, 三田 和英 (農業生物資源研究所)
- 2PB-351 トビロウカの EST 解析 ~ 生殖巣特異的発現遺伝子の探索 ~
河合 佐和子, 張 薔, 三田 和英, 野田 博明 (農業生物資源研究所)
- 2PB-352 シロイヌナズナ完全長 cDNA を用いた選択的スライシングの解析
飯田 慶¹, 関 原明^{2,3}, 櫻井 哲也⁴, 佐藤 将一⁴, 秋山 顕治⁴, 豊田 哲郎⁴, 小長谷 明彦⁴, 篠崎 一雄^{2,3} (1 長浜バイオ大学・バイオサイエンス, 2 理研 GSC・植物ゲノム, 3 理研・植物分子, 4 理研 GSC・ゲノム情報)

- 2PB-353 出芽酵母の系統的転写開始点解析: 完全長 cDNA ライブラリのシーケンシングと系統的 RACE 法によるアプローチ
三浦 史仁^{1,2}, 豊田 敦³, 服部 正平^{3,4}, 伊藤 隆司^{1,2} (¹ 東大・新領域・情報生命, ²JST・BIRD, ³ 理研・GSC, ⁴ 北里大・生命研)
- 2PB-354 A database for absolute copy numbers for budding yeast transcripts
川口 典子^{1,2}, 三浦 史仁^{1,2}, 亀谷 聡^{1,3}, 尾山 卓也^{1,3}, 吉田 美寸夫^{1,3}, 植松 千宗⁴, 榊 佳之⁵, 佐藤 健二⁶, 伊藤 隆司^{1,2} (¹JST, BIRD, ² 東大新領域, ³ インテック W & G, ⁴ 日立中研, ⁵ 理研 GSC, ⁶GAIST)
- 2PB-355 酵母遺伝子発現制御ネットワークの解析: キメラ化による転写因子の活性化と発現プロファイリングによる標的遺伝子探索
恩田 美雪¹, 谷 祐治¹, 千葉 智子^{1,2}, 太田 一寿¹, 伊藤 隆司^{1,3} (¹ 東大・新領域, ²JST・CREST, ³JST・BIRD)
- 2PB-356 InGaP database ~ゲノム領域からプロテオーム領域を横断するデータベース~
村上 雅利^{1,2}, 島田 希代^{1,2}, 長野 美穂子^{1,2}, 岡崎 規理子³, 今井 一英^{1,2}, 川井 誠^{1,2}, 中島 大輔³, 小原 令子³, 三木 双葉³, 稲本 進^{1,2,4}, 馬替 純二^{1,2,4}, 湯浅 茂樹⁵, 長瀬 隆弘³, 小原 收^{3,6}, 古閑 比佐志^{1,2,3} (¹ 科技団・CREATE, ² 千葉県産業振興センター, ³ かずさ DNA 研究所, ⁴ 産創研, ⁵ 国立精神神経センター, ⁶ 理研横浜研究所)
- 2PB-357 ヒト遺伝子オルタナティブスプライシングパターンデータベース ASTRA の開発
長崎 英樹¹, 有田 正規^{1,2}, 西澤 達也³, 諏訪 牧子¹, 後藤 修^{1,4} (¹ 産総研・生命情報科学研究センター, ² 東大・新領域・情報生命, ³ (株) 情報数理研究所, ⁴ 京大・情報)
- 2PB-358 蛋白質多型データベース dbProP は蛋白質構造に変化を生じるスプライシングバリエーションと cSNPs を大量に提供する
齋藤 俊行¹, 三上 陽司², 笠間 康次^{1,2}, 林 昭子¹, 佐藤 伸司^{1,2,3} (¹ 放医研・発現ネット, ² メイズ・バイオ事業部, ³ 科学技術振興機構・データベース開発部)
- 2PB-359 Finding Characteristic Sequence Patterns for Alternative Splicing in Human Genomic DNA
Hiroki Sakai¹, Katsuhisa Horimoto², Minoru Kanehisa¹ (¹Bioinformatics Center, Institute for Chemical Research, Kyoto University, ²Human Genome Center, Institute of Medical Science, University of Tokyo)
- 2PB-360 KIAA 遺伝子の選択的スプライシングバリエーションの種間保存
菊野 玲子¹, 岡崎 規理子¹, 長瀬 隆弘¹, 古閑 比佐志^{1,2,3}, 小原 收^{1,4} (¹ かずさ DNA 研, ² 科技団・CREATE, ³ 千葉県産業振興センター, ⁴ 理研)
- 2PB-361 選択的スプライシングバリエーションの中には不安定なタンパク質をコードするものもある
本間 桂一^{1,2}, 菊野 玲子³, 長瀬 隆弘³, 小原 收^{3,4}, 西川 建¹ (¹ 遺伝研 生命情報・DDBJ, ² 科技団, ³ かずさ DNA 研, ⁴ 理研免疫・アレルギー科学総研)
- 2PB-362 モウソウチクの伸長成長期に発現する遺伝子の網羅的解析 (2)
坂本 正弘¹, 濱本 尚美¹, 佐々木 卓治², 菊池 尚志², 岸本 直己², 矢崎 潤史², 石川 雅弘², 藤井 文子², 太田 智哉², 佐藤 友紀², 宮本 智佳子², 本多 幸子², 真保 佳奈子³, 島谷 善平³, 長田 夕子³, 橋本 晶子³, 小島 恵一⁴, 島田 浩章⁵, 東 順一¹ (¹ 京都大・院農・地域環境, ² 農業生物資源研究所, ³SAFF 研究所, ⁴ 日立ソフウェアエンジニアリング, ⁵ 東京理大・基礎工・生物工学)
- 2PB-363 microRNAs: biology and evolution
Roberto Barrero¹, Takuro Tamura², Hitomi Sakurai¹, Shiho Hayakawa¹, Yoshio Tateno¹, Kazuho Ikeo¹, Tadashi Imanishi³, Takashi Gojobori^{1,3} (¹Nat. Inst. Genet., CIB-DDBJ, ²BITS, Co., Ltd., ³BIRC, AIST)
- 2PB-364 哺乳類マイクロ RNA (miRNA) の標的遺伝子予測と実験的検証
櫻井 仁美^{1,2}, Roberto Barrero¹, 早川 志帆¹, 田村 卓郎^{3,4}, 館野 義男¹, 池尾 一穂¹, 今西 規³, 五條堀 孝^{1,3} (¹ 遺伝研・生命情報・DDBJ, ² 科技団・BIRD, ³ 産総研・生物情報解析研究センター, ⁴ ビッツ)
- 2PB-365 Computational prediction of novel mammalian microRNAs
Shiho Hayakawa¹, Roberto Barrero¹, Hitomi Sakurai^{1,2}, Takuro Tamura^{3,4}, Yoshio Tateno¹, Kazuho Ikeo¹, Tadashi Imanishi³, Takashi Gojobori^{1,3} (¹NIG CIB-DDBJ, ²JST BIRD, ³BIRC, AIST, ⁴BITS Co.,Ltd.)

- 2PB-366 コムギの機能ゲノム科学 XXIEST データベースを用いた 6 倍性コムギ転写因子の網羅的探索と組織別発現プロファイル
持田 恵一¹, 川浦 香奈子², 荻原 保成² (¹長浜バイオ大・バイオサイエンス, ²京都府大院・農・遺伝子工学)
- 2PB-367 コムギのゲノム科学 XXII. パンコムギにおける 22k オリゴマイクロアレイの作成および塩ストレスに応答する発現遺伝子の網羅的解析
川浦 香奈子¹, 持田 恵一², 山崎 由紀子³, 荻原 保成¹ (¹京都府大院・農, ²長浜バイオ大・バイオサイエンス, ³遺伝研)
- 2PB-368 倍数性コムギの機能ゲノム科学 XXIII. 同祖遺伝子間の SNPs を利用した倍数性コムギにおける遺伝子発現解析: 1 ゲノムからのみ発現される遺伝子の染色体アサインメント
大橋 雄二¹, 川浦 香奈子¹, 持田 恵一², 荻原 保成¹ (¹京都府大院・農, ²長浜バイオ大・バイオサイエンス)
- 2PB-369 cDNA マイクロアレイを用いたシロイヌナズナ器官特異発現遺伝子およびプロモーターの系統的解析
山川 清栄¹, 千阪 綾¹, 徳田 玲奈¹, 安藤 候平¹, 吉田 和哉¹, 河内 孝之^{1,2}, 新名 惇彦¹ (¹奈良先端大・バイオ, ²京大・生命)
- 2PB-370 ジェネティクスとトランスクリプトームの統合による脂質代謝の遺伝子ネットワークの解明
二階堂 愛, 八木 研, 坊農 秀雅, 岡崎 康司 (埼玉医大・ゲノム医学研究セ・ゲノム科学)
- 2PB-371 DNA マイクロアレイによるマウス赤白血病細胞の分化に関連する遺伝子のスクリーニングと解析
佐々木 仁^{1,2}, 戸田 貴徳^{1,2}, 栗原 涉^{1,2}, 宇津木 孝彦², 小野田 文俊¹, 村上 康文^{1,2} (¹東京理科大・基礎工・生物工, ²東京理科大・ゲノム創薬研究センター)
- 2PB-372 ラット視神経軸索切断モデルにおけるマイクロアレイを用いた神経節細胞死の分子機序の解析
景山 正明¹, 大橋 康司¹, 土居 玲奈¹, Donald J. Zack² (¹参天製薬 (株) 研究開発センター, ²ジョンズホプキンス大 眼科)
- 2PB-373 ラット NMDA 誘発網膜障害モデルにおけるマイクロアレイを用いた遺伝子発現解析
土居 玲奈¹, 大橋 康司¹, Donald J. Zack², 景山 正明¹ (¹参天製薬 (株) 研究開発センター, ²ジョンズホプキンス大眼科)
- 2PB-374 ラット虚血誘発網膜血管新生における遺伝子発現解析
大橋 康司¹, 土居 玲奈¹, 藤田 由紀恵¹, 小山 真治¹, Donald J. Zack², 景山 正明¹ (¹参天製薬 (株) 研究開発センター, ²ジョンズホプキンス大 眼科)
- 2PB-375 ヒト肝生検サンプルのための DNA Microarray system の構築
稲沢 裕子¹, 安藤 俊哉², 小柴 貴明¹, 湊 長博³, 田中 紘一¹ (¹京大・医・移植外科, ²アプライドバイオシステムズジャパン, ³京大・医・感染・免疫)
- 2PB-376 GENE EXPRESSION PROFILING IN BRAINS OF DENTATORUBRAL-PALLIDOLUYSIAN ATROPHY (DRPLA) TRANSGENIC MICE CARRYING VARIOUS LENGTHS OF EXPANDED CAG REPEATS
Jiayi Zhou¹, Yuji Takahashi¹, Jun Goto¹, Toshiya Sato², Shoji Tsuji¹ (¹Dept.Neurol., Div.Neurosci., Univ. Tokyo, ²Dept.Neurol., Brain Res. Inst., Niigata Univ.)
- 2PB-377 マウス脳における遺伝子発現の性的二型の解析
弓削 主哉^{1,2}, 池尾 一穂^{1,2}, 五條堀 孝^{1,2} (¹遺伝研・生命情報・DDBJ, ²総合研究大学院大学)
- 2PB-378 Toxicogenomics: A new paradigm in prediction and interpretation of global gene-expression, not to use gene-expression intensity but to focus on gene combination repertoire.
Tohru Inoue¹, Tomochika Matsushita^{1,2}, Katsuhide Igarashi³, Jun Kanno³, Yoko Hirabayashi³ (¹NIHS, Biological Safety & Res Center, ²Chugai Pharmaceutical, Fuji Gotenba Res Labs, ³NIHS, Cell. & Mol. Tox. Div.)
- 2PB-379 NIA 22k cDNA マイクロアレイを用いた毒性評価系における培養細胞と個体間の比較
濱崎 美久^{1,2}, 栗原 涉^{1,2}, 佐々木 仁^{1,2}, 小野田 文俊¹, 宇津木 孝彦², 村上 康文^{1,2} (¹東京理科大・基礎工・生物工, ²東京理科大・ゲノム創薬研究セ)
- 2PB-380 化学物質に対する組織特異的な遺伝子応答の解析
渡邊 肇, 大塚 絵里, 後藤 麻友, 鈴木 敦子, 井口 泰泉 (基生研・統合バイオ)

- 2PB-381 マウス肝臓におけるダイオキシン類による遺伝子発現変動解析
中津 則之, 相崎 健一, 小野 敦, 五十嵐 勝秀, 児玉 幸夫, 菅野 純 (国立医衛研 毒性部)
- 2PB-382 臨床情報とマイクロアレイ・データによる遺伝子ネットワーク動態比較
臺場 昭人^{1,3}, 林田 一洋², 古屋 貴子¹, 伊藤 哲¹, 養王田 正文³ (1 株式会社 ジェー・ジー・エス, 2 佐世保共済病院, 3 東京農工大学)
- 2PB-383 FGF-1 刺激により発現変動する遺伝子の HiCEP 法を用いた網羅的解析
柏田 健太郎^{1,2}, 鈴木 理¹, 倉持 (小見) 明子¹, 中原 麻希³, 荒木 良子³, 安倍 真澄³, 沼田 治², 今村 亨¹ (1 産業技術総合研究所, 2 筑波大学大学院 生命環境科学研究科, 3 放射線医学総合研究所 先端遺伝子発現研究センター)
- 2PB-384 An introduction to AtGenExpress
Yukihisa Shimada, Hideki Goda, Shigeo Yoshida (RIKEN, Plant Science Center)
- 2PB-385 iAFLP に基づく脳の 3 次元グリiddingによる転写物のサブオーガンマッピング
尾辻 真紀子¹, 日紫喜 光良², 有川 浩司³, 宮崎 充弘³, 前田 真佐江³, 村川 克二³, 大沼 由佳⁴, 目黒 文晃⁴, 伊藤 孝一¹, 大久保 公策^{1,2} (1 国立遺伝学研究所 遺伝子発現解析研究室, 2 産業技術総合研究所 発現頻度解析チーム, 3 日立サイエンスシステムズ, 4 ユニーテック株式会社)
- 2PB-386 Percellome - 細胞 1 個あたりの RNA 発現量を測定する方法
相崎 健一, 五十嵐 勝秀, 中津 則之, 小野 敦, 菅野 純 (国立医衛研 毒性部)
- 2PB-387 ポリフェノール投与が高脂肪食ラットの遺伝子発現へ及ぼす影響
太田 豊¹, 長田 恭一², 船山 誠², 神田 智正¹, 佐見 学¹, 加藤 久典³ (1 アサヒビール (株) 未来技術研, 2 弘前大・農生・応生工, 3 東京大・農生・応生化)
- 2PB-388 出芽酵母欠損株の遺伝子発現プロファイルを用いた, 遺伝子制御システムの解析
川村 しのぶ, 田代 康介, 久原 哲 (九州大・シス生・シス生)
- 2PB-389 出芽酵母代謝系における発現制御関係の解析
小林 圭太, 牟田 滋, 田代 康介, 久原 哲 (九大院・生資環・遺子工)
- 2PB-390 UV 照射に対する修復機構における遺伝子発現の関連性解析
油谷 幸代¹, 菅谷 昇義¹, 村上 大勇¹, 坂井 比呂樹^{1,2}, 佐藤 眞木彦^{1,3}, 堀本 勝久¹ (1 東京大・医科研・ヒトゲノム解析センター, 2 京都大・化研・バイオインフォマティクスセンター, 3 前橋工大・院・工学)
- 2PB-391 マイクロアレイデータを用いた組織間類似性に関する多面的解析
門田 幸二, Rodrigue J.J., 齊藤 俊行, 荒木 良子, 安倍 真澄 (放医研・先端遺伝子発現研究セ)
- 2PB-392 オーソログ遺伝子の発現類似性を利用した遺伝子機能類似性解析手法
松岡 弘樹¹, 寺本 礼仁², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (1 阪大院・情報科学・バイオ情報, 2 住友製薬・研究本部・ゲノム科学)
- 2PB-393 異種生物間におけるマイクロアレイデータの直接比較法
萩本 健二, 宮崎 純, 金谷 重彦, 小笠原 直毅, 天笠 俊之, 植村 俊亮 (奈良先端科学技術大学院大学・情報科学研究科)
- 2PB-394 ファジィクラスタリングによるマイクロアレイデータの解析
花井 泰三, 有馬 千夏, 岡本 正宏 (九大・農・生物機能)
- 2PB-395 遺伝子発現プロファイル間の局所的な類似性を考慮したクラスタリング手法
瀬尾 茂人¹, 寺本 礼仁², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (1 大阪大院・情報・バイオ情, 2 住友製・研究本・ゲノム)
- 2PB-396 新しいクラスタリング手法を用いたマイクロアレイデータの解析
袴田 和巳², 花井 泰三¹, 岡本 正宏¹ (1 九大・農・生物機能, 2 九大・シス生・生命情報)
- 2PB-397 理研シロイヌナズナアクティベーションタグラインの表現型やタンパク質ドメイン, 発現データによるクラスタ解析
越 智子¹, 富木 毅¹, 松井 僚¹, 中澤 美紀², 市川 尚斉², 松井 南², 武藤 周¹ (1 NEC ソフト株式会社・VALWAY テクノロジーセンター, 2 理研・GSC・植物ゲノム・植物変異探索研究チーム)

- 2PB-398 遺伝子発現情報のクラスタリング解析に基づいた浸透圧耐性酵母の育種
吉川 勝徳¹, Gaurav Pandey², 平沢 敬², 永久 圭介¹, 古澤 力¹, 片倉 啓雄², 塩谷 捨明², 清水 浩¹ (¹ 阪大・院情報・バイオ情報, ² 阪大・院工・応生)
- 2PB-399 遺伝子欠失株の遺伝子発現データから最少数の制御関係で構成される符号付有向グラフで表現された遺伝子ネットワークを推定する DBRF-MEGN 法
京田 耕司^{1,2}, 北野 宏明^{1,2,3,4}, 大浪 修一^{1,3,5} (¹ 慶大・院理工, ² 科技団・ERATO, ³ SBI, ⁴ SONY CSL, ⁵ 科技講・BIRD)
- 2PB-400 遺伝子発現ネットワーク推定システムの構築
三井 重之¹, 三浦 佳樹¹, 坂田 克己¹, 野田 博明², 篠田 徹郎², 加藤 康仁³, 昇 博也¹ (¹ 三菱スペース・ソフトウェア, ² 独・生物研, ³ 日本化薬)
- 2PB-401 生物情報統合プラットフォーム KeyMolnet による新しいネットワーク解析
佐藤 陽美¹, 石田 誠一², 戸田 恭子², 松田 りえ子², 林 譲², 福田 美紀¹, 重高 誠¹, 若松 容子¹, 溝口 佳伸¹, 井上 陽子¹, 菊島 優一¹, 難波 剛志¹, 小関 洋平¹, 富岡 伸夫¹, 板井 昭子¹ (¹ (株) 医薬分子設計研, ² 国立衛研)
- 2PB-402 遺伝子の共発現を考慮した遺伝子制御ネットワークの推定手法
瀧 浩平¹, 寺本 礼二², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学・バイオ情報, ² 住友製薬・研究本部・ゲノム科学)
- 2PB-403 マウス小脳発達遺伝的発現の解読をめざして：時空的遺伝子発現プロファイル・インフォマティクス・データベースの構築
佐藤 明, 森田 規之, 吉川 文生, 定方 哲史, 佐藤 友美, 古市 貞一 (理研・脳センター・分子神経形成)
- 2PB-404 遺伝子発現データの解剖学的操作基盤の構築
久保田 功¹, 小笠原 理¹, 飯塚 高康¹, 渡辺 康司¹, 日紫喜 光良², 有川 浩司^{3,5}, 宮崎 充弘^{3,5}, 前田 真佐江^{3,5}, 村川 克二^{3,5}, 大沼 由佳^{4,5}, 目黒 文晃^{4,5}, 大久保 公策^{1,2} (¹ 国立遺伝学研究所, ² 産総研 生物情報解析研究センター (BIRC), ³ 日立サイエンスシステムズ, ⁴ ユニーテック, ⁵ JBIC 生物情報解析研究センター (JBIRC))
- 2PB-405 定量的遺伝子発現解析を目的とした DNA コンピュータのエンコーディング特性
後藤 理, 陶山 明 (東大・総合文化)
- 2PB-406 Prediction of 3D structure of Tat/TAR/Cyclin T1 complex using molecular docking simulation
Kaori Asamitsu¹, Hirokazu Ishida^{1,2}, Shuhei Ueno¹, Toshiharu Kondo², takashi okamoto¹ (¹ Nagoya City Univ., Grad. Sch. Med. Sci., Dept. Mol. Cell. Biol., ² Chuden CTI, Sci. Tech. Dept.)
- 2PB-407 p85SH2 ドメインと ErbB3 由来チロシンリン酸化ペプチドのタンパク質間相互作用の解析
高田 直樹¹, 末永 敦¹, 畠山 真里子¹, 市川 美緒¹, ゆう 暁梅¹, 沖本 憲明¹, 二木 紀行¹, 成見 哲¹, 白水 美香子², 横山 茂之^{2,3,4}, 泰地 真弘人¹, 小長谷 明彦¹ (¹ 理研・GSC・ゲノム情報科学研究グループ, ² 理研・GSC・タンパク質構造・機能研究グループ, ³ 理研・播磨研, ⁴ 東大・院理・生化)
- 2PB-408 加速化システムフットプリンティングによる相互作用サイトマッピングの試み
史 萱, 桜庭 一美, 三浦 史仁, 太田 一寿, 伊藤 隆司 (東京大学)
- 2PB-409 再現性の高い大腸菌タンパク質間相互作用ネットワークの構築と機能未知タンパク質の機能予測
斎藤 輪太郎¹, 中村 征良^{1,2}, 荒 武^{1,4}, 伊藤 文^{1,4}, Md. Arifuzzaman^{5,6}, 前田 真希⁴, 北川 正成⁶, 平井 晶⁶, 和田 千恵子^{4,7}, 大島 拓^{4,6}, 森 浩禎^{1,4,6}, 富田 勝^{1,3} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・政策・メディア・バイオインフォマティクスプログラム, ³ 同・環境情報, ⁴ CREST JST, ⁵ NEDO, ⁶ 奈良先端大・遺伝子教育研究センター, ⁷ 京大・ウィルス研)
- 2PB-410 ゲノムワイドデータの統合による信頼性の高い PPI ネットワークの構築
中村 征良^{1,6}, 木村 曜^{1,7}, 統木 恒平^{1,7}, 斎藤 輪太郎¹, 荒 武^{1,2}, 伊藤 文^{1,2}, Md. Arifuzzaman^{3,4}, 前田 真希², 北川 正成⁴, 平井 晶⁴, 和田 千恵子^{2,5}, 大島 拓^{2,4}, 森 浩禎^{1,4,6}, 富田 勝^{1,7} (¹ 慶大・先端生命研, ² CREST JST, ³ NEDO, ⁴ 奈良先端大・遺伝子教育研究センター, ⁵ 京大・ウィルス研, ⁶ 慶大・政策・メディア・バイオインフォマティクスプログラム, ⁷ 慶大・環境情報)

- 2PB-411 発現データとタンパク質間相互作用データを用いた大腸菌の機能間相互作用ネットワークの構築
小林 雄輔^{1,2}, 齋藤 輪太郎¹, 荒 武^{1,4}, 伊藤 文^{1,4}, Md. Arifuzzaman^{5,6}, 前田 真希⁴, 北川 正成⁶, 平井 晶⁶, 和田 千恵子^{4,7}, 大島 拓^{4,6}, 森 浩禎^{1,4,6}, 冨田 勝^{1,3} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・政策・メディア・バイオインフォマティクスプログラム, ³ 同・環境情報, ⁴ CREST JST, ⁵ NEDO, ⁶ 奈良先端大・遺伝子教育研究センター, ⁷ 京大・ウィルス研)
- 2PB-412 選択的スプライシングによるタンパク質間相互作用制御のコンピュータ解析
加来 聡子^{1,2}, 中村 征良^{1,3}, 齋藤 輪太郎¹, 冨田 勝^{1,2} (¹ 慶應大・先端生命研, ² 同・環境情報, ³ 同・政策メディア研究科・バイオインフォマティクスプログラム)
- 2PB-413 生命設計支援システムの新たな機能と生命情報の統合
清水 奈津美, 倉田 博之 (九州工業大院・情報工・情報科学)
- 2PB-414 CADLIVE による窒素同化システムのシステム解析
真崎 浩一, 倉田 博之 (九州工業大学 情報工)
- 2PB-415 代謝ネットワーク構造のマトリックス形式での記述と解析
太田 潤 (岡山大院・医歯総・国際環境)
- 2PB-416 Gene Ontology を利用した遺伝子ネットワークの機能解析手法
松野 広一¹, 寺本 礼仁², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学・バイオ情報, ² 住友製薬・研究・ゲノム科学)
- 2PB-417 系統プロファイルを利用した代謝反応ネットワーク中のサブネットワーク抽出手法
三宅 晶子, 竹中 要一, 松田 秀雄 (阪大院・情報科学・バイオ情報)
- 2PB-418 CANCERPATHWAY - A DATABASE FOR SYSTEMS PATHOLOGY OF CANCER
Tetsuya Shiraiishi (Sony Computer Science Laboratories, Inc.)
- 2PB-419 代謝ネットワークにおける酵素の進化速度の解析
田中 剛^{1,2}, 池尾 一穂¹, 五條堀 孝¹ (¹ 遺伝研 生命情報・DBDJ, ² 科技园)
- 2PB-420 INOH: 生物学的事象を中心としたパスウェイデータベース
山本 智子¹, 榎田 達矢¹, 浅沼 孝夫^{1,2}, 山縣 友紀¹, 関口 あづみ¹, 高木 利久³, 福田 賢一郎⁴ (¹ JST・BIRD, ² 日立, ³ 東大・新領域, ⁴ 産総研・生命情報)
- 2PB-421 化合物の構造変化に基づく酵素反応の特徴付けと EC 番号予測システムの構築
小寺 正明, 服部 正泰, 五斗 進, 金久 實 (京大化研)
- 2PB-422 異種間の代謝ネットワーク構造の違いを考慮した遺伝子の必須性に関わる化合物の探索手法
田中 直樹¹, 三木 健良², 山本 義弘³, 寺本 礼仁⁴, 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学, ² 福岡歯科大, ³ 兵庫医大, ⁴ 住友製薬)
- 2PB-423 既知のタンパク質・化合物相互作用関係と構造比較による化合物の活性予測手法とタンパク質・化合物データ間の関連付けへの応用
山上 恭廣¹, 河村 元², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学・バイオ情報, ² アズテック システム)
- 2PB-424 タンパク質の機能分類データを用いたタンパク質・化合物相互作用検索システムの開発
Vo Thuy, 竹中 要一, 松田 秀雄 (阪大院・情報科学・バイオ情報)
- 2PB-425 類似化合物探索のための構造類似性を利用した化合物集合の分類手法
阪本 洋司¹, 寺本 礼仁², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学・バイオ情報, ² 住友製薬・研究本部・ゲノム科学)
- 2PB-426 化合物の生物活性予測のための類似尺度と解析手法
伊藤 琢也¹, 寺本 礼仁², 竹中 要一¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学・バイオ情報, ² 住友製薬・研究本部・ゲノム科学)
- 2PB-427 タンパク質・化合物間相互作用探索のための異種バイオデータベース連携手法
細川 卓哉¹, 北島 正人^{1,2}, 高坂 貴弘¹, 若月 謙太郎³, 古館 丈裕³, 伊達 進¹, 下條 真司¹, 松田 秀雄¹ (¹ 阪大院・情報科学, ² 富士通九州システムエンジニアリング, ³ 日立ソフトウェアエンジニアリング)

- 2PB-428 生体環境変化の指示体としてのヘルペスウイルス排出
梅根 健一¹, 古賀 千尋², 亀山 忠光³ (¹福岡女子大学・人間環境学部・栄養健康科学科, ²久留米大・医・歯科口腔医療センター, ³柳川リハビリテーション病院歯科口腔外科)
- 2PB-429 C型肝炎ウイルスの増殖制御に関する宿主遺伝子の同定
石橋 真理子¹, 高山 由理子¹, 松元 佐和子¹, 高木 恵子², 高山 忠利², 江角 真理子¹ (¹日大・医・病理, ²消外)

.....(1d タンパク質・プロテオミクス)

- 2PB-430 分子動力学シミュレーションを用いた PQQ グルコース脱水素酵素と基質との相互作用解析
島田 睦¹, 広川 貴次², 早出 広司¹ (¹東京農工大・院工・生命工, ²産総研・CBRC)
- 2PB-431 二糖配糖体特異的グリコシダーゼの基質特異性に関する情報科学的研究
大安 裕美¹, 水谷 正治², 安 榮玉², 坂田 完三², 藤 博幸¹ (¹京大・化研・BIC, ²京大・化研)
- 2PB-432 Database for GPCRs interaction - GRIP -
Wataru Nemoto^{1,2}, Hiroyuki Toh^{1,2} (¹NAIST.Dept.Info Sci, ²Kyoto Univ.Inst.Chem.Res)
- 2PB-433 タンパク間相互作用ネットワークの数理的諸相
鈴木 泰博, 長谷 武, 荻島 創一, 中川 草, 田中 博 (東京医科歯科大・難治研・生命情報)
- 2PB-434 超好熱古細菌由来 phosphomannomutase/phosphoglucomutase の機能解析
阿久津 純一¹, 張子蓮^{1,2}, 辻村 昌也^{1,2}, 佐々木 真弓^{1,2}, 河原林 裕¹ (¹産総研・生物機能工学, ²PSS)
- 2PB-435 Molecular Dynamics Simulations of the BRCT Region of BRCA1 Reveal Long-Range Effects of Mutations on a Protein-Protein Interaction Site
Craig Gough¹, Tadashi Imanishi¹, Takashi Gojobori^{1,2} (¹Integrated Database Team, Japan Biological Information Research Center, Tokyo, Japan, ²Center for Information Biology and DNA Data Bank of Japan, Shizuoka, Japan)
- 2PB-436 リボース-5-リン酸イソメラーゼの結晶構造に基づく触媒メカニズム
浜田 恵輔^{1,2}, 吾郷 日出夫^{2,3}, 菅原 光明^{2,3}, 野嶽 勇一³, 倉光 成紀⁴, 宮野 雅司^{2,3} (¹横浜市大・院・医・生化学, ²理研播磨・構造生物物理, ³理研播磨・ハイスループットファクトリー, ⁴理研播磨・ストラクチュローム研究グループ)
- 2PB-437 Progress in the Whole Cell Project of *Thermus thermophilus* HB8 toward Atomic-Resolution Biology
Akio Ebihara¹, Noriko Nakagawa^{1,2}, Mayumi Kanagawa¹, Yukihide Kousumi¹, Shinya Satoh¹, Yoshihiro Agari¹, Nobuko Maoka¹, Hitoshi Iino¹, Aiko Kashihara¹, Chizu Kuroishi¹, Ryoji Masui^{1,2}, Mikako Shirouzu^{1,3}, Takaho Terada^{1,3}, Kunio Miki^{1,4}, Shigeyuki Yokoyama^{1,3,5}, Seiki Kuramitsu^{1,2,3} (¹RIKEN Harima Inst./SPRING-8, ²Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ., ³RIKEN Genomic Sciences Center, ⁴Grad. Sch. of Sci., Kyoto Univ., ⁵Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)
- 2PB-438 Solution Structure of the Tudor Domain from Murine Myst1 Protein
Hua Li¹, Kohei Saito¹, Seizo Koshiba¹, Makoto Inoue¹, Takashi Yabuki¹, Masaaki Aoki¹, Yasuko Tomo¹, Eiko Seki¹, Takaho Terada^{1,3}, Mikako Shirouzu^{1,3}, Akiko Tanaka¹, Yoshihide Hayashizaki¹, Takanori Kigawa¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,2,3} (¹RIKEN, GSC, ²Univ. Tokyo, Grad. Sch. Sci., ³RIKEN, SPRING-8, Harima Inst.)
- 2PB-439 高度好熱菌 *Thermus thermophilus* HB8 株の DsbE タンパク質の解析
島山 拓也¹, 花尾 康平¹, 時下 進一¹, 太田 敏博¹, 倉光 成紀^{1,2}, 鶴高 重三³, 山形 秀夫¹ (¹東葉大・生命, ²阪大・理, ³東農大・応用生物)
- 2PB-440 熱安定型 (HS 型) オボアルブミンの構造解析
篠原 広志¹, 岩崎 司², 栗崎 純一³, 杉元 康志¹ (¹鹿児島大・連合農研, ²鹿児島大・農・生物資源化, ³農業生物資源研究所)

- 2PB-441 *Thermus thermophilus* HB8 Ndx3 protein is adenosine 5',5'-P₁P₄-tetrphosphate (Ap4A) hydrolase that is a member of Nudix family
Takashi NISHIKUBO¹, Noriko NAKAGAWA^{1,2}, Ryoji MASUI^{1,2}, Seiki KURAMITSU^{1,2} (¹Dept. Biol., Grad. Sch. Sci., Osaka Univ., ²RIKEN Harima Inst.)
- 2PB-442 高度好熱菌 Era の構造と機能の解析
川添 将仁¹, 竹本 (堀) 千重¹, 上西 達也¹, 関根 俊一^{1,2,3}, 白水 美香子^{1,2}, 横山 茂之^{1,2,3} (¹ 理研 GSC, ² 理研播磨, ³ 東大院・理)
- 2PB-443 超好熱性古細菌由来シャペロニンの 2 つのサブユニットの熱安定性の解析
神前 太郎¹, 駒田 俊裕¹, 飯塚 怜¹, 座古 保¹, 吉田 尊雄¹, 丸山 正², 養王田 正文¹ (¹ 東京農工大学・工, ² 海洋研究開発機構)
- 2PB-444 高度好熱菌 Ndx1 タンパク質の立体構造および反応機構解析
岩井 孝吉¹, 中川 紀子¹, 倉光 成紀^{1,2}, 増井 良治^{1,2} (¹ 阪大・院理・生物科学, ² 理研・播磨研)
- 2PB-445 Biochemical characterization of *Thermus thermophilus* HB8 Ndx2 protein, a member of Nudix family
Taisuke Wakamatsu¹, Takushi Ooga², Noriko Nakagawa^{2,3}, Ryoji Masui^{2,3}, Seiki Kuramitsu^{1,2,3} (¹Grad. Sch. Frontier Biosci., Osaka Univ., ²Dept. Biol., Grad. Sch. Sci., Osaka Univ., ³RIKEN Harima Inst./Spring8)
- 2PB-446 *Thermus thermophilus* HB8 由来 Nudix family protein (Ndx7) の機能解析
山岸 大輔¹, 近藤 直幸¹, 中川 紀子^{1,2}, 増井 良治^{1,2}, 倉光 成紀^{1,2} (¹ 阪大・院理・生物科学, ² 播磨理研 /Spring-8)
- 2PB-447 *Lactobacillus gasseri* JCM 1131^T 溶菌酵素遺伝子の構造と機能
横井 健二^{1,2}, 山川 文徳³, 池田 正英¹, 中村 省吾⁴, 川崎 賢一², 武藤 明⁵, 小平 憲一¹ (¹ 富山大・工・分子生物, ² 富山県食品研究所, ³ 和歌山高専・物質工, ⁴ 富山大・理・生物環境, ⁵ 福井工大・工・工化)
- 2PB-448 *Lactobacillus gasseri* JCM1131^T の溶原ファージ gaY が保有するムラミダーゼの構造と機能
川東 伸隆¹, 菅原 一城¹, 多賀 環¹, 横井 健二^{1,2}, 山川 文徳³, 川崎 賢一², 武藤 明⁴, 小平 憲一¹ (¹ 富山大・工・分子生物, ² 富山県食品研究所, ³ 和歌山高専・物質工, ⁴ 福井工大・工・工化)
- 2PB-449 大腸菌ジヒドロ葉酸還元酵素のループ部位における欠失変異体の構造・安定性・機能
堀内 裕司, 大前 英司, 月向 邦彦 (広大院・理・数理分子生命理学)
- 2PB-450 超好熱性古細菌由来 FAU - 1 タンパク質と RNA との相互作用の解析
河合 宏哉¹, 岡田 潔¹, 坂本 泰一¹, 金井 昭夫², 河合 剛太¹ (¹ 千葉工大, ² 慶応大先端研)
- 2PB-451 Crystal structure of *Pyrococcus horikoshii* PPC protein at 1.60 Å resolution
Linyen Lin¹, Hiroaki Nakano¹, Shota Nakamura², Tadayasu Ohkubo², Satoru Fujimoto¹, Susumu Uchiyama¹, Sachihito Matsunaga¹, Kiichi Fukui¹ (¹Osaka Univ, Grad Sch Eng, Dept Biotech, ²Osaka Univ, Fac Pharm Science)
- 2PB-452 X 線結晶構造解析法と SELEX 法の組み合わせによる, 転写因子の機能同定に向けた研究
岡田 有意¹, 伊藤 啓², 湯通堂 紀子³, 木村 誠³, 田中 勲¹ (¹ 北大・院理・生物科学, ² 遺伝研・構造遺伝研究セ, ³ 九大・院農・生物機能科学)
- 2PB-453 *In vitro* virus (IVV) 法による転写因子複合体の大規模解析へ向けて
宮本 悦子¹, 石坂 正道¹, 須恵 香里¹, 平井 直也¹, 和田 計也^{1,2}, 土井 健太郎^{1,2}, 山下 辰博^{1,2}, 赤坂 英俊³, 高宮 健仁², 松本 康郎⁴, 武井 亮穂⁴, 柳川 弘志¹ (¹ 慶應大・院理工, ² 富士通株式会社, ³ 株式会社 FFC, ⁴ 株式会社キアゲン)
- 2PB-454 *In vitro* virus (IVV) 法を用いた蛋白質-蛋白質間相互作用の大規模解析のためのセレクションの最適化
石坂 正道¹, 宮本 悦子¹, 平井 直也¹, 須恵 香里¹, 松本 康郎², 武井 亮穂², 和田 計也^{1,3}, 土井 健太郎^{1,3}, 山下 辰博^{1,3}, 赤坂 英俊⁴, 高宮 健仁³, 柳川 弘志¹ (¹ 慶應大・院理工, ² 株式会社キアゲン, ³ 富士通株式会社, ⁴ 株式会社 FFC)
- 2PB-455 *In vitro* virus 法を用いた蛋白質間相互作用スクリーニング系の構築と転写因子 Jun 結合蛋白質のスクリーニングおよび機能解析
堀澤 健一, 館山 誠司, 石坂 正道, 宮本 悦子, 松村 展敬, 高嶋 秀昭, 土居 信英, 柳川 弘志 (慶應大・院・理工)

- 2PB-456 *In vitro* virus (IVV) 法による DNA 結合タンパク質の探索
 舘山 誠司, 堀澤 健一, 高嶋 秀昭, 宮本 悦子, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 2PB-457 *In vitro* virus 法による一本鎖抗体の迅速な試験管内選択と発現
 田島 典子, 石原 希未子, 古城 周久, 佐久間 裕子, 高嶋 秀昭, 宮本 悦子, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 2PB-458 マルトース結合タンパク質融合一本鎖抗体の発現と評価
 古城 周久, 佐久間 裕子, 田島 典子, 石原 希未子, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 2PB-459 抗体マイクロアレイの作製と細胞内タンパク質の定量解析
 川橋 裕子^{1,2}, 廣田 有人¹, 土居 信英¹, 松村 展敬¹, 柳川 弘志¹ (¹ 慶應大・院理工, ² 池田理化)
- 2PB-460 プロテオームチップを用いた大腸菌タンパク質間相互作用の大規模解析
 大石 陽¹, 湯村 秀一¹, 川橋 裕子¹, 高嶋 秀昭¹, 土居 信英¹, 馬場 知哉², 森 浩禎^{2,3}, 柳川 弘志^{1,2} (¹ 慶應大・院理工, ² 慶應大・先端生命研, ³ 奈良先端大)
- 2PB-461 *in vitro* virus 法を用いた Bcl-xL 結合ペプチドの試験管内選択
 辻 融, 丸丸 美智子, 宮本 悦子, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 2PB-462 DNA ディスプレイによるランダムペプチドライブラリーからの GPCR リガンド探索
 山本 泰嗣, 長野 哲也, 松村 展敬, 土居 信英, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 2PB-463 iAFLP (introduced Amplified Fragment Length Polymorphism) (通称: 発現プロファイリング PCR) による発現頻度解析の進展
 日紫喜 光良¹, 村川 克二^{2,5}, 有川 浩司^{2,5}, 前田 真佐江^{2,5}, 宮崎 充弘^{2,5}, 高橋 奈彩⁵, 大沼 由佳^{3,5}, 目黒 文晃^{3,5}, 大久保 公策^{1,4} (¹ 産業技術総合研究所 生物情報解析研究センター (BIRC), ² 日立サイエンスシステムズ, ³ ユニーテック, ⁴ 国立遺伝学研究所, ⁵ JBIC 生物情報解析研究センター (JBIRC))
- 2PB-464 高精度な多目的 Gateway エントリークローン作製技術の開発 (VII) 作製困難クローンに対するクローニング法の改良とハイスループット化
 田中 茂生¹, 住谷 剛¹, 藤野 徹¹, 安藤 太一¹, 香川 尚子¹, 石川 球美子¹, 木村 理恵¹, 野村 信夫², 五島 直樹² (¹ インビトロジェン (株) 横浜研究所, ² 産総研 生物情報解析研究センター)
- 2PB-465 コムギ胚芽無細胞タンパク質合成系によるヒト FLJcDNA クローンの大規模発現
 五島 直樹¹, 上野 明子^{2,3}, 佐藤 良平^{2,3}, 河村 義史², 丸山 友希夫², 三浦 亜耶^{1,4}, 森下 了¹, 遠藤 弥重太⁵, 兼堀 恵一^{6,7}, 田中 茂生^{3,6}, 朝田 晃一^{6,9}, 森山 啓子^{6,8}, 西川 茂道^{6,8}, 三上 周子^{6,9}, 小林 幹^{6,9}, 黒板 敏弘^{6,10}, 川上 文清^{6,10}, 磯貝 隆夫^{4,11}, 野村 信夫¹ (¹ 産総研・生物情報解析研究センター, ² JBIC・生物情報解析研究センター, ³ インビトロジェン (株), ⁴ 筑波大・生命環境科学, ⁵ 愛媛大・工学部, ⁶ JBIC, ⁷ ㈱日立サイエンスシステムズ, ⁸ 和研薬(株), ⁹ 三菱化学(株), ¹⁰ 東洋紡績(株)敦賀バイオ研, ¹¹ ㈱リバース・プロテオミクス研)
- 2PB-466 大腸菌 *in vivo* 法によるヒト完全長 cDNA クローンの網羅的な発現検討
 鬼頭 守和¹, 堤 剛¹, 五十野 祐子¹, 山田 剛¹, 大崎 博功¹, 末岡 英明¹, 佐藤 良平², 河村 義史², 五島 直樹³, 野村 信夫³, 磯貝 隆夫¹, 諏訪 頼正¹ (¹ (株) リバース・プロテオミクス研究所, ² JBIC・生物情報解析研究センター, ³ 産総研・生物情報解析研究センター)
- 2PB-467 カイコ蛹における発現タンパク質の SEC-MS 法を用いた活性検討
 島村 玲郎¹, 村山 一久², 榎本 知晃¹, 末岡 英明², 小宮 和雄², 土屋 耕一², 山内 忠一², 鬼頭 守和², 諏訪 頼正² (¹ 片倉工業株式会社, ² 株式会社リバース・プロテオミクス研究所)
- 2PB-468 ヒト遺伝子の主要なカテゴリー分類
 河村 義史¹, 丸山 友希夫¹, 竹田 浩之¹, 上野 明子^{1,2}, 三浦 亜耶^{3,4}, 富樫 卓志¹, 木須 康智⁴, 若松 愛⁵, 山本 順一⁵, 木村 宏一⁶, 田中 茂生^{2,7}, 兼堀 恵一^{7,8}, 磯貝 隆夫⁵, 五島 直樹⁴, 野村 信夫⁴ (¹ JBIC・生物情報解析研究センター, ² インビトロジェン(株), ³ 筑波大・生命環境科学, ⁴ 産総研・生物情報解析研究センター, ⁵ リバース・プロテオミクス研究所, ⁶ ㈱日立製作所中央研究所, ⁷ JBIC, ⁸ ㈱日立サイエンスシステムズ)
- 2PB-469 ヒト細胞発現システムを用いた分泌タンパク質の網羅的探索
 佐藤 良平^{1,2}, 富樫 卓志¹, 山口 圭¹, 園 佐紀¹, 木須 康智^{4,6}, 宮脇 敦史⁷, 三浦 亜耶³, 河村 義史¹, 丸山 友希夫¹, 神長 千栄¹, 磯貝 隆夫^{3,5}, 野村 信夫⁴, 五島 直樹⁴ (¹ JBIC・生物情報解析研究センター, ² インビトロジェン (株), ³ 筑波大・生命環境科学, ⁴ 産総研・生物情報解析研究センター, ⁵ ㈱リバース・プロテオミクス研究所, ⁶ 製品評価技術基盤機構, ⁷ 理化学研究所・脳科学総合研究センター)

- 2PB-470 遺伝子発現プロファイルによる *in vitro* 合成分泌タンパク質の機能解析系の開発
三浦 亜耶^{1,6}, 本間 玲子², 佐藤 良平^{3,4}, 河村 義史³, 丸山 友希夫³, 上野 明子^{3,4}, 三堀 麻理子³, 田中 茂生^{4,5}, 木須 康智⁶, 山本 順一⁷, 渡辺 慎哉², 磯貝 隆夫^{1,7}, 五島 直樹⁶, 野村 信夫⁶ (¹筑波大・生命環境科学, ²東京医歯大・院医歯・臨床インフォマティクス, ³JBIC・JBIRC, ⁴インビトロジェン(株), ⁵JBIC, ⁶産総研・BIRC, ⁷リバーズ・プロテオミクス研)
- 2PB-471 FLJ kinase クローンの *in vitro* 発現・精製と活性測定
竹田 浩之¹, 上野 明子^{1,2}, 河村 義史¹, 三堀 麻理子¹, 丸山 友希夫¹, 佐藤 良平^{1,2}, 五島 直樹³, 野村 信夫³ (¹JBIC・生物情報解析研究センター, ²インビトロジェン(株), ³産総研・生物情報解析研究センター)
- 2PB-472 ヒトリン酸化タンパク質と phosphatase の網羅的スクリーニングと解析
上野 明子^{1,2}, 竹田 浩之¹, 山田 浩子¹, 坂本 優¹, 河村 義史¹, 三堀 麻理子¹, 丸山 友希夫¹, 佐藤 良平^{1,2}, 田中 茂生^{2,3}, 五島 直樹⁴, 野村 信夫⁴ (¹JBIC・生物情報解析研究センター, ²インビトロジェン(株), ³JBIC, ⁴産総研・生物情報解析研究センター)
- 2PB-473 イネ苗基部において生長に伴って変動するタンパク質発現プロファイル
小松 節子¹, 三井 重之², 昇 博也², 柳 幸善², YANG Guangxiao¹ (¹独・生物研, ²三菱スペースソフト)
- 2PB-474 Characterization of the downstream signaling components of OsCDPK13, a gibberellin induced CDPK gene in rice
Md. Monowar Karim Khan, Takayuki Asano, Setsuko Komatsu (Natl. Inst. Agrobiol. Sci.)
- 2PB-475 イネにおいてオーキシンで変動するメソコチルタンパク質のプロテオーム解析
高崎 寛則¹, 赤尾 勝一郎¹, 小松 節子² (¹宮崎大, ²独・生物研)
- 2PB-476 イネにおいてジベレリンで変動する液胞膜タンパク質の解析
小西 博郷¹, 山根 久和², 前島 正義³, 服部 誠¹, 小松 節子¹ (¹独・生物研, ²東京大, ³名古屋大)
- 2PB-477 イネジベレリン応答変異体 *GID1* の下流で制御されるタンパク質の解析
田中 直樹¹, 松岡 信², 北野 英己², 加来 久敏¹, 小松 節子¹ (¹独・生物研, ²名古屋大)
- 2PB-478 RNA 結合タンパク質 TLS/FUS のドメインの同定と解析
伊香 祐子¹, 児玉 高志^{1,2}, 笠井 信幸¹, 大山 拓次¹, 森田 勇人³, 武藤 隆則¹, 奥村 美香¹, 藤井 律子⁴, 内匠 透⁴, 橋 真一¹, 森川 耿右¹ (¹生物分子工学研究所, ²JBIC・生物情報解析研究センター, ³愛媛大学総合科学研究支援センター, ⁴大阪バイオサイエンス研究所)
- 2PB-479 放線菌由来キシラナーゼのキシラン結合ドメインの分子デザインによる機能改変
菅野 豊¹, 鈴木 龍一郎¹, 矢部 力朗², 伊藤 茂泰¹, 清野 知行¹, 奥山 恭子¹, 金子 哲³, 藤本 瑞⁴, 久野 敦⁵, 長谷川 典巳¹ (¹山形大・理, ²筑波大院・生命環境, ³食総研, ⁴生資研, ⁵産総研)
- 2PB-480 放射線抵抗性細菌 *Deinococcus radiodurans* 由来カタラーゼの精製と性質検討
小林 一聖¹, 田村 隆¹, 鳴海 一成², 山口 庄太郎³, 梅田 幸一³, 稲垣 賢二¹ (¹岡山大・院・自然科学, ²原研・高崎研, ³天野エンザイム・岐阜研)
- 2PB-481 *Lactobacillus casei* IAM 1045 が保有するイヌリナーゼ遺伝子の構造
中川 和彰¹, 横井 健二^{1,2}, 早川 豪¹, 木元 久³, 川崎 賢一², 武藤 明⁴, 小平 憲一¹ (¹富山大・工・分子生物, ²富山県食品研究所, ³福井大・医・生化, ⁴福井工大・工・工化)
- 2PB-482 ニワトリ型リゾチーム *Asn37* 変異体の基質結合様式と活性との関係に関する研究
占部 浩一郎¹, 平川 英樹¹, 牟田 滋¹, 久原 哲¹, 河村 俊介², 鳥潟 隆雄² (¹九州大・生資源・遺子工, ²九州東海大・農)
- 2PB-483 タンパク質立体構造における遺伝子多型の特定によるチトクローム P450 の機能解析
徳光 綾子, 峯田 克彦, 遠藤 俊徳 (北大院・情報科学)
- 2PB-484 *Sulfolobus tokodaii* 由来 RNase HI による二本鎖 RNA の切断
大谷 直人¹, 板谷 光泰^{2,3} (¹(前) 慶應・先端生命研, ²慶應・先端生命研, ³三菱化学生命研)
- 2PB-485 SUMO (E3) リガーゼ PIAS1 の SAP-like domain は転写調節因子ならびに DNA の認識に関与する
土田 有紀¹, 大久保 征治¹, 原 太志¹, 田代 櫻子^{1,2}, 鈴木 咲良², 畠中 秀樹², 横山 茂之^{2,3,4}, 田中 弘文⁵, 安田 秀世⁵, 神藤 平三郎^{1,2} (¹東薬大・薬, ²理研 GSC, ³理研播磨, ⁴東大・院・理, ⁵東薬大・生命)

- 2PB-486 *B. thuringiensis* HD12 株における溶血性エンテロトキシン（HBL）の性状および生物活性
境 一葉, 浅野 眞一郎, 佐原 健, 伴戸 久徳（北海道大学大学院農学研究科）
- 2PB-487 光合成細菌の高親和性リン酸輸送系（Pst system）の転写制御機構
松崎 雅広, 足羽 百理子, 高橋 陽介, 佐藤 敏生（広島大・院理・生物科学）
- 2PB-488 Developing a site-specific immobilization strategy of peptides with a photo-reactive linker system for microarray applications
Naoki Kimura, Ryuichi Oda, Masahiro Murakami（Nisshinbo R&D Center）
- 2PB-489 新規膜結合型セリンプロテアーゼ, Sersae-1 の気道線毛細胞での選択的局在は FoxJ1 によって転写制御されている。
端山 昌樹^{1,2,3}, 奥村 裕司¹, 高橋 悦久¹, 藤内 美恵子¹, 武田 憲昭², 田村 学³, 久保 武³, 木戸 博¹（¹徳島大・酵素研・酵素分子化学,²徳島大・医・耳鼻咽喉科,³大阪大・医・耳鼻咽喉科）
- 2PB-490 転写因子 FoxO3a との相互作用タンパク質の解析
宮口 靖雄, 坂本 和一（筑波大・生命環境科学）
- 2PB-491 哺乳類長鎖 cDNA 由来の大きな蛋白質が発現可能なクローンセットの構築とその細胞内局在性解析
中島 大輔¹, 斉藤 賢治², 山川 央¹, 岡崎 規理子¹, 菊野 玲子¹, 中山 学^{1,2}, 小原 令子¹, 古閑 比佐志^{1,3,4}, 小原 収^{1,2,5}, 長瀬 隆弘¹（¹かずさ DNA 研,²千葉大・院薬,³科技団/CREATE,⁴千葉県産業振興セ,⁵理研・免疫アレルギーセ）
- 2PB-492 KIAA 遺伝子の過剰発現細胞を用いたシグナル伝達経路の解析
斉藤 賢治¹, 中島 大輔², 小原 収^{1,2,3}, 長瀬 隆弘²（¹千葉大・院薬,²かずさ DNA 研,³理研・免疫アレルギーセ）
- 2PB-493 KIAA 過剰発現株でのプロテオーム解析
三木 双葉¹, 斉藤 賢治², 中島 大輔¹, 長瀬 隆弘¹, 大津 巖生³, 小原 収^{1,4}, 古閑 比佐志^{1,5,6}（¹かずさ DNA 研究所,²千葉大・院薬,³島津製作所,⁴理研・免疫アレルギーセ,⁵科技団・CREATE,⁶千葉県産業振興セ）
- 2PB-494 SIM タンパク質の ARNT とのヘテロ二量体形成ドメインの解析
八巻 明子¹, 工藤 純², 清水 信義², 清水 淑子¹（¹杏林・保・臨床遺伝,²慶応義塾大・医・分子生物）
- 2PB-495 ヒト SIM2 タンパク質は RING 型 E3 ユビキチンリガーゼと結合する
奥井 理予¹, 八巻 明子², 高柳 淳¹, 工藤 純¹, 清水 信義¹, 清水 淑子²（¹慶應大・医・分子生物,²杏林大・保健・臨床遺伝）
- 2PB-496 転写調節因子 SIM2 の標的遺伝子の検索
清水 淑子¹, 八巻 明子¹, 浅井 聡子¹, 工藤 純², 清水 信義²（¹杏林大・保健・臨床遺伝,²慶應大・医・分子生物）
- 2PB-497 *Bacillus thuringiensis* 由来新規クリスタルタンパク質の哺乳類細胞に対する細胞損傷能
常國 健太¹, 山際 雅詩¹, 武部 聡², 駒野 徹², 酒井 裕¹（¹岡山大院・自然科学,²近畿大・生物理工）
- 2PB-498 新規細胞損傷タンパク質 MM29kD の C 末端側領域における変異体の作製と機能解析
木村 まゆみ¹, 山際 雅詩¹, 武部 聡², 駒野 徹², 酒井 裕¹（¹岡山大院・自然科学,²近畿大・生物理工）
- 2PB-499 *Bacillus thuringiensis* の Cry 殺虫タンパク質ハイブリッドの構築とその機能解析
石田 裕美子, 岡 啓子, 中口 亜紀子, 近藤 恵美, 山際 雅詩, 酒井 裕（岡山大院・自然科学）
- 2PB-500 *Bifidobacterium longum* JCM1217 株由来 BL0056 遺伝子産物の同定
西本 完, 北岡 本光（食総研）
- 2PB-501 酵母 two-hybrid 大規模解析系を用いたミヤコグサ根粒菌遺伝子産物の相互作用解析
佐藤 修正, 中村 保一, 田畑 哲之（かずさ DNA 研）
- 2PB-502 酵母におけるタンパク質複合体間の相互作用の性質
中川 草¹, 荻島 創一², 長谷 武志², 鈴木 泰博¹, 田中 博¹（¹東京医科歯科大・システム情報生物学,²東京医科歯科大・生命情報学）

- 2PB-503 酵母のタンパク質間相互作用ネットワークの進化のモジュラー性とドメイン間相互作用ネットワークとの関連
 荻島 創一¹, 中川 草², 長谷 武志¹, 鈴木 泰博², 田中 博² (¹ 東京医歯大・生命情報学, ² 東京医歯大・システム情報生物学)
- 2PB-504 タンパク質複合体解析のための SPR-MS システムの開発
 早野 俊哉^{1,2}, 山内 芳雄^{2,3}, 浅野 和信^{2,4}, 高橋 輝子^{1,2}, 橋本 せつ子^{2,4}, 磯辺 俊明^{2,3}, 高橋 信弘^{1,2} (¹ 東農工大・農, ² 文部科学省・次世代プロテオーム, ³ 都立大・院・理, ⁴ ピアコア株)
- 2PB-505 Protein disulfide isomerase (PDI) とその関連タンパク質 ERp57 の相互作用解析
 今石 桂介¹, 木村 太地¹, 萩原 康成¹, 堀部 智久^{1,3}, 裏出 令子², 菊池 正和^{1,4} (¹ 立命館大・理工, ² 京大院・農, ³ 現 La Trobe Univ., Dept. of Biochemistry, ⁴ 現 立命館大・情報理工)
- 2PB-506 AAA ファミリータンパク質 fidgetin の線虫ホモログ F32D1.1 の生化学的解析
 薬師寺 恭文, 山中 邦俊, 小椋 光 (熊本大・医・発生研)
- 2PB-507 ペプチド溶出時間の評価を組み込んだプロダクトイオン検索による蛋白質同定の信頼性の向上
 川上 隆雄^{1,2}, 立石 慶太², 西村 俊秀^{1,2} (¹ 東京医大・臨床プロテオームセンター, ² (株) メディカル・プロテオスコープ)
- 2PB-508 分子シャペロン ClpB のコイルドコイル構造の動きの解析
 高野 美佐, 渡辺 洋平, 吉田 賢右 (東工大・資源研)
- 2PB-509 1 形のみを形成する HIV-1 インテグラーゼ Zn フィンガードメイン変異体の構造解析
 野村 祐介¹, 増田 貴夫², 河合 剛太¹ (¹ 千葉工大, ² 東京医科歯科大学)
- 2PB-510 DNA - 転写因子複合体形成の QCM 技術による解析
 上家 勝芳^{1,3}, 荻野 大助¹, 徳武 巧記⁴, 金 勇彪¹, 秋山 弘匡^{1,2}, 松澤 洋³, 内田 隆史^{1,2} (¹ 東北大・学際セ, ² 東北大・加齢研, ³ 青森大・薬, ⁴ (株) イニシウム)
- 2PB-511 マウス IAN ファミリータンパク質の分子間相互作用
 清家 隆史, 新田 剛, Mariam Nasreen, 郷司 敦史, 高浜 洋介 (徳島大学ゲノム機能研究センター遺伝子実験施設)
- 2PB-512 モノクローナル抗体を用いた染色体局在タンパク質の同定および解析
 宮川 秀一, 東 恒仁, 藤本 聡, 内山 進, 松永 幸大, 福井 希一 (大阪大・工・応用生物)
- 2PB-513 リン脂質結合能を有する多機能性プロテアーゼインヒビター I^C のプロテアーゼ複合体結晶構造および変異体機能解析
 三間 稔治¹, 林田 稔², 藤井 知実², 畑 安雄², 植田 充美¹ (¹ 京大院農・応用生命, ² 京大化研)
- 2PB-514 線虫 MyoD と結合するタンパク質 LIM-8 の細胞内局在と機能ドメインの解析
 大内 正明¹, 中山 典子¹, 小坂田 裕子¹, 香川 弘昭² (¹ 岡山大・院・自然科学, ² 岡山大・理・生物)
- 2PB-515 再構成無細胞タンパク質合成系 PURESYSYSTEM における分子シャペロンの添加効果
 金森 崇¹, イン ベイウエン², 田口 英樹^{2,3}, 上田 卓也² (¹ (株) ポストゲノム研究所, ² 東大院・新領域, ³ 科技団・さきがけ)
- 2PB-516 ラン藻 *Synechocystis* sp. PCC 6803 における ADP-ribose pyrophosphatase subfamily の機能解析
 奥田 賢治¹, 西山 佳孝², 林 秀則² (¹ 愛媛大院・理工, ² 愛媛大・無細胞生命科学工学センター)
- 2PB-517 シャペロニン様 Mckusick-Kaufman syndrom タンパク質の病因変異体はプロテアソーム依存的に急速に分解される
 久保田 広志¹, 山崎 裕自¹, 吉田 尊雄¹, 安永 卓夫², 北村 朗¹, 小田 由香子¹, 永田 和宏¹ (¹ 京都大・再生研, CREST/JST, ² 九州工業大)
- 2PB-518 PAP-MS 法によるポリユビキチン化蛋白質の定量的プロファイリングの試み
 太田 一寿^{1,2}, 紀藤 圭治^{1,2}, 伊藤 隆司^{1,2} (¹ 東大・新領域, ² JST・BIRD)
- 2PB-519 シロイヌナズナ新規 Ca²⁺ 結合タンパク質の分子細胞生物学的解析
 井出 悠葵, 長崎 菜穂子, 前島 正義 (名大院・生命農)
- 2PB-520 イネ NADPH オキシダーゼ N 末端ドメインは二量体を形成する
 林 こころ, 田畑 亮, 三島 正規, 川崎 努, 島本 功, 児嶋 長次郎 (奈良先端大・バイオ)

- 2PB-521 ヒト血清中可溶性トランスフェリン受容体-HFE 複合体の検出
大西 浩平¹, 佐藤 一也², 鳥本 悦宏², 神保 綾子², 稲村 純季², 進藤 基博², 生田 克哉², 田中 誠司³, 浜野 明栄³, 高後 裕² (¹ 市立土別総合病院, ² 旭川医科大学 第三内科, ³ 日水製薬株式会社)
- 2PB-522 *Streptococcus pyogenes* C5a 結合タンパクによる好中球遊走能の阻害
寺尾 豊¹, 山口 雅也¹, 川端 重忠^{1,2}, 浜田 茂幸¹ (¹ 阪大院・歯・口腔細菌, ² 科学技術振興機構 さきがけ)
- 2PB-523 WWOX のタンパク質間相互作用解析
渡辺 亮¹, 藤山 沙理², 高橋 信弘², 油谷 浩幸¹ (¹ 東大・先端研・ゲノムサイエンス, ² 東京農工大・農・応用生物科学)
- 2PB-524 免疫グロブリンフォールドドメインの分子内 S-S 結合を置換するアミノ酸ペア
萩原 義久¹, 松田 知己², 湯元 昇¹ (¹ 産総研・セルエンジニアリング, ² 阪大・蛋白研)
- 2PB-525 原子間力顕微鏡 (AFM) を用いた高感度ポリソームプロファイルの解析
美甘 江利子, 川添 直輝, 田中 裕行, 川合 知二 (阪大・産研)
- 2PB-526 クルクリンはヘテロ二量体を形成して甘味および味覚修飾活性を発現する
鈴木 麻衣子¹, 栗本 英治¹, 菰澤 悟², 栗原 良枝³, 榎葉 信久⁴, 河合 美佐子⁴, 鈴木 榮一郎⁴, 加藤 晃一¹ (¹ 名市大・院薬, ² 食総研・酵素機能, ³ 横国大, ⁴ 味の素・ライフサイエンス研)
- 2PB-527 TROSY を用いた分子配向決定法による DNA polymerase beta のドメイン運動解析
横山 貴男¹, 笠井 信幸², 森内 寛², 水品 善之³, 菅原 二三男¹, 坂口 謙吾¹, 橋 真一² (¹ 東理大・理工・応生, ² BERI・構造, ³ 神院大・栄養・食品栄養)
- 2PB-528 高齢マウスにおける Adiponectin のエネルギー代謝への影響
近藤 潤一, 斉藤 清美, 三浦 南虎, 高橋 勝彦, 佐野 佳弘, 富田 基郎 (昭和大・薬・生理化学)
- 2PB-529 急性および慢性肝障害に対する PHBP の関与
大友 謙太郎, 斉藤 清美, 三浦 南虎, 高橋 勝彦, 佐野 佳弘, 富田 基郎 (昭和大・薬・生理化学)
- 2PB-530 エネルギー不足時の Adiponectin のエネルギーホメオスタシスへの関与
齊藤 清美¹, 荒田 悟², 佐野 佳弘¹, 高橋 勝彦¹, 三浦 南虎¹, 富田 基郎¹ (¹ 昭和大 薬 生理化学, ² 昭和大 組換え DNA)
- 2PB-531 プロテインマイクロアレイによる, 大腸菌由来ホスホジエステラーゼ (*Ec* DOS) の機能解析
笹倉 由貴江^{1,2}, 神田 勝弘¹, 鈴木 登紀子², 松井 拓也¹, 福岡 真一¹, Moon Hi Han³, 清水 透² (¹ 日立ハイテクノロジーズ, ² 東北大・多元研, ³ Proteogen)
- 2PB-532 Exo-Taq 反応を利用した DNA 結合タンパク質検出チップの開発
福森 隆志^{1,2}, 宮地 寛登¹, 横山 憲二¹ (¹ 産総研・バイオニクス, ² 北陸先端大・材料)
- 2PB-533 Low Background Membrane for Fluorescent Protein Detection in Western Blotting
Elena Chernokalskaya¹, Masaharu Mabuchi¹, Kazuhisa Kameyama² (¹ Millipore Corporation, Life Sciences Division, ² Nihon Millipore K.K.)
- 2PB-534 培養細胞中の蛋白質及びリン酸化蛋白質の発現比較解析から精製・同定 --プロテインチップシステムを用いた迅速な手法の開発--
伊藤 篤子¹, 若田部 るみ¹, 平家 勇司², 志和 美重子¹ (¹ サイファージェン・横浜研, ² 国立がんセ・研・薬効試験部・中央病院・幹細胞移植/免疫療法)
- 2PB-535 PVDF 膜に転写されたタンパク質のダイレクト膜上 MS/MS 解析
中西 豪, 古田 大, 大津 巖生, 安藤 英治 (株式会社島津製作所・ライフサイエンス研究所)
- 2PB-536 Interaction-MS 芳膜上で相互作用解析後に検出されたターゲット分子のダイレクト膜上 MS 同定
大津 巖生, 中西 豪, 古田 大, 安藤 英治 (株式会社島津製作所・ライフサイエンス研究所)
- 2PB-537 融合蛋白質の網羅的作製過程で得られた新知見 - その可溶性度と発現量を規定する要因に関して -
長野 美穂子^{1,2}, 島田 希代^{1,2}, 川井 誠^{1,2}, 村上 雅利^{1,2}, 中村 保一³, 岡崎 規理子³, 古閑 比佐志^{1,2,3} (¹ JST-CREATE, ² 千葉県産業振興センター, ³ かずさ DNA 研究所)
- 2PB-538 LC/MS 解析による出芽酵母 eIF2 リン酸化の絶対定量
紀藤 圭治, 久保田 浩行, 伊藤 隆司 (東京大・院新領域・情報生命)
- 2PB-539 ヒト疎水性未知タンパク質 HP10122 の特異抗体を用いた機能解析の試み
川崎 景子¹, 栗村 敦子¹, 加藤 誠志², 岩室 祥一¹ (¹ 東邦大・理・生物, ² 国立リハビリ研・障害工学)

- 2PB-540 **BoIA タンパク質の立体構造とそれに基づく機能部位の予測**
葛西 卓磨^{1,2}, 木川 隆則², 林崎 良英², 横山 茂之^{1,2,3} (¹ 東大・院理, ² 理研・GSC, ³ 理研・播磨)
- 2PB-541 **プロテオミクス研究における血漿・血清蛋白質の分画法**
小林 真理¹, 有國 尚^{1,2}, 大木 利哉¹, 青木 元秀¹, 木川 恵理¹, 吉川 敏一² (¹ バイオマーカーサイエンス 横浜研, ² 京都府立医科大学)
- 2PB-542 **プロテオミクス法による II 型糖尿病疾患予防バイオマーカー探索の試み**
有國 尚^{1,2}, 大木 利哉¹, 青木 元秀¹, 小林 真理¹, 木川 恵理¹, 高乗 仁¹, 内藤 裕二², 吉川 敏一² (¹ バイオマーカーサイエンス 横浜研, ² 京都府立医科大学)
- 2PB-543 **プロテオミクス解析用ソフトウェアの開発 ~ (1) タンパク質発現定量解析用プログラム ~**
田畑 剛¹, 小田 吉哉¹, 石濱 泰¹, 河合 隆利¹, 三浦 雄治², 横井 靖人², 柳沢 宏次², 青島 健², 長洲 毅志¹ (¹ エーザイ・シーズ研, ² 三井情報開発)
- 2PB-544 **A proteomics approach to identify phosphorylated proteins in *P. gingivalis***
Soichiro Okano¹, Yasuko Shibata^{1,3}, Teruaki Shiroza^{1,3}, Yoshio Nakano², Yoshihisa Yamashita², Yoshimitsu Abiko^{1,3} (¹ Dept. Biochem., Nihon Univ. Sch. Dent. at Matsudo, ² Dept. Prev., Kyushu Univ. Fuc. Dent. Sci., ³ Res. Inst. Oral Sci., Nihon Univ.)
- 2PB-545 **ヒトミトコンドリア核様体のプロテオミクス**
神吉 智文¹, 大垣 吉平¹, 中山 洋², 佐々木 成江³, 福應 温¹, 濱崎 直孝¹, 康 東天¹ (¹ 九大・院医, ² 理研・先端技術, ³ お茶の水大・理・生物)
- 2PB-546 **細胞内寄生性細菌の宿主応答プロテオミクス**
内藤 博敬¹, 西村 祐作¹, 川口 大蔵¹, 大橋 典男^{1,2} (¹ 静岡県大・環境科学研・環境微生物学, ² COE21)
- 2PB-547 **改良型 RFHR 2D PAGE による大腸菌プロテオミクス**
和田 明¹, 吉田 秀司¹, 上田 雅美¹, 前田 裕 真希², 森 浩禎², 和田 千恵子³ (¹ 大阪医大・物理, ² 奈良先端大・遺伝子情報センター, ³ バイオ情報技術研)
- 2PB-548 **PDZ ドメイン結合蛋白質のプロテオミクス解析**
山川 哲生, 谷口 寿章 (理研・播磨)
- 2PB-549 **2D-HPLC/MALDI-TOF-MS を用いたマーカー探索システムにおけるピーク同定手法**
桑原 秀也¹, 稲次 豊広¹, 青木 健一¹, 八木 誠¹, 藤本 宏隆², 谷川 哲雄², 高野 玲子³, 白木 克哉⁴, 上本 伸二⁴, 内田 和彦⁵, 青島 健¹ (¹ 三井情報開発, ² 島津製作所, ³ MCBI, ⁴ 三重大学医学部, ⁵ 筑波大学・院)
- 2PB-550 **インフルエンザ感染によるミトコンドリアタンパクの変化のプロテオミクス解析**
長南 律, 山田 博司, 木戸 博 (徳島大学分子酵素学研究センター 酵素分子化学部門)
- 2PB-551 **ヒト肝細胞がんプロテオームの 2D-DIGE 解析**
皆川 宏貴¹, 田伏 洋¹, 宮崎 賢司¹, 山下 太郎², 金子 周一², 次田 皓¹ (¹ NEC 基礎・環境研, ² 金沢大・医)
- 2PB-552 **Dysregulation of signaling pathways in cancer revealed by functional proteomics**
Yukihito Kabuyama¹, Elizabeth Litman¹, Kirsi Polvinen¹, Stephan Langer², Katheryn Resing¹, Natalie Ahn¹ (¹ Dept. of Chemistry and Biochemistry, Univ. of Colorado Boulder, ² Dept. of Molecular, Cellular, and Developmental Biology, Univ. of Colorado Boulder)
- 2PB-553 **プロテオーム解析を用いた機能性食品評価法の開発**
青木 元秀¹, 有國 尚^{1,2}, 大木 利哉¹, 小林 真理¹, 木川 恵理¹, 高乗 仁¹, 内藤 裕二², 吉川 敏一² (¹ バイオマーカーサイエンス, ² 京都府立医科大学)
- 2PB-554 **チタニアカラムを用いたオンライン 2D-nano LC-MS/MS によるタンパク質リン酸化解析**
川村 猛, 西村 俊秀 (東京医大・臨床プロテオームセンター)
- 2PB-555 **水素資化性メタン生成アーキア *Methanothermobacter thermautotrophicus* H 株のプロテオーム解析: 水素濃度変化に対する応答**
榎 美歩^{1,3}, 新里 尚也^{1,4}, 中村 浩平¹, 佐藤 浩昭², 鎌形 洋一¹ (¹ 産総研・生物機能工学, ² 産総研・環境管理技術, ³ 海洋バイオ, ⁴ 琉球大・遺伝子実験センター)

- 2PB-556 **ディファレンシャルプロテオーム解析のための自動多次元タンパク質 MS プロファイリングシステムの開発**
 藤本 宏隆¹, 谷川 哲雄¹, 野沢 徹¹, 中村 稔¹, 小泉 典子¹, 佐藤 孝明¹, 武田 泰彦², 平野 光徳², 高野 玲子³,
 片桐 拓也^{3,4}, 内田 和彦⁵ (¹ 島津製作所, ² NTT コムウェア, ³ MCBI, ⁴ 筑波大学・産学リエゾン研, ⁵ 筑波大
 学・院)
- 2PB-557 **疾患プロテオミクスにおけるタンパク質量分析結果の視覚的比較解析手法**
 武田 泰彦¹, 藤本 宏隆², 佐藤 優美³, 平野 光徳¹, 内田 和彦⁴ (¹ NTT コムウェア, ² 島津製作所, ³ MCBI,
⁴ 筑波大・院)
- 2PB-558 **ウシ有郭乳頭膜蛋白質のプロテオーム解析**
 豊野 孝, 片岡 真司, 瀬田 祐司, 豊島 邦昭 (九歯大・歯・口解 2)
- 2PB-559 **プロテオーム解析を用いた生存シグナル分子の同定**
 土屋 綾子, 佐野 めぐみ, 田代 悦, 井本 正哉 (慶大・理工・生命情報)
- 2PB-560 **プロテオーム解析によるライム病ワクチン候補物質の探索**
 渡邊 むつみ¹, 神村 卓也¹, 内藤 博敬², 大橋 典男^{2,4}, 金田 一秀³, 今井 康之^{1,4}, 増澤 俊幸^{1,4} (¹ 静岡県
 大・薬, ² 静岡県大・環境科学研, ³ 静岡英和学院短, ⁴ COE21)
- 2PB-561 **MCF-7 細胞におけるエストロゲン応答のプロテオーム解析**
 石塚 理恵, 朱 耘, 大西 芳秋, 木山 亮一 (産総研・生物機能工学・遺伝子ダイナミクス)
- 2PB-562 **骨芽細胞様細胞に対するメカニカルストレスの影響のプロテオーム解析**
 新井 政人¹, 岡野 総一郎², 柴田 恭子^{2,3}, 安孫子 宜光^{2,3}, 小方 頼昌^{1,3} (¹ 日大・松戸歯・歯周病, ² 日大・
 松戸歯・生化, ³ 日大・松戸歯・口科研)
- 2PB-563 **プロテオーム解析技術を用いたマウス ES 細胞に特徴的な核タンパク質の解析**
 廣田 隆一¹, 山縣 彰¹, 大房 健¹, 元井 奈都紀², 鈴木 賢一², 吉里 勝利² (¹ プロフェニックス, ² 広島大・
 院理・生物)
- 2PB-564 **プロテオミクスの手法を用いた不全心筋中の small heat shock protein の解析**
 磯野 高敬¹, 道家 智博², 和田 厚幸² (¹ 滋賀医科大学・実験センター, ² 滋賀医科大学・循環器内科)
- 2PB-565 **2D-HPLC によるホスホプロテオーム解析**
 秦 康二¹, 森坂 裕信¹, 三間 穰治¹, 湯元 昇², 達 吉郎², 古野 正浩³, 石塚 紀生⁴, 植田 充美¹ (¹ 京大院・
 農・応用生命, ² 産業技術総合研究所, ³ ジーエルサイエンス, ⁴ 京都モノテック)
- 2PB-566 **シリカモノリスを固定化したピペットチップ型アフィニティツールの開発**
 太田 茂徳¹, 宮崎 将太¹, 森里 恵², 中西 和樹³, 古野 正浩¹ (¹ ジーエルサイエンス, ² 京都モノテック,
³ 京大院・工)
- 2PB-567 **リン酸化ペプチドの選択的固相抽出用チタニアチップの開発**
 宮崎 将太¹, Muhammed Yusuf Miah², 森里 恵², 中西 和樹³, 古野 正浩¹ (¹ ジーエルサイエンス, ² 京都
 モノテック, ³ 京大院・工)
- 2PB-568 **NMR により構造決定した SH3 domain 構造の比較**
 井上 匡子¹, 林 文晶¹, 白水 美香子^{1,4}, 寺田 真帆^{1,4}, 木川 隆則¹, 井上 真¹, 矢吹 孝¹, 青木 雅昭¹, 関 英子¹,
 松田 貴意¹, 廣田 洋¹, 好田 真由美¹, 田中 昭子¹, 林崎 良英¹, 小原 収^{2,3}, 横山 茂之^{1,4,5} (¹ 理研・GSC,
² かずさ DNA 研究所, ³ 理研・RCAI, ⁴ 理研・播磨, ⁵ 東大院・理)
- 2PB-569 **Solution structure of the RING-H2 finger domain of mouse Deltex protein 2**
 Kazuhide Miyamoto¹, Yutaka Muto¹, Naoya Tochio¹, Seizo Koshiba¹, Makoto Inoue¹, Takashi Yabuki¹,
 Masaaki Aoki¹, Yasuko Tomo¹, Eiko Seki¹, Takaho Terada^{1,2}, Mikako Shirouzu^{1,2}, Akiko Tanaka¹,
 Yoshihide Hayashizaki¹, Takanori Kigawa¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,2,3} (¹ Genomics Sciences Center,
 RIKEN, ² Graduate School of Science, University of Tokyo, ³ Harima Institute at Spring-8, RIKEN)
- 2PB-570 **NMR structure of a novel domain WWE**
 Fahu He¹, Yutaka Muto¹, Hiroaki Hamana¹, Mikako Shirouzu^{1,3}, Takaho Terada^{1,3}, Takanori Kigawa¹,
 Makoto Inoue¹, Takashi Yabuki¹, Masaki Aoki¹, Eiko Seki¹, Takayoshi Matsuda¹, Hiroshi Hirota¹, Mayumi
 Yoshida¹, Naohiro Kobayashi¹, Akiko Tanaka¹, Takashi Osanai¹, Yo Matsuo¹, Osamu Ohara², Takahiro
 Nagase², Reiko Kikuno², Manabu Nakayama², Yoshihide Hayashizaki¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,3,4} (¹ RIKEN
 GSC, ² Kazusa DNA Research Institute, ³ RIKEN Harima Institute at Spring-8, ⁴ Grad. Sch. Sci., Univ. Tokyo)

- 2PB-571 NMR structure of a novel ubiquitin-like protein, mouse UBL3
Chenhua Zhao¹, Kohei Saito¹, Seizo Koshihara¹, Sakura Suzuki¹, Yutaka Muto¹, Makoto Inoue¹, Takashi Yabuki¹, Masaaki Aoki¹, Yasuko Tomo¹, Eiko Seki¹, Takaho Terada^{1,2}, Mikako Shirouzu^{1,2}, Akiko Tanaka¹, Yoshihide Hayashizaki¹, Takanori Kigawa¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,2,3} (¹RIKEN Genomic Sciences Center, ²RIKEN Harima Institute at SPring-8, ³Department of Biophysics and Biochemistry, Graduate School of Science, the University of Tokyo))
- 2PB-572 酸素分子を用いた蛋白質複合体相互作用界面同定のための新規 NMR 解析法の開発
野場 重都¹, 坂倉 正義¹, R.S. Prosser², 嶋田 一夫^{1,3} (¹東大・院薬系, ²Univ. of Toronto, ³産総研・生物情報解析研究センター)
- 2PB-573 Gas6 とその受容体の相互作用構造解析
秋元 まどか¹, 小野 克輝¹, 星野 康子¹, 高橋 栄夫², 嶋田 一夫^{2,3} (¹(社)バイオ産業情報化コンソーシアム・生物情報解析研究センター, ²産業技術総合研究所(産総研)・生物情報解析研究センター, ³東大・院薬系)
- 2PB-574 G 蛋白質共役型カリウムチャンネル制御機構の分子論的解析
横川 真梨子¹, 竹内 恒^{1,2}, 大澤 匡範¹, 嶋田 一夫^{1,3} (¹東大院・薬系, ²学振・特別研究員, ³産総研・生物情報解析研究センター)
- 2PB-575 質量分析による基本転写因子 hTFIIIE の構造解析
伊藤 喜之¹, 長土居 有隆¹, 奥田 昌彦², 大熊 芳明³, 西村 善文¹, 明石 知子¹ (¹横市大院総理, ²木原記念財団, ³阪大院生命機能)
- 2PB-576 H/D 交換 - MS による ATF2 転写活性化ドメインと p38 MAPK の相互作用研究
岩崎 了教, 長土居 有隆, 石津 美智子, 明石 知子, 西村 善文 (横浜市大院・総合理)
- 2PB-577 テロメアタンパク質 TRF2 による G-4 重らせん構造への特異的相互作用
平尾 優佳¹, 西川 忠輝², 花岡 慎悟², 岡村 英保², 岩崎 了教¹, 明石 知子¹, 佐藤 衛¹, 西村 善文¹ (¹横浜市立大・大学院総合理, ²木原財団)
- 2PB-578 アダプター蛋白質 Crk-II の NMR 解析
小橋川 敬博^{1,2}, 横地 正志^{1,3}, 内藤 雅人¹, 小椋 賢治¹, 田中 伸哉⁴, 岩原 寿典⁵, 花房 秀三郎⁵, 稲垣 冬彦^{1,3} (¹北大・薬, ²学振, ³タンパク 3000, ⁴北大・医, ⁵大阪バイオサイエンス研究所)
- 2PB-579 オートファジーに必須な Atg5 と Atg16 の構造生物学的解析
松下 美奈子¹, 鈴木 展生¹, 藤岡 優子¹, 大隅 良典², 稲垣 冬彦¹ (¹北大・薬・構造生物, ²基生研・細胞内エネルギー変換)
- 2PB-580 オートファジーに必須な新規 E2 様酵素 Atg3 の結晶構造解析
山田 勇也¹, 鈴木 展生¹, 藤岡 優子¹, 一村 義信², 大隅 良典², 稲垣 冬彦¹ (¹北大院・薬・構造生物, ²基生研・細胞内エネルギー変換)
- 2PB-581 NMR による Grb2 SH2 ドメインとその特異的阻害剤の複合体構造解析
志賀 貴紀¹, 小椋 賢治¹, 横地 政志¹, 湯澤 聡¹, Terrence R. Burke Jr.², 稲垣 冬彦¹ (¹北大院・薬, ²National Cancer Institutes, NIH)
- 2PB-582 生理活性ペプチド PACAP の NMR による立体構造解析
立石 幸寛, 朽尾 豪人, 白川 昌宏 (横浜市大・院総合理)
- 2PB-583 Structure of the N-terminal domain of PEX1 AAA-ATPase: characterization of a putative adaptor-binding domain.
塩澤 久美子¹, 真板 宣夫^{1,2}, 富井 健太郎³, 瀬戸 あずさ¹, 合田 名都子¹, 秋山 泰³, 清水 敏之¹, 白川 昌宏¹, 廣明 秀一¹ (¹横浜市立大・総合理・生体超分子システム科学, ²バイオ産業情報, ³産総研・生命情報科学)
- 2PB-584 超好熱菌 *Pyrococcus horikoshii* 由来の情報伝達に関連する膜タンパク質の精製と相互作用解析
横山 英志¹, 松井 えり子¹, 森井 太一², 廣明 秀一², 白川 昌宏², 松井 郁夫¹ (¹産総研・生物情報解析研究センター, ²横浜市大院・総理)

- 2PB-585 植物転写調節因子 DL タンパク質の NMR による立体構造解析
加藤 悦子¹, 角田 由紀¹, 平野 博之² (¹ 生物研, ² 東大・理学系・生物科学専攻)
- 2PB-586 マルチ遺伝子型 Na⁺/H⁺ 対向輸送系 (Sha システム) の分子構造解析
梶山 裕介^{1,2}, 古園 さおり¹, 吉村 美香³, 吉川 博文³, 片岡 正和², 工藤 俊章^{1,4} (¹ 理研・環境分子, ² 信州大院・工, ³ 東京農大・バイオサイエンス, ⁴ 横浜市大院)
- 2PB-587 病原真菌 *Candida glabrata* の ABC タンパク質 Cdr1p のリン酸化は薬剤排出活性と ATP 加水分解活性を調節する
田辺 公一¹, 和田 俊一¹, 山崎 亜希子¹, Kyoko Niimi², Erwin Lamping², Richard Cannon², Brian Monk², 上原 至雅¹, 新見 昌一¹ (¹ 国立感染症研究所, ² Dep. of Oral Sci., Univ. of Otago)
- 2PB-588 ヒト赤血球バンド 3 膜貫通ドメインの電子線結晶構造解析
山口 知宏¹, 阿部 義人², 金 秀日¹, 廣明 洋子^{3,4}, 藤吉 好則³, 濱崎 直孝¹ (¹ 九大院・医・臨床検査医学, ² 九大院・薬・免疫, ³ 京大院・理・生物物理, ⁴ JST・CREST)
- 2PB-589 ABC トランスポーター MRP1 の GSH との相互作用機構
古川 龍彦, 任 曉琴, 高橋 誉, 秋山 伸一 (鹿児島大院・医歯・分子腫瘍)
- 2PB-590 二次元電気泳動を用いた線虫 Acetyl CoA トランスポーターの解析
野村 和子^{1,2}, 水口 惣平^{1,2}, 安藤 恵子^{2,3}, 三谷 昌平³, 平林 義雄⁴, 松石 紫⁵, 川崎 ナナ⁵, 出嶋 克史^{1,2}, 野村 一也^{1,2} (¹ 九州大・理院・生物科学, ² 科学技術振興機構 CREST, ³ 東京女子医科大・医, ⁴ 理研・脳科学センター, ⁵ 国立衛研・生物薬品)
- 2PB-591 放線菌 H⁺-ピロホスファターゼの機能解析
広野 めぐみ, 中西 洋一, 三村 久敏, 前島 正義 (名大院・生命農)
- 2PB-592 液胞膜 H⁺-ピロホスファターゼに対するリコンビナント抗体の作製と酵素精製への利用
堀田 陽子, 三村 久敏, 前島 正義 (名大院・生命農学)
- 2PB-593 蚊に強い殺虫性を示す *B. thuringiensis entomocidus* INA288 株より単離された *cry44Aa* 遺伝子について
池谷 知紀, 伊藤 岳, 佐原 健, 浅野 眞一郎, 伴戸 久徳 (北大院・農・応用生命)
- 2PB-594 二つのヒト由来ミリストイル基転移酵素アイソザイムの機能構造の解析
合田 正貴¹, Sebastian Maurer-Stroh², 橋本 敬一郎¹, Frank Eisenhaber², 林 宣宏¹ (¹ 藤田保衛大・総医研, ² Bioinformatics Grp., Inst. of Mol. Pathology, Austria)
- 2PB-595 ラフト中のコレステロール結合タンパク質 perfringolysin O の構造解析
外谷 英嗣¹, 寺尾 宣彦¹, 抽那 武¹, 山本 良和¹, 宮ノ入 洋平¹, 上杉 晴一¹, 嶋田 有紀子², 岩下 淑子², 片平 正人¹ (¹ 横浜国大・院環境情報, ² 都老人研)
- 2PB-596 中枢神経系における m-Golsyn 蛋白質の発現解析
福井 正樹¹, 濱野 文子¹, 船越 英資¹, 西山 徳人², 荻田 喜代一², 清水 信義³, 伊藤 文昭¹ (¹ 摂南大・薬・生化, ² 摂南大・薬・薬理, ³ 慶應大・医・分子生物)
- 2PB-597 コレラ菌溶血毒 (VCH) のコレステロール結合領域の検索
服部 圭一¹, 舟橋 伸昭¹, 林 将大¹, 山本 耕一郎², 島村 忠勝³, 中山 浩伸¹, 生貝 初¹ (¹ 鈴鹿高専・生物応用化学科, ² 岡山県大・保健福祉・栄養学, ³ 昭和大・医・細菌学)
- 2PB-598 PI ドメインを持たない APP 結合タンパク質
大森 克哉¹, 浅海 真¹, 飯島 (安藤) 香奈絵², 住岡 暁夫¹, 飯島 浩一², 中矢 正¹, 鈴木 利治¹ (¹ 北大・院薬・神経科学, ² Cold Spring Harbor Laboratory)
- 2PB-599 Makorin1 蛋白質と相互作用を示すタンパク質の同定
矢野 善久¹, 吉田 徳之², 山崎 絢子³, 今岡 進³, 広常 真治¹ (¹ 大阪市大・院・医・細胞機能制御, ² 大阪市大・院・医・生体機能解析, ³ 関西学院大・理工・生命科学)
- 2PB-600 家族性パーキンソン病原因蛋白質 Parkin の ubiquitin-like domain に相互作用する新規蛋白質の探索と同定
佐藤 昌行¹, 清水 太一², 田中 弘文¹, 田代 桜子², 神藤 平三郎^{1,2} (¹ 東薬大・生命科学, ² 東薬大・薬)
- 2PB-601 酵母プリオン [PS⁺] に関わる因子の網羅的スクリーニング
倉橋 洋史, 中村 義一 (東大・医科研)

- 2PB-602 シヌクレインのアミロイド線維形成における C 末端領域の負電荷の役割
羽藤 景子, 八木 寿梓, 本郷 邦広, 溝端 知宏, 河田 康志（鳥取大・工・生物応用, 鳥取大院・医・機能再生）
- 2PB-603 ヒト シヌクレインの NAC 領域における繰り返し配列の修復
落合 さや香, 小林 夏季, 早出 広司（東京農工大・院工・生命工）
- 2PB-604 シヌクレイン部分ペプチドの凝集・線維化能力の検討
小林 夏季, 落合 さや香, 早出 広司（東京農工大・院工・生命工）
- 2PB-605 α -synuclein の物性に着目した凝集・線維化の加速化
池袋 一典, 大澤 祐子, 落合 さや香, 小林 夏季, 早出 広司（東京農工大・院工・生命工）

第3日目 (12月10日 (金))

< PA 会場 >

.....(1a 遺伝子・核酸).....

- 3PA-001 Mn イオン存在下 DNA 断片の高分子化
前田 英勝 (創価大学工学部生命情報工学科)
- 3PA-002 大腸菌のバイオフィーム形成に關与する遺伝子の探索
仲 慶晃¹, 北川 円², 磯野 節子², 馬場 知哉³, 森 浩禎⁴ (¹神戸大・院・自然科学, ²神戸大・理, ³慶應義塾大・先端生命科学研究所, ⁴奈良先端大・遺伝子教育研究センター・生体情報)
- 3PA-003 クラスター損傷をもつ DNA 分子の MD シミュレーション
藤本 浩文¹, ミロスラフ ビナック², 根本 俊行³, ピーター オ' ニール⁴, 久米 悦雄⁵, 斎藤 公明², 土田 耕三¹, 高田 直子¹, 前川 秀彰¹ (¹感染研・放射能, ²原研東海・リスク研, ³(財)高度情報科学技術研究機構, ⁴MRC Rad. Genom. Stabil. Unit, ⁵原研東海・計算科学技術推進センター)
- 3PA-004 単分子観察法を活用したゲノム DNA 二本鎖切断反応の定量的速度解析
吉川 祐子 (名古屋文理短大・食栄)
- 3PA-005 HiCEP 解析ハイスループットシステムの開発
森 和也^{1,2}, 荒木 良子¹, 安藤 俊輔¹, 安倍 真澄¹ (¹放医研, ²オリエンタル酵母・遺伝子チーム)
- 3PA-006 高カバー率遺伝子発現プロファイル解析 (HiCEP) 法における出発材料の少量化
田端 義巖¹, 荒木 良子¹, 福村 龍太郎¹, 中原 麻希^{1,2}, 大谷 美帆子^{1,3}, 安倍 真澄¹ (¹放医研, ²日清紡, ³東邦大・理)
- 3PA-007 カイアシ類 (*Metridia pacifica*) 由来新規発光タンパク質の遺伝子クローニング
竹中 康浩^{1,2}, 増田 洋美^{1,3}, 西川 諭¹, 水野 洋^{1,3}, Tsuji Frederick⁴ (¹産総研・生物機能・機能性核酸, ²インディアナ大医学部, ³NEC ソフト株式会社 VALWAY テクノロジーセンター, ⁴カリフォルニア大サンディエゴ校)
- 3PA-008 演題取消
- 3PA-009 環境ゲノミクスによる新規遺伝子獲得の効率化と有効性の確認
佐々木 真弓^{1,2}, 辻村 昌也^{1,2}, 張 子蓮^{1,2}, 阿久津 純一¹, 田島 秀二², 河原林 裕¹ (¹産総研・生物機能工学, ²プレジジョン・システム・サイエンス (株))
- 3PA-010 嫌氣的バイオレメディエーションに關わる *Dehalococcoides* 属微生物の検出と同定
海老澤 舞子¹, 崎原 盛¹, 大河内 美奈¹, 西村 実², 養王田 正文¹ (¹東京農工大学 工学研究科, ²アイ・エス・ソリューション)
- 3PA-011 ヒト mRNA の多様性解析-発現特異性のある転写開始点とスプライシング
若松 愛¹, 木村 宏一², 西川 哲夫^{1,2}, 山本 順一¹, 牧田 洋^{1,2}, 土屋 圭介¹, 開田 智子³, 上地 潤一², 畑野 直人^{1,2}, 永井 啓一², 菅野 純夫⁴, 野村 信夫⁵, 磯貝 隆夫¹ (¹リバース・プロテオミクス研, ²日立中研, ³JBIC, ⁴東大院・新領域, ⁵産総研・生物情報解析研究センター)
- 3PA-012 オリゴキャップヒト cDNA の新規スプライス・バリエーション全長配列のアミノ酸配列解析とデータベース構築, 及び転写開始位置多様性がもたらす転写産物多様性の特徴解析
西川 哲夫^{1,2}, 木村 宏一², 若松 愛¹, 山本 順一¹, 石井 静子¹, 根本 昌¹, 上地 潤一², 安田 知弘², 永井 啓一², 菅野 純夫³, 野村 信夫⁴, 磯貝 隆夫¹ (¹リバース・プロテオミクス研, ²日立・中研, ³東大院・新領域, ⁴産総研・生物情報解析研究センター)
- 3PA-013 Novel alternative splicing of human *FGD1* gene
Kumiko Yanagi, Tadashi Kaname, Kenji Naritomi (Univ. of the Ryukyus Grad. Sch. of Med., Dept. of Med. Genetics)

- 3PA-014 CBF による Runx1 の DNA 結合活性制御の分子機構
椎名 政昭, 高田 しおか, 豊後 泰子, 緒方 一博 (横浜市大・院・医・生化学)
- 3PA-015 Expression clone set for high-throughput functional study of human gastric and liver candidate genes
Ju-yeon Lee, Hee-Young Ahn, Sang-Soon Byun, Jung-Hwa Oh, Yeo-Jin Jeon, Sun-Young Yoon, Gookche Jeon, Jeong-Min Kim, Jae-Hee Pyo, Yong Sung Kim, Hyang-Sook Yoo, Nam-Soon Kim (KRIBB, Geno. Res. Cen., Lab. of Hum. Geno.)
- 3PA-016 The expression of IMUP-1 and 2 in endometrial tissues.
JinKyeoung Kim, HyoJin Kim, KyeSeong Kim, NaMi Yu, EunJin Choi, HeeHoon Jung, KwangYul Cha (Pochon CHA Univ., Dept. Graduate School of Life Science and Biotechnology)
- 3PA-017 若年性ネフロン癆の遺伝子解析
田村 明敬¹, 芦田 明², 高瀬 泉¹, 西尾 元¹, 鈴木 廣一¹, 玉井 浩² (¹大阪医科大学・法医学, ²大阪医科大学・小児科学)
- 3PA-018 ヒト癌細胞における carboxylesterase 1A1 および 1A2 遺伝子発現と抗癌剤 CPT-11 応答におけるその役割
金安 美香, 谷本 圭司, 檜山 桂子, 西山 正彦 (広島大・原医研・遺伝子診断治療開発)
- 3PA-019 哺乳動物 glycogen synthase kinase 3 遺伝子発現調節領域の比較
村山 洋^{1,2}, 小澤 裕昭¹, 大輪田 恵利¹, 中井 康弘², 松田 基夫^{1,2} (¹麻布大院・環境・分子生物学, ²麻布大・環境・遺伝子生物)
- 3PA-020 Analysis of gene structure for novel CYP2C in cynomolgus monkey
Yasuhiro Uno¹, Go Kito¹, Tetsuya Kamataki², Ryoichi Nagata¹ (¹Hokkaido Univ., Grad. Sch, Pharm. Sci., Lab. Transl. Res., ²Hokkaido Univ., Grad. Sch, Pharm. Sci., Lab. Drug Metabol.)
- 3PA-021 ブタ Mx2 遺伝子: cDNA の単離, そのゲノム解析と mRNA の発現
両角 岳哉¹, Pham Doan Lan², 中島 恵美子³, 上西 博英³, 粟田 崇³, 三橋 忠由³, 渡辺 智正⁴, 浜島 紀之³ (¹STAFF 研, ²ベトナム国立畜産研, ³生物研, ⁴北大院農)
- 3PA-022 マウス ES 細胞, E14, HiCEP ピークデータベースの構築
福村 龍太郎¹, 佐々木 直一^{1,2}, 笠間 康次¹, 鈴木 展子^{1,3}, 中村 和也¹, 森 和也^{1,4}, 高橋 宏和⁵, 斎藤 俊行¹, 荒木 良子¹, 安倍 真澄¹ (¹放医研・先端遺伝子発現研究センター, ²日清紡・研究開発センター, ³理研・CDB, ⁴オリエンタル酵母・遺伝子チーム, ⁵農業生物資源研究所)
- 3PA-023 マウス KIAA 相同遺伝子の単離とその構造的特徴
岡崎 規理子¹, 菊野 玲子¹, 三沢 計治^{2,3}, 今井 一英^{2,3}, 川井 誠^{2,3}, 小原 令子¹, 稲本 進^{2,3,4}, 古関 明彦^{5,6}, 平岡 秀一⁵, 相賀 裕美子⁷, 長瀬 隆弘¹, 小原 収^{1,6}, 古関 比佐志^{1,2,3} (¹かずさ DNA 研, ²科技园・CREATE, ³千葉県産業振興センター, ⁴産創研, ⁵千葉大医, ⁶理研, ⁷遺伝研)
- 3PA-024 マウス neurochondrin 遺伝子の神経組織における生理機能
伊達木 穰¹, 堀居 拓郎², 望月 礼子¹, 石田 純治¹, 長尾 恭光², 今井 裕², 深水 昭吉¹ (¹筑波大・先端学際領域研究センター, ²京都大・農学)
- 3PA-025 嚢胞性腎臓疾患のモデル動物である pcy マウスの責任遺伝子についての解析
西井 一宏¹, 長尾 静子¹, 長岡 香百合², 河和 寛恵², 山田 晃司³, 向後 寛⁴, 倉橋 浩樹⁴, 高橋 久英¹ (¹藤田保健衛生大・疾患モデルセンター, ²藤田保健衛生大・21世紀 COE, ³藤田保健衛生大・衛生, ⁴藤田保健衛生大・総医研・分子遺伝学)
- 3PA-026 Mitf 変異マウスを利用したメラノサイト特異的遺伝子の網羅的探索
武田 和久¹, 横山 悟¹, 油谷 浩幸², 江口 直美³, 裏出 良博³, 山本 博章⁴, 柴原 茂樹¹ (¹東北大院・医・分子生物学, ²東大先端研, ³大阪バイオ研, ⁴東北大院・生命科学)
- 3PA-027 毛周期に依存して発現が変動する遺伝子群の網羅的解析
大林 泉¹, 大槻 和俊^{1,2}, 渋谷 和憲¹, 工藤 純¹, 清水 信義¹ (¹慶応大・医・分子生物, ²佐藤製薬株式会社)
- 3PA-028 新規の網膜視細胞特異的遺伝子 *mr-s* (major retinal SAM domain protein) のクローニングと機能解析
井上 達也^{1,2,3}, 寺田 晃士¹, 玉置 泰裕², 新家 眞², 古川 貴久^{1,3} (¹大阪バイオ研, ²東京大学, ³科学技術振興機構 さきがけ)

- 3PA-029 癌遺伝子 *hWAPL* の転写活性と mRNA 量に対する環境ホルモンの影響
 及川 恒輔^{1,2,3}, 高梨 正勝^{1,4}, 吉田 恵一^{1,3}, 梅澤 明弘⁴, 向井 清³, 黒田 雅彦^{1,2,3} (¹慶大・医・リサーチパーク, ² 科学技術振興機構・CREST, ³ 東京医大・病理, ⁴ 国立成育医療センター)
- 3PA-030 OLETF ラットにおける肥満 QTL である *Nidd6* のポジショナルキャンディデートクローニング
 村松 陽治¹, 谷口 幸雄², 山田 宜永², 小瀬 博之³, 松本 耕三³, 佐々木 義之² (¹ 静岡英和短・食物, ² 京都大・院農・動物遺伝育種, ³ 徳島大・医・動実セ)
- 3PA-031 精子形成期ラット精巣で発現する遺伝子 (SRF-2) の解析
 山野 好章¹, 吉田 恵美¹, 大山 建司², 太田 正法³, 利谷 明繁⁴, 島田 順一⁴, 森嶋 伊佐夫¹ (¹ 鳥取大・農・応生, ² 山梨大・医・臨床看護, ³ 山梨大・医・小児, ⁴ ベンタナ・ジャパン (株))
- 3PA-032 ラット腎臓カルノシナーゼ cDNA の同定と *in vitro* 発現
 松田 広一^{1,2}, 堀川 陽子¹, 森山 紗里¹, 坂田 成子^{1,2}, 玉木 七八^{1,2} (¹ 神戸学院大・栄養, ² 神戸学院大・ハイテク)
- 3PA-033 A novel basic helix-loop-helix (bHLH) transcriptional repressor, NeuroAB, expressed in bipolar and amacrine cells in the retina
 Takeshi Ohkawara^{1,2}, Takafumi Shintani^{1,2}, Chika Saegusa^{1,2}, Junichi Yuasa-Kawada^{1,2}, Masakazu Takahashi^{1,2}, Masaharu Noda^{1,2} (¹NIBB, Div. of Molecular Neurobiology, ²CREST,JST)
- 3PA-034 ニトリチミジル酸合成酵素遺伝子プロモーターの機能配列の解析
 堀江 信之, 倉橋 敦, 竹石 桂一 (静岡県大・院・生活健康科学)
- 3PA-035 ゼブラフィッシュチミジル酸合成酵素遺伝子の単離とそのプロモーター領域の解析
 二村 一士, 長田 泰久, 堀江 信之, 竹石 桂一 (静岡県大・院・生活健康科学)
- 3PA-036 ゼブラフィッシュ初期胚におけるミリストイル化タンパク質の発現解析
 秋山 真一^{1,2}, 田丸 浩² (¹ わかやま産業振興財団, ² 三重大・生資)
- 3PA-037 ゼブラフィッシュ DNA マイクロアレイによる抗うつ剤のトキシコゲノミクス解析
 若狭 武司¹, 秋山 真一², 渡部 正利喜¹, 田中 利男^{2,3}, 田丸 浩^{1,2} (¹ 三重大・生資, ² 三重大・SVBL, ³ 三重大・医)
- 3PA-038 GAGA-dFACT 複合体はクロマチンリモデリング複合体と相互作用する
 霜島 司^{1,2}, 中山 貴博¹, 広瀬 進¹ (¹ 国立遺伝学研究所・形質遺伝, ² 日本学術振興会)
- 3PA-039 Presence of multiple transcripts of pyruvate dehydrogenase kinase in the maternal RNA pool of *Xenopus* oocytes
 Yumiko Terazawa¹, Alexander Tokmakov¹, Mikako Shirouzu¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,2,3} (¹Riken Yokohama Institute, ²Riken Harima Institute, ³Tokyo Univ.)
- 3PA-040 Estimation of the relative abundance of mRNAs for PDK isoenzymes in *Xenopus* oocytes and somatic tissues by a BLAST score-based method
 Alexander A. Tokmakov¹, Yumiko Terazawa¹, Mikako Shirouzu¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,2,3} (¹RIKEN Yokohama Inst., ²RIKEN Harima Inst. at SPring-8, ³Dept. Biophys. Biochem., Tokyo Univ.)
- 3PA-041 コガネムシ defensin cDNA の組織による長さの多型, 構造および発現解析
 山内 英男 (森林総研・森林昆虫)
- 3PA-042 鱗翅目昆虫ゲノムから発見された細菌型キチナーゼ: その性状と進化的起源
 大門 高明¹, 勝間 進^{1,2}, 岩永 将司^{1,3}, 嶋田 透¹ (¹ 東大院農, ² 京大院薬, ³ 現・東レ先端研)
- 3PA-043 *Bombyx mori* スーパーオキシドジスムターゼの同定とその諸性質
 山本 幸治¹, 張 平波², 麻生 陽一¹, 伴野 豊¹, 藤井 博¹ (¹ 九州大院農・遺資工, ² 九州大院生資環・遺資工)
- 3PA-044 カイコ培養細胞から発見された新種 RNA ウイルスは植物病原ウイルスに近縁である
 高瀬 里紗¹, 田中 伸一郎^{1,5}, 勝間 進^{1,2}, 岩永 将司^{1,3}, 大室 奈緒子¹, 大門 高明¹, 山下 修一¹, 今西 重雄⁴, 三田 和英⁴, 小林 正彦¹, 嶋田 透¹ (¹ 東大・院農生科, ² 京大・院薬, ³ 現・東レ・先端研, ⁴ 農業生物資源研, ⁵ 現・三共ライフ)

- 3PA-045 **カイコミトコンドリア DNA の個体内多型について**
大良 潤, 佐原 健, 浅野 眞一郎, 伴戸 久徳 (北大院・農・応用生命)
- 3PA-046 **マガキ外套膜で発現する新規グリシンリッチタンパク質**
三好 史子¹, 宮本 裕史^{1,2} (¹近畿大・生物理工, ²科技機構・CREATE)
- 3PA-047 **軟体動物に存在する炭酸脱水酵素様遺伝子の解析**
河野 淳¹, 宮本 裕史^{1,2} (¹近畿大・生物理工, ²科技機構・CREATE)
- 3PA-048 **Phenotype of transgenic tobacco plants expressing *orf13* gene on pRi1724**
Niken Satuti Nur Handayani¹, Kazuo Yoshida¹, Nobukazu Tanaka² (¹Hiroshima Univ., Grad. Sch. Sci., Dept. Biol. Sci., ²Hiroshima Univ., Grad. Sch. ADSM, Dept. Mol. Biotech.)
- 3PA-049 **高等植物における Ndr プロテインキナーゼ遺伝子の研究**
今井 雄大, 寺地 徹 (京産大・工・生物工)
- 3PA-050 **シロイヌナズナのリン酸トランスポーター遺伝子 *PHT1* のプロモーター解析**
神保 哲朗¹, 小山 貴芳¹, 河津 哲², 村中 俊哉³, 關 光³, 中川 強⁴, 木村 哲哉¹, 粟冠 和郎¹ (¹三重大・生物資源, ²王子製紙・森林資源研, ³理研・植物センター, ⁴島根大・遺伝子)
- 3PA-051 **NMR によるシロイヌナズナ *phot2 LOV2* の立体構造解析**
伊藤 将師¹, 松岡 大介², 徳富 哲², 塩沢 久美子¹, 栃尾 豪人¹, 廣明 秀一¹, 白川 昌宏¹ (¹横市大・院総合理, ²阪府大・先端研)
- 3PA-052 **スプラミン遺伝子糖応答性縮小プロモーターの活性化をもたらすシロイヌナズナの新奇転写因子遺伝子**
間崎 剛¹, 三井 尚子², 西井 照美², 森上 敦³, 中村 研三² (¹名古屋学芸大・管理栄養, ²名大院・生命農・生物機構, ³名城大・農)
- 3PA-053 **ジャスモン酸誘導遺伝子を高発現するシロイヌナズナ変異体の解析**
小田 賢司, 横谷 尚紀, 真籠 洋, 岩淵 雅樹 (岡山県生科総研)
- 3PA-054 **DNA マイクロアレイを用いたシロイヌナズナの根における塩ストレス応答性遺伝子の探索・単離**
平良 安聡¹, 岩田 英治¹, 安藤 候平¹, 仲山 英樹¹, 河内 孝之², 新名 惇彦¹, 吉田 和哉¹ (¹奈良先端大・バイオ, ²京大・生命科学)
- 3PA-055 **リン欠乏イネにリンを与えたときに発現量の変化する遺伝子の解析**
和崎 淳¹, 崔 祥子², 大西 一輝², 米谷 竜馬², 信濃 卓郎¹, 大崎 満² (¹北大・創成研究, ²北大院・農)
- 3PA-056 **イネ 9-脂肪酸ヒドロペルオキシドリアーゼ遺伝子の同定と機能解析**
黒田 久夫, 金田 弘拳, 高塩 仁愛 (サッポロビール(株)・価値創造フロンティア研)
- 3PA-057 **Identification and characterization of a novel gibberellin enhanced gene *OsGAE1* in rice**
Asad Jan^{1,2}, Guangxiao Yang¹, Hiroshi Matsumoto², Setsuko Komatsu¹ (¹Natl. Inst. Agrobiol. Sci., ²Univ. Tsukuba)
- 3PA-058 **Characterization of α -tubulin isotype *OsTUB4* and *OsTUB8* in rice**
Guangxiao Yang, Manabu Yoshikawa, Setsuko Komatsu (Natl. Inst. Agrobiol. Sci.)
- 3PA-059 **RDA 法によるツマグロヨコバイ耐性イネ系統特異的 DNA 断片の解析**
島山 吉則¹, 平野 泰志², 秋葉 芳男² (¹埼玉バイオ, ²埼玉県農総研)
- 3PA-060 **イネ幼穂形成における *GASR* 遺伝子の解析**
古川 智之¹, 三ツ橋 知沙², 島田 浩章^{1,2} (¹東京理科大・再生工学, ²東京理科大・基礎工)
- 3PA-061 **イネ *SUMO1* の機能解析**
福田 真人 (東京理科大・基礎工・生物工)
- 3PA-062 **オオムギの根に存在する鉄ファイトシデロフォア・トランスポーターの解析**
村田 佳子¹, 岩下 孝¹, 馬 建鋒², 野本 享資³ (¹(財)サントリー生有研, ²香川大・農, ³東洋大・生命科学)
- 3PA-063 **タバコ葉緑体ゲノムの転写物の詳細な解析**
鵜飼 聖子, 中邨 真之, 中村 崇裕, 杉浦 昌弘 (名市大院 システム自然科学)
- 3PA-064 **mRNA3'非翻訳領域の U rich cluster**
今井 剛¹, 山本 俊哉¹, 林 建樹², 副島 淳一¹ (¹果樹研・遺伝育種, ²果樹研・企画調整)

- 3PA-065 塩ストレス応答における新規ダイズ遺伝子 *GmTDF-5* の機能解析
兼上 明美, 小島 俊雄, 白岩 雅和, 高原 英成 (茨城大・農・分子生化)
- 3PA-066 塩ストレスに対する新規ダイズ遺伝子 *GmTDF-5* の転写制御機構
三原 迪子, 大江 秀志, 小島 俊雄, 白岩 雅和, 高原 英成 (茨城大・農・分子生化)
- 3PA-067 マメ科モデル植物ミヤコグサの根粒形成時に発現が誘導される転写因子の機能解析
浅水 恵理香, 渡邊 安希子, 佐藤 修正, 田畑 哲之 (かずさ DNA 研・植物遺伝子)
- 3PA-068 二次代謝に特化したモデル植物培養細胞ムラサキの EST 解析
水戸 光司¹, 矢野 真理子², 鈴木 秀幸³, 柴田 大輔³, 佐藤 文彦², 矢崎 一史¹ (¹京大・生存研, ²京大院・生命科学, ³かずさ DNA 研究所)
- 3PA-069 紅藻スサビノリの硝酸同化に關与する遺伝子のクローニング
三輪 泰彦, 松本 竜也, 杉原 衣子, 中田 篤男, 山岸 幸正 (福山大・生命工・海洋生物工)
- 3PA-070 紅藻スサビノリの窒素吸収に關与する遺伝子のクローニング
山岸 幸正, 杉原 衣子, 中田 篤男, 三輪 泰彦 (福山大・生命工・海洋生物工)
- 3PA-071 ラン藻遺伝子破壊株によるグルカナーゼ様タンパク質の生理機能解析
田茂井 政宏¹, 黒瀧 秀樹², 深溝 慶^{1,2} (¹近畿大・農・食栄, ²近畿大・院・応生化)
- 3PA-072 海洋性光合成細菌 *Rhodovulum sulfidophilum* が菌体外に分泌する RNA
鈴木 宏道, 安藤 智朗, 田中 照通, 平石 明, 菊池 洋 (豊橋技術科学大学 工学部 エコロジー工学)
- 3PA-073 出芽酵母 14 番染色体上の *RAS2* 遺伝子の破壊様式及び呼吸能の制御
下村 真菜美¹, 内田 悠紀¹, 中村 昇平¹, 福田 耕才¹, 緒方 誠哉¹, 馬淵 正², 竹田 真敏^{1,3} (¹崇城大・工・応用生命, ²山梨大・医・生化, ³鶴岡高専)
- 3PA-074 転写と逆転写におけるリボヌクレオチドアナログの変異誘発性についての研究
鈴木 哲矢¹, 岡田 利幸¹, 大塚 智恵¹, David Loakes², 根岸 和雄¹ (¹岡山大・自然生命科学研究支援センター, ²Medical Research Council, Laboratory of Molecular Biology)
- 3PA-075 演題取消
- 3PA-076 枯草菌のコルテックス形成に必要な *spoIVH* (*ykvV*) の母細胞とフォアスポアでの発現
今村 大輔¹, 小林 和夫², 関口 順一³, 小笠原 直毅², 竹内 道雄¹, 佐藤 勉¹ (¹東京農工大, ²奈良先端大, ³信州大)
- 3PA-077 枯草菌 *ilv-leu* オペロンの転写制御機作の解明
東條 繁郎, 里村 武範, 森崎 薫, 広岡 和文, 藤田 泰太郎 (福山大・生命工・生物工)
- 3PA-078 Identification of a 2-keto-*myo*-inositol dehydratase gene of *Sinorhizobium fredii* USDA191
Ken-ichi Yoshida¹, Won-Seok Kim², Yoshinori Tanaka¹, Hitoshi Ashida¹, Yasutaro Fujita³, Hari B. Krishnan² (¹Kobe Univ., Dept. Biofunc. Chem., ²Univ. of Missouri, Dept. Agron., USDA-ARS, ³Fukuyama Univ., Dept. Biotechnol.)
- 3PA-079 尿路病原性大腸菌における ETT2 領域の検索
柴田 真里子, 大澤 佳代, 片岡 陳正 (神戸大・医・保健)
- 3PA-080 *Listeria monocytogenes* の 因子の各種ストレス耐性における役割
岡田 由美子¹, 牧野 壮一², 岡田 信彦³, 朝倉 宏¹, 山本 茂貴¹, 五十君 静信¹ (¹国衛研・食品衛生管理部, ²帯畜大・原虫研, ³北里大・薬・微生物)
- 3PA-081 緑膿菌 *Pseudomonas aeruginosa* ポリリン酸レギュロンの同定・解析
石毛 和也^{1,2}, 林 康子², Haiyu Zhang², Arthur Kornberg² (¹ヤマサ醤油・医薬化成品, ²Stanford Univ., Sch. Med., Dept. Biochem.)
- 3PA-082 Sequencing and analysis of 16S rDNA of the isolates of *Campylobacter lari* and their comparison with other closely related thermophilic campylobacters
Motoo Matsuda¹, Naomi Mitsuhashi¹, Tsuyoshi Sekizuka¹, Ohoshi Murayama¹, B. Cherie Millar², John E Moore² (¹Azabu Univ. Grad. Sch. Env. Health, ²Belfast City Hosp., N. Ireland Public Health Lab.)

- 3PA-083 高温性 *Campylobacter lari* の病原遺伝子の比較分子生物学
関塚 剛史¹, 茂松 慎¹, 熊谷 温子¹, 村山 洋¹, B C Millar², J E Moore², 松田 基夫¹ (¹麻布大・環境, ²N Ireland Public Health Lab, Belfast)
- 3PA-084 *Streptomyces* における 型ポリケタイド合成酵素の多様性
小牧 久幸, 原山 重明 (NITE・バイオ本部・生物遺伝資源開発部門)
- 3PA-085 相利共生細菌 *ブフネラ* を収納する *アブラムシ* 菌細胞の宿主 EST 解析
中鉢 淳^{1,2}, 重信 秀治³, 坂詰 直子⁴, 白木 利幸⁴, 林崎 良英⁴, Piero Carninci⁴, 石川 統⁵, 工藤 俊章¹, 深津 武馬² (¹理研・環境分子生物, ²産総研・生物機能工学, ³基生研・統合バイオ, ⁴理研・生体分子機能, ⁵放送大・教養)
- 3PA-086 Sequence analysis of a CDC6 homologue in the plasmid pTA1 isolated from the thermoacidophilic archaeon *Thermoplasma acidophilum*
Kan Yamashiro, Shin-ichi Yokobori, Tairo Oshima, Akihiko Yamagishi (Dept. of Mol. Biol. Tokyo Univ. of Pharm. and Life Sci)
- 3PA-087 シイタケ (*Lentinula edodes*) の *exo- -1,3-グルカナーゼ* 遺伝子 (*exg1*, *exg2*) の単離と解析
坂本 裕一¹, 入江 俊一¹, 湊 健一郎², 川上 佐知子², 水野 雅史², 佐藤 利次¹ (¹(財)岩手生物工学研究センター, ²神戸大学院農学部)

.....(1e 分子進化).....

- 3PA-088 真核生物の系統進化
橋本 哲男 (筑波大・生物)
- 3PA-089 真核生物の起源：オルソログス遺伝子数を元に作成した系統樹による推定
堀池 徳祐¹, 濱田 一男², 宮田 大輔³, 篠澤 隆雄⁴ (¹遺伝研・CBI-DDBJ, ²早大・理工総研, ³立正大・地球環境・環境システム, ⁴早大・理工・生命)
- 3PA-090 原核生物と酵母の遺伝子解析による酵母細胞内小器官の起源の推定
猿橋 智¹, 濱田 一男², 堀池 徳祐³, 宮田 大輔⁴, 篠澤 隆雄¹ (¹早大・理工・生命, ²早大・理工総研, ³遺伝研・生命情報・DDBJ 研究センター, ⁴立正大・地球環境・環境システム)
- 3PA-091 種同定の新たな指標としての *ブドウ球菌属 sigH* 遺伝子 (*SA0492*) の応用
熊野 みゆき¹, 岡村 英幸², 川合 進二郎², 森川 一也¹, 太田 敏子¹ (¹筑波大学大学院人間総合科学研究科, ²大阪歯科大学・生物学教室)
- 3PA-092 *Saccharomyces* 属近縁種の分子進化の過程における機能的制約の変動
川原 善浩^{1,2}, 今西 規¹ (¹産総研・生物情報解析研究センター, ²東京都立大・理・生物科学)
- 3PA-093 クロレラと陸上植物の分岐年代推定およびクロレラ TPI 遺伝子の分子進化
隈 啓一¹, 横井 崇秀², 原田 義則², 溝口 亨³, 小正 葉子³, 直木 洋³, 藤 博幸¹ (¹京大・化研・BIC, ²株式会社日立製作所 ライフサイエンス推進事業部, ³株式会社 サン・クロレラ)
- 3PA-094 深海性魚類腸内容物から分離した好圧細菌のリンゴ酸デヒドロゲナーゼにみられた生息域特異的置換
齋藤 理恵¹, 加藤 千明², 中山 昭彦¹ (¹近畿大院・農, ²海洋研究開発機構・極限環境生物圏研究センター)
- 3PA-095 カワカイメン (*Ephydatia fluviatilis*) から単離されたアクチン mRNA と原始的後生動物のアクチンの進化
安藤 準, 大井田 新一郎 (鶴見大・歯・生化学)
- 3PA-096 Expression pattern of HoxAa and Ab genes in medakafish.
naofumi takamatsu, gene kurosawa, masayoshi takahashi, mariko sumitomo, hiroshi hori (Grad. Sch. of Sci., Nagoya Univ)
- 3PA-097 脊椎動物における androgen receptor 遺伝子の進化
荻野 由紀子, 加藤 洋教, 山田 源 (熊大, 生命資源, CARD)
- 3PA-098 アンチセンス mRNA 候補遺伝子の生物種間の比較解析
大里 直樹, 池尾 一穂, 五條堀 孝 (遺伝研・生命情報セ)

- 3PA-099 Coevolution of MBF1 and TBP across the species from archaea to human
Qing-Xin Liu¹, Kazuho Ikeo¹, Susumu Hirose², Takashi Gojobori¹ (¹CIB.DDBJ, Nat. Inst. Genet., ²Dep. Dev., Nat. Inst. Genet.)
- 3PA-100 相同遺伝子群の進化に対する局所的遺伝子重複の寄与に関する比較ゲノム解析
原 雄一郎, 小柳 香奈子, 渡邊 日出海 (北海道大・院・情報科学・生命人間情報科学)
- 3PA-101 HBV ゲノタイプ B と C についての分子進化的解析
山口 浩信, 任 鳳蓉, 田中 博 (東京医科歯科大・院・生命情報学)
- 3PA-102 種間比較による遺伝子発現進化の網羅的解析
太田 紘史, 五斗 進, 金久 實 (京大・化研・バイオインフォマティクスセンタ -)
- 3PA-103 外分泌タンパク prolactin inducible protein (PIP/GCDFP15) 遺伝子族の分子進化
大澤 資樹, 金子 美華, 堀内 英和, 梅津 和夫 (山形大・医・法医病態)
- 3PA-104 東アジアに生息する昆虫を含む生物における Cecropia-ITR-MLE を指標とした生物地理学的考察
中島 裕美子¹, 高石 礼子¹, 伴野 豊², 中村 隆², 佐原 健³, 安河内 祐二⁴, 日下部 宜宏⁵, 椎野 禎一郎⁶, 藤本 浩文⁷, 橋戸 和夫⁷, 土田 耕三⁷, 高田 直子⁷, 前川 秀彰⁷ (¹琉球大・遺伝子実験センター・遺伝子機能解析, ²九大・院・遺伝子資源開発, ³九大・院・農・蚕学, ⁴北大・院・農, ⁵農業生物資源研, ⁶国立感染症研・生命情報, ⁷国立感染症研・放射能)
- 3PA-105 エラブウミヘビ属の毒ヘビ由来分泌型 P LA2 遺伝子の単離とその分子進化的解析
黒岩 美穂, 藤見 峰彦, 黒崎 滋之, 神沢 信行, 土屋 隆英, 田宮 徹 (上智大・理工・化学)
- 3PA-106 ハブ毒ホスホリパーゼ A₂ アイソザイムの島内および島間多様性の比較
千々岩 崇仁¹, 弟子丸 正伸², 信久 幾夫², 中島 欽一², 小川 智久², 服巻 保幸³, 服部 正策⁴, 小田-上田 直子¹, 大野 素徳¹ (¹崇城大・工・応生, ²九大・理・化, ³九大・遺伝情報, ⁴東大・医科研)
- 3PA-107 毒蛇血清に含まれる fetuin ファミリー抗出血因子の加速的分子進化
弟子丸 正伸, 堀 晋一, 木原 健二, 藤野 和也, 寺田 成之 (福岡大・理・化学)
- 3PA-108 スリランカコブラサイトトキシンのアミノ酸配列 - *Naja* 属内における変異と分子進化 -
森山 昭彦¹, Ranasinghe Shirani², 浅野 正司¹ (¹名市大院・システム自然・生体情報, ²Univ. Peradeniya, Fac. Med.)
- 3PA-109 無脊椎動物 Oxytocin/Vasopressin スーパーファミリーペプチドの分子進化
神田 敦宏, 佐竹 炎, 川田 剛土, 南方 宏之 ((財) サントリー生物有機科学研究所)
- 3PA-110 ヘテロ三量体 G タンパク質介在シグナル伝達系の多様化の獲得免疫系成立への寄与に関する分子進化的解析
工藤 充^{1,2}, 小柳 香奈子², 金谷 重彦¹, 渡邊 日出海² (¹奈良先端大・情報生命, ²北大・院・情報・生命)
- 3PA-111 多細胞生物におけるマイクロ RNA の分子進化的特徴
峯田 克彦^{1,2}, LI WEN-HSIUNG² (¹北大・情報科学, ²シカゴ大)
- 3PA-112 Gene expression of *Drosophila melanogaster* head with sexual isolation - cis-associated difference and pattern of sex, virginity and genotype.
Naoki Osada, Mickael Kohn, Anthony Greenberg, Joshua Shapiro, Chung-I Wu (Univ. Chicago, Dept. Ecol. Evol.)
- 3PA-113 GA 結合蛋白の分子進化と機能分化
徳 誠吉, 前田 紀子, 田中 龍夫 (琉球大・医学部・生化学)
- 3PA-114 イノシトールリン脂質代謝系シグナル伝達経路に関与する遺伝子族の多様化: 立襟鞭毛虫に存在するリアノジン受容体と IP₃ 受容体
廣瀬 希¹, 菅 裕², 岩部 直之¹, 宮田 隆^{3,4} (¹京大・院理・生物科学, ²パーゼル大, ³早稲田大・理工, ⁴JT 生命誌研究館)
- 3PA-115 モルモット精囊分泌タンパク質の多様性獲得機構
古谷 裕¹, 加藤 明², Fibriani Azzania², 広瀬 茂久², 小嶋 聡一¹ (¹理研・分子細胞病態学, ²東工大・生命理工)

- 3PA-116 ヒトにおける ER 蛋白遺伝子 GP25L の splice 変異による分子進化
松隈 章一¹, 吉原 光代¹, 加藤 明德¹, 笠井 文生¹, 山本 直人², 杉政 征夫² (¹ 神奈川がんセ・研, ² 神奈川がんセ・病院・消化器外科)
- 3PA-117 エキソン-シャプリングにより作られたブタ T 細胞レセプター C 3 遺伝子の解析
亀山 孝三¹, 上西 博英², 粟田 崇², 高垣 洋太郎¹ (¹ 北里大・医・遺伝子, ² 農業生物資源研・基盤研・ゲノム)
- 3PA-118 高等植物における葉緑体ゲノムからミトコンドリアゲノムへ移行した tRNA 遺伝子の移行時期の解析
杉山 康雄¹, 杉浦 昌弘² (¹ 名古屋大・遺伝子, ² 名古屋市大・システム自然)
- 3PA-119 尾索動物の 18S rRNA 遺伝子に基づく分子系統解析
横堀 伸一¹, 倉林 敦², 大島 泰郎¹, 広瀬 裕一³ (¹ 東京薬大・生命科学・分子生命科学, ² 広島大・院理・両生, ³ 琉球大・理・海洋自然科学)
- 3PA-120 Crassostrea 属 2 種のカキにおけるリボソームタンパク質遺伝子の解析
梶原 清高¹, 宮本 裕史^{1,2} (¹ 近畿大・生物理工, ² 科技機構・CREATE)
- 3PA-121 リボソームタンパク質遺伝子をつツールとしたイントロンの進化の解析
吉浜 麻生, 比嘉 三代美, 中尾 彰宏, 児玉 隼一, 中島 早苗, 清松 誠, 剣持 直哉 (宮崎大 フロンティア)
- 3PA-122 snoRNA 遺伝子の網羅的解析～イントロンへの移動機構解明へ向けて
比嘉 三代美, 吉浜 麻生, 剣持 直哉 (宮崎大・フロンティア)
- 3PA-123 真核生物において発見された新規 EF-1 様 GTPase の機能予測とその進化
Patrick J. Keeling¹, 稲垣 祐司² (¹ Univ British Columbia., Dept. Bot., ² 長浜バイオ大)
- 3PA-124 HAART 治療下における HIV-1 プロテアーゼ遺伝子のハプロタイプ解析
長谷川 直紀¹, 杉浦 互², 任 鳳蓉¹, 松田 昌和², 田中 博¹ (¹ 東京医科歯科大・院・生命情報学, ² 国立感染症研究・エイズ研究センター)
- 3PA-125 決定木を用いた HIV プロテアーゼ変異の解析
茂柳 薫, 長谷川 直紀, 任 鳳蓉, 田中 博 (東京医科歯科大・生命情報学)
- 3PA-126 RNA ポリメラーゼ III のプロモーター配列に結合する TFIIC サブユニットの生物種間での類似性とその進化
松谷 佐知子 (国立衛研・微生物)
- 3PA-127 乳清酸性タンパク質 (WAP) 遺伝子の分子進化：ヒト WAP 遺伝子の機能欠損について
生見 尚子¹, 岩森 督子¹, 松羅 里奈¹, 季 俊佑², 内藤 邦彦¹, 東條 英昭¹ (¹ 東大院・農学生命・応用遺伝学, ² 東大院・付属牧場)
- 3PA-128 ヒト乳清酸性タンパク質 (WAP) 遺伝子の復元と生物学的機能
松羅 里奈, 生見 尚子, 岩森 督子, 内藤 邦彦, 東條 英昭 (東大院・農学生命・応用遺伝学)
- 3PA-129 鱗翅目昆虫のシルクフィブロイン遺伝子解析
瀬瀨 秀樹, 小林 功, 小島 桂, 内野 恵郎, 田村 俊樹, 行弘 研司 (農業生物資源研究所)
- 3PA-130 真社会性アブラムシにおいて兵隊特異的に発現する攻撃毒プロテアーゼ
沓掛 磨也子¹, 柴尾 晴信^{1,2}, 二河 成男³, 森岡 瑞枝⁴, 田村 具博⁵, 星野 保⁵, 扇谷 悟⁵, 深津 武馬¹ (¹ 産総研・生物機能工学, ² 筑波大院・生命環境科学, ³ 放送大・自然の理解, ⁴ 東大院・理・生物科学, ⁵ 産総研・ゲノムファクトリー)
- 3PA-131 Plasmodium 属原虫における SERA 遺伝子ファミリーの系統学的解析
有末 伸子, 堀井 俊宏 (大阪大・微研・分子原虫)
- 3PA-132 新たなセントロメア縦列型反復配列は属の進化に対応する？
小谷 博一, 細内 敦, 窪岡 久乃, 後藤 文史郎 (かずさ DNA 研・染色体機能 2)
- 3PA-133 ピリミジン生合成第 5・第 6 酵素遺伝子の融合は異なる真核生物群で独立に生じた
牧内 貴志^{1,2}, 奈良 武司¹, 案浦 健¹, 橋本 哲男³, 大島 泰郎², 青木 孝¹ (¹ 順天堂大・医・生体防御寄生虫, ² 東薬大・生命, ³ 筑波大・生物科学系)
- 3PA-134 NADPH を補酵素とする酵素の高速分子進化においてスクリーニングを効率的に行うための酵素活性測定法の改良
二木 類¹, 鈴木 武尊², 相田 拓洋³, 伏見 讓² (¹ 埼玉バイオ, ² 埼玉大・工, ³ 産総研)

- 3PA-135 トランスクリプトームの進化
小笠原 理, 久保田 功, 大久保 公策 (国立遺伝学研究所 日本 DNA データバンク)
- 3PA-136 統合的ヒト遺伝子アノテーションシステム (SOUP) の構築
山崎 千里¹, 谷野 元彦^{1,2}, 山本 尚幸^{2,3}, 蒔田 幸枝³, 青野 亮^{2,3}, 沖山 栄⁴, 羽原 拓哉^{1,2}, 伊藤 剛^{1,5}, 五條堀 孝^{1,6}, 今西 規¹ (1 産総研 生物情報解析研究センター, 2 パイオ産業情報化コンソーシアム 生物情報解析研究センター, 3 株式会社 シーズ・ラボ, 4 株式会社 日立製作所, 5 農業生物資源研究所, 6 遺伝研 生命情報・DDBJ 研究センター)
- 3PA-137 西アフリカ未治療患者由来 HIV-1 株のプロテアーゼ阻害剤に対する低感受性
徳永 研三¹, 木ノ本 正信¹, 横山 勝², 佐藤 裕徳², 倉田 毅¹, 佐多 徹太郎¹ (1 国立感染研・感染病理部, 2 国立感染研・遺伝子解析室)
-(1f 糖・脂質).....
- 3PA-138 線虫 *Caenorhabditis. elegans* を用いた複合糖質硫酸化修飾に関連した遺伝子の解析
出嶋 克史^{1,2}, 野村 和子^{1,2}, 水口 惣平^{1,2}, 安藤 恵子^{2,3}, 三谷 昌平³, 瀬古 玲^{2,4}, 山下 克子⁴, 平林 義雄⁵, 野村 一也^{1,2} (1 九州大・理院・生物科学, 2 科学技術振興機構 CREST, 3 東京女子医大・医・第二生理, 4 佐々木研・生化学, 5 理研・脳科学センター)
- 3PA-139 ゼブラフィッシュ胚発生におけるコンドロイチン 4-O-硫酸基転移酵素-1 (C4ST-1) の発現と機能の解析
小林 直樹¹, 水本 秀二¹, 三上 雅久¹, 三宅 歩², 伊藤 信行², 菅原 一幸¹ (1 神戸薬大・生化, 2 京大院・薬・遺伝子)
- 3PA-140 タグの導入による繊維芽細胞増殖因子 (FGF) -1 のヘパリン親和性変化の解析
浅田 眞弘, 本田 絵美, 篠宮 道代, 今村 亨 (産業技術総合研究所)
- 3PA-141 細胞増殖因子のグリコサミノグリカン糖鎖に対する親和性の解析
篠宮 道代^{1,2}, 浅田 眞弘¹, 本田 絵美¹, 池北 雅彦², 今村 亨^{1,2} (1 産業技術総合研究所, 2 東京理科大・理工・応用生物)
- 3PA-142 超好熱古細菌 *Pyrococcus horikoshii* 由来ドリコールリン酸マンノース合成酵素の機能解析
漆畑 祐司, 松井 郁夫 (産総研・生物情報解析センター)
- 3PA-143 新規ヒト糖ヌクレオチドトランスポーターの機能解析
石井 智子¹, 仲山 賢一¹, 千葉 靖典¹, 神山 伸², 西原 祥子², 地神 芳文¹ (1 産総研・糖鎖工学研究センター, 2 創価大)
- 3PA-144 脳特異的な UDP-GalNAc: polypeptide N-acetylgalactosaminyltransferase (GalNAc-T) の発現
鳥羽 慎也¹, 中村 直介¹, 平井 光春¹, 三上 雅久², 小西 守周³, 伊藤 信行³, 黒坂 光¹ (1 京都産大・工・生物工, 2 神戸薬科大・生化学, 3 京大院・薬・遺伝子)
- 3PA-145 ゼブラフィッシュポリペプチド GalNAc 転移酵素遺伝子のクローニングと発現解析
中村 直介¹, 鳥羽 慎也¹, 秋元 暁¹, 若原 隆史², 三宅 歩², 伊藤 信行², 黒坂 光¹ (1 京都産大・工・生物工, 2 京大・薬・遺伝子)
- 3PA-146 肝糖代謝調節における転写因子 Stra13 の役割
勅使川原 匡, 小川 渉, 阪上 浩, 春日 雅人 (神戸大院・医・糖尿病代謝内科)
- 3PA-147 -1,4-ガラクトース転移酵素-I 欠損マウスにおける IgA 腎症様病態と血清 IgA の解析
西江 敏和¹, 宮石 理², 東 治人³, 亀山 昭彦⁴, 任 華¹, 成瀬 智恵¹, 橋本 恵佳¹, 横山 仁⁵, 成松 久⁴, 和田 隆志⁵, 浅野 雅秀¹ (1 金沢大・学際セ, 2 愛知医大・医・病理, 3 大阪医大・泌尿器科, 4 産総研・糖鎖工学・糖鎖遺伝子機能解析, 5 金沢大・医・第一内科)
- 3PA-148 マウス腎臓近位尿管特異的転写調節に関わる *Gsl5* の解析
関根 美知子¹, 設楽 浩志¹, 多屋 長治¹, 赤松 紀子¹, 鈴木 明身², 米川 博通¹ (1 東京都臨床研・実験動物, 2 理研フロンティア・生体超分子)
- 3PA-149 ERAD と PNGase の関連性についての解析
田邊 香¹, 原 いずみ², 谷口 直之¹, 鈴木 匡^{1,2} (1 阪大・医・21 世紀 COE プログラム (生化学), 2 さきがけ研究 21, JST)

- 3PA-150 Wnt4 は膵島に発現してグルコース刺激性のインスリン分泌に關与する
浅場 浩¹, 井岡 亮一², 田中 十志也¹, 馬郡 健太¹, 児玉 龍彦¹, 酒井 寿郎^{1,2} (¹ 東京大・先端研・分子生物学,² 科学技術振興機構)
- 3PA-151 Wnt シグナルの骨格筋分化及びインスリンシグナルにおける役割の解析
小嶋 智明, 田中 十志也, 浅場 浩, 児玉 龍彦, 酒井 寿郎 (東大先端研)
- 3PA-152 糖鎖修飾の制御メカニズムを解明するゲノムワイドなスクリーニング系の構築
山本 (日野) 美紀^{1,2}, 桑原 玲子¹, 原口 朱夏¹, 日下 勇^{1,3}, 服部 成介⁴, 上田 龍⁵, 西原 祥子⁶, 後藤 聡^{1,2,3}
(¹ 三菱化学生命研 糖鎖制御学,² 科技振 CREST,³ 科技振 さきがけ,⁴ 東大 医科研,⁵ 国立遺伝研 系統生物,⁶ 創価大 工)
- 3PA-153 Genome Wide Profiling of Glycosyltransferases and Predicted Glycan Structures from Complete and Draft Eukaryote Genomes
Shin Kawano, Akiyasu C. Yoshizawa, Yoshinobu Igarashi, Yoshiyuki Hizukuri, Minoru Kanehisa (Kyoto Univ., ICR, Bioinformatics Center)
- 3PA-154 生物種及び組織間における比較グライコーム解析
檜作 好之, 山西 芳裕, 河野 信, 五斗 進, 金久 實 (京大化研バイオインフォマティクスセンター)
- 3PA-155 PDB 中の糖鎖構造データベース GDB structures の構築とその現状
中原 拓, 西村 紳一郎 (北大院・理・生物)
- 3PA-156 熱ショックタンパク質 (Hsp70) の酸性脂質結合活性の解析
原田 陽一郎¹, 佐藤 ちひろ^{1,2}, 北島 健^{1,2,3} (¹ 名大院・生命農,² 名大・高等研究院,³ 名大・生物機能セ)
- 3PA-157 PPAR による脂肪細胞特異的 Perilipin 遺伝子発現
渡辺 英里¹, 有村 直人¹, 堀場 太郎¹, 清水 誠¹, 今川 正良², 佐藤 隆一郎¹ (¹ 東京大・農・応生化,² 名市大・薬)
- 3PA-158 培養脂腺細胞の exosomes の分泌 : I. 内在脂質顆粒の役割
澄田 道博¹, 永井 彩子¹, 近藤 陽子², 濱田 稔³, 佐藤 隆⁴, 秋元 賀子⁴, 伊東 晃⁴ (¹ 愛媛大・医・生化学・分子遺伝,² 岡山理大・理・基礎理学,³ 久留米大・TRC.,⁴ 東京薬科大・薬・生化)
- 3PA-159 培養脂腺細胞の exosomes の分泌 : II. 結合蛋白質の解析
永井 彩子¹, 澄田 道博¹, 佐藤 隆², 秋元 賀子², 伊東 晃² (¹ 愛媛大・医・生化学・分子遺伝,² 東京薬科大・薬・生化)
- 3PA-160 レクチン様酸化 LDL 受容体 Lox-1 NECK ドメインの構造学的研究
石垣 智子¹, 大木 出¹, 町田 幸子², 橋 真一¹ (¹ 生物分子工学研究所 構造解析研究部,² 食品総合研究所)
- 3PA-161 線虫 *C.elegans* を用いたアシルトランスフェラーゼ様遺伝子の機能解析
原 直子, 井上 貴雄, 高根沢 康一, 新井 洋由 (東大院・薬・衛生化学)
- 3PA-162 植物の長鎖プレニルニリン酸合成酵素
羅 軍¹, 西岐 良一¹, 巽 圭¹, 松田 英幸¹, 中川 強², 川向 誠¹ (¹ 島根大生物資源生命工,² 島根大総合科学 支援センター)
- 3PA-163 緑藻クラミドモナスのピノレン酸生合成を担う 13 不飽和化酵素遺伝子の単離と機能解析
梶川 昌孝¹, 大和 勝幸¹, 甲津 嘉人¹, 庄司 信一郎¹, 阪井 康能², 福澤 秀哉¹ (¹ 京大・院生命科学,² 京大・院農)
- 3PA-164 *Hansenula polymorpha* ELO1 gene encodes a fatty acid chain elongase of C26 to C28.
Phatthanon Prasitchoke, Yoshinobu Kaneko, Satoshi Harashima (Osaka Univ., Grad. School of Eng., Dept. Biotechnology)
- 3PA-165 Characterization of a mouse second leukotriene B4 receptor, mBLT2.
Yoshiko Iizuka¹, Takehiko Yokozmizo^{1,3}, Mayumi Komine², Kunihiro Tamaki², Takao Shimizu¹
(¹ University of Tokyo, Faculty of medicine, Department of Biochemistry and Molecular Biology,² University of Tokyo, Faculty of medicine, Department of Dermatology,³ PRESTO of Japan Science and Technology Agency)

- 3PA-166 線虫 *C.elegans* を用いた PA-PLA₁ 様遺伝子の機能解析
金森 崇浩¹, 坂本 太郎², 井上 貴雄¹, 青木 淳賢¹, 新井 洋由¹ (¹ 東大院・薬・衛生化学, ² 北里大院・薬・衛生化学)
- 3PA-167 肺胞マクロファージにおけるリソゾームホスホリパーゼ A2 の役割
平岡 美紀, 阿部 晃, James Shayman (ミシガン大, 腎臓内科)
- 3PA-168 マウス脳発達過程における長鎖アシル CoA 水解酵素遺伝子の発現変化
山田 純司, 大友 隆之, 倉持有, 高木 充弘, 須賀 哲弥, 野水 基義 (東薬大・薬・病態生化)
- 3PA-169 II 型 PAF アセチルヒドロラーゼは *C.elegans* からマウスまで極性細胞に高発現している
河野 望, 井上 貴雄, 青木 淳賢, 新井 洋由 (東大院・薬・衛生化学)
- 3PA-170 枯草菌 *ykoN* 遺伝子産物の esterase 活性の解析
松浦 孝枝¹, 宇佐美 論¹, 掘越 弘毅¹, 原 弘志², 松本 幸次² (¹ 東洋大・工・応用化学, ² 埼玉大・理・分子生物)
- 3PA-171 Hypoxia に曝された肝細胞における FXR 活性低下および胆汁酸トランスポーター発現低下
藤野 智史, 小沢 一成, 瀧美 武久, 佐藤 隆史, 安藤 堅, 早川 磨紀男, 菊川 清見 (東京薬大・薬)
- 3PA-172 小腸胆汁酸結合蛋白 I-BABP による FXR 応答遺伝子発現調節
中原 真裕子¹, 古屋 徳彦¹, 藤井 博², 清水 誠¹, 佐藤 隆一郎¹ (¹ 東大院・農生科・応生化, ² 新潟大院・医歯学総合)
- 3PA-173 胆汁酸による microsomal triglyceride transfer protein 遺伝子発現制御を介した apolipoprotein B 分泌低下
橋 静子, 広兼 久子, 中原 真裕子, 清水 誠, 佐藤 隆一郎 (東大・農・応生化)
- 3PA-174 線虫 *C.elegans* を用いた Sec14 脂質輸送タンパク質ファミリーの機能解析
井上 貴雄, 大井 裕美子, 鈴木 優香, 金森 崇浩, 小鮎 弘幸, 新井 洋由 (東大院・薬・衛生化学教室)
- 3PA-175 スフィンゴ脂質は相同性の高い分岐型アミノ酸トランスポーター Bap2p と Bap3p に対して異なる作用を示す
劉 婀娜¹, 小林 孝史¹, 竹松 弘¹, 小堤 保則^{1,2} (¹ 京大 生命 システム機能学, ² 理研フロンティア 生体超分子)
- 3PA-176 高等植物におけるカルジオリピンの生合成と機能
片山 健太¹, 桜井 勇², 和田 元^{1,2} (¹ 東大・院理・生物科学, ² 東大・院総合文化・生命環境)
- 3PA-177 脂質自動同定システムの構築
青島 健¹, 横井 靖人¹, 柳沢 宏次¹, 山崎 俊幸², 石田 真悠子², 北條 俊章², 中西 広樹², 小田 良哉^{2,3}, 田口 良² (¹ 三井情報開発, ² 東大院・医, ³ エーザイ・シーズ研)
- 3PA-178 ジーントラップ挿入変異細胞ライブラリーを用いた細胞内コレステロール代謝・輸送に関する遺伝子群の解明
信國 好俊, 宮川 清 (広島大・原医研・ゲノム障害病理)
- 3PA-179 脂肪酸輸送・結合タンパク質と相互作用するタンパク質の同定
長谷川 俊輔, 平井 利武, 本島 清人 (明治薬科大・生化学)
- 3PA-180 分子力覚提示装置 (PHANToM) を用いた脂質二重膜の動態シミュレーション
大西 貴幸¹, 田中 博¹, 水島 洋² (¹ 東医歯大・生命情報, ² 国立がんセンター研)

.....(2j 生理活性物質)

- 3PA-181 Study on signal transduction by the superoxide producing "Nox" family enzymes
篠原 正浩¹, 原田 沙織¹, 久保寺 誠¹, 満下 淳地¹, 住本 英樹², 鎌田 徹¹ (¹ 信州大・医・分子細胞生化学, ² 九大・生医研)
- 3PA-182 Ras 発癌を媒介する活性酸素産生遺伝子 Nox1 の新標的蛋白の同定とその癌化過程における役割
商 維こう¹, 安達 喜文¹, 陳 薇¹, 横尾 佑子¹, 満下 淳地¹, 住本 英樹², 広瀬 国孝³, 鎌田 徹¹ (¹ 信大・医・分子細胞生化学, ² 九大・生医研, ³ 呉羽化学・医生物研)

- 3PA-183 6-MITC による LPS 誘導性 COX-2 及び iNOS 発現抑制の分子機構の解析
宇都 拓洋¹, 井上 裕康³, 藤井 信^{1,2}, 侯 徳興^{1,2} (¹ 鹿児島大・連合農研・生資料, ² 鹿児島大・農・生資化, ³ 国立循環器病セ・研・薬理)
- 3PA-184 Theasinensin A による COX-2 遺伝子発現の抑制およびその分子機構の解析
益崎 智子¹, 宇都 拓洋², 橋本 文雄³, 坂田 祐介³, 藤井 信^{1,2}, 侯 徳興^{1,2} (¹ 鹿児島大・農・生資化, ² 鹿児島大・連合農研・生資料, ³ 鹿児島大・農・生物生産)
- 3PA-185 Involvement of reactive oxygen species-independent mitochondrial pathway in gossypol-induced apoptosis
De-Xing Hou, Takuhiro Uto, Xuhui Tong, Toru Takeshita, Shunsuke Tanigawa, Izumi Imamura, Takashi Ose, Makoto Fujii (Kagoshima Univ., Fac. Agri. Dept. Biochem. Sci.&Tech.)
- 3PA-186 Ursolic acid による LoVo 細胞のアポトーシス誘導及び作用機構の解析
森下 暁子, 原園 和洋, 藤井 信, 侯 徳興 (鹿児島大 農 生資化)
- 3PA-187 マウス破骨細胞におけるプロスタグランジン F₂ の生理作用の解析
加門 正義, 坂本 和一 (筑波大・生命環境科学)
- 3PA-188 15d-PGJ₂ による PCAF 発現低下の解析
広中 安佐子, 亀岡 正典, 田中 康春, 太田 克矢, 吉原 紘一郎 (奈良県立医科大学 生化学)
- 3PA-189 IL-1 による軟骨細胞のアポトーシスとネクローシスの制御機構
安原 理佳¹, 宮本 洋一¹, 赤池 孝章², 芥 照夫², 上條 竜太郎¹ (¹ 昭和大・歯・生化学, ² 熊本大・院・医学薬学研究部・微生物学)
- 3PA-190 マウス実験大腸炎モデルにおける Hepatocyte Growth Factor Activator Inhibitor (HAI) type 2-Related Small Peptide (H2RSP) の発現変動
長沼 誠二, 伊藤 浩史, 内山 周一郎, 長池 幸樹, 片岡 寛章 (宮崎大・医・第 2 病理)
- 3PA-191 プラジキニン受容体とラミン C の相互作用と細胞内における局在
鷹野 正興, 加納 章, 国末 幸子, 屋山 勝俊, 岡本 博 (神戸学院大学薬学部薬理)
- 3PA-192 哺乳類の DNA ポリメラーゼ 特異的阻害剤, デヒドロアルテヌシンの構造活性相関
紙透 伸治¹, 高橋 俊哉², 水品 善之³, 坂口 謙吾^{1,4}, 中田 忠⁵, 菅原 二三男^{1,4} (¹ 東理大・理工・応生, ² 理研, ³ 神大・栄養, ⁴ 東理大・ゲノム, ⁵ 東理大・理・化)
- 3PA-193 ヒト胚形成阻害剤, hippospongiic acid A による DNA ポリメラーゼ・トポイソメラーゼ選択的阻害活性
水品 善之^{1,2}, 滝川 浩郷³, 中井 (村上) 智嘉子¹, 笠井 信幸⁴, 武村 政春⁵, 大重 真彦⁶, 島崎 則子⁴, 小祝 修⁴, 山口 十四文⁷, 実吉 肇郎⁷, 森 謙治⁸, 菅原 二三男⁴, 吉田 弘美^{1,2}, 坂口 謙吾⁴ (¹ 神戸学院大・栄養・食品栄養, ² 神戸学院大・HRC, ³ 神戸大院・農, ⁴ 東京理大・理工, ⁵ 三重大・生命科学研究支援セ, ⁶ インディアナ大・医, ⁷ 帝京科大・バイオ, ⁸ 富士フレーバー (株))
- 3PA-194 DNA ポリメラーゼ 阻害剤, dehydroaltenusin のヒト子宮癌 (HeLa) 細胞周期への影響
米澤 裕子¹, 中井 (村上) 智嘉子¹, 前田 尚輝¹, 栗山 磯子¹, 紙透 伸治², 高橋 俊哉³, 武村 政春⁴, 菅原 二三男², 吉田 弘美^{1,5}, 坂口 謙吾², 水品 善之^{1,5} (¹ 神戸学院大・栄養・食品栄養, ² 東京理大・理工・応用生物, ³ 理研, ⁴ 三重大・生命科学研究支援セ, ⁵ 神戸学院大・HRC)
- 3PA-195 CO₂ 超臨界抽出によるハウレンソウ脂溶性成分の分画
飯島 寛¹, 米澤 裕子¹, 栗山 磯子¹, 前田 尚輝¹, 吉田 弘美^{1,2}, 坂口 謙吾³, 水品 善之^{1,2} (¹ 神戸学院大・栄養・食品栄養, ² 神戸学院大・HRC, ³ 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-196 茶カテキン類の哺乳動物 DNA ポリメラーゼ阻害活性
井川 広志¹, 齋藤 安貴子², 中島 範行³, 武村 政春⁴, 栗山 磯子¹, 吉田 弘美^{1,5}, 坂口 謙吾⁶, 水品 善之^{1,5} (¹ 神戸学院大・栄養・食品栄養, ² 富山県バイオ, ³ 富山県立大・生工研セ, ⁴ 三重大・生命科学研究支援セ, ⁵ 神戸学院大・HRC, ⁶ 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-197 ハウレンソウ糖脂質画分の抗癌および抗腫瘍活性
前田 尚輝¹, 羽田 尚彦², 米澤 裕子¹, 飯島 寛¹, 栗山 磯子¹, 吉田 弘美^{1,3}, 坂口 謙吾⁴, 水品 善之^{1,3} (¹ 神戸学院大・栄養・食品栄養, ² 備前化成 (株), ³ 神戸学院大・HRC, ⁴ 東京理大・理工・応用生物)

- 3PA-198 哺乳動物 DNA ポリメラーゼ阻害活性とヒト癌細胞増殖抑制活性を有する野菜由来糖脂質画分のスクリーニング
 栗山 磯子¹, 米澤 裕子¹, 武村 政春², 前田 尚輝¹, 飯島 寛¹, 羽田 尚彦³, 吉田 弘美^{1,4}, 坂口 謙吾⁵, 水品 善之^{1,4} (1 神戸学院大・栄養・食品栄養, 2 三重大・生命科学研究支援セ, 3 備前化成(株), 4 神戸学院大・HRC, 5 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-199 クルクミン誘導体による DNA ポリメラーゼ 阻害活性の解析
 稲江 由樹¹, 竹内 倫文¹, 石堂 智美¹, 紙透 伸治², 島崎 則子², 小祝 修², 菅原 二三男², 吉田 弘美^{1,3}, 坂口 謙吾², 水品 善之^{1,3} (1 神戸学院大・栄養・食品栄養, 2 東京理大・理工・応用生物, 3 神戸学院大・HRC)
- 3PA-200 鯛(いわし)の頭部・内蔵の脂溶性成分による抗癌および抗炎症活性
 木村 聡志¹, 長谷川 義和², 米澤 裕子¹, 井川 広志¹, 栗山 磯子¹, 吉田 弘美^{1,3}, 坂口 謙吾⁴, 水品 善之^{1,3} (1 神戸学院大・栄養・食品栄養, 2 (株) 帝和エンジニアリング, 3 神戸学院大・HRC, 4 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-201 Lanostane 系トリテルペン酸による DNA トポイソメラーゼ II 阻害活性とヒト癌細胞増殖抑制活性の相関
 中島 麻衣¹, 秋久 俊博², 浮谷 基彦², 中井(村上) 智嘉子¹, 栗山 磯子¹, 吉田 弘美^{1,3}, 坂口 謙吾⁴, 水品 善之^{1,3} (1 神戸学院大・栄養・食品栄養, 2 日大・理工・物質応用化学, 3 神戸学院大・HRC, 4 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-202 抗腫瘍活性物質 FR901464 の細胞内標的分子の同定と小胞体ストレス誘導
 田代 悦^{1,2,3}, 中島 秀典⁴, 井本 正哉³, 吉田 稔^{1,2} (1 理研・中研・吉田化学遺伝, 2CREST・JST, 3 慶大・理工・生命情報, 4 藤沢薬品・探索研究所)
- 3PA-203 抗腫瘍活性物質 FR901464 は pre-mRNA の蓄積と翻訳を引き起こす
 甲斐田 大輔^{1,2}, 田代 悦^{1,2,3}, 中島 秀典⁴, 井本 正哉³, 吉田 稔^{1,2} (1 理研・化学遺伝学, 2 科学技術振興機構・CREST, 3 慶大・理工・生命情報, 4 藤沢薬品工業(株)・探索研)
- 3PA-204 ショウガ科植物に含まれるセスキテルペンによる薬物代謝酵素活性の誘導
 佐々木 啓子^{1,2}, 木村 恵理², 吉村 昭毅², 松岡 耕二¹, 和田 啓爾² (1 千葉科学大・薬, 2 北海道医療大・薬)
- 3PA-205 非環式レチノイドによる血管新生の抑制
 曾我部 幸央^{1,2}, 小見 悠介¹, 鈴木 康弘¹, 佐野 哲朗³, 山下 潤⁴, 佐藤 靖史⁵, 下仲 基之², 小嶋 聡一¹ (1 理研・分子細胞病態, 2 東京理科大・理・化, 3 日研化学・臨床開発室, 4 京大・幹細胞医学研セ, 5 東北大・加齢医学研)
- 3PA-206 2-oxoglutarate による vascular endothelial growth factor , erythropoietin 産生抑制
 松本 健¹, 今川 重彦¹, 小原 直¹, 鈴木 教郎², 長澤 俊郎¹, 山本 雅之² (1 筑波大学人間総合研究科, 2 科技機構 ERATO 山本環境応答プロジェクト)
- 3PA-207 24p3 (lipocalin-2) の血球産生調節機構における生理学的意義の検討
 三原田 賢一^{1,2}, 寛山 隆¹, 須藤 和寛¹, 宇土 潤平¹, 前田 るい¹, 長澤 俊郎², 中村 幸夫¹ (1 理研・BRC・細胞材料開発室, 2 筑波大・臨床医・血液内科)
- 3PA-208 プロシアニジンによる Fc γ RI 刺激 cofilin 脱リン酸化の阻害と肥満細胞の脱顆粒抑制
 近藤 一成¹, 内田 理一郎², 徳武 昌一², 米谷 民雄¹ (1 国立衛研, 2 キッコーマン(株))
- 3PA-209 サキシマハブ由来ディスインテグリン elegantin の機能解析に関する研究
 佐口 健一, 村山 信浩, 大井 浩明, 藤田 吉明, 樋口 成定 (昭和大・薬)
- 3PA-210 緑膿菌オートインデューサーは腸幹細胞へ直接作用する
 田中 伸也¹, 松岡 美恵子¹, 田口 亮子¹, 仙波 尚², 野村 暢彦³, 宮崎 均¹ (1 筑波大・遺伝子実験セ, 2 (株) 日本触媒, 3 筑波大・生命環境科学)
- 3PA-211 ルブラトキシン B による TIMP-1 分泌の亢進
 岩下 恵子¹, 前田(中村) 久美子¹, 後藤 哲久², 長嶋 等¹ (1 (独) 食品総合研究所, 2 信州大・農・応用生命科学)
- 3PA-212 5-アミノレブリン酸類似構造をもつ新規抗生物質
 和地 正明¹, 阿波 雄基¹, 石渡 要¹, 岩井 伯隆¹, 永井 和夫² (1 東工大・院生命理工・生物プロセス, 2 中部大・応用生物・応用生物化学)

- 3PA-213 耐性変異を利用する薬剤分子標的の同定：curvularol の作用機構
小林 義史¹, 水沼 正樹¹, 長田 裕之², 宮川 都吉¹ (¹ 広島大学先端物質科学研究科, ² 理研抗生物質)
- 3PA-214 エストロゲン応答遺伝子に特化した cDNA マイクロアレイ (EstrArray) を用いた植物エストロゲンの遺伝子発現プロファイリング
伊勢 良太¹, Han Dalho¹, 井上 暁夫¹, 寺坂 俊一¹, 丹治 雅夫¹, 木山 亮一^{1,2} (¹ 株式会社インフォジーンズ, ² (独) 産業技術総合研究所)
- 3PA-215 増殖因子の固相化：多角体固定化 FGF2 による NIH3T3 細胞の増殖促進活性
古山 明子¹, 宿南 知佐², 森 肇^{1,3}, 関 祐司² (¹ 京都工芸繊維大・工芸科学研・応用生物学, ² 京大・再生研・生体分子設計学, ³ (株) プロテインクリスタル)
- 3PA-216 共役リノール酸生成能の高い消化管内細菌, *Butyrivibrio fibrisolvens* の共役リノール酸還元酵素の精製とその特性
福田 真嗣¹, 浅沼 成人¹, 鈴木 裕義¹, 村井 美希¹, 川村 猛², 日野 常男¹ (¹ 明治大・農・生命科学, ² 東医大・臨床プロテオーム)
- 3PA-217 イネ SPK による Sucrose Synthase 活性制御の解析
大塚 恵美子, 井部 宏和, 程島 裕貴, 島田 浩章 (東京理科大・基礎工・生物工)
- 3PA-218 原生生物織毛虫プレファリズムにおける性フェロモンの同定と発現制御
杉浦 真由美, 高見 梨沙, 川原 聖子, 春本 晃江 (奈良女子大・院・共生自然科学)
- 3PA-219 日本産アカガエル属抗菌ペプチド Temporin 前駆体 cDNA のクローニングと塩基配列並びにその組織依存的な多様性について
岩室 祥一¹, 大沼 彩¹, 中村 真理子¹, 山口 景子¹, 川崎 広明¹, John Michael Conlon² (¹ 東邦大・理・生物, ² アラブ首長国大・医健康・生化学)

.....(2k 分子・複合体の機能 その他)

- 3PA-220 真核細胞 replication protein A の蛍光標識と 1 本鎖 DNA との相互作用の評価
稲石 健一¹, 栗田 弘史¹, 宇理須 まどか¹, 松浦 俊一², 高田 慶一³, 水品 善之⁴, 坂口 謙吾⁵, 桂 進司¹, 水野 彰¹ (¹ 豊橋技科大・エコロジー, ² 東京理大・基礎工・生物工, ³ ビッツバーグ大学・がん研究所・ヒルマンがんセンター, ⁴ 神戸学院大学・栄養・食品栄養, ⁵ 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-221 蛍光顕微鏡視野内における 1 本鎖 DNA 可視化技術の開発と DNA 合成反応の解析への応用
栗田 弘史¹, 稲石 健一¹, 宇理須 まどか¹, 松浦 俊一², 高田 慶一³, 水品 善之⁴, 坂口 謙吾⁵, 桂 進司¹, 水野 彰¹ (¹ 豊橋技科大・エコロジー, ² 東京理大・基礎工・生物工, ³ ビッツバーグ大・がん研究所・ヒルマンがんセンター, ⁴ 神戸学院大・栄養・食品栄養, ⁵ 東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-222 DNA 損傷時の細胞応答における細胞増殖抑制因子 Tob の役割の解析
鈴木 亨, 山本 雅 (東大・医科研)
- 3PA-223 NAP-1 ファミリータンパク質とヒストンの相互作用
江田 誉¹, 青木 勝彦¹, 南 次郎², 高田 耕司¹, 大川 清¹ (¹ 慈恵医大・生化¹, ² 慈恵医大・血液・腫瘍内科)
- 3PA-224 ピラゾロン系新規化合物 TELIN によるテロメラーゼ酵素活性の阻害：抗がん剤開発に向けた基礎解析
垣内 康孝^{1,2}, 佐々木 成江¹, 佐藤 美恵子^{1,2}, 室伏 擴³, 室伏 きみ子¹ (¹ お茶の水女子大・理・生物, ² (株) そーせい, ³ 山口大・理工・自然情報)
- 3PA-225 DNA 損傷を介した核蛋白質の高度な凝集化は complex coacervate を形成する
高萩 真彦, 巽 紘一 (放医研・安全研究センター)
- 3PA-226 シグマ E-依存性細胞死におけるシグマ S の影響
山下 大輔, Rased Noor, Md. Shahinur Kabir, 山田 守 (山口大・農・生物機能)
- 3PA-227 海洋性光合成細菌 *Rhodovulum sulfidophilum* が生産する菌体 DNA に関する研究
小村 仁人, 田嶋 詠士, 安藤 智朗, 平石 明, 菊池 洋 (豊橋技科大・エコロジー)
- 3PA-228 Hsp105 は Hsc70 の ATPase 活性を阻害し Hsc70 シャペロン活性を抑制する
山岸 伸行, 石原 慶一, 畑山 巧 (京都薬大・生化)

- 3PA-229 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC 7942 における *groESL1* の発現調節
齋藤 勝和¹, 渡辺 智², 小島 幸治¹, 佐藤 真純², 松根 (荷村) かおり², 吉川 博文², 仲本 準¹ (¹ 埼玉大・理・分子生物, ² 東京農大・応生科・バイオ)
- 3PA-230 小胞体膜蛋白質 Herp は小胞体関連分解基質の脱糖鎖と分解に寄与する
菊池 唯史¹, 細川 暢子², 永田 和宏², 宮田 敏行¹, 小亀 浩市¹ (¹ 国循セ研, ² 京都大・再生研)
- 3PA-231 緑膿菌の Lon プロテアーゼによる Quorum sensing の制御
土屋 博子, 高屋 明子, 友安 俊文, 山本 友子 (千葉大院・薬・微生物薬品化学)
- 3PA-232 *Salmonella* Typhimurium の DnaK シャペロンによる上皮細胞侵入制御機構
松井 真理, 高屋 明子, 友安 俊文, 山本 友子 (千葉大・院薬・微生物薬品化学)
- 3PA-233 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC7942 株における *dnaK2* 遺伝子の発現調節機構解析
佐藤 真純, 渡辺 智, 松根 (荷村) かおり, 千葉桜 拓, 吉川 博文 (東京農大・バイオ)
- 3PA-234 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC7942 株における DnaJ の機能解析
下 哲平, 吉川 卓, 片野 葉子, 田中 仁, 松根 (荷村) かおり, 吉川 博文 (東京農大・バイオ)
- 3PA-235 腸管出血性大腸菌 O157 の新規細胞付着因子の同定と機能解析
古川 佳代子¹, 大岡 唯祐², 林 哲也², 杉本 央¹, 戸邊 亨¹ (¹ 阪大・院・医, ² 宮崎大・医)
- 3PA-236 緊縮制御による腸管出血性大腸菌 O157:H7 の LEE 遺伝子群の発現制御
中西 典子¹, 安倍 裕順¹, 林 哲也², 田代 康介³, 久原 哲³, 杉本 央¹, 戸邊 亨¹ (¹ 阪大・院・医, ² 宮崎大・医, ³ 九大・院・農)
- 3PA-237 腸管出血性大腸菌 O157:H7 における RcsCDB 二成分制御系による病原遺伝子の発現活性化および発現抑制
戸邊 亨¹, 安倍 裕順¹, 安藤 弘樹¹, 林 哲也², 田代 康祐³, 久原 哲³, 杉本 央¹ (¹ 阪大・院・医, ² 宮崎大・医, ³ 九大・院・農)
- 3PA-238 マルチ遺伝子型 Na⁺/H⁺ 対向輸送系 (Sha システム) の緑膿菌感染における役割
古園 さおり¹, 芳賀 恒基¹, 波多野 和男², 武田 忍², 若井 芳美², 武藤 誠一郎², 日野 資弘³, 梶山 裕介¹, 冨澤 累¹, 工藤 俊章^{1,4} (¹ 理研・環境分子, ² 藤沢薬品・薬理研, ³ 藤沢薬品・発酵研, ⁴ 横浜市大院)
- 3PA-239 病原性放線菌 *Nocardia farcinica* における *rpoB* パラログのリファンピシン耐性への関与
石川 淳¹, 栗田 晴代¹, 武田 健二郎¹, 星野 泰隆^{1,2}, 三上 裏² (¹ 国立感染研, ² 千葉大・真菌センター)
- 3PA-240 リゾチーム感受性 *Rhodococcus erythropolis* 変異株の原因遺伝子の機能解析
三谷 恭雄, 田村 具博 (産業技術総合研究所 ゲノムファクトリー研究部門)
- 3PA-241 抗酸化タンパクノックアウトがマラリア原虫の哺乳類体内発育に及ぼす影響の解析
矢野 和彦¹, 駒木 安田 加奈子^{1,2}, 坪井 敬文³, 鳥居 本美⁴, 狩野 繁之¹, 河津 信一郎^{1,2} (¹ 国立国際医療センター・研究所, ² 科技団・PRESTO, ³ 愛媛大・無細胞生命科学工学センター, ⁴ 愛媛大・医・寄生病原体学)
- 3PA-242 赤痢アメーバのゲラニルゲラニル転移酵素 I 型の解析
牧岡 朝夫¹, 熊谷 正広¹, 竹内 勤², 野崎 智義³ (¹ 慈恵医大・熱帯医学, ² 慶大・医・熱帯医学・寄生虫学, ³ 感染研・寄生動物)
- 3PA-243 散在性反復配列由来領域を含む p97bcnt タンパク質の機能
中島 健太郎^{1,2}, 岩下 新太郎¹, 加藤 千恵子¹, 宋 時榮¹ (¹ 三菱化学生命科学研究所, ² 横浜国立大学)
- 3PA-244 Hypoxic regulation of the Stability of Connective Tissue Growth Factor/CCN2 mRNA by a Cytoplasmic Protein which Binds to the 3'-Untranslated Region in Human Chondrosarcoma Cells
seiji kondo^{1,2}, satoshi kubota¹, yoshiki mukudai¹, norifumi moritani², takashi nishida¹, hirohisa matsushita³, shinji matsumoto³, toshio sugahara², masaharu takigawa¹ (¹ Okayama Univ., Dept. Biochem. Mol. Dent, ² Okayama Univ., Dept. Oral. Maxillo. Reconst. Surge., ³ Nichirei Corporation)
- 3PA-245 Functional properties of p94/calpain3 and connetin/titin in mdm mouse skeletal muscle
Yasuko Ono¹, Naoko Doi^{1,2}, Koichi Ojima^{1,2}, Stephanie Witt³, Christian Witt³, Siegfried Labeit³, Hiroyuki Sorimachi^{1,2} (¹ The Tokyo Met. Inst. of Med. Sci., Dept. of Enzym. Reg. for Cell Func., ² CREST, JST, ³ Univ. of Mannheim)

- 3PA-246 PDGF production by B16 melanoma cells leads to increased pericyte abundance in tumors and an associated increase in tumor growth rate
Masao Furuhashi^{1,2}, Tobias Sjoblom¹, Shinji Shimada², Carl-Henrik Heldin¹, Arne Ostman¹ (¹Ludwig Institute for Cancer Research Uppsala Branch, ²University of yamanashi faculty of medicine department of dermatology)
- 3PA-247 神経細胞における Dvl とシナプトタグミンの相互作用
上田 こずえ¹, 岸田 昭世¹, 大下 彰彦¹, 福田 光則², 御子柴 克彦³, 菊池 章¹ (¹ 広島大院・医歯薬・探索医科学, ² 理研・福田独立主幹研究ユニット, ³ 理研・脳科学総合研究セ・発生神経生物研究チーム)
- 3PA-248 線虫 (*C. elegans*) の硫酸転移酵素 (SULT) の生理機能の解析
服部 研之, 井上 雅之, 田村 悦臣 (共立薬大・衛生化学)
- 3PA-249 線虫 *C. elegans* の TRPM チャネルはマグネシウム・ホメオスタシスを調節する
寺本 孝行¹, ランビイ エリック², 岩崎 幸一¹ (¹ ノースウェスタン大学・医学, ² ダートマス大学・生物)
-(3j 細胞の構造と機能 その他)
- 3PA-250 破骨細胞における骨由来 Ca²⁺ の動態
八巻 真理子¹, 高橋 直之¹, 小澤 英浩^{1,2} (¹ 松歯大・総研, ² 松歯大・総研)
- 3PA-251 活性化マクロファージにおける Slit3 の発現とその機能
丹野 聡彦, 藤原 歩, 竹中 重雄, 桑村 充, 津山 伸吾 (阪府大院・獣医)
- 3PA-252 腎緻密班細胞の樹立と機能解析
安岡 有紀子¹, 川田 英明¹, 佐藤 正宏², 河原 克雅¹ (¹ 北里大・医・生理, ² 東海大・総医研・分子発生)
- 3PA-253 放射線照射後に発現誘導される遺伝子群のクラスター解析
山崎 信介¹, 植松 直也², 飯嶋 鮎子³, 黒岩 孝朗^{1,3}, 内田 和彦⁴ (¹ 株式会社 山武, ² 筑波大・リエゾン産学共同研, ³MCBI, ⁴ 筑波大・院)
- 3PA-254 DNA-PK 欠損細胞株において 線照射後の細胞死に関する遺伝子群
越川 知行¹, 植松 直也², 飯嶋 鮎子³, 内田 和彦^{1,2} (¹ 筑波大・院・人間総合, ² 筑波大・リエゾン, ³MCBI)
- 3PA-255 放射線誘発アポトーシスおよび細胞周期停止に関するシグナル伝達経路
植松 直也^{1,2}, 越川 知行³, 飯嶋 鮎子², 内田 和彦^{1,3} (¹ 筑波大・産学リエゾン研, ² (株) MCBI, ³ 筑波大・院)
- 3PA-256 酸化ストレスに対する *Schizosaccharomyces pombe* の反応
武藤 宣博, 北島 哲子, 川端 優男 (愛知県コロニー研究所)
- 3PA-257 Localizome: 分裂酵母における全遺伝子産物細胞内局在の網羅的解析
荒井 律子¹, 松山 晃久^{1,2}, 八代田 陽子¹, 吉田 稔^{1,2} (¹ 理研・化学遺伝, ²CREST・JST)
- 3PA-258 出芽酵母 *spc110* 変異株の取得と解析
松崎 浩明, 長松 浩史, 花野 瞬, 秦野 琢之 (福山大・生命工・生物工)
- 3PA-259 植物の体を支える細胞壁の構築メカニズム
横山 隆亮, 井本 桂子, 西谷 和彦 (東北大・院・生命科学)
- 3PA-260 A proteomic approach to cell-wall proteins involved in cell-wall regeneration using the protoplasts of Arabidopsis suspension-cultured cells.
Hye-Kyoung Kwon, Ryusuke Yokoyama, Kazuhiko Nishitani (Tohoku Univ., Grad. Sch. Life Sci.)
- 3PA-261 シロイヌナズナエンド型キシログルカン転移酵素/加水分解酵素 (XTH) 遺伝子ファミリーの T-DNA 挿入突然変異体を用いた網羅的機能解析
鎌田 紳太郎, 松井 章浩, 横山 隆亮, 西谷 和彦 (東北大・院・生命科学)
- 3PA-262 根特異的な発現を示すシロイヌナズナ XTH 遺伝子群の機能解析
大里 徳恵, 横山 隆亮, 西谷 和彦 (東北大・院・生命科学)

- 3PA-263 シロイヌナズナにおける時計関連疑似レスポンスレギュレーター, APRR1/TOC1 とイネにおけるオーソログ, OsPRR1 の比較解析
多湖 泰裕, 村上 正也, 山篠 貴史, 水野 猛 (名大院・生命農)
- 3PA-264 発色団改変植物体の光応答解析によるフィトクロムの構造と機能に関する研究
嘉美 千歳¹, 向川 佳子^{1,2}, 村本 拓也², 小林 聡和^{1,2}, 河内 孝之² (1 奈良先端大・バイオサイエンス, 2 京大・院生命科学)
- 3PA-265 光受容能をもつフィトクロムの大腸菌発現系の構築
小林 聡和^{1,2}, 村本 拓也¹, 嘉美 千歳², 向川 佳子^{1,2}, 河内 孝之¹ (1 京大・院生命科学, 2 奈良先端大・バイオサイエンス)
- 3PA-266 高等植物の光呼吸系で働くペルオキシソーム型 GGAT 遺伝子の過剰発現によるアミノ酸含量の改変
五十嵐 大亮¹, 土田 博子², 宮尾 光恵², 大住 千栄子¹ (1 味の素ライフサイエンス研究所, 2 農業生物資源研究所)
- 3PA-267 レポーター遺伝子を用いた植物のアミノ酸代謝関連遺伝子発現解析
土器屋 祐子, Zhong Peking, 晴峰 賢一, 石渡 裕, 五十嵐 大亮, 大住 千栄子 (味の素(株)ライフサイエンス研究所)
- 3PA-268 植物におけるアミノ酸と遺伝子発現の網羅的な解析
五十嵐 大亮, 石渡 裕, 大住 千栄子 (味の素(株)ライフサイエンス研究所)
- 3PA-269 血管内皮細胞シート / 肝細胞重層化共培養モデルにおける血管内皮マーカーおよび肝類洞マーカーの定量解析
白井 暢子¹, 田中 順三¹, 岡野 光夫^{1,2}, 谷口 彰良¹ (1 物質・材料研究機構 生体材料研究センター, 2 東京女子医科大学 先端生命医科学研究所)
- 3PA-270 カイコ幼虫腸管の薬物透過における分子量および油水分配係数の影響
浜本 洋¹, 嘉村 格士郎¹, 村上 和久², 三田 智文¹, 関水 和久¹ (1 東大院・薬, 2 塩野義製薬)
- 3PA-271 The first step of extraction of proteins associated with cryoprotect pretreatment
Yuko Momose, Hitoshi Iwahashi (AIST)
- 3PA-272 枯草菌 *spo0A* 変異株の溶菌抑制に関する解析
児玉 武子^{1,4}, 掛下 大視^{1,2}, 中村 幸治², 山根 國男^{2,3}, 尾崎 克也¹, 関口 順一⁴ (1 花王・生物研, 2 筑波大・生命環境科学, 3 食総研, 4 信州大・繊維・応生)
- 3PA-273 倒立型走査型プローブ顕微鏡 (SPM) システムを用いた生物試料の観察
白川部 喜春¹, 二瓶 亜三子¹, 繁野 雅次¹, 松沢 修¹, 井上 明¹, 大谷 敏郎², 関口 博史², 村松 宏³, Jong-Min Kim³ (1 セイコーインスツル(株)NDprj, 2 (独) 食品総合研究所, 3 東京工科大学 パイオニクス学科)

.....(5a DNA・RNA 工学)

- 3PA-274 C31 インテグラーゼによるカイコ染色体上での部位特異的遺伝子導入
中山 岳¹, 李 在萬¹, 日下部 宜宏¹, 河口 豊¹, 古賀 克己¹, 神田 俊男², 田村 俊樹² (1 九州大・院・農, 2 農業生物資源研究所)
- 3PA-275 Multisite Gateway 法による多遺伝子の同時導入・発現クローンの構築 1: Modular Destination ベクターの考案による複数 (4 ~ 8) 種 DNA 断片連結法
曾根 岳史¹, 岸根 弘依^{1,3}, 矢幡 一英^{1,2}, 佐々木 ゆかり^{1,2}, 榎本 哲郎³, 井上 健^{1,4}, 今本文男¹ (1 阪大・微研・分子生物学, 2 阪大・院薬, 3 オリエンタル酵母工業(株), 4 阪大・院理)
- 3PA-276 Multisite Gateway 法による多遺伝子の同時導入・発現クローンの構築 2: 細胞内の本来生理的レベルに近づけるための導入遺伝子発現量の制御
矢幡 一英^{1,2}, 岸根 弘依^{1,3}, 曾根 岳史¹, 佐々木 ゆかり^{1,2}, 田中 宏光¹, 西村 博美^{1,3}, 今本文男¹ (1 阪大・微研・分子生物学, 2 阪大・院薬, 3 オリエンタル酵母工業(株))

- 3PA-277 Multisite Gateway 法による多遺伝子の同時導入・発現クローンの構築 3: IRES を用いた真核細胞の人工オペロン系の開発
佐々木 ゆかり^{1,2}, 曾根 岳史¹, 矢幡 一英^{1,2}, 岸根 弘依^{1,3}, 榎本 哲郎³, 井上 健^{1,4}, 今本 文男¹ (¹ 阪大・微研・分子生物学, ² 阪大・院薬, ³ オリエンタル酵母工業(株), ⁴ 阪大・院理)
- 3PA-278 Multisite Gateway 法による多遺伝子の同時導入・発現クローンの構築 4: HS4 インスレーター・カセットによる近接遺伝子間の転写緩衝効果の緩和
矢幡 一英^{1,2}, 曾根 岳史¹, 井上 健^{1,3}, 佐々木 ゆかり^{1,2}, 岸根 弘依^{1,4}, 今本 文男¹ (¹ 阪大・微研・分子生物学, ² 阪大・院薬, ³ 阪大・院理, ⁴ オリエンタル酵母工業(株))
- 3PA-279 ES 細胞染色体へ複数種遺伝子の同時導入・発現を行うための Multisite Gateway 法を利用した改良型 Flp/FRT システムの開発
岸根 弘依^{1,3}, 曾根 岳史¹, 矢幡 一英^{1,2}, 佐々木 ゆかり^{1,2}, 今本 文男¹ (¹ 阪大・微研・分子生物学, ² 阪大・院薬, ³ オリエンタル酵母工業(株))
- 3PA-280 Multisite Gateway 法による多目的発現クローンの構築: プロモーターと IRES の組み合わせによる発現量自在調節系の開発
榎本 哲郎¹, 佐々木 ゆかり^{2,3}, 曾根 岳史², 矢幡 一英^{2,3}, 岸根 弘依^{1,2}, 今本 文男² (¹ オリエンタル酵母工業(株), ² 阪大・微研・分子生物学, ³ 阪大・院薬)
- 3PA-281 A novel application of macrocyclic tetraamine zinc (II) complex for specificity-enhanced DNA polymerase chain reactions
Eiji Kinoshita, Emiko Kinoshita-Kikuta, Tohru Koike (Hiroshima Univ., Grad. Sch. Biomed. Sci.)
- 3PA-282 フェロセン化ナフタレンジイミドを利用した新規電気化学的テロメラーゼ検出法
佐藤 しのぶ¹, 水元 一博², 野島 高彦¹, 竹中 繁織¹ (¹ 九大院工, ² 九大院医)
- 3PA-283 ヒトジストロフィン遺伝子全ゲノム領域が転座した人工染色体を保持したマウスの作製
木村 健太¹, 早坂 美智子¹, 黒岩 義巳², 香月 康宏³, 押村 光雄³, 富塚 一磨², 花岡 和則¹ (¹ 北里大学・理・生物科学・分子発生, ² キリンビール医薬探索研, ³ 鳥取大学・院医・大学院・機能再生医科学)
- 3PA-284 高効率な一方方向性サブクロニング法の確立と大規模ファージディスプレイライブラリー作製への応用
田中 寅彦¹, 渡辺 則幸¹, 笹岡 俊邦² (¹ 国立精神・神経セ 神経研, ² 自然科学研究機構 基生研)
- 3PA-285 演題取消
- 3PA-286 新規 HAC ベクターによる間葉系幹細胞の分化に伴う組織特異的遺伝子発現
任 鮮英¹, 加藤 基伸², 柴田 弘太郎³, 戸口 淳也³, 押村 光雄⁴ (¹ 鳥取大・院医, 生命科学, ² 鳥取大・院医, ゲノム医工学, ³ 京大・再生研, ⁴ 鳥取大・院医, 機能再生医科学)
- 3PA-287 1 個の B 細胞から抗体遺伝子を効率よく増幅する方法の開発
小澤 龍彦¹, 近藤 佐千子¹, 本多 立¹, 時光 善温^{1,2}, 田尻 和人^{1,2}, 門脇 慎¹, 本木 和美¹, 岸 裕幸¹, 村口 篤¹ (¹ 富山医薬大・医・免疫, ² 富山医薬大・医・第三内科)
- 3PA-288 核マトリクス結合領域によるタバコ培養細胞の形質転換効率の向上
白井 菊子¹, 福田 裕二^{1,2} (¹ 産総研・特許生物寄託センター, ² 産総研・生物機能工学)
- 3PA-289 出芽酵母ミニ染色体の分断と脱落を利用した新しい遺伝子機能解析システム
山岸 一雄¹, 杉山 峰崇^{1,2}, 金子 嘉信^{1,2}, 原島 俊^{1,2} (¹ 阪大院・工・応生, ² NEDO)
- 3PA-290 染色体分断技術を用いた出芽酵母ゲノムの大規模改変技術の開発
杉山 峰崇^{1,2}, 中澤 利雅¹, 生嶋 茂仁¹, 隅谷 孝洋^{2,3}, 中村 純^{2,3}, 西沢 正文^{2,4}, 金子 嘉信^{1,2}, 原島 俊^{1,2} (¹ 阪大院 工 応用生物, ² NEDO, ³ 広大 情報メディア, ⁴ 慶応大 医 微生物)
- 3PA-291 迅速重亜硫酸修飾反応: シトシンからウラシルへの変換を 20 分で
白石 昌彦¹, 根岸 和雄², 早津 彦哉³ (¹ 国立がんセ・研・DNA メチル化とゲノム機能プロジェクト, ² 岡山大・自然生命科学研究支援センター, ³ 就実大・薬)
- 3PA-292 in vitro selection and evolution of protease-inhibitory DNA aptamers starting with a YLBS-library
Mohammed Naimuddin¹, Yasunori Kinoshita², Masato Ito², Koichirou Kitamura¹, Akira Kuniwake², Yoko Honda¹, Chuya Yoshida², Kenji Yamamoto³, Koichi Nishigaki^{1,2} (¹ REDS Group, Saitama Bio-Project, SKIP City, 3-12-18, Kamiaoki, Kawaguchi, Saitama., ² Dept. of Functional Materials Science, Saitama University, 255 Shimo-okubo, Saitama., ³ Department of Pharmacology, Kyushu University, Higashi-ku, Fukuoka 812-8582)

- 3PA-293 組織切片中の標的タンパク質に結合するアプタマーの探索法の開発
池袋 一典¹, 野間 崇央¹, 早出 広司¹, 大久保 卓哉^{2,3}, 逆瀬川 裕二^{2,3}, 八谷 如美^{2,3}, 金子 清俊^{2,3} (¹ 東京農工大・院工・生命工, ² 国立精神・神経センター神経研, ³ 独立行政法人科学技術振興機構)
- 3PA-294 ヒト人工染色体を利用した遺伝子導入
鈴木 伸卓, 岡崎 恒子, 池野 正史 (藤田保健衛生大・総医研)
- 3PA-295 走査型プローブ顕微鏡技術のゲノム解析への適用
杉山 滋¹, 塚本 和己¹, 吉野 智之¹, 桑崎 誠剛², 高橋 宏和², 末次 克行², 生川 潤子², 山本 公子², 大谷 敏郎¹ (¹ 食総研, ² 生物研)
- 3PA-296 SNOM/AFM によるダイレクトマッピングのためのカイコ染色体 FISH 法の開発
桑崎 誠剛¹, 吉野 智之², 杉山 滋², 高橋 宏和¹, 末次 克行¹, 生川 潤子¹, 三田 和英¹, 大谷 敏郎², 山本 公子¹ (¹ 生物研, ² 食総研)
- 3PA-297 In vitro における新規の染色体特異的 DNA 単離および増幅法
高橋 宏和¹, 桑崎 誠剛¹, 末次 克行¹, 生川 潤子¹, 三田 和英¹, 杉山 滋², 大谷 敏郎², 山本 公子¹ (¹ 生物研, ² 食総研)
- 3PA-298 腫瘍標的治療用麻疹ウイルスベクターの開発
関 貴弘, 小原 恭子, 黄 瑛, 甲斐 知恵子 (東大・医科研・実験動物)
- 3PA-299 ブリッジヌクレオチド (bridging nucleotide) による cDNA library からの one-day gene cloning 法の開発 (1) : blue and white plasmid を用いたモデル実験
西村 研吾¹, 矢富 敬人², 児山 洋平¹, 日方 幹雄⁴, 榎本 平^{1,2,3} (¹ 神戸大院・総合人間, ² 神戸大・発達, ³ 神戸大院・自然科学, ⁴ JSR (株))
- 3PA-300 ブリッジヌクレオチド (bridging nucleotide) による cDNA library からの one-day gene cloning 法の開発 (2) : Multi-step gene trap 法
榎本 平^{1,2,3}, 西村 研吾¹, 矢富 敬人², 児山 洋平¹, 日方 幹雄⁴ (¹ 神戸大院・総合人間, ² 神戸大・発達, ³ 神戸大院・自然科学, ⁴ JSR (株))
- 3PA-301 ブリッジヌクレオチド (bridging nucleotide) による cDNA library からの one-day gene cloning 法の開発 (3) : cDNA plasmid library の形状の影響
児山 洋平¹, 西村 研吾¹, 矢富 敬人², 日方 幹雄⁴, 榎本 平^{1,2,3} (¹ 神戸大院・総合人間, ² 神戸大・発達, ³ 神戸大院・自然科学, ⁴ JSR (株))
- 3PA-302 2 つの遺伝子の同時クローニングが可能な植物形質転換用 Dual Site Gateway Binary Vector の開発と利用
大岡 誉¹, 日野 武志¹, 石黒 澄衛², 木村 哲哉³, 中川 強¹ (¹ 島根大・総科センター・遺伝子, ² 名古屋大院・生命農, ³ 三重大・生物資源)
- 3PA-303 極微量発現遺伝子・極微量検体を解析可能な DNA チップの開発
薮野 邦久¹, 野村 修¹, 瀧井 有樹¹, 妙本 陽¹, 市川 真紀子¹, 中村 史夫¹, 日笠 雅史¹, 秋山 英雄¹, 信正 均¹, 塩島 聡², 辻本 豪三² (¹ 東レ株式会社・先端融合研究所, ² 京大・院・ゲノム創薬)
- 3PA-304 自動マイクロインジェクション装置を使用した新規アプリケーションの開発
宮本 巧輝¹, 大谷 秀二¹, 長尾 洋昌², 佐藤 裕子² (¹ 富士通株式会社 バイオ IT 事業開発本部 マイクロインジェクションプロジェクト, ² 国立国際医療センター研究所 臨床病理研究部 超微細構造研究室)
- 3PA-305 A rapid method for isolating high affinity RNA aptamers using Surface Plasmon Resonance (Biacore)
Tomoko Misono^{1,2}, Penmetcha Kumar¹ (¹ AIST, Inst.Biol.Reso.Func., ² Univ. of Tsukuba, Dept. Life Env.Sci.)
- 3PA-306 水中の RNase 活性の電気化学的モニタリング法の開発
金沢 旬宣¹, 柴田 美香¹, 佐藤 しのぶ², 野島 高彦², 竹中 繁織² (¹ 日本ミリポア, ² 九大院工)
- 3PA-307 高分子多孔質メンブランを用いた迅速かつ簡便な核酸抽出法
森 寿弘, 牧野 快彦, 竹下 由美子, 岩木 義英, 駒澤 宏幸, 大友 弘子, 半戸 里江, 天野 芳和 (富士写真フイルム株式会社)
- 3PA-308 遺伝子修復アッセイのための微量 SNP 検出方法の開発
池島 三与子, 島田 隆 (日本医大・第二生化学)

- 3PA-309 Purging プライマーを用いた PCR による簡便かつ効率的な SNP タイピング法
瀧屋 俊幸¹, 瀬戸 泰裕¹, 安田 秀世¹, 鈴木 徹², 河合 啓一³ (¹ 日本製粉・中研, ² 岐阜大・生命科学総合実験センター, ³ 岐阜大・応用生物科学部)
- 3PA-310 固相担体を用いた BAMPER 法による Multiplex-SNP 解析
谷口 妃代美¹, 松永 浩子¹, 野田 英之², 梶山 智晴², 矢澤 義昭², 永井 啓一¹, 山田 和成³, 吉田 安子³, 川瀬 三雄³ (¹ 日立製作所基礎研究所, ² 日立製作所中央研究所, ³ 日本ガイシ株式会社)
- 3PA-311 1 塩基多型の新規検出方法の開発：ミスマッチ塩基対と金属イオンとの特異的な結合の利用
鳥越 秀峰¹, 川橋 幸史¹, 高森 絢子¹, 小野 晶² (¹ 東理大・理・応用化学, ² 都立大・院理・化学)
- 3PA-312 LAMP 法を応用した迅速・精確な SNP 検出法の開発～ exo-proofreading 活性を用いて～
葛原 陽子, 米川 俊広, 岩崎 匡臣, 神田 秀俊, 納富 継宣 (栄研化学株式会社)
- 3PA-313 LAMP 法を用いた簡易・迅速な SNP 検出～ poly-ethylenimine を用いた検出～
平野 剛史, 森 安義, 米川 俊広, 納富 継宣 (栄研化学株式会社)
- 3PA-314 希土類蛍光標識を用いたアレイ上での ligation-based SNP assay
井川 恵介¹, 牧内 正男¹, 橋野 仁一^{2,3}, 松本 和子^{1,3} (¹ 早大・理工, ² 早大・理工総研, ³ CREST)
- 3PA-315 希土類蛍光標識を用いた PNA プローブによる一塩基変異検出
伊藤 雅浩¹, 橋野 仁一^{2,3}, 松本 和子^{1,2,3} (¹ 早大理工, ² 早大理工総研, ³ CREST)
- 3PA-316 アレル間の遺伝子発現の高度定量的比較による塩基配列多型・表現型関連の解析
村上 善則¹, 磯貝 香奈^{1,2}, 富田 裕之^{1,3}, 丸山 智子¹, 日高 章雄⁴, 野瀬 清², 菅野 康吉^{4,5}, 金子 明博⁶ (¹ 国立がんセ・研・がん抑制, ² 昭和大・薬・微生物, ³ 日立製作所・ライフサイエンス, ⁴ 国立がんセ・中病・臨床検査, ⁵ 栃木がんセ・がん遺伝子, ⁶ 国立がんセ・中病・眼科)
- 3PA-317 定量的増幅が可能な DNA タグ配列
酒井 洋子^{1,2}, 馬渡 頼子¹, 後藤 理¹, 早川 貴之¹, 陶山 明^{1,2} (¹ 東大院・総合文化・生命環境科学, ² JST CREST)
- 3PA-318 核酸増幅技術を用いた自律型生体分子コンピュータ
持田 哲宏, 木賀 大介, 瀧ノ上 正浩, 陶山 明 (東大院・総合文化・生命環境科学)
- 3PA-319 ヌクレオシド系抗癌剤の作用増強を目的とした複製型-ヌクレオシドキナーゼ遺伝子ベクターの構築
伊藤 麻名, 原島 秀吉, 紙谷 浩之 (北大院・薬)
- 3PA-320 DNA1 分子でプログラムを実装する分子機械の動作解析
小宮 健¹, 坂本 健作², 横山 茂之², 萩谷 昌己¹, ジョン・アンソニー・ローズ¹ (¹ 東大・院情理・コンピュータ科学, ² 同・院理・生化)
- 3PA-321 バイオストランド技術を用いた簡易型 DNA アレイシステムの開発
朝比奈 潤子¹, 吉田 麻美子¹, 銀屋 治巳¹, 浅野 勉¹, 池田 秀雄¹, 瀬川 修¹, 田島 秀二¹, 森谷 眞紀², 国香 清², 板倉 光夫² (¹ プレシジョン・システム・サイエンス(株), ² 徳島大学ゲノム機能研究センター)
- 3PA-322 バイオストランドシステムを用いた SNPs 解析
松下 良平¹, 宮下 雪子², 朝比奈 潤子², 吉田 麻美子², 高橋 正明², 養王田 正文², 田島 秀二¹ (¹ 東京農工大学・工, ² プレシジョン・システム・サイエンス(株))
- 3PA-323 無細胞転写翻訳系を用いたプロテインアレイ系の作製
萩原 央子¹, 菅野 徳子¹, 佐藤 正明¹, 高瀬 久美子¹, 大橋 澄子¹, 佐野 元昭¹, 朝比奈 潤子², 吉田 麻美子², 澤上 一美², 瀬川 修², 田島 秀二², 町田 雅之¹ (¹ 産総研・生物機能, ² プレシジョン・システム・サイエンス)
- 3PA-324 MESA 型チップ：誘電効果を用いた濃縮による高性能チップの開発
近藤 恭光¹, 島村 貴之^{1,2}, 大塚 淳之介^{1,2}, 雨宮 智之¹, 田代 英夫¹ (¹ 理研・田代分子計測, ² 青学大・理工)
- 3PA-325 MESA 型チップにおける DNA 濃縮のリアルタイム観察
島村 貴之^{1,2}, 近藤 恭光¹, 大塚 淳之介^{1,2}, 雨宮 智之¹, 田代 英夫¹ (¹ 理研・田代分子計測, ² 青学大・理工)

- 3PA-326 逐次合成型オリゴ DNA チップの開発
小原 太輔, 黒岩 孝朗, 秋山 淳, 石川 尚弘, 五所尾 康博, 山崎 信介 (株式会社 山武)
- 3PA-327 DNA の自己組織化を利用したナノスケールの構造体作製
西 健太郎¹, 酒井 伸也¹, 浅川 剛¹, 水野 里香², 米田 和弘², 岡田 孝夫², 林 健志¹ (¹ 九大・生医研・遺伝情報, ² (株) 生体分子計測研究所)
- 3PA-328 RNAi 法を用いたイソキノリンアルカロイド生合成系の遮断と代謝変動
藤井 名苗, 乾 貴幸, 竹村 知也, 佐藤 文彦 (京都大学・生命科学)
- 3PA-329 リボザイムを用いた新しい遺伝暗号システムの構築
村上 裕¹, KOUROUKLIS DIMITRIOS², 菅 裕明^{1,2} (¹ 東京大学 先端研, ² ニューヨーク州立大学 パッファロー校 化学科)
- 3PA-330 アテロコラーゲンによる siRNA の全身投与とその有効性の検討
竹下文隆¹, 生田目 奈知^{1,2}, 水口 佳子³, 本間 紀美^{1,4}, 加藤 尚志², 落谷 孝広¹ (¹ 国立がんセ・研・がん転移, ² 早稲田大・教育・理・生物, ³ 住友製薬, ⁴ 株式会社高研)
- 3PA-331 RNA polymerase II 系プロモーターを用いた新規 siRNA 発現系の開発
柴田 篤志, 岩城 明子, 服巻 保幸 (九大・生医研・遺伝情報・ゲノム機能)
- 3PA-332 新規人工トランス型リボザイムの設計, 構築および試験管内進化
松村 茂祥, 井川 善也, 井上 丹 (京大院・生命科学)
- 3PA-333 KRAS の C 末端を標的とした RNA アプタマー
田中 陽一郎^{1,2}, 小黒 明広², 大津 敬², 赤木 究¹, 中村 義一², 神津 知子¹ (¹ 埼玉県立がんセ・臨床腫瘍研究所, ² 東大・医科研)
- 3PA-334 ショウジョウバエ GAGA 因子に結合する RNA アプタマーの解析
平芳 一法, 法邑 賢一 (京都大・再生研)
- 3PA-335 TBP 特異的 RNA アプタマーを用いた転写調節機構の解析
法邑 賢一, 平芳 一法 (京都大・再生研)
- 3PA-336 HIV-1 vif shRNA および hu-APOBEC3G の共発現による HIV-1 感染阻害
羽生 勇一郎¹, 高波 華恵¹, 山口 和也¹, Jacob Barnor¹, 黒崎 直子^{1,2}, 高久 洋^{1,2} (¹ 千葉工大・工・生命環境, ² 千葉工大・ハイテク)
- 3PA-337 マイクロアレイ実験における誤差発生要因の検討とモデル化
目黒 俊幸, 梅澤 英将, 厚井 融, 榎木 博昭, 村上 康文 (株式会社 バイオマトリックス研究所)
- 3PA-338 化学発光 DNA マイクロアレイによる p53 RNAi ノックダウン細胞の網羅的遺伝子発現解析
安藤 俊哉¹, 川崎 広明², 小野崎 登喜郎¹, 水嶋 まり¹, 坂爪 修¹, 石倉 清秀¹, 多平良 和誠² (¹ アプライドバイオシステムズジャパン(株), ² 東大院・工・化学生命工)
- 3PA-339 特定のエクソン-エクソン境界を検出する TaqMan® プローブ・プライマーの設計
小野崎 登喜郎, 安藤 俊哉, 水嶋 まり, 白神 博, 横本 敬紀, 坂爪 修, 石倉 清秀 (アプライドバイオシステムズジャパン株式会社)
- 3PA-340 細胞分裂特異的遺伝子の選別に向けた温度感受性変異細胞株 tsFT210 由来 RNA の数種の異なる技法による DNA マイクロアレイ解析
飯塚 直美¹, 清水 英子¹, 鮫島 永子¹, 太田 智弥¹, 磯 奈緒美¹, 厚井 融¹, 梅澤 英将¹, 榎木 博昭¹, 大津 正也², 栗原 涉², 郡司 涉², 宇津木 孝彦³, 花岡 文雄⁴, 村上 康文^{1,2,3} (¹ (株) バイオマトリックス研究所, ² 東京理科大・院・基礎工・生物工, ³ 東京理科大・院・ゲノム創薬研究センター, ⁴ 理研・和光・細胞生理研)
- 3PA-341 有機塩素化合物の嫌氣的脱塩素化に関わる微生物コンソーシアの解析
小林 愛¹, 海老澤 舞子¹, 宮下 雪子², 百瀬 潤子², 高橋 正明², 田島 秀二², 臺場 昭人^{1,3}, 西村 実^{1,4}, 養王 田 正文¹ (¹ 東京農工大学大学院工学教育部, ² プレシジョン・システム・サイエンス, ³ ジェー・ジー・エス, ⁴ アイ・エス・ソリューション)
- 3PA-342 ゲノムデザイン学: 枯草菌ゲノムベクターへのラン藻 *Synechocystis* sp. PCC6803 ゲノム DNA の完全クローニング
板谷 光泰, 柘植 謙爾, 小泉 真貴, 藤田 京子 (三菱化学生命研)

- 3PA-343 **ゲノムデザイン学：枯草菌ゲノムベクターを経由するマウスミトコンドリアゲノム DNA の完全長クローニング**
藤田 京子, 柘植 謙爾, 佐久間 裕子, 板谷 光泰（三菱化学生命研）
- 3PA-344 **ゲノムデザイン学：BGM ベクター中の contig クローンの連結 - マウス *jmj* ゲノム遺伝子領域の完全クローニング**
金子 真也, 柘植 謙爾, 竹内 隆, 板谷 光泰（三菱化学生命研）
- 3PA-345 **ゲノムデザイン学：OGAB 法を用いた効率的な集積ゲノムライブラリーの構築法**
柘植 謙爾, 松井 邦子, 板谷 光泰（三菱化学生命研）
- 3PA-346 **分裂酵母染色体変化法の効率化**
平島 匡太郎, 東田 英毅, 熊谷 博道, 浜 祐子（旭硝子・ASPEX 事業推進部）
- 3PA-347 **分裂酵母異種蛋白質生産株の網羅的遺伝子発現解析**
東田 英毅, 熊谷 博道, 浜 祐子（旭硝子・ASPEX 事業推進部）
- 3PA-348 **HiCEP 法を用いたシスプラチン耐性卵巣癌細胞株に特異的に発現する遺伝子群の同定**
佐々木 直一^{1,2}, 松本 和子¹, 中原 麻希¹, 青塚 聡^{1,3}, 松葉 恭一³, 井上 循³, 磯西 成治⁴, 安田 允⁴, 石川 博⁵, 日下部 守昭^{3,5,6}（¹日清紡, ²メッセンジャー・スケープ社, ³アロカ（株）ANB 筑波研究所, ⁴慈恵医大・産婦人科, ⁵慈恵医大・解剖, ⁶財）動繁研）
- 3PA-349 **RefSeq の制限酵素フラグメント仮想解析による高網羅度遺伝子発現解析（HiCEP）法のトランスクリプトーム測定能力推定**
佐藤 伸司¹, 福村 龍太郎², 三井 悦子², 笠間 康次², 安倍 真澄², 齋藤 俊行²（¹メイズ・八積開発室, ²放医研・発現ネット）
- 3PA-350 **HiCEP 法による登熟期コムギ種子における網羅的遺伝子発現解析**
菊池 洋介¹, 木下 眞喜子², 衣笠 公博², 内田 浩二², 早川 克志¹, 本井 博文¹（¹㈱日清製粉グループ本社, ²オリエンタル酵母工業㈱）
- 3PA-351 **ポプラにおける外来遺伝子発現の安定化に対するタバコ核マトリックス結合領域の及ぼす影響**
小倉 啓司, 川上 泰, 本條 秀子（産創研, 生物学）
- 3PA-352 **G-キャッピング：簡便で高効率の完全長 cDNA ライブラリー作製法**
加藤 誠志¹, 大床 国世¹, 大竹 秀紀¹, 木村 知子²（¹国立リハビリセンター研・障害工学, ²日立計測器サービス（株））
- 3PA-353 **G-キャッピング法を用いて作製した完全長 cDNA ライブラリーの品質評価**
大床 国世¹, 大竹 秀紀¹, 木村 知子², 加藤 誠志¹（¹国立リハビリセンター 研・障害工学, ²日立計測器サービス（株））
- 3PA-354 **微量試料の包括的遺伝子発現解析に向けた SAGE プロトコルの改良とその応用**
堀内 祥平¹, 木村 穂²（¹東海大・院医, ²東海大・医・基礎医学系）
- 3PA-355 **動物細胞において有用性の高い改良型 FLP の検索と比較検討**
近藤 小貴, 道下 徹子, 伊藤 佳納, 高橋 ゆず香, 鐘ヶ江 裕美, 斎藤 泉（東大医科研・遺伝子解析）
- 3PA-356 **部位特異的組換え酵素 FLP 発現 293 細胞株を用いたヘルパー依存型アデノウイルスベクター作製法の検討**
福田 尋充¹, 近藤 小貴¹, 道下 徹子¹, 高橋 ゆず香¹, 越川 道子¹, 渡辺 秀美代^{1,2}, 鐘ヶ江 裕美¹, 斎藤 泉¹（¹東大医科研・遺伝子解析, ²東大病院・腎臓内分内分泌科）
- 3PA-357 **RIKEN DNA Bank の活動**
久次米 夕佳里, 廣瀬 めぐみ, 井鍋 久美子, 寺島 美保, 山本 美幸, 山崎 孝仁, 山岡 早苗, 鶴飼 英世, 木村 誠, 村田 武英, 横山 和尚（理研 BRC 遺伝子材料開発室）
- 3PA-358 **組換えウイルスコアバンク：完全長 cDNA を搭載した組換えアデノウイルス用シャトルベクターの作製**
井鍋 久美子, 鶴飼 英世, 寺島 美保, 廣瀬 めぐみ, 山崎 孝仁, 山本 美幸, 久次米 夕佳里, 木村 誠, 村田 武英, 横山 和尚（理研・BRC・遺伝子材料開発室）
- 3PA-359 **アデノウイルスの簡便精製法の評価**
寺島 美保, 鶴飼 英世, 廣瀬 めぐみ, 井鍋 久美子, 山崎 孝仁, 久次米 夕佳里, 山岡 早苗, 山本 美幸, 木村 誠, 村田 武英, 横山 和尚（理研・BRC・遺伝子材料開発室）

- 3PA-360 組換え p53 アデノウイルスの自然発生変異に関する研究
横山 和尚, 鶴飼 英世, 井鍋 久美子, 寺島 美保, 山崎 孝仁, 広瀬 めぐみ, 久次米 夕佳里, 山本 美幸, 山岡 早苗, 木村 誠, 村田 武英 ((独) 理化学研究所, BRC, 遺伝子材料開発室)
- 3PA-361 ヒト・プロモーターバンクの創設と整備事業
山岡 早苗, 山崎 孝仁, 広瀬 めぐみ, 井鍋 久美子, 寺島 美保, 山本 美幸, 鶴飼 英世, 木村 誠, 村田 武英, 横山 和尚 (理研・BRC・遺伝子材料開発室)
- 3PA-362 バキュロウイルス形質転換法を利用した RNAi によるノックダウンベクターの開発
荒神 佳人, 李 在萬, 日下部 宣宏, 河口 豊 (九州大, 院, 農)
- 3PA-363 カイコ培養細胞における Tet-on system を用いた遺伝子発現誘導システムの構築
唐崎 紀子, 門 宏明, 河口 豊, 日下部 宣宏 (九州大・院・農)
- 3PA-364 新規リプレッサーを用いたテトラサイクリン依存性遺伝子発現システムの改良
早川 朋子¹, 河野 通良¹, 竹田 潤二^{1,2}, 堀江 恭二¹ (¹ 阪大・医, ² 先端科学イノベーションセンター バイオ・生命系)
- 3PA-365 導入遺伝子の発現の安定性における核マトリクス結合領域の影響
清水 久代¹, 福田 裕二^{1,2} (¹ 産総研・特許生物寄託センター, ² 産総研・生物機能工学)
- 3PA-366 リガンド挿入型キメラ Env を持つ標的化レトロウイルスベクターにおけるリガンド鎖長の影響
宮川 敬^{1,2}, 藤田 利香¹, 片根 真澄¹, 天沼 宏¹ (¹ 理研・中央研・分子細胞, ² 東京医歯大・院・医歯学総合)
- 3PA-367 ファージミド/プラスミドから調製した DNA 断片による遺伝子修復効率の向上
土谷 博之^{1,2}, 澤村 知子^{1,2}, 原島 秀吉^{1,2}, 紙谷 浩之^{1,2} (¹ 北大院・薬, ² JST・CREST)
- 3PA-368 放線菌 R4 ファージゲノムの部位特異的組換え機構を利用した遺伝子工学技術の開発
保坂 弥生¹, 西澤 明人¹, 照山 陽子¹, 朝山 宗彦¹, 高橋 秀夫², 白井 誠¹ (¹ 茨城大・農・分子遺伝学, ² 日大・生資料)
- 3PA-369 Enhancement of PCR amplification and sequencing by *Thermus thermophilus* RecA protein
YASUSHI SHIGEMORI^{1,5}, TSUTOMU MIKAWA^{2,4}, TAKEHIKO SHIBATA^{2,3,4}, MICHIO OISHI¹
(¹Kazusa DNA Res. Inst., Dept. Human Gene Res., ²RIKEN, Harima Inst., ³RIKEN, Discovery Res. Inst., ⁴RIKEN, Bio-supramol. Struct.-Func. G., ⁵Aisin Cosmos R&D Co. Ltd., 2nd Res. G. (Biotechnology))
- 3PA-370 Enhancement of rolling circle amplification by *Thermus thermophilus* single-strand DNA binding (SSB) protein
YASUSHI SHIGEMORI^{1,5}, TSUTOMU MIKAWA^{2,4}, TAKEHIKO SHIBATA^{2,3,4}, MICHIO OISHI¹
(¹Kazusa DNA Res. Inst., Dept. Human Gene Res., ²RIKEN, Harima Inst., ³RIKEN, Discovery Res. Inst., ⁴RIKEN, Bio-supramol. Struct.-Func. G., ⁵Aisin Cosmos R&D Co. Ltd., 2nd Res. G. (Biotechnology))
- 3PA-371 Novel Methods for Generating Intracellular Single Chain Antibody
Naoko Ikematsu, Noriko Tadotsu, Yuuichi Yamamoto, Nobuhiro Noro, Takato Noumi, Keizo Yamashita, Shinji Hagiwara (GlaxoSmithKline. K.K., Tsukuba Research Lab.)

.....(5b タンパク質工学)

- 3PA-372 昆虫培養細胞由来無細胞タンパク質合成系を用いた網羅的ヒト cDNA 発現解析
鈴木 崇¹, 長瀬 隆弘², 江連 徹¹, 四方 正光¹, 伊東 昌章¹, 小原 収² (¹ 島津製作所・ライフ研, ² かずさ DNA 研究所)
- 3PA-373 バキュロウイルス発現系におけるカイコ虫体と Sf9 細胞でのタンパク質生産性の比較
長屋 英和, ニツ森 睦美, 飛田 米子, 柿 宏樹, 村山 宗司, 鈴木 健夫 (片倉工業株式会社)
- 3PA-374 バキュロウイルスを用いて昆虫細胞に発現させたケモカイン受容体 CCR1 のリガンド受容体相互作用における G 蛋白質の影響
前田 宜丈¹, 黒木 良太¹, Winfried Haase², Hartmut Michel², Helmut Reiländer² (¹ キリンビール(株)医薬カ
ンパニー医薬探索研究所, ² マックスプランク生物物理研究所)

- 3PA-375 **バキュロウイルス・昆虫細胞発現系を用いたケモカイン受容体 CXCR4 の発現, 精製, 機能評価**
 廣瀬 雅子¹, 奥田 明子¹, 長尾 研二², 西川 光郎², 前田 宜丈², 藤吉 好則^{1,3} (¹(社) バイオ産業情報化コンソーシアム (JBIC) ・生物情報解析研究センター, ² キリンビール(株) 医薬カンパニー 医薬探索研究所, ³ 京都大学大学院 理学研究科)
- 3PA-376 **抗原特異的ヒト抗体を産生する B 細胞からの EBV ゲノムの除去**
 相内 章, 永坂 真也, 大場 浩美, 千葉 丈 (東京理科大・基礎工・生物工)
- 3PA-377 **最適化した DNA 免疫法によるヒトタンパク質に対するマウス抗体の迅速作製**
 藤本 陽¹, 永坂 真也¹, 相内 章¹, 大場 浩美¹, 菅野 純夫², 五島 直樹³, 野村 信夫³, 千葉 丈¹ (¹ 東京理科大・基礎工・生物工, ² 東大・新領域, ³ 産総研・生物情報解析研究センター)
- 3PA-378 **KM マウスを利用した抗細菌毒素ヒト抗体の作製**
 永坂 真也¹, 相内 章¹, 大場 浩美¹, 石田 功², 千葉 丈¹ (¹ 東京理科大・基礎工・生物工, ² キリン医薬カンパニー)
- 3PA-379 **ファージディスプレイ法を用いた修飾酵素の細胞内選択法の開発**
 藤田 聡史^{1,2}, 多木 崇^{1,2}, 岩本 昌大^{1,2}, 多比良 和誠^{1,2} (¹ 東京大学・院工・化生, ² 産総研・ジーンファンクション)
- 3PA-380 **「プロ配列工学」による枯草菌 subtilisin E の基質特異性改変**
 高橋 正和, 石川 健二, 中森 茂, 高木 博史 (福井県大・生物資源)
- 3PA-381 **DNA シャッフリングによるハイグロマイシン耐性マーカーの耐熱化**
 小山 芳典 (産総研・生物機能)
- 3PA-382 **シアノバクテリア及び藻類の光水素発生能の改善を目指した自己集積型ヒドロゲナーゼ-PSI 複合体の設計**
 伊原 正喜¹, 西原 宏史², 仲本 準³, 小島 幸治³, 本間 大奨³, 蒲池 利章¹, 大倉 一郎¹ (¹ 東工大・生命理工・生物プロセス, ² 茨城大・農・分子微生物, ³ 埼玉大・理・代謝)
- 3PA-383 **進化工学的手法を用いた GAD65 熱安定化変異体の獲得**
 深澤 健二, 榊 大地, 渡邊 秀史, 黒田 康勝, 上田 哲也, 深澤 壽太郎, 吉田 充輝 (東理大・基礎工・生物工)
- 3PA-384 **フレームシャッフリング：試験管内進化のための新たなライブラリ作成法**
 柏木 健司^{1,2}, 芝 清隆^{1,2} (¹ 癌研 蛋白創製, ²CREST JST)
- 3PA-385 **細胞内シグナル伝達系の人為的制御を目的とした蛋白質設計**
 橋田 修吉¹, 堀内 正隆¹, 小椋 賢治¹, 住本 英樹², 藤井 博匡³, 稲垣 冬彦¹ (¹ 北大院・薬・構造, ² 九大・生医研, ³ 札医大・保医)
- 3PA-386 **新規タンデムアフィニティタグとクロスリンキングを用いた蛋白質複合体の解析**
 千葉 智子^{1,3}, 太田 一寿^{2,3}, 紀藤 圭治^{2,3}, 伊藤 隆司^{1,2,3} (¹JST・CREST, ²JST・BIRD, ³ 東大・新領域)
- 3PA-387 **ポルトピック型膜蛋白質生成に関与する新規蛋白質同定の試み**
 八木 美佳子¹, 太田 一寿^{2,3}, 山口 知宏¹, 紀藤 圭治^{2,3}, 千葉 智子², 伊藤 隆司^{2,3}, 濱崎 直孝¹ (¹ 九大院・医・臨床検査医学, ²JST・BIRD, ³ 東大・新領域)
- 3PA-388 **遺伝子資源を利用した新規 DNA ポリメラーゼの創製**
 山上 健¹, 鬼塚 尚子¹, 田島 秀二², 河原林 裕³, 石野 良純¹ (¹ 九大・院農・遺資工, ² プレシジョンシステムサイエンス, ³ 産総研・生物機工)
- 3PA-389 **超好熱古細菌由来 3-イソプロピルリンゴ酸デヒドロゲナーゼから進化分子工学的に得られた 2 重変異低温適応酵素**
 宇野 真由美, 大島 泰郎, 山岸 明彦 (東薬大・生命)
- 3PA-390 **1 つのランダム配列ポリペプチドから高い機能を持つポリペプチドへ進化できるか？**
 林 勇樹¹, 卜部 格², 四方 哲也^{1,2,3,4} (¹ 大阪大・情報・バイオ情報, ² 大阪大・工・応用生物, ³ 大阪大・生命機能, ⁴ 東京大・総合文化)
- 3PA-391 **小麦無細胞タンパク質合成系を用いたイネシキミ酸経路酵素群の機能解析 I**
 菅野 拓也^{1,2}, 笠井 光治², 池尻 (菅野) 泰子¹, 小松 晃^{2,3}, 若狭 暁^{2,3}, 戸澤 譲^{1,2} (¹ 愛媛大・無細胞科工研, ²JST/CREST, ³ 農研機構・作物研)

- 3PA-392 小麦無細胞タンパク質合成系を用いたイネシキミ酸経路酵素群の機能解析 II
笠井 光治¹, 菅野 拓也^{1,2}, 池尻 (菅野) 泰子², 若狭 暁^{1,3}, 戸澤 譲^{1,2} (1JST/CREST, 2愛媛大・無細胞科
工研, 3農研機構・作物研)
- 3PA-393 無細胞翻訳系を用いたストレス応答 MAPKKK MTK1 の合成
小宮山 慎吾¹, 武川 睦寛^{1,2}, 斎藤 春雄¹ (1東大医科研・分子細胞情報, 2JST・さきがけ研究)
- 3PA-394 小麦胚芽無細胞合成系を用いたハイスループット可溶性ドメイン探索システムの開発
奈良 行訓¹, 田村 正一郎¹, 緒方 浩二¹, 井上 知子¹, 磯村 哲¹, 河野 達三², 戸澤 譲³, 遠藤 弥重太³, 松原
景子¹ (1ゾイジーン株式会社, 2株式会社 三菱化学科学技術研究センター, 3愛媛大・無細胞科工研)
- 3PA-395 小麦胚芽無細胞蛋白質合成系を利用した結晶構造解析用蛋白質の調整: 大腸菌の合成系との比較
長谷川 司, 奈良 行訓, 佐々木 恭子, 芳山 美子, 横田 雄弘, 加藤 良平, 杉尾 成俊, 松原 景子 (ゾイジーン株
式会社)
- 3PA-396 小麦胚芽無細胞蛋白質合成系を活用した蛋白 NMR の簡便スペクトル帰属法
飯原 亜希子¹, 北野 実智子², 松原 景子¹, 河野 俊之² (1ゾイジーン株式会社, 2三菱化学生命科学研究所)
- 3PA-397 IVV 法の応用可能性を高める新規ビューロマイシンリンカーの開発と薬物/蛋白質相互作用解析への応用
佐々木 亨¹, 白鳥 美和¹, 高橋 慶子¹, 佐藤 藍子¹, 高嶋 秀昭², 宮本 悦子², 柳川 弘志², 仲 大地¹ (1ゾイ
ジーン(株), 2慶應大・院理工)
- 3PA-398 IVV 法を用いた Smad3 に結合する蛋白質モチーフの探索と解析
白鳥 美和¹, 江口 睦志¹, 橋本 秀美¹, 鈴木 克彦¹, 宮本 悦子², 柳川 弘志², 仲 大地¹ (1ゾイジーン
(株), 2慶應大・院理工)
- 3PA-399 IVV 法を用いた核内受容体 (PPAR) に結合する蛋白質モチーフの探索と解析
小林 輝章¹, 白鳥 美和¹, 河合 勲二¹, 山下 博史¹, 宮本 悦子², 柳川 弘志², 仲 大地¹ (1ゾイジーン
(株), 2慶應大・院理工)
- 3PA-400 糖転移酵素の無細胞合成とその応用
糟谷 寿子¹, 土居 信英¹, 松村 展敬¹, 西原 祥子², 柳川 弘志¹ (1慶應大・院理工, 2創価大・工)
- 3PA-401 糖転移酵素 -1,4-ガラクトシルトランスフェラーゼ 1 の試験管内進化
松本 英昭, 糟谷 寿子, 土居 信英, 柳川 弘志 (慶應大・院理工)
- 3PA-402 4 塩基コドン/アンチコドン対を用いた哺乳動物生細胞内での遺伝暗号の拡張
瀧 真清, 宍戸 昌彦 (岡山大・工・生物機能)
- 3PA-403 In vitro virus 法によって固定化した mRNA によるタンパク質合成
Biyani Manish¹, 山口 淳一^{1,2,4}, 佐々木 亨³, 白鳥 美和³, 船津 高志², 根本 直人^{1,3,4,5} (1埼玉バイオ/埼玉
県中小企業振興公社, 2早稲田大・理工, 3ジェンコム, 4バイオビジョン・キャピタル, 5産総研・ベンチ
ャー開発センター)
- 3PA-404 アンバー・サブプレッション法によるタンパク質の部位特異的標識
板倉 宏治¹, 本橋 理恵¹, 坂本 健作^{2,3}, 押澤 正⁴, 鈴木 孝昌⁴, 山口 芳樹⁵, 加藤 晃一^{2,5}, 横山 茂之^{2,3,6}
(1第一化学薬品・薬動研, 2理研・GSC, 3東大・院理, 4国立衛研, 5名市大・院薬, 6理研・播磨)
- 3PA-405 高機能化糖結合タンパク質創出へ向けた試験管内選択システムの構築
矢部 力朗¹, 久野 敦², 平林 淳², 地神 芳文^{1,2}, 長谷川 典巳³ (1筑波大院・生命環境, 2産総研・糖鎖工学
セ, 3山形大・理)
- 3PA-406 ピオチン標識アミノ酸のタンパク質の特定部位への導入
村中 宣仁^{1,2}, 宮崎 健太郎¹, 芳坂 貴弘¹ (1北陸先端大・材料, 2JST)
- 3PA-407 4 塩基コドンを用いた非天然アミノ酸導入における周辺塩基配列の影響
白神 かおり¹, 瀧 真清¹, 芳坂 貴弘², 宍戸 昌彦¹ (1岡山大・工・生物機能, 2北陸先端大・材料)
- 3PA-408 非天然アミノ酸を効率よく導入できる tRNA の in vitro セレクション
平良 光^{1,2}, 宍戸 昌彦¹, 芳坂 貴弘² (1岡山大・工・生物機能, 2北陸先端大・材料)
- 3PA-409 種々の蛍光標識非天然アミノ酸の合成とタンパク質への導入評価
阿部 亮二^{1,2}, 小林 修一¹, 芳坂 貴弘¹ (1北陸先端大・材料, 2(株)プロテイン・エクスプレス)

- 3PA-410 蛍光標識アミノ酸の部位特異的導入によるタンパク質間相互作用の検出
大内 政輝, 芳坂 貴弘 (北陸先端大・材料)
- 3PA-411 二種類の蛍光標識アミノ酸の部位特異的導入による蛋白質構造変化の検出
梶原 大介^{1,2}, 宍戸 昌彦², 芳坂 貴弘^{1,3} (1 北陸先端大・材料, 2 岡山大・工・生物機能, 3JST-さきがけ)
- 3PA-412 無細胞タンパク質合成系を用いた嗅覚受容体の合成および精製
田辺 弘明^{1,2}, 石原 豪史², 五島 美絵², 佐伯 美帆呂², 堅田 明子³, 東原 和成³, 白水 美香子^{1,4}, 横山 茂之^{1,4} (1 理研 GSC, 2 東大院・理, 3 東大院・新領域, 4 理研播磨)
- 3PA-413 *Drosophila* S2 細胞ライセートを用いた転写・翻訳共役無細胞タンパク質合成
脇山 素明¹, 海津 陽子¹, 横山 茂之^{1,2,3} (1 理研・GSC, 2 理研・播磨, 3 東大院・理)
- 3PA-414 ヨードチロシンを特異的に認識するアミノアシル tRNA 合成酵素の作成
伊良波 史枝¹, 坂本 健作^{1,2}, 小林 隆嗣², 高橋 正裕², 横山 茂之^{1,2,3} (1 理研・GSC, 2 東大・生化, 3 理研・播磨)
- 3PA-415 高度好熱古細菌由来機能未知タンパク質の構造・機能解析
佐々木 隆志¹, 田中 良和², 安武 義晃², 姚 閔², 田中 勲², 津本 浩平¹, 熊谷 泉¹ (1 東北大・院工・生工, 2 北大・院理・生化)
- 3PA-416 高度好熱性古細菌 *Sulfolobus tokodaii* 由来ペプチジルプロリルシストランス異性化酵素 (PPI) の添加物導入段階透析巻き戻し法への導入
篠崎 直也¹, 田中 良和³, 梅津 光央², 津本 浩平¹, 熊谷 泉¹ (1 東北大・生工・院工, 2 東北大・多元研, 3 北大・院理・生化)
- 3PA-417 二種の発現系を用いて調製した二重特異性抗体 (diabody) の活性評価と比較検討
曾根 由希子¹, 浅野 竜太郎¹, 津本 浩平¹, 林 洋毅², 真壁 幸樹¹, 片寄 友², 海野 倫明², 工藤 俊雄³, 熊谷 泉¹ (1 東北大・院工・生工, 2 東北大・院医・消化器外科, 3 野崎病院)
- 3PA-418 体外免疫法を用いた高親和性抗体分子調製の検討
星野 将人¹, 浅野 竜太郎¹, 津本 浩平¹, 工藤 俊雄², 熊谷 泉¹ (1 東北大・院工・生工, 2 野崎病院)
- 3PA-419 L-アルギニンによる蛋白質可溶化現象を利用した新規再活性化法
新田 茂輝¹, 梅津 光央², 津本 浩平¹, 熊谷 泉¹ (1 東北大・院工・生工, 2 東北大・多元研)
- 3PA-420 古細菌ホーミングエンドヌクレアーゼ I-Apell の基質特異性改変
野村 紀通, 森永 弥生, 左子 芳彦 (京大・院農)
- 3PA-421 非天然アミノ酸, 3-アジドチロシンを利用したカルモデュリンの 1 分子 1 蛍光標識
松井 めぐみ¹, 大野 敏¹, 横川 隆志¹, 平松 俊行², 細谷 孝充², 鈴木 正昭², 合田 正貴³, 林 宣宏³, 西川 一八¹ (1 岐阜大・工・生命工, 2 岐阜大・院医・再生医科学, 3 藤田保衛大・総医研)
- 3PA-422 Tet system における Tet オペレーター繰り返し配列の影響
藤村 浩史, 田中 順子, 後藤 勝年, 三輪 佳宏 (筑波大・基礎医・薬理)
- 3PA-423 昆虫由来不凍蛋白質の単細胞緑藻 *Chlamydomonas reinhardtii* での発現と耐凍性評価
水澤 実加¹, 小嶋 亜希子¹, 福田 裕二^{1,2} (1 産総研・特許生物寄託センター, 2 産総研・生物機能工学)
- 3PA-424 カチオン性ミセルを用いた tRNA の非酵素的アミノアシル化
橋本 直人, 遠藤 嵩正, 二宮 啓子, 瀧 真清, 宍戸 昌彦 (岡山大・工・生物機能工)
- 3PA-425 可視光で励起され蛋白導入が可能な新規蛍光性アミノ酸の開発
岩下 立樹, 瀧 真清, 宍戸 昌彦 (岡山大・工・生物機能)
- 3PA-426 ペプチド核酸を tRNA 認識分子として用いた化学的アミノアシル化
西村 昌樹, 二宮 啓子, 箕畑 俊和, 滝 真清, 宍戸 昌彦 (岡山大・工・生物機能工)
- 3PA-427 金属酸化物認識ペプチドを用いた酸化亜鉛バイオバタニング
梅津 光央¹, 水田 真道¹, 大原 智¹, 高見 誠一¹, 渡邊 秀樹², 津本 浩平², 熊谷 泉², 阿尻 雅文¹ (1 東北大・多元研, 2 東北大院・工・バイオ工)
- 3PA-428 Genetic Chemistry による無機材料表面のサブナノ構造解析
佐野 健一¹, 佐々木 博之², 芝 清隆¹ (1 癌研・蛋白創製 CREST JST, 2 慈恵医大・DNA 研・分子細胞生物)

- 3PA-429 量子化学計算に基づく次世代蛋白質工学の確立
田村 隆, 堀江 敬一, 中山 恵美, 稲垣 賢二 (岡山大・院・自然科学)
- 3PA-430 ヒストン由来正電荷性 23 アミノ酸テイルを用いた組換えイムノジーン法の開発
高柳 淳, 鈴木 正崇, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 3PA-431 タンパク質リンカーを用いた生体高分子アフィニティークロマトグラフィーの開発
笠島 暢之¹, 松井 雅義², 知久 浩之¹, 武内 亮¹, 窪田 宗弘¹, 清住 嘉道³, 花岡 隆昌³, 水上 富士夫³, 坂口 謙吾¹ (1 東京理科大・理工・応用生物, 2 産総研・界面ナノアーキテクトニクス研究センター, 3 産総研・メンブレン化学ラボ)
- 3PA-432 網羅的に作製した抗マウス KIAA 抗体の培養細胞を用いた評価 (1)
稲本 進^{1,2,3}, 尾崎 照道^{3,4}, 南雲 利之³, 渡辺 真理³, 朱 怡³, 古川 智春³, 島田 希代^{1,2}, 長野 美穂子^{1,2}, 古閑 比佐志^{1,2,5}, 本條 秀子³, 馬替 純二^{1,2,3}, 川上 泰³ (1JST-CREATE, 2 千葉県産業振興センター, 3 産創研, 4NEDO 技術者養成事業フェロー, 5 かずさ DNA 研)
- 3PA-433 網羅的に作製した抗マウス KIAA 抗体の培養細胞を用いた評価 (2)
尾崎 照道^{1,2}, 南雲 利之¹, 渡辺 真理¹, 島田 希代^{3,4}, 長野 美穂子^{3,4}, 古閑 比佐志^{3,4,5}, 中島 大輔⁵, 長瀬 隆弘⁵, 小原 収⁵, 本條 秀子¹, 川上 泰¹, 馬替 純二^{1,3,4}, 稲本 進^{1,3,4} (1 産創研, 2NEDO 技術者養成事業フェロー, 3 千葉県産業振興センター, 4JST - CREATE, 5 かずさ DNA 研)
- 3PA-434 HIV-1 Tat PTD 融合タンパク質を利用した遺伝子改変技術の開発
橋本 真由美¹, 逸見 百江¹, 青戸 務¹, 押村 光雄², 佐藤 建三¹ (1 鳥取大・医・分子生物, 2 鳥取大院・医・遺伝子機能工学)
- 3PA-435 細菌ゲノム創薬：蛋白質の二量体形成をターゲットとした薬剤開発研究
古田 英司, 山本 兼由, 建部 大輔, 北山 隆, 内海 龍太郎 (近畿大院・応生化)
- 3PA-436 タンパク質生細胞内導入法による live cell imaging におけるバックグラウンド低減化技術
二見 淳一郎^{1,2,3}, 中西 秀高^{2,3}, 鉄矢 陽子¹, 渡辺 泰宜¹, 木村 修一郎¹, 村田 等¹, 北添 翠¹, 小坂 恵¹, 多田 宏子¹, 妹尾 昌治^{1,4}, 甲斐 敬^{2,3}, 山田 秀徳^{1,3} (1 岡山大・工・生物機能, 2 日本触媒, 3NEDO ダイナミックバイオ, 4 岡山大・医歯工学先端研)
- 3PA-437 カチオン化 SV40T 抗原 N 末端ドメインによる細胞増殖の人工制御
村田 等¹, 阪口 政清², 二見 淳一郎¹, 北添 翠¹, 小坂 恵¹, 多田 宏子¹, 妹尾 昌治¹, 許 南浩², 山田 秀徳¹ (1 岡山大・院自・物質生命工学, 2 医・細胞生物)
- 3PA-438 断片化及び円順列変異解析による (/)。パレルタンパク質のフォールディングユニットの同定
赤沼 哲史^{1,2}, 山岸 明彦^{1,2} (1 東薬大・生命, 2 科技団・バイオインフォ)
- 3PA-439 細胞表面マーカー・マイクロアレイを用いる BALB/c 3T3 細胞とその SV40 形質転換細胞 SV-T2 の比較
拓 亜¹, 平山 幸一², 永岡 唯宏¹, 多田 宏子¹, 山田 秀徳¹, 妹尾 昌治^{1,3} (1 岡山大・院自, 2 東洋鋼鉄株式会社, 3 岡山大・医歯工先端研)
- 3PA-440 Diamond-like Carbon コーティングスライドガラスを用いたヒトペータセルリン変異体アレイによる受容体結合性の解析
永岡 唯宏¹, 多田 宏子¹, 山田 秀徳¹, 岡村 浩², 妹尾 昌治^{1,3} (1 岡山大・院自, 2 東洋鋼鉄(株)・技術研, 3 岡山大・医歯工先端研)
- 3PA-441 免疫グロブリンのヒンジ領域を用いた可溶性 ErbB のデザイン
橋爪 敏浩¹, 永岡 唯宏¹, 多田 宏子¹, 山田 秀徳¹, 妹尾 昌治^{1,2} (1 岡山大・院自, 2 岡山大・医歯工先端研)
- 3PA-442 Tomoregulin の細胞外領域がもつ生物活性の解析
大野 利晃¹, 多田 宏子¹, 山田 秀徳¹, David Salomon², 妹尾 昌治^{1,3} (1 岡山大・院自, 2NCI, NIH, USA., 3 岡山大・医歯工先端研)
- 3PA-443 B 細胞抗原リセプターを利用したターゲティング法の新展開
富田 昌弘^{1,4}, 横田 知章¹, 谷口 貴信¹, 菅生 みつ美¹, 田中 淳一郎¹, 廣部 将人^{2,4}, 郷田 泰弘^{2,4}, 澤田 波奈³, 西野 憲和³, 藤本 茂^{2,4}, 吉村 哲郎¹ (1 三重大・工・分子素材, 2 日本エンバイロケミカルズ, 3 九工大院・生命体工学, 4 地域新生コンソーシアム)

- 3PA-444 磁気ビーズを用いたプロテイン・ディスプレイの開発
大橋 澄子^{1,2}, 金 昱東¹, 萩原 央子¹, 養王田 正文², 町田 雅之¹ (¹産総研・生物機能工学, ²東京農工大・工)
- 3PA-445 固体基板表面上におけるリボソームサブユニットの識別法
松浦 俊彦^{1,2}, 田中 裕行², 松本 卓也², 川合 知二² (¹(株)島津製作所・基盤研, ²阪大・産研)
- 3PA-446 GFP と化学蛍光試薬の分子内蛍光共鳴エネルギー移動 (FRET) を用いた DNase 活性感受性バイオプローブについて
鈴木 美穂^{1,2}, 伊藤 洋一郎³, 伏見 譲^{1,2}, Thomas Kenneth Douglas⁴ (¹埼玉大・工・機能, ²科技団・埼玉県地域結集型共同研究事業, ³阪大・工・応生工, ⁴Univ. of Manchester Sch. Pharm. Pharmaceutical)
- 3PA-447 GFP と化学蛍光試薬の分子内蛍光共鳴エネルギー移動 (FRET) を用いた protease 活性感受性バイオプローブについて
沖 保彦¹, 伊藤 洋一郎², 伏見 譲¹, Kenneth Thomas Douglas³, 鈴木 美穂¹ (¹埼大・工・機能材料, ²阪大院・工・応生工, ³Sch.Pharm.Pharmaceutical., Univ of Manchester)
- 3PA-448 Design of Linker-Extended Zinc Finger Peptides for Expansion of DNA Recognition Codes
Wataru Nomura, Yukio Sugiura (Kyoto Univ. Institute for Chemical Research)
- 3PA-449 形状認識光固定による蛋白質の新規固定化法
星野 文彦, 井川 泰爾, 毛利 誠, 成田 麻美子, 渡辺 修 (豊田中研)
- 3PA-450 SPR バイオセンサーによる汎用的な GPCR リガンドスクリーニング方法の検討
廣木 孝典, 猪股 則行, 末岡 英明, 諏訪 頼正 ((株)リバース・プロテオミクス研究所)
- 3PA-451 Magtration technology を用いたタンパク質自動精製の検討
張 子蓮^{1,2}, 辻村 昌也^{1,2}, 阿久津 純一², 佐々木 真弓^{1,2}, 田島 秀二¹, 河原林 裕² (¹プレジジョン・システム・サイエンス, ²産総研)
- 3PA-452 SPR (表面プラズモン共鳴) 技術を利用した抗体アレイの開発
薄井 (青木) 一恵^{1,2}, 島田 希代^{1,2}, 長野 美穂子^{1,2}, 川井 誠^{1,2}, 古閑 比佐志^{1,2,3} (¹千葉県産業振興センター, ²JST - CREATE, ³かずさ DNA 研究所)
- 3PA-453 植物タンパク質の立体構造解析を目指した高効率タンパク質精製法の確立
角田 由紀, 加藤 静恵, 赤木 香予, 菊池 幸司, 酒井 伸也, 三浦 純, 加藤 悦子 (農業生物資源研究所)
- 3PA-454 Fluorescent Resonance Energy Transfer (FRET) -based indicators of phosphorylation for high throughput cell-based kinase assay
Shunsuke Taguchi¹, Kangmin Yan², Masaaki Furuta³, Yoko Notsu¹, Tamami Takeda¹, Hiromi Fukui¹, Hiroshi Sootome¹, Nobuhiro Noro¹ (¹GlaxoSmithKline K.K. Tsukuba Research Laboratories, ²AIST, ³Medibic)
- 3PA-455 イノシトール 1, 4, 5 三リン酸濃度変化の時空間的解析
松浦 徹^{1,3}, 吉田 学², 井上 貴史^{1,5}, 宮脇 敦⁴, 道川 貴章^{1,5}, 御子柴 克彦^{1,3,5} (¹東大・医科研・脳神経発生分化, ²東大・三崎・臨海, ³理研・脳研・発生神経, ⁴理研・脳研・細胞機能, ⁵科技団・国際プロジェクト)
- 3PA-456 ヒトペルオキシダーゼ増殖活性化受容体 (hPPAR) の無細胞合成における分子シャペロンの可溶化作用
川添 直輝, 美甘 江利子, 川合 知二 (阪大・産研)
- 3PA-457 シャペロニン GroEL の融合による G タンパク質共役型受容体 (GPCR) の大腸菌可溶性画分への発現
秦 純一¹, 田口 英樹^{2,3}, 古谷 昌弘¹ (¹積水化学工業(株)・開発研究所, ²東大・新領域, ³JST・さきがけ)
- 3PA-458 固相合成用樹脂を用いる標的蛋白質分離法の開発
春山 哲也^{1,3}, 武内 亮^{1,3}, 橋本 崇^{2,3}, 渡辺 まどか^{1,3}, 武田 良文³, 大重 真彦³, 倉持 幸司³, 小林 進^{2,3}, 菅原 二三男^{1,3}, 坂口 謙吾^{1,3} (¹東理大・理工, ²東理大・薬, ³東理大・ゲノム創薬)

- 3PA-459 Inhibition of NF-kB-activated Signaling by Liposome with Gap Junction Hemichannel
Makoto Kaneda^{1,3}, Shin-ichiro Nomura^{2,3}, Ken-ichi Nakahama¹, Kazunari Akiyoshi^{2,3}, Ikuo Morita^{1,3}
(¹Dept. of Cell. Physiol. Chem., ²Dept of Org. Mat., Tokyo Med. and Dent. Univ., ³21st century COE for Reserch Program on Molecular Destruction and Reconstruction of Tooth and Bone)
- 3PA-460 DDS 用パイオナノカプセル (BNC) を構成する蛋白質への Cys 残基欠損の効果
吉田 慎之介¹, 多田 宏子¹, 福田 隆之^{1,2}, 名木田 真奈^{1,3}, 黒田 俊一⁴, 谷澤 克行⁴, 近藤 昭彦⁵, 上田 政和⁶, 山田 秀徳¹, 妹尾 昌治¹ (¹岡山大・院自, ²株式会社片山化学, ³株式会社ピークル, ⁴大阪大・産研, ⁵神戸大・院自, ⁶慶應大・医)
- 3PA-461 超好熱古細菌 *Pyrococcus* のゲノム情報に基づき *in vitro* で発現された新規制限酵素 Pabl
石川 健¹, 渡部 美紀², 黒板 敏弘³, 内山 郁夫⁴, Janusz M. Bujnicki⁵, 川上 文清³, 田之倉 優⁶, 小林 一三^{1,2}
(¹東大院・理・生化, ²東大院・新領域・メディカルゲノム, ³TOYOBO・敦賀バイオ研究所, ⁴基生研, ⁵Int. Inst. of Mol. & Cell Biol., Warsaw, Poland, ⁶東大院・農生科・応生化)

.....(4e 脳・神経系)

- 3PA-462 線虫 *C. elegans* におけるアクアポリンの分布と機能
作部 保次 (岡大院・自然科学研究科)
- 3PA-463 線虫の神経筋接合部位における逆行性シナプス伝達を制御する新規因子の探索
戸井 基道¹, 豊永 リカ¹, 岩崎 幸一² (¹産総研・脳神経情報, ²Northwestern Univ.)
- 3PA-464 線虫のキネシン, UNC-16 と UNC-14 によるシナプス小胞局在の制御機構
坂本 リエ¹, 久本 直毅^{1,2}, Dana Thyra Byrd³, Yishi Jin³, 松本 邦弘^{1,2} (¹名大院・理学・生命理学, ²CREST・科技団, ³UCSC, USA)
- 3PA-465 キネシンをコードする *osm-3* 遺伝子変異の学習への寄与
杉谷 和巳¹, 叶 隆¹, 藤本 寛之¹, 金丸 聡志², 鈴木 裕¹, 鈴木 ゆかり¹, 久納 淨^{1,3}, 佐々 壽浩¹, 細野 隆次¹
(¹金沢大・医・生体情報, ²・工・自然計測応用研究センター, ³静岡がんセンター・遺伝子)
- 3PA-466 *C. elegans Cegl-7* 遺伝子の学習に伴う記憶獲得・保持への寄与
鈴木 ゆかり, 藤本 寛之, 叶 隆, 佐々 壽浩, 細野 隆次 (金沢大・医・生体情報)
- 3PA-467 *C. elegans* NMDA 型 受容体のサブユニットをコードする *nmr-1* 遺伝子の学習への寄与
叶 隆, 藤本 寛之, 鈴木 ゆかり, 佐々 壽浩, 細野 隆次 (金沢大・医・生体情報)
- 3PA-468 線虫 *C. elegans* の化学走性の可塑性におけるインスリン様シグナル伝達経路の機能
富岡 征大, 國友 博文, 飯野 雄一 (東京大学 遺伝子実験施設)
- 3PA-469 線虫 *C. elegans* における水溶性物質への化学走性に関する可塑性異常変異体の解析
池田 大祐, 國友 博文, 飯野 雄一 (東大・遺伝子実験施設)
- 3PA-470 線虫 *C. elegans* の嗅覚応答を制御する G₀-G_q シグナル経路の機能解析
松木 正尋, 國友 博文, 飯野 雄一 (東大・遺伝子実験施設)
- 3PA-471 線虫 *C. elegans* の Na⁺ イオンを忌避する化学走性変異体の解析とクローニング
二井谷 勇哉, 大島 靖美, 石原 健, 古賀 誠人 (九州大・院理・生物科学)
- 3PA-472 *C. elegans* の餌に関わる情報処理に異常がある変異体の解析
村山 孝, 間瀬 慶子, 大島 靖美, 石原 健, 古賀 誠人 (九大・院理・生物)
- 3PA-473 線虫 *C. elegans* においてクラス 1 フッ素イオン耐性変異体の成長速度を制御するクラス 2 遺伝子群の解析
大石 あかね^{1,2}, 武内 昌哉^{1,3,4}, 石原 健^{1,3,5}, 桂 勲^{1,3} (¹国立遺伝研 構造遺伝学研究センター, ²技術課, ³総研大, ⁴現所属: 理研, ⁵現所属: 九州大)
- 3PA-474 線虫 *C. elegans* の学習行動変異体の解析
虎山 一郎¹, 木村 幸太郎^{1,2}, 石原 健^{1,2,3}, 桂 勲^{1,2} (¹国立遺伝学研究所, ²総合研究大学院大学, ³現所属: 九州大学)
- 3PA-475 直線状温度勾配を用いた新たな温度走性アッセイ系の確立
伊藤 浩子¹, 稲田 仁¹, 森 郁恵^{1,2} (¹名古屋大・理・生命理, ²名古屋大・高等研究院)

- 3PA-476 線虫 *C. elegans* における新規温度走性異常変異体 *ttx-8* の解析
宮良 晶子, 太田 茜, 大河内 善史, 奥村 将年, 森 郁恵 (名大・院理・生命理学・分子神経生物)
- 3PA-477 イノシトール-モノフォスファターゼは *C. elegans* の温度走性行動に必要である
谷澤 欣則, 久原 篤, 稲田 仁, 児玉 英志, 水野 貴文, 森 郁恵 (名古屋大・理・生命)
- 3PA-478 線虫 *C. elegans* の温度走性行動は小胞性グルタミン酸輸送体 EAT-4 により制御される
大西 憲幸, 久原 篤, 奥村 将年, 大河内 善史, 稲田 仁, 森 郁恵 (名古屋大・院理・生命)
- 3PA-479 線虫 *C. elegans* の温度受容細胞において, DAG/TTX-4 nPKC シグナル経路は温度情報伝達機構を制御する
大河内 善史¹, 太田 茜¹, 木村 幸太郎², 奥村 将年¹, 森 郁恵¹ (¹名大・理・生命, ²現所属: 遺伝研・総研大)
- 3PA-480 線虫 *C. elegans* の温度走性行動における cGMP シグナル伝達系の役割
西尾 奈々¹, 毛利 亮子¹, 稲田 仁¹, 小松 秀俊², 森 郁恵¹ (¹名古屋大・理・生物, ²現所属; 武田薬品工業株式会社)
- 3PA-481 線虫 *C. elegans* の温度受容における cGMP 合成酵素の機能
稲田 仁¹, Satterlee John², Piali Sengupta², 森 郁恵^{1,3} (¹名大・理・生命, ²ブランダイス大・生物, ³名大・高等研究院)
- 3PA-482 線虫 *C. elegans* の飼育温度忌避行動異常変異 *aho-3 (nj15)* の原因遺伝子のクローニング
毛利 亮子¹, 小池 瑞穂¹, 久原 篤¹, 木村 幸太郎², 森 郁恵¹ (¹名大・院理・生命理学, ²現所属: 遺伝研, 総研大)
- 3PA-483 線虫 *C. elegans* における飼育温度と餌条件の関連付けが異常な *aho-2* 変異体の解析
児玉 英志¹, 水野 貴文¹, 毛利 亮子¹, 木村 幸太郎^{1,2}, 富岡 征大³, 飯野 雄一³, 森 郁恵^{1,4} (¹名大・院理・生命理学, ²現所属 遺伝研・総研大, ³東大・遺伝子実験施設, ⁴名大・高等研究院)
- 3PA-484 線虫 *C. elegans* におけるカルシニューリンを介した連合学習を制御する神経回路
久原 篤, 森 郁恵 (名大・院理・生命)
- 3PA-485 ショウジョウバエ味覚情報処理機構の分子神経解剖学的解析
井下 強, 谷村 禎一 (九大・理・生物)
- 3PA-486 ショウジョウバエの低次視覚中枢と高次視覚中枢を結ぶ視覚情報経路の詳細な解析
大綱 英生^{1,2}, 伊藤 啓^{1,2} (¹東大・新領域・高次構造, ²科学技術振興機構・BIRD)
- 3PA-487 ショウジョウバエ幼虫の興奮性 Common Motoneuron
滝沢 永治¹, 小松 明², 辻村 秀信¹ (¹農工大・発生, ²東京女子医大・第一生理)
- 3PA-488 ショウジョウバエ脳における *dve* 遺伝子の機能解析
中本 雅也¹, 土手内 智絵², 中越 英樹^{1,2} (¹岡山大院・自然科学, ²岡山大・理・生物)
- 3PA-489 ショウジョウバエの求愛行動に関与する *fruitless (fru)* 下流遺伝子の検索
川崎 陽久¹, 杉山 貴洋², 曾根 広行³, 高橋 邦明⁴, 山元 大輔^{1,3} (¹早大・理工学総合研究センター, ²協和発酵, ³早大院・理工学研究科, ⁴国立遺伝学研究所)
- 3PA-490 キイロショウジョウバエの性指向性を制御する *fru* 遺伝子の転写調節領域の解析
松本 健¹, 山元 大輔^{1,2} (¹早稲田大学・理工総研, ²早稲田大学・理工学部)
- 3PA-491 昆虫の変態・脱皮をコントロールする *PTTH* 遺伝子の発現調節機構の解析
塩見 邦博¹, 藤原 義博¹, 渥美 務¹, 梶浦 善太¹, 中垣 雅雄¹, 溝口 明², 柳沼 利信³, 山下 興亜^{3,4} (¹信州大・繊維, ²名大・院生命理, ³名大・院生命農, ⁴中部大学)
- 3PA-492 Gene expression of ecdysteroid-regulated genes, *BR-C* and *E74*, of the honeybee in ovary and brain.
Rajib Kumar Paul, Hideaki Takeuchi, Takeo Kubo (Tokyo Univ., Grad. Sch. Sci., Dept. Biol. Sci.)
- 3PA-493 セイヨウミツバチの脳において女王蜂選択的に発現する遺伝子の同定と解析
白井 健一¹, 大原 麻耶¹, 竹内 秀明¹, 加藤 あずさ², 久保 健雄¹ (¹東大・院理・生物科学, ²DNA チップ研究所)
- 3PA-494 初期応答遺伝子を用いたミツバチのダンス言語に関わる脳領野同定の試み
木矢 剛智, 國枝 武和, 久保 健雄 (東大・院理・生物科学)

- 3PA-495 キンギョ視神経再生の初期過程におけるレチノール結合タンパク質 purpurin の役割
松川 通^{1,3}, 杉谷 加代², 馬渡 一浩², 郡山 恵樹^{1,3}, 劉 中武^{1,3}, 加藤 聖^{1,3} (¹金沢大・院・医・脳情報分子,
²金沢大学・医・保健・検査, ³CREST)
- 3PA-496 脊椎動物の嗅上皮上に発現する鋤鼻受容体遺伝子の機能解析
伊藤 敦子^{1,3}, 若林 嘉浩², 市川 眞澄², 森 裕司³, 山岸 公子¹ (¹(財)都臨床研・医薬開発センター,
²(財)都神経研・基盤研究部門, ³東大院・農学生命・動物行動)
- 3PA-497 フェロモン受容体のげっ歯類における種特異性の解析
中島 美保^{1,2}, 芹沢 尚^{1,2}, 坂野 仁^{1,2} (¹東大・院理・生化, ²JST・CREST)
- 3PA-498 嗅覚受容体特異的に嗅細胞の軸索投射位置を規定する因子
坪井 昭夫¹, 加藤 紘之¹, 宮崎 隆明¹, 西住 裕文¹, 坂野 仁^{1,2} (¹東京大・院理・生化, ²CREST・JST)
- 3PA-499 神経軸索誘導関連タンパク質 FEZ1 と同ホモログ FEZ2 の比較
生田 潤子¹, 藤田 敏次¹, Andres D. Maturana¹, 鈴木 忠樹², 澤 洋文², 岡島 俊英¹, 立松 健司¹, 谷澤 克行¹,
黒田 俊一¹ (¹阪大・産研・生体触媒, ²北大・医・分子細胞病理)
- 3PA-500 神経細胞特異蛋白質 Neuro-p28 と p24 の性質の比較検討に関する研究
中西 勝幸¹, 北野 千晶¹, 井田 瑞穂², 山本 章嗣³, 荒木 正介², 森 望⁴, 竹谷 茂¹ (¹京都工繊大・応用生
物, ²奈良女子理・生物科学, ³長浜バイオ大, ⁴長崎大医・第1解剖)
- 3PA-501 樹状突起フィロポディア形成を誘導する pmes-2 遺伝子産物の活性は, アクチン結合ドメインによってマ
スクされている
二宮 賢介¹, 石本 哲也², 田口 隆久¹ (¹産総研 セルエンジニアリング, ²産総研 脳神経情報)
- 3PA-502 Activation of SRF-mediated transcription in neurons by a RhoA signaling pathway that triggers nuclear
translocation of the SRF coactivator MAL
Akiko Tabuchi^{1,2}, Marcel Estevez², Jennifer Henderson², Ruth Marx², Jun Shiota¹, Masaaki Tsuda¹,
Baraban Jay² (¹Toyama Med PharmUniv., Fac. Pharm., Dept. Mol. Neurobiol., ²Johns Hopkins Univ., Dept
Neurosci, Med Sch)
- 3PA-503 ラット大脳皮質神経細胞における脳由来神経栄養因子 (BDNF) の自律的・持続的発現制御系の解析
安田 誠¹, 今村 理佐^{1,2}, 窪田 たかね¹, 東 裕子¹, 福地 守^{1,2}, 田淵 明子^{1,2}, 津田 正明^{1,2} (¹富山医薬大・
薬・分子神経生物学, ²CREST)
- 3PA-504 Synergistic regulation of activity-dependent stabilization of trkB FL mRNA in dendrite of cultured
hippocampal neuron
Kentaro Okochi¹, Reiko Dozono¹, Souichi Oe¹, Masami Kojima², Yoshihiro Yoneda¹ (¹Osaka Univ., Grad.
Sch. Frontier Biosci., Biomol. Dynamics, ²AIST, Res. Inst. Cell Engineering, Cell Dynamics)
- 3PA-505 タンパクメチル化酵素 Protein arginine N-methyltransferase 3 (PRMT-3) と相互作用するタンパク質の探
索および機能解析
宮田 信吾, 池中建介, 藤原 達司, 森 泰文, 遠山 正彌 (大阪大・医・ポストゲノム疾患解析学)
- 3PA-506 組織学的手法による神経細胞死の検出
大澤 志津江^{1,2}, 濱田 俊², 八木 健², 三浦 正幸¹ (¹東大院・薬・遺伝, ²阪大院・生命機能・時空生物)
- 3PA-507 Diversity of the biological function and isoforms of RA175/TSLC1/SynCAM during developing nervous
system.
Yuko Tanabe¹, Eriko Fujita², Tadashi Kasahara^{1,2}, Kazutada Watanabe³, Takashi Momoi² (¹Department
of Biochemistry, Kyoritsu College of Pharmacy, Shibakoen, Minato-ku, Tokyo, Japan, ²Division of
Development and Differentiation, NCNP, Kodaira, Tokyo, Japan, ³Department of BioEngineering, Nagaoka
University of Technology, Nagaoka, Japan)
- 3PA-508 7 回膜貫通型カドヘリン Celsr2 と Celsr3 による神経突起成長の拮抗的調節
島 康之^{1,3}, 中山 学², 上村 匡^{1,3} (¹京大生命科学研究科, ²かずさ DNA 研究所, ³CREST, JST)
- 3PA-509 ラット・ニワトリ胚神経系における cadherin 7, 19 遺伝子の発現様式の比較
高橋 将文¹, 若松 義雄², 大隅 典子¹ (¹東北大・院・医 創生センター・形態形成, ²東北大・院・医
器官構築学)

- 3PA-510 Structure-function relationship of CNR/Pcdh EC1 protein
Masataka Umitsu^{1,2,6}, Hirofumi Morishita^{1,2,6}, Yoji Murata¹, Seisuke Kusano⁴, Naoki Shibata⁴, Yoshiki Higuchi⁴, Takahisa Ikegami^{1,3}, Takeshi Yagi^{1,2,5,6} (¹Osaka Univ. Graduate School of Frontier Biosciences, ²Graduate school of Medicine, ³Institute for Protein Research, ⁴University of Hyogo, Graduate School of Life Science, ⁵National Institute for Physiological Sciences, ⁶CREST・JST)
- 3PA-511 脳神経系で発現する多様化膜分子 CNR/ Pcdh の遺伝子制御機構の解析
川口 将史^{1,2}, 遠山 知子^{1,2}, 八木 健^{1,2} (¹大阪大・院生命・心生物学, ²CREST, JST)
- 3PA-512 CNR/Pcdh splicing variant 遺伝子変換マウスの表現型解析
福田 絵美^{1,3}, 濱田 俊^{1,3}, 平林 敬浩^{2,3}, 八木 健^{1,2,3} (¹大阪大・院・生命機能, ²生理研, ³CREST)
- 3PA-513 Dynamic regulation of axonal CNR/Protocadherin family expression in the developing nervous system
Hirofumi Morishita^{1,3}, Yoji Murata¹, Shigeyuki Esumi^{1,3}, Masahumi Kawaguchi^{1,3}, Sonoko Hasagawa^{1,3}, Chika Seiwa², Shun Hamada^{1,3}, Hiroaki Asou², Takeshi Yagi^{1,3} (¹Osaka Univ., FBS, ²TMIG, ³CREST JST)
- 3PA-514 カルパインによる限定分解の抑制に関わる Cdk5 活性化サブユニット p35 のリン酸化部位
小澤 美来, 斎藤 太郎, 藤田 悠一, 鈴木 久美子, 浅田 明子, 久永 真市 (都立大・院理・生物科学)
- 3PA-515 アダプター蛋白質 Dab1 の Cdk5 による新規リン酸化部位の同定と神経細胞内におけるリン酸化
佐藤 裕, 浅田 明子, 佐々木 孝寛, 斎藤 太郎, 久永 真市 (都立大・院理・生物科学)
- 3PA-516 AATYK1 の Cdk5/p35 によるリン酸化の解析
堤 弘次¹, 友村 美根子², 浅田 明子¹, 斎藤 太郎¹, 古市 真一², 久永 真市¹ (¹都立大・院理, ²理研・脳科学総合研究センター・分子神経形成研究チーム)
- 3PA-517 p39/Cdk5 と p35/Cdk5 の複合体形成と酵素的性質の比較
山田 真理, 関川 明生, 浜住 由子, 佐々木 孝寛, 浅田 明子, 斎藤 太郎, 久永 真市 (都立大・院理・生物科学)
- 3PA-518 Cdk5 の新規基質 Septin5 (CDCrel-1) のリン酸化
谷口 誠¹, 田岡 万悟², 板倉 誠³, 浅田 明子¹, 斎藤 太郎¹, 高橋 正身³, 磯辺 俊明², 久永 真市¹ (¹都立大・院理・生物科学, ²都立大・院理・化学, ³北里大・医・生化)
- 3PA-519 出芽酵母を用いたマウス CDK5 を制御する因子と基質の網羅的探索と同定
堀内 陽子¹, 西澤 正文¹, 浅田 明子², 久永 真市², 東江 昭夫³ (¹慶應大・医・微生物・免疫, ²都立大・院理・生物科学, ³東大・院理・生物科学)
- 3PA-520 チロシンフォスファターゼ PTPMEG の神経系における機能解析
喜名 振一郎¹, 草川 森士³, 手塚 徹¹, 大杉 美穂¹, 城山 優治³, 須藤 カツ子², 宝来 玲子², 角田 茂², 岩倉 洋一郎², 真鍋 俊也³, 山本 雅¹ (¹東大, 医科研, 癌細胞シグナル, ²東大, 医科研, ヒト疾患モデルセンター・細胞機能, ³東大, 医科研, 神経ネットワーク)
- 3PA-521 FRET によるリアルタイムイメージングを利用した CaMKII の活性制御機構の解析
加藤 健一, 岩本 拓, 舩重 正一, 喜田 聡 (東京農大 農化 バイオ)
- 3PA-522 CaM kinase II 遺伝子の神経特異的プロモーター結合タンパク質の解析
桜田 巧, 美馬 佳寿子, 山内 卓 (徳大・薬院)
- 3PA-523 カルシウムおよび cAMP シグナルによる PACAP 遺伝子の転写および転写後調節に関する解析
福地 守¹, 田中 俊充¹, 金崎 一史¹, 田淵 明子^{1,2}, 津田 正明^{1,2} (¹富山医薬大・薬・分子神経生物学, ²CREST・JST)
- 3PA-524 FRET を用いた CREB と CBP の相互作用に対する CREBS133,S142,S143 の役割
岩本 拓¹, 加藤 健一², 舩重 正一^{1,2}, 喜田 聡^{1,2} (¹東京農大・農・農化, ²東京農大・応生科・バイオ)
- 3PA-525 CREB 活性化制御機構解明を目的とした CREB キナーゼ群に対して異なる感受性を示す新規 CREB 変異体のスクリーニング
茂木 亮一¹, 鈴木 章円², 舩重 正一^{1,2}, 喜田 聡^{1,2} (¹東京農大・応生科・バイオ, ²東京農大・農・農化)
- 3PA-526 TORC2 による CREB 転写活性増強に対する, CREB 相互作用因子 TPRC2 のドミナントネガティブ効果
関 信亮, 高橋 清文, 亀田 明美, 細田 浩司, 岩本 拓, 舩重 正一, 喜田 聡 (東京農業大学・応生科・バイオ)

- 3PA-527 時計遺伝子 *Period1* の転写後発現制御機構の解析
 小島 志保子¹, 廣瀬 松美¹, 長野 護³, 重吉 康史³, 榊 佳之², 程 肇¹ (¹ 三菱生命研・時間ゲノム, ² 理研・ゲノムセンター, ³ 近大・医・第二解剖)
- 3PA-528 哺乳類時計遺伝子 *Per2* の発現制御機構の解析
 小池 宣也¹, 河野 有紀¹, 榊 佳之², 程 肇¹ (¹ 三菱化学生命研・時間ゲノム学, ² 理研・ゲノムセンター)
- 3PA-529 概日リズム調節における転写因子 DEC1 の役割
 河本 健¹, 佐藤 冬樹¹, 能城 光秀¹, 藤本 勝巳¹, 本間 さと², 本間 研一², 加藤 幸夫¹ (¹ 広島大・医歯薬・口腔生化学, ² 北大・医・統合生理学)
- 3PA-530 プロスタグランジン E₂ による哺乳類概日リズムの同調
 土谷 佳樹¹, 南 一成², 角谷 寛^{2,3}, 西田 栄介¹ (¹ 京都大・生命, ² 医・先端・睡眠研究, ³ 科技振・さきがけ)
- 3PA-531 ラット SCN 由来細胞株を用いた遺伝子発現プロファイリング
 川口 荘史^{1,2}, 黄 怡瑩², 中田 朝子³, 白髭 克彦³, 西郷 薫¹, 榊 佳之⁴, 程 肇² (¹ 東京大学大学院理学系研究科, ² 三菱化学生命科学研究科, ³ 東京工業大学 バイオ研究基盤支援総合センター, ⁴ 理化学研究所ゲノム科学総合研究センター)
- 3PA-532 メラトニンリズムが消失したトランスジェニックゼブラフィッシュにおける時計機能の解析
 池田 尚正¹, 岡野 俊行^{1,2}, 今里 和之¹, 真野 弘明¹, 深田 吉孝¹ (¹ 東京大・院理・生物化学, ² 科技団・PRESTO)
- 3PA-533 神経分化に関わる mitocalcin の機能解析
 富永 光俊¹, 栗原 秀剛², 坂井 建雄², 友岡 康弘¹ (¹ 東京理科大・基礎工・生物工, ² 順天堂大学・医学部・第一解剖)
- 3PA-534 BRAF - HDAC コリプレッサー複合体の足場タンパク質 BHC80 は中枢神経系の正常な発達に必須である
 岩瀬 茂樹, 庄野 直美, 馬場 忠 (筑波大・生命環境科学研究科)
- 3PA-535 マウス脳内移植による神経系株細胞の分化及び移動様式の解析
 戸田 光太郎, 友岡 康弘 (東京理科大学・大学院・基礎工・生物工)
- 3PA-536 神経分化におけるマウス KIAA 遺伝子の役割 - マウス KIAA 遺伝子搭載オリゴマイクロアレイを用いた経時的遺伝子発現解析 -
 今井 一英^{1,2}, 川井 誠^{1,2}, 長瀬 隆弘³, 古閑 比佐志^{1,2,3} (¹ JST-CREATE, ² 千葉県産業振興センター, ³ かずさ DNA 研究所)
- 3PA-537 有髄神経パラノードの形成・維持に関わる細胞認識分子 contactin および caspr の結合様式の解析
 徳留 裕希, 鈴木 瑞穂, 霜田 靖, 渡邊 和忠 (長岡技科大・生物・神経機能工学)
- 3PA-538 フラクタル解析による NB-3 欠損マウス小脳顆粒細胞層での異常検出の試み
 大塚 晶仁¹, 中川 匡弘², 川野 仁³, 武田 泰生⁴, 霜田 靖¹, 渡邊 和忠¹ (¹ 長岡技科大・生物・神経機能工学, ² 電気・情報, ³ 都神経研・発生形態, ⁴ 鹿児島大・医歯・薬物動態制御)
- 3PA-539 発生過程のマウス小脳における神経認識分子 NB-2 のストライプ状発現
 笠間 由里, 霜田 靖, 渡邊 和忠 (長岡技科大・生物・神経機能工学)
- 3PA-540 皮質層特異マーカー遺伝子を用いたマウス大脳皮質形成機構の解析
 工藤 静香¹, 平林 真澄³, 服部 孝太郎^{1,2}, 濱田 俊^{1,2}, 柳川 右千夫⁴, 八木 健^{1,2} (¹ 大阪大・生命機能・心生物学グループ, ² CREST, ³ 岡崎国立生理学研究所, ⁴ 群馬大・医学系・遺伝発達行動学)
- 3PA-541 Organ-specific expression of mouse spinesin/TMPRSS 5 variants
 Yoshihisa Watanabe¹, Akira Okui¹, Tatsuyuki Yamaguchi², Kentaro Kawarabuki¹, Nozomi Yamaguchi¹ (¹ Kyoto Pref. Univ. Med., ² Kyoto Pref. Univ. Med.)
- 3PA-542 The expression analysis of mouse spinesin in cell lines
 Tatsuyuki Yamaguchi¹, Yoshihisa Watanabe², Akira Okui², Masanori Nakagawa¹, Nozomi Yamaguchi² (¹ Kyoto Pref. Univ. Med., ² Kyoto Pref. Univ. Med.)
- 3PA-543 Gene expression analysis of *Netrin-Gs* in adult monkey brain.
 Toshio Miyashita¹, Sachiko Nishimura², Shigeyoshi Itohara², Kathleen S. Rockland¹ (¹ Lab. for Cortical Organization and Systematics BSI, ² Lab. for Behavioral Genetics BSI)

- 3PA-544 A comparison of gene expression pattern of mouse postnatal cerebellar and hippocampal development using oligonucleotide microarrays (AceGene)
Chun Ren Lim, Mitori Kogure, Shigenori Murata, Ken Nonaka, Kenichi Matsubara (DNA Chip Research Inc.)
- 3PA-545 脳特異的な 53K タンパク質の性質とその結合タンパク質の検索
上里 忠良¹, 佐藤 英二¹, 呉 一心¹, 大野 浩司², 三浦 直行¹ (¹ 浜松医大・医・生化学二, ² 解剖学一)
- 3PA-546 マウス系統 C57BL/6 と MSM の行動特性の差異に関わる遺伝的機構の解明
西 明紀^{1,2}, 高橋 阿貴^{1,2}, 米川 博通³, 城石 俊彦⁴, 小出 剛^{1,2} (¹ 総研大 遺伝学専攻, ² 遺伝研 マウス開発研究室, ³ 都臨床研, ⁴ 遺伝研 哺乳動物遺伝研究室)
- 3PA-547 NMDA-receptor proteins are upregulated in the hippocampus of heterozygous Reeler mice.
tomoko isosaka^{1,2}, kotaro hattori^{1,2}, takesi yagi^{1,2} (¹KOKORO Biology Group, Graduate School of Frontier Biosciences, Osaka University, ²CREST of Japan Science and Technology Corporation, Japan)
- 3PA-548 Low Oxygen Affinity of Hemoglobin Augments Physical Ability by Promoting Tissue Oxidative Metabolism in Motor Unit
Fei Huang^{1,2}, Shimizu Takahiko¹, Ishihara Akihiko³, Shigeki Yuasa⁴, Masahiko Izumizaki⁵, Michiko Iwase⁵, Ikuo Homma⁵, Kinya Nishimura², Toyoki Kugimiya², Takuji Shirasawa¹ (¹Tokyo Metropolitan Institute of Gerontology, ²Juntendo University Graduate School of Medicine, ³Kyoto University Graduate School of Human and Environmental Studies, ⁴National Center of Neurology and Psychiatry, ⁵Showa University School of Medicine)
- 3PA-549 変異型ニューロセルピンを過剰発現するトランスジェニックマウスの作製
高澤 久美¹, 高澤 啓¹, 加藤 一郎^{1,2}, 石井 陽子³, 笹原 正清³, 平賀 紘一¹ (¹ 富山医薬大・医・生化学, ² 富山医薬大・21世紀COEプログラム, ³ 富山医薬大・医・病理学)
- 3PA-550 発生初期より内耳有毛細胞特異的に GFP を発現するトランスジェニックマウスの樹立と解析
尾関 英徳^{1,2}, 栗原 由紀子¹, 福原 茂朋³, 近藤 健二², 片岡 恵一郎¹, 鈴木 操⁴, 加我 君孝², 栗原 裕基¹ (¹ 東大・院・医・代謝生理, ² 東大・院・医・耳鼻咽喉科, ³ 国立循環器センター・形態部, ⁴ 熊本大・動物資源開発センター)
- 3PA-551 新規環境に対し不安様行動を示す Shn-2 遺伝子変異マウスの解析
tsuyoshi takagi^{1,2}, shunsuke ishii^{1,2} (¹ 理研・筑波・分子遺伝, ²NEDO)
- 3PA-552 ニコチン性アセチルコリン受容体ノックアウトマウスにおける脳内遺伝子発現変化の網羅的解析
中西 徹¹, 森 宏樹¹, Isabelle Cloez-Tayarani², Regis Grailhe², Jean-Pierre Changeux² (¹ 就実大・薬・医療薬学, ²Inst. Pasteur, Dept. Mol. Neurobiol.)
- 3PA-553 Tsukushi ノックアウトマウスの解析
栗山 正^{1,2}, 太田 訓正^{1,3}, 清成 寛⁴, 相沢 慎一⁴, 田中 英明¹ (¹ 熊本大・院医薬・神経分化, ² 熊本大 COE, ³ 科技構・さがけ 21, ⁴ 理研神戸・CDB・変異マウス)
- 3PA-554 ナトリウムポンプ 2 サブユニット欠損マウスの過食と肥満
川上 潔¹, 尾仲 達史², 岩瀬 みち子³, 本間 生夫³, 池田 啓子¹ (¹ 自治医大・分子病態研・細胞生物, ² 自治医大・医学部・生理学, ³ 昭和大学・医学部・生理学)
- 3PA-555 オキシトシン受容体遺伝子欠損マウスは攻撃性が上昇する
吉田 匡秀¹, 高柳 友紀¹, 尾仲 達史², Isadora F. Bielsky³, Larry J. Young³, 西森 克彦¹ (¹ 東北大院・農・分子生物, ² 自治医大・生理学, ³ Emory 大・行動神経科学)
- 3PA-556 オキシトシンの社会行動制御: 受容体欠損マウスに見られた攻撃性上昇と母性行動障害
高柳 友紀¹, 吉田 匡秀¹, Isadora F. Bielsky², 尾仲 達史³, Larry J. Young², 西森 克彦¹ (¹ 東北大院・農・分子生物, ² Emory 大・行動神経科学, ³ 自治医大・生理学)
- 3PA-557 セマフォリン 3F ノックアウトマウスの作成と解析
松田 育雄¹, 中尾 晴美¹, 深谷 昌弘², 渡辺 雅彦², 中尾 和貴³, 饗場 篤¹ (¹ 神戸大・院・医, ² 北大・院・医, ³ 理研・発生再生科学総合研究セ)

- 3PA-558 代謝型グルタミン酸受容体 1 型を時期特異的に発現するマウスの作製
中尾 晴美¹, 新石 健二¹, 深谷 昌弘², 渡辺 雅彦², 中尾 和貴³, 饗場 篤¹ (¹ 神戸大・院・医, ² 北大・院・医, ³ 理研・発生再生科学総合研究セ)
- 3PA-559 エストロゲン受容体を介した情報伝達系は空間記憶形成および情動行動を制御する
内田 周作, 古市 隆大, 島山 哲, 梅枝 久裕, 崔 泰樹, 舛重 正一, 喜田 聡 (東京農大・応生科・バイオ)
- 3PA-560 新しい遺伝子改変技術を用いて海馬歯状回 NMDA 受容体に変異を導入したマウスの網羅的行動解析
鍋島 曜子¹, 宮川 剛², 江隅 英作³, 短田 浩一^{2,4}, 中野 真人², 笹岡 俊邦⁵, 野田 哲生⁶, 鍋島 陽一¹ (¹ 京大医 腫瘍生物, ² 京大医 先端融合研, ³ 東京多摩病院, ⁴ 京都府立医大 小児, ⁵ 基生研 神経生化, ⁶ 東北大医)
- 3PA-561 前脳特異的な活性化型 CREB 過剰発現による記憶固定化能力の向上
鈴木 章円¹, 佐度 恵², 岩本 拓¹, 長谷川 俊介², 細沼 宏安¹, 兵藤 知正², 舛重 正一^{1,2}, 喜田 聡^{1,2} (¹ 東京農大・農・農化, ² 東京農大・応生科・バイオ)
- 3PA-562 テトラサイクリンシステムを利用した脳部位特異的ニューロン除去システムの開発
間宮 則¹, 兵藤 知正¹, 豊田 梢¹, 林 宏樹², 舛重 正一^{1,2}, 喜田 聡^{1,2} (¹ 東京農大・応生科・バイオ, ² 東京農大・農・農化)
- 3PA-563 演題取消
- 3PA-564 セロトニンシグナルに関連する遺伝子の脳内発現解析
市川 学^{1,2}, 於保 裕子¹, 奥西 理絵^{1,2}, 金森 睦¹, 鈴木 治和¹, 利谷 明繁³, 新田 博明³, 江口 直美⁴, 裏出 義博⁴, 林崎 良英^{1,2} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, ² 横浜市大院・総理, ³ ベンタナ・ジャパン, ⁴ 大阪バイオ研)
- 3PA-565 セロトントランスポーターノックアウトに伴う遺伝子発現変動の網羅的検討
於保 祐子¹, 市川 学^{1,2}, 奥西 理絵^{1,2}, 金森 睦¹, 鈴木 治和¹, Klaus-Peter Lesch³, Rainald Moessner³, 林崎 良英^{1,2} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/生体分子機能, ² 横浜市大院・総理, ³ Univ. Wuerzburg, Dept. Psychiatry and psychotherapy)
- 3PA-566 セロトントランスポーター取込み制御機構における C 末端領域の役割
望月 英毅¹, 天野 託¹, 関 貴弘¹, 松林 弘明¹, 光畑 智恵子², 森田 克也², 北山 滋雄³, 土肥 敏博², 三嶋 弘⁴, 酒井 規雄¹ (¹ 広島大院・医歯薬・神経・精神薬理, ² 広島大院・医歯薬・歯科薬理, ³ 岡山大院・医歯・歯科薬理, ⁴ 広島大院・医歯薬・視覚病態)
- 3PA-567 ニワトリドーパミン D2 受容体遺伝子の多型と気質との関連性
宮崎 義之¹, 西堀 正英¹, 長坂 直比路², 都築 政起¹ (¹ 広島大・院・生物圏科学, ² 高知県畜試・養鶏)
- 3PA-568 遺伝性出血性水頭症突然変異 *hhy* のファインマッピングと候補遺伝子 *Bcl11b* の検討
伊吹 将人¹, 森 展子², 山手 丈至³, 木下 麻子³, 桑村 充³, 高橋 征浩², 奥本 正昭², 木南 凌⁴, 蒲生 寿美子¹ (¹ 大阪府大・総科, ² 大阪府大・先端研, ³ 大阪府大・院・農学生命, ⁴ 新潟大・院・医歯学)
- 3PA-569 ラットミクログリア移植による脳虚血性運動障害の改善
北村 佳久, 高田 和幸, 位田 雅俊, 土谷 大樹, 柳沢 大治郎, 谷口 隆之 (京都薬大・病態生理)
- 3PA-570 シヌクレイン・トランスジェニックマウスの作出と解析
吉本 真¹, 石井 愛子¹, 鶴飼 友里子¹, 坂神 純子¹, 岩田 晋吾¹, 小野 美恵子¹, 中村 厚¹, 小林 和人², 岩坪 威³, 若松 正樹¹ (¹ 大正製薬 (株) 医薬研, ² 福島県立医大・生体情報伝達研・生体機能, ³ 東京大・薬・臨床薬学)
- 3PA-571 パーキンソン病の病態の一部を示す シヌクレイン・トランスジェニックマウスの作出
若松 正樹¹, 石井 愛子¹, 鶴飼 友里子¹, 坂神 純子¹, 岩田 晋吾¹, 小野 美恵子¹, 小林 和人², 岩坪 威³, 吉本 真¹ (¹ 大正製薬 (株) 医薬研, ² 福島県立医大・生体情報伝達研・生体機能, ³ 東京大・薬・臨床薬学)
- 3PA-572 Parkin によるプロテアソーム制御の分子機構
大澤 要介, 高柳 淳, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)

- 3PA-573 Pael receptor is involved in dopamine metabolism of the nigrostriatal system
Yuzuru Imai¹, Haruhisa Inoue¹, Ayane Kataoka¹, Masao Masuda², Toshio Ikeda³, Mariko Soda¹, Toru Kodama⁴, Tatsuo Fuwa⁵, Yoshiko Honda⁴, Kazumasa Wakamatsu⁶, Shosuke Ito⁶, Masami Miura², Toshihiko Aosaki², Shigeyoshi Itoharu³, Ryosuke Takahashi¹ (¹RIKEN, BSI, Lab for Motor Sys Neurodegen, ²Tokyo Metro Inst of Gerontol, Neural Circuits Dynam, ³RIKEN, BSI, Lab for Behav Genet, ⁴Tokyo Metro Inst for Neurosci, Dept of Psychol, ⁵Tokyo Metro Inst for Neurosci, Dept of Neurol, ⁶Fujita Health Univ Sch of Health Sci, Dept of Chem)
- 3PA-574 アルツハイマー病患者由来ヒト脳のプロテオーム・トランスクリプトーム解析
石井 俊¹, 片桐 拓也^{1,2}, 水上 勝義³, 飯島 鮎子¹, 赤津 裕康⁴, 小坂 憲司⁵, 朝田 隆³, 内田 和彦⁶ (¹MCBI, ²筑波大・リエゾン研, ³筑波大・院・臨床医学系精神医学, ⁴福祉村病院長寿医学研究所, ⁵福祉村病院, ⁶筑波大・院・基礎医学系)
- 3PA-575 アルツハイマー病 セクレターゼ活性の研究
田邊 千晶, 保戸田 二香, 笹川 昇, 石浦 章一 (東大・院・総合・生命)
- 3PA-576 プロリリソメラーゼ Pin1 はアミロイド 産生を調節しリチウムによる抑制に介在している
秋山 弘匡^{1,2,6}, 辛 龍雲³, 内田 千代子^{1,5}, 北本 哲之⁴, 内田 隆史^{1,2} (¹東北大学 学際センター, ²東北大学 加齢医学研究所, ³東北大学 医学部 病態神経学, ⁴東北大学 プリオン蛋白研究分野, ⁵茨城大学 保健管理センター, ⁶財団法人医療機器センターリサーチレジデント)
- 3PA-577 アルツハイマ - 病大脳皮質で発現亢進する kf-1 遺伝子 KO マウスの解析
橋本 保¹, 辻村 敦¹, 松木 正人¹, 山西 清文¹, 中富 康仁², 横山 ちひろ², 土田 英人², 福居 顯二², 水野 敏樹³, 中川 正法³ (¹京都府立医大・老化研・神経分子, ²京都府立医大・精神科学, ³京都府立医大・神経内科)
- 3PA-578 シトルリン化蛋白質とアルツハイマー病
石神 昭人¹, 田口 ひろみ¹, 小林 沙織¹, 山本 尚吾^{1,2}, 浦野 四郎², 丸山 直記¹ (¹都老人研・加齢臓器障害 G, ²芝浦工大・生物化学)
- 3PA-579 神経細胞の酸化ストレス耐性：プレセニン 1 と一酸化窒素
中島 光業¹, 白澤 卓二², 古川 清¹ (¹東京都老人研・増殖分化制御, ²東京都老人研・分子老化)
- 3PA-580 BACE1 の新規基質探索
大西 隼¹, 浅井 将², 服部 千夏¹, 丸山 敬², 石浦 章一¹ (¹東京大・院・総合・生命, ²埼玉医科大・薬理)
- 3PA-581 精神遅滞原因遺伝子 motopsin (PRSS12) は tissue plasminogen activator を活性化する
三井 真一¹, 山口 希², 由利 和也¹ (¹高知大・医・神経生物・解剖学, ²京都府医大・老化研・細胞生物)
- 3PA-582 躁うつ病患者死後脳におけるミトコンドリア関連遺伝子群の発現変動
岩本 和也, 文東 美紀, 加藤 忠史 (理研・ BSI ・精神疾患動態)
- 3PA-583 一卵性双生児躁うつ病不一致例間における DNA メチル化差異の探索
倉富 剛^{1,2}, 岩本 和也², 文東 美紀², 久住 一郎³, 加藤 進昌¹, 加藤 忠史² (¹東大・医・脳神経, ²理研・脳セ・精神, ³北大・医・神経機能)
- 3PA-584 抗うつ薬はグルココルチコイド受容体発現を増加させる
船戸 弘正, 松原 敏郎, 渡辺 義文 (山口大・医・精神)
- 3PA-585 Identification of Grb2 as a novel DISC1-interacting molecule
Tomoyasu Shinoda¹, Kumiko Nagai¹, Shinichiro Taya¹, Akihiro Iwamatu², Kozo kaibuchi¹ (¹Department of Cell Pharmacology, Graduate School of Medicine, Nagoya University, ²Protein Reserch Network Inc.)
- 3PA-586 AMPA 型グルタミン酸受容体サブタイプ 3 遺伝子 (GRIA3) と統合失調症との関連解析
菊田 るみこ¹, 柴田 弘紀¹, 二宮 英彰², 田代 信維³, 服巻 保幸¹ (¹九大・生医研・遺伝情報・ゲノム機能, ²太宰府病院, ³九大・医・精神病態)
- 3PA-587 AMPA 型グルタミン酸受容体 2 型遺伝子 (GRIA2) 及びカイニン酸型グルタミン酸受容体 5 型遺伝子 (GRIK5) と統合失調症との関連解析
柴田 弘紀¹, 小島 理恵子¹, 二宮 英彰², 田代 信維³, 服巻 保幸¹ (¹九大・生医研・遺伝情報・ゲノム機能, ²福岡県立太宰府病院, ³九大・医・精神病態)

- 3PA-588 Association study of the glutamate transporter gene, *SLC1A1* with schizophrenia in the Japanese population
Xiangdong Deng¹, Hiroki Shibata¹, Hideaki Ninomiya², Nobutada Tashiro³, Yasuyuki Fukumaki¹ (¹Div. Disease Gene, Res. Ctr. Genet. Info., Med. Inst. Bioreg., Kyushu Univ., ²Dazaifu Hospital, ³Dept. Neuropsychiatry, Kyushu Univ.)
- 3PA-589 グリシントランスポーター 1 型及び 2 型遺伝子 (*SLC6A9*, *SLC6A5*) と統合失調症との関連解析
佐方 功明¹, 田中 正視¹, 柴田 弘紀¹, 二宮 英彰², 田代 信雄³, 岩田 仲生⁴, 尾崎 紀夫⁵, 服巻 保幸¹ (¹九州大学・生医研・遺伝情報・ゲノム機能, ²大宰府病院, ³九大・医・精神病態, ⁴藤田保健衛生大・医・精神医学, ⁵名古屋大学・医・精神医学)
- 3PA-590 ダイオキシン (TCDD) の脳神経発達毒性発現の分子機構の解明
三井 哲雄¹, 鏡 良弘⁴, 赤根 弘敏¹, 杉山 暢宏^{2,3}, 遠山 千春⁵, 有田 順², 前田 秀一郎¹ (¹山梨大・院・医工・生化, ²同・生理, ³同・精神神経, ⁴(株)エコジェノミクス, ⁵国立環境研究所)
- 3PA-591 精神疾患感受性関連遺伝子 *IMPA2* 産物の機能
大西 哲生¹, 大羽 尚子¹, 佐藤 友美², Sung-Kee Chung³, 山田 和男¹, 茂野 佳美¹, 古市 貞一², 平林 義男⁴, 吉川 武男¹ (¹理研・脳センター・分子精神, ²理研・脳センター・分子神経形成, ³POSTECH, Korea, ⁴理研・脳センター・平林研究ユニット)
- 3PA-592 JC ウイルス感染におけるウイルス蛋白 agnoprotein と神経軸索伸長因子 FEZ1 の相互作用の機能解析
鈴木 忠樹¹, 澤 洋文^{1,2}, 岡田 由紀¹, 大場 靖子¹, 仙葉 慎吾^{1,2}, 藤田 敏次³, 黒田 俊一³, 長嶋 和郎¹ (¹北大・院医・分子細胞病理学, ²北大・COE, ³阪大・産研・生体触媒)
- 3PA-593 インフルエンザウイルスによる血液 脳関門の血管透過性の変化:インフルエンザ脳症との関わり合い
栗原 直樹¹, 大内 正信², 木戸 博¹ (¹徳島大・分子酵素研・酵素分子化, ²川崎医大・微生物)
- 3PA-594 ラット網膜における鉄関連遺伝子発現に対する可視光線照射の影響
大石 健太郎¹, 森脇 真一¹, 清水 信義², 藁島 伸生^{1,2} (¹浜松医大・光子医学研究センター, ²慶応大・医・分子生物)
-(4b 発生・分化・形態形成 2)
- 3PA-595 細胞性粘菌 *Dictyostelium discoideum* の発生におけるアンモニウム輸送体 AmtA の機能解析
吉野 隆司, 森尾 貴広, 田仲 可昌 (筑波大・院・生命環境科学)
- 3PA-596 オートファジーは細胞性粘菌 *Polysphondylium pallidum* の子実体形成には必須であるが単細胞の分化には必須ではない
川邊 愛徳¹, 森尾 貴広¹, 山口 正視², 川本 進², 田仲 可昌¹ (¹筑波大・生物科学系, ²千葉大学・真菌医学研究センター)
- 3PA-597 出芽酵母のストーク分化とその分子基盤
渡邊 清, 杉原文徳, 笠原 浩司, 白川 昌宏, 古久保 哲朗 (横浜市立大・総合理)
- 3PA-598 Functional analysis of flowering-time gene *CONSTANS* using natural variants
Yasushi Kobayashi¹, Dettlef Weigel^{1,2} (¹Max Planck Institute for Developmental Biology, Tuebingen, Germany, ²Salk Institute, La Jolla, USA)
- 3PA-599 シロイヌナズナにおける *ERBP* 遺伝子の分子生物学的解析
西駕 俊祐¹, 古水 千尋¹, 佐藤 修正², 加藤 友彦², 田畑 哲之², 鈴木 光宏¹, 米田 好文¹ (¹東京大・院・理・生物, ²かずさ DNA 研)
- 3PA-600 コムギにおける出穂性 (花成) 制御の遺伝子ネットワーク
村井 耕二, 五十里 千尋, 漆川 直希, 嶋田 早苗, 高岸 愛 (福井県大・生物資源)
- 3PA-601 イチゴ *SEPALLATA1* 遺伝子ホモログの PCR クローニングと発現解析
金井 重憲, 古川 一, 石原 瑤子 (大阪府大・院農学生命科学)
- 3PA-602 光周的花芽誘導に関連した遺伝子のウキクサホモログの単離と発現解析
三輪 久美子, 芹川 雅之, 小山 時隆, 近藤 孝男 (名古屋大・院理・生命理学, 科技団 CREST)

- 3PA-603 **キメラ遺伝子 SK2:ZPT2-10 導入ペチュニアにおける導入遺伝子依存的不和合性の誘導**
久保 健一, 高辻 博志 (農業生物資源研究所)
- 3PA-604 Pre-meiotic RNA polymerases are sufficient for male but not female gametophyte development and fertilization in Arabidopsis
Yasuyuki Onodera¹, Tetsuo Mikami¹, Craig Pikaard² (¹Hokkaido Univ., Fac. Agr., Grad. Sch. Agr.,
²Washington Univ., Dep. Bio.)
- 3PA-605 **シロイヌナズナの葉の発生・分化に関わる ASYMMETRIC LEAVES1 および ASYMMETRIC LEAVES2 遺伝子の発現解析**
小島 晶子^{1,2}, 岩川 秀和³, 上野 宜久³, 相馬 徹平³, 池崎 仁弥³, 町田 泰則³, 町田 千代子^{1,2} (¹中部大・
応用生物,²CREST,³名大院・理・生命理)
- 3PA-606 **シロイヌナズナにおいて葉の発生を制御する AS1 および AS2 タンパク質の細胞内局在の解析**
石川 貴章¹, 町田 千代子², 岩川 秀和¹, 上野 宜久¹, Endang Semiarti³, 町田 泰則¹ (¹名大院・理・生命
理学,²中部大・応用生物,³ガジャマダ大学・生物)
- 3PA-607 **シロイヌナズナの葉の発生における ASYMMETRIC LEAVES2 (AS2) の役割**
上野 宜久¹, 石川 貴章¹, 荒木 智史^{1,2}, 岩川 秀和^{1,3}, セミアルティ エンダン^{1,4}, 池崎 仁弥¹, 塚谷 裕一⁵,
北倉 左恵子⁶, 町田 千代子⁶, 町田 泰則¹ (¹名古屋大・院・理,²石原産業,³奈良先端大学,⁴ガジャマダ
大,⁵基生研,⁶中部大・応用生物)
- 3PA-608 **シロイヌナズナの葉の形成における ASYMMETRIC LEAVES1, ASYMMETRIC LEAVES2 遺伝子の役割**
町田 千代子¹, 上野 宜久², 石川 貴章², 池崎 仁弥², 小島 晶子¹, 岩川 秀和², 北倉 左恵子¹, 塚谷 裕一³,
町田 泰則² (¹中部大・応用生物学, CREST JST,²名大院・理・生命理学,³基生研)
- 3PA-609 **シロイヌナズナの asymmetric leaves1 及び asymmetric leaves2 変異体における class 1 knox 遺伝子群の役割**
池崎 仁弥¹, 上野 宜久¹, 小笠原 史明¹, 町田 千代子², 町田 泰則¹ (¹名大院・理・生命理,²中部大・応
用生物)
- 3PA-610 **サイトカイニンによるイネの KNOX ホメオボックス遺伝子の発現誘導**
伊藤 幸博^{1,2}, 倉田 のり^{1,2} (¹遺伝研・植物遺伝,²総研大・生命科学・遺伝)
- 3PA-611 **アサガオの器官発生において背軸側の特徴を決定する獅子 (FEATHERED) 遺伝子の解析**
岩崎 まゆみ, 仁田坂 英二 (九大・院理・生物科学)
- 3PA-612 **シロイヌナズナ ss93 変異株におけるゲノム不安定性と細胞分裂周期進行の異常**
稲垣 宗一¹, 鈴木 孝征¹, 大藤 雅章², 浦和 博子^{2,3}, 堀内 嵩^{2,4}, 中村 研三¹, 森上 敦⁵ (¹名古屋大・生命
農,²基生研,³製品評価技術基盤機構,⁴総研大,⁵名城大・農)
- 3PA-613 **植物の細胞極性形成, 不等分裂に関わる遺伝子群の探索**
藤田 知道¹, 日渡 祐二¹, 西山 智明¹, 橋本 薫², 村田 隆¹, 長谷部 光泰¹ (¹基生研・生物進化,²総研大・
生命科学)
- 3PA-614 **シロイヌナズナ突然変異体 no vein を用いた葉脈形成機構の解析**
鷲見 芳紀, 槻木 竜二, 岡田 清孝 (京都大・理・植物)
- 3PA-615 **葉脈パターン形成に異常を示すシロイヌナズナ突然変異体 3B-55 の解析**
丸山 望, 槻木 竜二, 岡田 清孝 (京都大・理・植物)
- 3PA-616 **オーキシンの流れとオーキシン輸送蛋白質局在とのポジティブフィードバックによる葉脈パターン形成**
藤田 浩徳¹, 遠矢 周作¹, Francois Feugier², 巖佐 庸², 望月 敦史¹ (¹基生研・理論生物,²九州大・理)
- 3PA-617 **シロイヌナズナの HD-GL2 型転写因子の遺伝子発現パターンと結合配列の解析**
中村 みゆき^{1,2}, 勝又 啓史¹, 阿部 光知^{1,3}, 矢部 尚登⁴, 米田 好文^{1,4}, 山本 興太郎¹, 高橋 卓^{1,2} (¹北大・
院・理,²岡山大・理,³京大・院・理,⁴東大・院・理)
- 3PA-618 **シロイヌナズナの表皮細胞分化における CPC 相同 MYB 遺伝子の働き**
富永 るみ¹, 岩田 美根子¹, 佐野 亮輔¹, 倉田 哲也¹, 関原明², 篠崎 一雄², 岡田 清孝^{1,3}, 和田 拓治¹ (¹理
研・PSC,²理研・GSC,³京大・院理)

- 3PA-619 シロイヌナズナの根毛形成に関わる 3 つの bHLH 遺伝子の分子遺伝学的解析
 佐野 亮輔¹, 長坂 亮子¹, 井上 加代子¹, 白野 由美子^{2,3}, 林 浩昭⁴, 柴田 大輔^{2,5}, 佐藤 修正⁵, 加藤 友彦⁵,
 田畑 哲之⁵, 岡田 清孝^{1,6}, 和田 拓治¹ (¹ 理研・植物科学, ² 三井物産植物バイオ, ³ コーネル大, ⁴ 東大・農, ⁵ かずさ DNA 研, ⁶ 京大・院理)
- 3PA-620 シロイヌナズナのトライコームの発生を制御する遺伝子 *TTG2* の発現解析
 石田 哲也¹, 服部 紗代子¹, 岡田 清孝^{1,2}, 和田 拓治¹ (¹ 理研・植物科学研究センター, ² 京大・院理)
- 3PA-621 シロイヌナズナの表皮分化における *ALE1*, *ACR4*, *ALE2* 遺伝子の役割
 田中 博和^{1,2}, 渡辺 勝³, 広江 知紀³, 田中 俊洋³, 塚谷 裕一⁴, 町田 千代子^{1,2}, 町田 泰則³ (¹ 中部大・応用生物, ² 科学技術振興機構・CREST, ³ 名古屋大・院・理, ⁴ 基生研・統合バイオ)
- 3PA-622 シロイヌナズナ孔辺細胞形態構築に関わる MC79 受容体キナーゼの発現解析
 大岡 誉¹, 田中 克典², 川向 誠², 松田 英幸², 中川 強¹ (¹ 島根大・総科センター・遺伝子, ² 島根大・生物資源)
- 3PA-623 イネのコピキチンリガーゼ EL5 は根の形成に関与する
 西澤 洋子, 田切 明美, 倉野 洋子, 中島 恵美, 加藤 静恵, 加藤 悦子, 中村 英光, 市川 裕章, 南 栄一 (農業生物資源研究所)
- 3PA-624 環境の違いに応じた根毛の伸長に関わるシロイヌナズナ *TMD* 遺伝子の解析
 吉森 晃¹, 桐山 春奈¹, 西村 泰介¹, 太田 真由美¹, 久保 深雪¹, 和田 拓治², 石黒 澄衛³, 槻木 竜二¹, 岡田 清孝^{1,2} (¹ 京大院・理, ² 理研・植物, ³ 名大院・生命農学)
- 3PA-625 シロイヌナズナ花茎における重力刺激応答性遺伝子群の抽出・解析
 阪口 敬太郎, 加藤 壮英, 森田 (寺尾) 美代, 田坂 昌生 (奈良先端大・バイオ)
- 3PA-626 シロイヌナズナの赤色光感受性変異株 *flabby* の解析
 永島 明知¹, 鈴木 玄樹¹, 大岸 麻紀¹, 佐治 健介², 岡田 清孝^{1,2}, 酒井 達也¹ (¹ 理研・植物科学研究センター, ² 京大・院理)
- 3PA-627 シロイヌナズナの花茎伸長欠損変異 *acl5* に対する抑圧変異体の解析
 小村 水脈^{1,2}, 今井 章裕^{1,2}, 山本 興太郎¹, 高橋 卓² (¹ 北大・院・理, ² 岡山大・理)
- 3PA-628 シロイヌナズナのポリアミン合成に関わる *ADC* 遺伝子の種子成熟過程における役割
 浦野 薫¹, 保浦 徳昇^{1,2}, 篠崎 一雄¹ (¹ 理研・植物分子, ² 岡山県生物科学総合研究所)
- 3PA-629 FOX ラインを用いたオーキシン過剰生産タイプ表現形を示すミュータントのスクリーニング
 市川 尚斉¹, 中澤 美紀¹, 川島 美香¹, 飯泉 治子¹, 石川 明苗¹, 鈴木 久美子¹, 関 原明¹, 藤田 美紀², 松井 僚³, 越 智子³, 武藤 周³, 篠崎 一雄¹, 松井 南¹ (¹ 理研ゲノム科学総合研究センター, 植物ゲノム, ² 科学技術振興事業団, ³ NEC ソフト株式会社 VALWAY テクノロジーセンター)
- 3PA-630 アグロバクテリウムの腫瘍形成因子 6b の機能解析
 寺倉 伸治¹, 田上 英明¹, 饗場 弘二¹, 我彦 廣悦², 町田 泰則¹ (¹ 名大院・理・生命理, ² 秋田県立大・生物資源)

< PB 会場 >

.....(1g 分子構造・生命情報 その他)

- 3PB-001 TPA の p14^{arf} 蛋白の安定性に及ぼす影響
井上 理恵¹, 白石 泰三² (¹ 三重大・医・病理部, ² 三重大・医・第二病理)
- 3PB-002 黄色ブドウ球菌 *sigB* 過剰発現株の細胞壁蛋白質群の解析
内藤 記子, 森川 一也, 太田 敏子 (筑波大学大学院 人間総合科学研究科 基礎医学系 感染生物学・微生物)
- 3PB-003 織毛虫 *Blepharisma japonicum* における光ストレス応答性 glutathione S-transferase 遺伝子の構造および発現解析
高田 雄一, 松岡 達臣 (高知大・理・生物)
- 3PB-004 大腸菌 Cysteine transporter の探索と排出機構の解析
山田 諭¹, 粟野 直樹¹, 西野 邦彦², 山口 明人², 中森 茂¹, 高木 博史¹ (¹ 福井県大・生物資源, ² 阪大・産研)
- 3PB-005 RppA, a transducer homologue, and MmrA, a multidrug transporter homologue, are involved in the biogenesis and/or assembly of polysaccharide in *Myxococcus xanthus*
木村 義雄, 石田 沙織, 岡久 修己 (香川大・農・生命機能)
- 3PB-006 マウス亜種間における生殖関連遺伝子群の遺伝子多型解析
津田 薫, 森脇 和郎, 阿部 訓也 (理化学研究所・バイオリソースセンター)
- 3PB-007 イノシトールモノフォスファターゼ (IMPase) 族のゲノム横断的な比較生化学的試み
山本 誠司^{1,2}, 朝倉 昌博^{1,2}, 江田 宗司^{1,2}, 山崎 伸二², 芝 清隆³, 松久 明生^{1,2} (¹ 扶桑薬品・研, ² 大阪府大・農・獣医国際防疫, ³ 癌研・蛋白創製)
- 3PB-008 罔カスパーゼのヒトと大型類人猿における配列比較
足立 直樹^{1,2}, 小島 俊男², 服部 正平^{1,2}, 榎 佳之³ (¹ 北里大・北里生命研・ゲノム情報学, ² 理研・GSC・ゲノム構造, ³ 理研・GSC・ゲノム基盤)
- 3PB-009 The discovery of genes relating to the evolution from an eyeless cave dwelling form to an eyed surface dwelling form of Mexican tetra, *Astyanax mexicanus*, by cDNA microarrays
Nobuhiko Tanaka^{1,2}, Shozo Yokoyama³, Kazuho Ikee¹, Takashi Gojobori¹ (¹ Natl. Inst. Genet., CIB/DDBJ, ² JST, BIRD, ³ Emory Univ., Biology)
- 3PB-010 遺伝子発現量を量的形質として用いた連鎖解析による発現支配座位の特定
山下 聡, 若園 邦子, 野本 朋子, 辻野 好美, 牛島 俊和 (国立がん研・発がん)
- 3PB-011 マイクロアレイデータを利用した大規模遺伝子ネットワークシミュレーション法
柚木 克之, 児島 始言, 北山 朝也, 中山 洋一, 富田 勝 (慶大・先端生命研)
- 3PB-012 Simulation of yeast gene expression network using MASK method
児島 始言, 柚木 克之, 中山 洋一, 富田 勝 (慶應義塾大学, 先端生命科学研究所)
- 3PB-013 細胞シミュレーションを用いたシアノバクテリア概日振動発生メカニズムの解析
三由 文彦^{1,2}, 中山 洋一^{1,3}, 海津 一成^{1,2}, 富田 勝^{1,3} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・政策メディア・バイオインフォマティクスブログ, ³ 同・環境情報)
- 3PB-014 大腸菌ダイナミックモデル構築に向けての代謝スナップショットの網羅的収集
石井 伸佳¹, 馬場 知哉¹, 曾我 朋義¹, 金井 昭夫¹, Zhao Jiao¹, 那波 幹¹, Li Mai^{1,3}, 原田 諭¹, Aminul Hoque¹, 嘉数 勇二¹, 加藤 尚志¹, 菅 吉紘¹, 荒川 和晴¹, 柚木 克之¹, 中山 洋一¹, Martin Robert¹, 西岡 孝明^{1,2}, 清水 和幸^{1,3}, 森 浩禎^{1,4}, 富田 勝¹ (¹ 慶大・先端生命研, ² 京大院・農, ³ 九工大・情工, ⁴ 奈良先端大・遺伝子教育)
- 3PB-015 洞房結節における遅延整流 K チャネルの *in silico* 抑制実験と解析
石鍋 沙耶花^{1,2}, 内藤 泰宏^{1,3}, 富田 勝^{1,3} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・政策メディア・バイオインフォマティクスプログラム, ³ 同・環境情報)

- 3PB-016 心室筋細胞における $\text{Na}^+/\text{Ca}^{2+}$ exchanger の過剰発現による心筋保護作用のシミュレーションによる検証
宮本 章子, 内藤 泰宏, 富田 勝 (慶大・先端生命)
- 3PB-017 同位体標識を利用した代謝流束解析のためのソフトウェアシステムの開発
戸谷 吉博^{1,2}, 石井 伸佳^{1,3}, 清水 和幸^{1,4}, 富田 勝^{1,2} (1 慶大・先端生命研, 2 同・環境情報, 3 同・政策メディア, 4 九工大・情工)
- 3PB-018 赤血球シミュレーションモデルの開発とメタボローム解析の応用
木下 綾子^{1,2}, 中山 洋一^{1,2}, 末松 誠^{1,3}, 富田 勝^{1,2} (1 慶大・先端生命研, 2 同・政策メディア・バイオインフォマティクスプログラム, 3 同・医学部医化学教室)
- 3PB-019 ゲノム情報に基づいた大規模動的代謝パスウェイモデルの自動生成
荒川 和晴, 中山 洋一, 富田 勝 (慶應義塾大学先端生命科学研究所)
- 3PB-020 パスウェイモデル化, シミュレーションソフトウェア Genomic Object Net (GON)
長崎 正朗¹, 土井 淳², 松野 浩嗣³, 宮野 悟¹ (1 東大・医科研, 2 山口大院・理工・自然共生科学, 3 山口大・理・自然情報)
- 3PB-021 力学モデリングによる線虫 *C. elegans* 初期胚の細胞配置シミュレーション: 原腸陥入期への適用
梶田 睦¹, 山村 雅幸², 小原 雄治¹ (1 国立遺伝学研究所・生物遺伝資源情報研究室, 2 東京工業大学大学院・総合理工学研究所)
- 3PB-022 T7 Phage display 法を用いた医薬小分子 NK109 の標的蛋白質探索
諸橋 賢吾¹, 吉森 篤史¹, 斉藤 清一², 田沼 靖一¹, 小林 進¹, 坂口 謙吾¹, 菅原 二三男¹ (1 東理大・ゲノム創薬, 2 日本化薬(株)創薬本部・新薬創生部門・医化学グループ)
- 3PB-023 Phage display 法により得られた生理活性糖脂質 SQAG の結合タンパク質, Tie-1, Tie-2 との相互作用研究
太田 慶祐, 青木 仁子, 山崎 隆之, 菅原 二三男, 坂口 謙吾 (東京理科大学理工学部応用生物科学科)
- 3PB-024 Phage display 法で同定した hEP1 細胞内第 3 ループのマルチドラッグターゲットとしての可能性
高草木 洋一¹, 太田 慶祐², 小林 進³, 坂口 謙吾², 菅原 二三男² (1 東理大院・薬, 2 東理大・理工, 3 東理大・薬)
- 3PB-025 生理活性糖脂質 SQAG は Mitotic Centromere Associated Kinesin (MCAK) の活性に影響を及ぼす。
青木 仁子^{1,2}, 太田 慶祐¹, 山崎 隆之¹, 菅原 二三男^{1,2}, 坂口 謙吾^{1,2} (1 東理大院 応生, 2 東理大 ゲノ創)
- 3PB-026 T7 Phage display 法を用いた DNA polymerase のリガンド結合部位検索法の研究
中澤 聡¹, 松田 香織¹, 青木 仁子^{1,2}, 太田 慶祐¹, 菅原 二三男^{1,2}, 坂口 謙吾^{1,2} (1 東理大 理工 応用生物, 2 東理大 ゲノム創薬センター)

.....(4d 神経発生).....

- 3PB-027 軸索ガイド分子 Netrin/UNC-6 の局在化制御と HSN 神経軸索誘引機構
朝倉 太郎¹, 小倉 顕一¹, 五嶋 良郎^{1,2} (1 横浜市大・院・分子薬理神経生物, 2 科技団・CREST)
- 3PB-028 *C. elegans* kinesin 様蛋白質 VAB-8L は軸索ガイダンス受容体 UNC-40/DCC および SAX-3/Robo を介して軸索伸長方向を逆転させる
渡利-五島 夏子¹, Naomi Levy-Strumpf², Joseph Culotti², Gian Garriga¹ (1 カリフォルニア大パークレー校, 2 Samuel Lunenfeld Research Institute, Mt. Sinai Hospital)
- 3PB-029 ゼブラフィッシュ三叉運動神経の発生に異常を示す突然変異体を用いた細胞分化および軸索伸長機構の解析
田中英臣^{1,3}, 前田 龍³, 韓 昌均³, 野島 康弘^{1,3}, 和田 浩則¹, 白木 利幸^{1,3}, 小林 恵実^{1,3}, 中山 涼子^{1,4}, 政井 一郎², 岡本 仁^{1,3} (1 理研脳センター発生遺伝子, 2 理研独立主幹, 3CREST,JST, 4 理研脳センター RRC)
- 3PB-030 遺伝学的手法を用いて解析する迷走神経の発生機序
木下 滋晴^{1,2}, 田中英臣^{1,2}, 和田 浩則¹, 岡本 仁^{1,2} (1 理研 BSI, 2 科技構・戦略)
- 3PB-031 巨大結腸症の原因遺伝子 Ncx の標的遺伝子の解析
北橋 正康¹, 佐藤 嘉治¹, 徳久 剛史^{1,2}, 幡野 雅彦^{1,2} (1 千葉大・院医・分化制御, 2 千葉大・バイオメディカル研究センター)

- 3PB-032 脊髄の発生過程において発現変動を示す遺伝子の解析
 浜田 剛¹, Michael Escano², 堀井 美希¹, 今城 純子³, 西村 浩美¹, 程 久美子⁴, Raj Ladhur², 浅原 孝之¹
 (¹ 理研・発生再生研・幹細胞医療応用, ² 理研・発生再生研・感覚器, ³ 防衛医大・医・解剖第一, ⁴ 東大・理・生化・生物情報)
- 3PB-033 ゼブラフィッシュ Mauthner 細胞を用いた脊椎動物の神経回路形成に関する研究
 荒巻 真介^{1,2}, 辻井 仁美², 竹内 雅貴², 八田 公平² (¹ 神戸大・院医・生命医科学, ² 理研 CDB)
- 3PB-034 CLAST1 遺伝子の小脳顆粒細胞における機能解析
 前田 幸輝¹, 藤村 理紗¹, 王 継揚², 坂本 明美¹, 有馬 雅史¹, 幡野 雅彦¹, 徳久 剛史¹ (¹ 千葉大学大学院 分化制御学, ² 理化学研究所)
- 3PB-035 脳神経組織に発現する新規 leucine-rich repeat ファミリー Lrfn1-5 の分子比較解析
 守村 直子, 井上 貴史, 片山 圭一, 有賀 純 (理研脳科学総合研究センター比較神経発生研究チーム)
- 3PB-036 新規分泌因子 WISE の末梢神経節形成における働き
 重谷 安代, 板崎 伸栄 (National Institute for Medical Research, Dev Neurobiol, UK)
- 3PB-037 新規セマフォリンの同定
 谷口 雅彦¹, 増田 知之², 深谷 昌弘³, 渡辺 雅彦³, 清水 孝雄¹ (¹ 東大・院医・生化学分子生物, ² 福島医大・医・解剖, ³ 北大・院医・解剖発生)
- 3PB-038 培養海馬神経細胞における synaptotagmin-like protein の機能解析
 藤井 佳代¹, 有村 奈利子², 木村 俊秀¹, Celine Menager¹, 服部 敦志³, 福田 光則⁴, 貝淵 弘三¹ (¹ 名古屋大・院医・神経情報薬理, ² 愛知県がんセンター・発がん制御, ³ 名古屋大・理・生体応答論, ⁴ 理研・福田独立主幹研究ユニット)
- 3PB-039 Zebrafish Pcdh family genes: genomic organization and functional analysis during brain development
 Motoki Tada^{1,2}, Akihiro Momoi³, Makoto Furutani-Seiki³, Takeshi Yagi^{1,2} (¹ Osaka Univ., Frontier Bioscience., ²CREST, JST, ³SORST, Kondoh team. JST)
- 3PB-040 細胞接着因子 L1 ホモログ SAX-7 は C. elegans において神経細胞の位置の維持と神経節の形成に必須である
 笹倉 寛之¹, 稲田 仁¹, 久原 篤¹, 房岡 恵理², 竹本 大輔², 武内 恒成², 森 郁恵¹ (¹ 名大・院理・生命理学・分子神経生物, ² 名大・院理・生命理学・超分子システム)
- 3PB-041 Nudel ノックアウトマウスを用いた神経細胞遊走の解析
 森 大輔, 豊岡 和人, 広常 真治 (大阪市大・院・細胞機能制御)
- 3PB-042 リン酸化 Nudel による p60 Katanin の制御
 豊岡 和人, 森 大輔, 広常 真治 (大阪市大・院・細胞機能制御)
- 3PB-043 血清除去による N2a 細胞の神経突起形成の分子機構の解明
 尹 載宇¹, 坂口 末廣^{1,2}, 山口 尚宏¹, 片峰 茂¹ (¹ 長崎大・院・感染分子病態学, ² 科学技術振興機構 さきがけ)
- 3PB-044 MAP1B の mode I リン酸化は, Cdk5/p35, Cdk5/p25, JNK により異なる制御を受ける
 川内 健史¹, 地濱 香央里^{1,2}, 西村 嘉晃¹, 鍋島 陽一¹, 星野 幹雄^{1,2} (¹ 京都大院・医・腫瘍生物, ² 科技団・PRESTO)
- 3PB-045 小脳発達期の脂質マイクロドメインにおけるシグナル伝達の調節機構
 鈴木 直子^{1,2}, 湯山 耕平^{1,2}, 佐内 豊², 笠原 浩二^{1,2} (¹ 科学技術振興機構さきがけ, ² 都臨床研)
- 3PB-046 A-キナーゼ依存性リン酸化による SCG10 の微小管脱重合能調節機構
 桐野 哲哉^{1,2}, 倉知 正³, 渡部 通寿¹, Grenningloh Gabriele⁴, 五十嵐 道弘¹ (¹ 新潟大院・医歯学・分子細胞機能学, ² 新潟大院・医歯学・視覚病態学, ³ 群馬大・医・分子病態学, ⁴ Cell Biol Inst, Univ Lausanne)
- 3PB-047 MECP2 はニューロンの成熟に伴って発現し, 細胞運命決定ではなく, ニューロンの成熟に関与する
 Noriyuki Kishi, Jeffrey D. Macklis (Harvard. Med. Sch., MGH, MGH-HMS Ctr. Nervous System Repair)
- 3PB-048 神経幹細胞系譜制御における発生段階・遺伝子領域特異的な DNA メチル化パターンの形成機構の解析
 波平 昌一¹, 中島 欽一¹, 田賀 哲也² (¹ 奈良先端大・パイオ, ² 熊本大・発生研・転写制御)

- 3PB-049 中枢神経系発生段階におけるアストログリアサブセットの機能解析
池島 (片岡) 宏子¹, 沈 勤松², 名竹 洋子¹, 斎藤 三郎¹, 湯浅 茂樹³ (¹ 慈恵医大・DNA 研・分子免疫, ² 慈恵医大・DNA 研・遺伝子治療, ³ 国立精神神経センター・神経研・微細構造)
- 3PB-050 bFGF specifies dorsoventral cell identity of neuroepithelial cells in terms of oligodendrocyte differentiation capacity
Masahiko Abematsu^{1,2}, Tetsushi Kagawa^{1,3}, Shinji Fukuda^{1,2}, Toshihiro Inoue^{1,2}, Hirohide Takebayashi⁴, Tetsuya Taga^{1,2} (¹ Department of Cell Fate Modulation, Institute of Molecular Embryology and Genetics, Kumamoto Univ., ² The 21st Century COE program, Kumamoto University, ³ Division of Active Transport, National Institute for Physiological Sciences, ⁴ Division of Neurobiology and Bioinformatics, National Institute for Physiological Sciences)
- 3PB-051 神経上皮細胞からアストロサイトへの分化におけるサイトカイン応答遺伝子の解析
福田 信治^{1,2}, 中島 欽一^{1,3}, 柳澤 亮^{1,2}, 吉村 昭彦⁴, 田賀 哲也^{1,2} (¹ 熊本大・発生研・転写制御, ² 熊本大・21 世紀 COE プログラム, ³ 奈良先端大・バイオ, ⁴ 九州大・生医研・免疫制御)
- 3PB-052 胎生期の神経発生における AINT の役割
落合 和^{1,3}, 滝沢 琢己², 中島 欽一¹, 田賀 哲也¹ (¹ 熊本大・発生研・転写制御, ² Kumamoto University, ³ Kumamoto University)
- 3PB-053 神経系前駆細胞の未分化性を維持する分子メカニズムの解析
吉松 剛志¹, 大石 康二¹, 鎌倉 幸子², 増山 典久¹, 後藤 由季子¹ (¹ 東大・分生研, ² 九大・医)
- 3PB-054 TOF MS を用いたラット視神経オリゴデンドロサイトの分化に関わる新規分子の探索
山崎 智彦¹, 徳元 康人^{1,2} (¹ (独) 産業技術総合研究所 (RICE), ² (財) 先端医療振興財団)
- 3PB-055 神経系前駆細胞のニューロン分化における PI3 キナーゼ-Akt 経路の役割
大石 康二, 綿谷 健治, 吉松 剛志, 増山 典久, 後藤 由季子 (東大・分生研)
- 3PB-056 ヒストン脱アセチル化酵素 Sir2 の神経幹細胞における発現と機能
久原 真^{1,2}, 松本 博之², 堀尾 嘉幸¹ (¹ 札幌医大・医・薬理, ² 札幌医大・医・神経内科)
- 3PB-057 神経細胞分化過程におけるヘム生合成系の活性化
新庄 記子, 北 潔 (東大・医・生物医化学)
- 3PB-058 転写因子 Nkx6.2 は Ngn1 の転写活性を阻害し, ニューロン分化を抑制する
植村 篤実^{1,2}, 鹿川 哲史^{1,2}, 田賀 哲也^{1,2} (¹ 熊本大・発生研・転写制御, ² 21 世紀 COE プログラム)
- 3PB-059 肺神経内分泌細胞への分化過程の解析
井口 孝一, 古堅 裕, 吉見 立也, 高橋 勇二 (東薬大・生命科学・環境ストレス生理学)
- 3PB-060 Neural crest determination by co-activation of Pax3 and Zic1 genes in the Xenopus ectoderm
Takahiko Sato^{1,2}, Noriaki Sasai¹, Yoshiaki Sasai^{1,2} (¹ Organogenesis and Neurogenesis Group, Center for Developmental Biology, Kobe, Japan, ² Graduate School of Medicine, Kyoto Univ., Kyoto, Japan)
- 3PB-061 Patterning of proneuronal and inter-proneuronal domains by hairy- and enhancer of split-related genes in zebrafish neuroectoderm
Young-Ki Bae, Masahiko Hibi (RIKEN ・ CDB ・ VAF)
- 3PB-062 単一細胞ジーンチップ解析を用いた神経標的認識分子の網羅的同定
稲木 美紀子¹, 鈴木 芳枝¹, 油谷 浩幸², 能瀬 聡直¹ (¹ 東大・院理・物理, ² 東大・先端研)
- 3PB-063 シナプス形成初期過程における機能タンパク質の動態可視化: ショウジョウバエ神経筋結合を用いた解析
高坂 洋史, 高須 悦子, 能瀬 聡直 (東大・院理・物理)
- 3PB-064 ショウジョウバエ神経筋シナプス成長過程のライブイメージング
石橋 和也, 高坂 洋史, 高須 悦子, 能瀬 聡直 (東大・院・理・物理)
- 3PB-065 ショウジョウバエの神経特異的 C2HC 型 Zn フィンガー転写因子 dNZF の発現と機能解析
橋爪 卓^{1,2}, 山田 隆文¹, 大迫 俊二¹ (¹ 東京都神経研・基盤技術, ² 東邦大院・理・生分)
- 3PB-066 ショウジョウバエ変態期における神経-グリア相互作用による軸策分岐除去の機構
栗崎 健^{1,2}, 巽 良子^{1,3}, 高橋 邦明⁴, 上田 龍⁴, 伊藤 啓^{1,3} (¹ 東大・分生研, ² 科技振・さきがけ, ³ 科技振・BIRD, ⁴ 国立遺伝研・系統生物)

- 3PB-067 NRSF/REST の類似遺伝子 *taco* のショウジョウバエ神経発生における機能
林 永美, 海道 雅子, 津田 玲生, 林 茂生 (理研, 発生再生センター)
- 3PB-068 ショウジョウバエ神経発生における 1-3 フコース転移酵素の機能解析
吉田 英樹^{1,2}, 上田 龍^{2,3}, 後藤 聡^{2,4}, 西原 祥子^{1,2} (1 創価大・工・生命情報, 2 科学技術振興機構・CREST, 3 国立遺伝研・系統生物・無脊椎, 4 三菱化学生命研)
- 3PB-069 ショウジョウバエ神経系の形成における小胞輸送の役割
滝沢 一永, 石川 恭子, 浜 千尋 (神戸大・理・生物)
- 3PB-070 ショウジョウバエ中心脳複合体神経回路網の発生過程の解析
神谷 真理子^{1,2}, 伊藤 啓^{1,2}, 粟崎 健^{1,3} (1 東京大学分子細胞生物学研究所, 2 科技振・BIRD, 3 科技振・PRESTO)
- 3PB-071 ショウジョウバエの Hikaru genki およびアミロイド前駆体蛋白質のシナプス形成過程における軸索輸送スイッチ機構
曽根 雅紀^{1,2}, 宇津木 めぐみ^{1,2}, 川内 健史¹, 星野 幹雄^{1,2}, 鍋島 陽一¹ (1 京都大・医, 2 科技振・さきがけ)
- 3PB-072 Ig スーパーファミリー分子 Neuroglian は樹状突起パターン形成と軸索の異所的な分岐を制御する
山本 美暁¹, 上村 匡^{1,2} (1 京都大・院・生命, 2CREST, JST)
- 3PB-073 脳の性決定因子 Fruitless に対して修飾作用を示す遺伝子の探索
三河 由昂, 伊藤 弘樹, 山元 大輔 (早大・人科, 理工)
- 3PB-074 ショウジョウバエ中枢神経系における *tra* 遺伝子による性特異的 neuroblast の分裂調節
横澤 麻紀子, 宮崎 光輝, 辻村 秀信 (農工大・発生生物)
- 3PB-075 平面内細胞極性 (PCP) 遺伝子 *strabismus* による軸索投射制御機構の解析
福田 敏史, 小椋 利彦 (東北大・加齢研・神経機能)
- 3PB-076 樹状突起の伸長と分岐を調節する遺伝子プログラム解明へのアプローチ
佐藤 大祐¹, 杉村 薫¹, 佐藤 太一², 上村 匡^{3,4} (1 京大院・理, 2 京大・理, 3 京大院・生命科学, 4JST・CREST)
- 3PB-077 Analysis of the role for engrailed during the olfactory system development in *Drosophila*
HIROKO SAITO, CHIHIRO HAMA (Laboratory for Neural Network Development, RIKEN Center for Developmental Biology)
- 3PB-078 7 回膜貫通型カドヘリン Flamingo の下流シグナル伝達因子の探索
碓井 理夫¹, 木村 宏史², 上村 匡^{1,3} (1 京都大院・生命科学, 2 京都大院・理, 3CREST・科学技術振興機構)
- 3PB-079 ショウジョウバエ視覚中枢の投射標的細胞の分化における Notch シグナルの制御機構とその役割
梅津 大輝¹, 村上 智史¹, 佐藤 純¹, 粟崎 健², 伊藤 啓², 多羽田 哲也¹ (1 東大・分生研・形態形成, 2 東大・分生研・高次構造)
- 3PB-080 Functional analysis of *CG3624*, a Novel Member of the Ig Superfamily, in the developing *Drosophila* visual system.
村上 智史¹, 梅津 大輝¹, 佐藤 純¹, 粟崎 健², 伊藤 啓², 多羽田 哲也¹ (1 東大・分生研・形態形成, 2 東大・分生研・高次構造)
- 3PB-081 Large-scale identification and characterization of genes with asymmetric expression patterns in the developing chick retina.
Takafumi Shintani^{1,2}, Akira Kato^{1,2}, Jun-ichi Yuasa-Kawada^{1,2}, Hiraki Sakuta^{1,2}, Masakazu Takahashi^{1,2}, Ryoko Suzuki^{1,2}, Takeshi Ohkawara^{1,2}, Hiroo Takahashi^{1,2}, Masaharu Noda^{1,2} (1National Institute for Basic Biology, Dept of Molecular Neurobiology, 2CREST, JST)
- 3PB-082 視細胞の極性形成は網膜全層構造の形成に必須である
小池 千恵子¹, 西田 明弘¹, 秋本 和憲², 中谷 雅明², 野田 哲生³, 大野 茂男², 古川 貴久^{1,4} (1 大阪バイオ研・第4部門, 2 横浜市大・医・分子生物, 3 癌研・細胞生物, 4 科学技術振興機構 さきがけ)
- 3PB-083 視細胞の分化に異常を示すゼブラフィッシュ突然変異体 *corona* の解析
西脇 優子¹, 小森 敦子¹, 相良 洋², 鈴木 えみ子², 岡本 仁^{3,4}, 政井 一郎¹ (1 理研・政井独立主幹研究ユニット, 2 東大・医科研・分子構造解析, 3CREST, JST, 4 理研・脳センター)

- 3PB-084 ニワトリ網膜発生分化における FGF19 遺伝子の役割の解析
美藤 高明, 黒瀬 仁美, 清水 美幸, 野地 澄晴, 大内 淑代 (徳島大・工・生物工)
- 3PB-085 Transgenic Mice that Express EGFP Under the Control of Mouse Rhodopsin Promoter
Andi Muhammad Ichsan^{1,2}, Ichiro Kato^{1,3}, Toshiko Yoshida⁴, Kumi Takasawa¹, Seiji Hayasaka^{2,3}, Koichi Hiraga¹ (¹Toyama Med. & Pharmac. Univ., Sch. of Med., Dept. Biochem., ²Toyama Med. & Pharmac. Univ., Sch. of Med., Dept. Ophthal., ³Toyama Med. & Pharmac. Univ., Sch. of Med., 21st Century COE Program, ⁴Toyama Med. & Pharmac. Univ., Sch. of Med., Dept. Anat.)
- 3PB-086 ラット初期胚菱脳における Pax6 下流遺伝子ネットワークの網羅的解析
沼山 恵子^{1,2}, 新井 洋子¹, 船津 宣雄³, 中村 俊³, 大隅 典子^{1,2} (¹ 東北大・院医・創生応用医学研究セ・形態形成, ²CREST, JST, ³ 国立精神・神経セ・神経研・診断)
- 3PB-087 Pax6 標的遺伝子 *Fabp7* は神経前駆細胞の未分化性を維持する
新井 洋子¹, 船津 宣雄², 野村 真¹, 中村 俊², 大隅 典子¹ (¹ 東北大・院医・創生応用医学研究セ・形態形成, ² 国立精神・神経セ・神経研・診断)
- 3PB-088 Notch 機能の応用による大脳皮質神経発生機構の解析
水谷 健一, 斎藤 哲一郎 (京都大・再生研)
- 3PB-089 ニワトリ胚中脳の領域形成と Canopy 遺伝子
原田 英育¹, 佐藤 達也¹, 平手 良和², 岡本 仁^{2,3}, 仲村 春和¹ (¹ 東北大学大学院生命科学研究科/加齢研, ² 理化学研究所脳科学総合研究センター, ³ 戦略的創造研究推進事業 (CREST, JST))
- 3PB-090 Hes genes regulate size, shape and histogenesis of the nervous system by control of the timing of neural stem cell differentiation
Jun Hatakeyama¹, Yasumasa Bessho¹, Kazuo Katoh², Shigeo Ookawara², Makio Fujioka³, Francois Guillemot⁴, Ryoichiro Kageyama¹ (¹Kyoto Univ., Inst. Virus Res., ²Jichi Med. Sch., Dept. Anat., ³Kyoto Univ., Grad. Sch. Med., ⁴Natl. Inst. for Medical Res.)
- 3PB-091 間脳形成における zinc finger 遺伝子 *fez, fezl* の役割
平田 務¹, 中澤 祐人¹, 須田 容子², 中尾 和貴³, 日比 正彦¹ (¹ 理研・発生再生研・体軸形成, ² 理研・発生再生研・ボディプラン, ³ 理研・発生再生研・変異マウス)
- 3PB-092 Roles of the bHLH genes Math3 and Mash1 in the developing hindbrain
Ryosuke Ohsawa¹, Yoshiki Takashima¹, Koichi Tomita¹, Francois Guillemot², Ryoichiro Kageyama¹ (¹Kyoto Univ., Inst. for Virus Res., ²UK, Nat. Inst. for Med. Res. Dep. of Mol. Neurobiol.)
- 3PB-093 Helt, a novel bHLH transcriptional repressor expressed in the developing central nervous system
Tomoya Nakatani, Eri Mizuhara, Yasuko Minaki, Yoshimasa Sakamoto, Yuichi Ono (KAN Research Institute)
- 3PB-094 Corl1, a novel neuronal lineage-specific transcriptional corepressor for the homeodomain transcription factor Lbx1
Yuichi Ono, Eri Mizuhara, Tomoya Nakatani, Yasuko Minaki, Yoshimasa Sakamoto (KAN Research Institute)
- 3PB-095 発生期大脳皮質の皮質板上層・辺縁帯で優位に発現する分子の検索
刀川 夏詩子¹, 佐々木 慎二¹, 前田 卓哉¹, 仲嶋 一範^{1,2} (¹ 慶應・医・解剖, ² 慈恵・DNA 研・分子神経)
- 3PB-096 INVESTIGATION OF MOLECULAR BASIS SPECIFYING SUBTYPES OF NEOCORTICAL NEURONS
Yoshinobu Sugitani¹, Tetsuo Noda¹, Masaharu Ogawa² (¹Riken, BSI, Cell Culture., ²JFCR-Cancer Inst., Cell Biol.)
- 3PB-097 Altered whisker patterns induced by Ad-Shh are somatotopically represented in whisker-barrel system
Kanae Ohsaki^{1,2}, Shun Nakamura¹ (¹National Institute of Neurosci, NCNP, ²JSPS)

.....(2c 染色体外因子 (ウイルス・ファージ・プラスミド・トランスポゾン)).....

- 3PB-098 A single nucleotide synonymous mutation in gag gene in seronegative cases of HIV-1 infection
Yurina Hibi¹, Takaichi Hamano², Kazuhiro Matsuo², Naoko Takahashi¹, Yoshio Mabuchi³, Tsuyoshi Soji³, Takashi Hara², Naoki Yamamoto², Mitsuo Honda², Takashi Okamoto¹ (¹Nagoya City Univ., Grad. Sch. Med. Sci., Dept. Mol. Cell. Biol., ²Nat. Inst. Inf. Dis., AIDS Res. Ctr., ³Nagoya City Univ., Grad. Sch. Med. Sci., Dept. Morph. Med.)
- 3PB-099 ヒト免疫不全ウイルス非ミリスチル化 Gag 蛋白による粒子アッセムブリーのドミナントネガティブ阻害機構
森川 裕子, 川田 茂雄 (北里大・生命研)
- 3PB-100 HIV-1 侵入直後に欠損をもつ変異株とその復帰変異株の細胞特異性
村上 努¹, Eric Freed², 山本 直樹³, 田中 勇悦¹ (¹琉球大・医・免疫, ²NCI-Frederick, NIH, USA, ³国立感染研・エイズ研究センター)
- 3PB-101 Ala 残基挿入変異による HIV-1gp41 膜貫通領域の構造機能連関の解析
宮内 浩典, 駒野 淳, 松田 善衛 (感染研 エイズ研究センター)
- 3PB-102 HIV 増殖関連細胞因子の siRNA 発現レンチウイルスベクターによる解析
青木 淳^{1,2}, 蝦名 博貴³, 小柳 義夫¹ (¹京大・ウイ研・感病, ²東北大・医・免疫, ³東北大・医・微生物)
- 3PB-103 ゲートウェイ法による効率的 cDNA ライブラリの組換え反応を利用した発現レンチウイルスベクター: HIV 抵抗性遺伝子の単離
芳田 剛^{1,2}, 稗田 訓子^{1,2}, 河野 祐治³, 青木 淳^{1,2}, 小柳 義夫¹ (¹京都大・ウイルス研・感染病態, ²東北大・院医・免疫学, ³東北大・院医・微生物学)
- 3PB-104 Restriction of HIV-1 infection at the post-nuclear translocation process in rabbit cell line RK13
駒野 淳, 浦野 恵美子, 二橋 悠子, 宮内 浩典, 松田 善衛, 山本 直樹 (国立感染症研究所 エイズ研究センター)
- 3PB-105 活性化細胞における mRNA 分解促進因子を利用した HIV-1 の免疫回避機構
前田 才恵, 高橋 秀宗, 佐多 徹太郎 (国立感染研・感染病理)
- 3PB-106 HIV-1 アクセサリー遺伝子産物 Vpr による p53 の機能修飾
中井 智嘉子¹, 志村 まり¹, 田口 崇¹, 胡桃坂 仁志², 石坂 幸人¹ (¹国立国際医療センター・難治性疾患, ²早大院理工)
- 3PB-107 HIV 感染細胞上に提示される T 細胞エピトープ動態解析の試み
泉 泰輔¹, 上野 貴将¹, 本園 千尋¹, 井手上 結香¹, 渡邊 秀樹², 津本 浩平², 熊谷 泉², 滝口 雅文¹ (¹熊大・エイズ研, ²東北大・院工・生工)
- 3PB-108 インフルエンザウイルス RNA ポリメラーゼのサブユニット集合に関与する宿主因子 RAF-1/Hsp90 の役割
内藤 忠相¹, 百瀬 文隆², 永田 恭介¹ (¹筑波大・院・人間総合科学, ²北里大学・北里生命科学研究所)
- 3PB-109 ウイルス核タンパク質 NP とウイルスゲノムを標的とした宿主因子 RAF-2 によるインフルエンザウイルス RNA の合成促進
百瀬 文隆¹, 川口 敦史², 岩松 明彦³, 森川 裕子¹, 永田 恭介² (¹北里大・北里生命科学研, ²筑波大・院人間総合ノ・基礎医学系, ³(有)プロテイン・リサーチ・ネットワーク)
- 3PB-110 インフルエンザ A 型ウイルス NS1 蛋白質の機能
畑田 恵利子¹, 野村 孝弘², 福田 龍二¹ (¹金沢大・大学院医学系研究科・情報遺伝, ²金沢学院短期大学・食物栄養)
- 3PB-111 B 型インフルエンザウイルスの増殖過程における BM2 蛋白の機能
今井 正樹¹, 渡辺 真治², 二宮 愛¹, 小淵 正次¹, 小田切 孝人¹ (¹感染研・ウイルス 3 部, ²ウイスコンシン大・獣医)
- 3PB-112 インフルエンザウイルス PB1-F2 のミトコンドリア局在化と膜電位の低下機序の解析
山田 博司, 長南 律, 木戸 博 (徳島大・分子酵素・酵素化学)

- 3PB-113 麻疹ウイルス V タンパク質による IFN 効果抑制と STATs との相互作用
門田 伸一¹, 宮嶋 直子², 竹内 薫¹, 永田 恭介¹ (¹筑波大・院・人間総合科学, ²国立感染症研・ウイルス 3)
- 3PB-114 MEF タグ精製-プロテオーム解析による C 型肝炎ウイルス Core 蛋白新規結合因子の同定
勝二 郁夫¹, 白倉 雅之¹, 市村 徹², 鈴木 亮介¹, 鈴木 哲朗¹, 梶山 裕一¹, 下地 徹¹, 村上 恭子¹, 佐藤 慈子³, 深澤 征義³, 山河 芳夫³, 西島 正弘³, 宮村 達男¹ (¹国立感染症研・ウイルス 2, ²東京都立大・理・生化, ³国立感染症研・細胞化学)
- 3PB-115 シグナルペプチドペプチダーゼによる C 型肝炎ウイルスコア蛋白質の膜内プロセッシング
岡本 貴世子, 森石 恆司, 松浦 善治 (大阪大・微研・エマージング感染症研究センター)
- 3PB-116 C 型肝炎ウイルスによる初期ウイルス応答抑制機構の解析
井上 和明¹, 松田 千穂¹, 小原 恭子³, 米山 光俊⁴, 藤田 尚志⁴, 与芝 真², 小原 道法¹ (¹東京都臨床研, ²昭和大学藤が丘病院, ³東大・医科研, ⁴東京都臨床研)
- 3PB-117 EB ウイルス核蛋白 EBNA-LP ドミナントネガティブ変異体の解析
原田 志津子 (感染症研・ウイルス 1)
- 3PB-118 HTLV-1 HBZ による AP-1 活性の制御機構の解析
松本 潤, 大島 隆幸, 磯野 修, 下遠野 邦忠 (京都大・ウイルス研)
- 3PB-119 ラットパルボウイルス NS 遺伝子の機能解析
清水川 理恵¹, 伊関 大敬¹, 清水 優子¹, 小野寺 雅史², 國田 智¹, 杉山 文博¹, 八神 健一¹ (¹筑波大・生命科学動物資源センター, ²筑波大・血液内科)
- 3PB-120 KSHV 由来 LANA タンパク質の新規 C 末端プロセッシング体とがん化における役割
笹島 仁^{1,2}, 中村 哲也¹, 横沢 英良¹, 藤室 雅弘^{1,2} (¹北大・院薬・生化学, ²NEDO)
- 3PB-121 個体内における転写レベルでの HTLV-1 発現抑制機構
蔣 時文¹, 稲田 武文², 古田 里佳¹, 藤澤 順一¹ (¹関西医大・微生物, ²関西医大・麻酔科)
- 3PB-122 B 型肝炎ウイルス増殖への complement component 1q receptor (gC1qR) の関与
黒木 和之¹, 山野 祐子¹, 石川 隆², 福嶋 康之², 原田 文夫¹ (¹金沢大・がん研, ²東京大・医)
- 3PB-123 日本脳炎ウイルスゲノム RNA3' 末端 UTR の変異とウイルス持続感染
竹上 勉¹, 村上 学¹, 太田 隆英¹, 奴久妻 聡一² (¹金沢医大・総医研・分子腫瘍, ²神戸市環保研)
- 3PB-124 神経病原性マウスレトロウイルス A8 のウイルスタンパク発現における LTR-5' リーダー配列の役割
山本 直樹, 渡辺 里仁, 高瀬 明 (創価大・工・生命情報)
- 3PB-125 フレンドマウス白血病ウイルス A8 感染による胸腺腫瘍誘導機構の解析
平野 朋子, 渡辺 里仁, 高瀬 明 (創価大・工・生命情報)
- 3PB-126 ノロウイルスと血液型物質との結合の解析
白土 (堀越) 東子¹, 名取 克郎¹, 小川 智子¹, 鎌田 公仁夫², 影山 努³, 片山 和彦¹, 宮村 達男¹, 武田 直和¹ (¹感染症研・ウイルス第二部, ²デンカ生研・開発研究部, ³BML・先端技術開発部)
- 3PB-127 Efficient replication of SARS coronavirus on the cells expressing mouse ACE2
福士 秀悦, 水谷 哲也, 西條 政幸, 倉根 一郎, 森川 茂 (国立感染症研究所ウイルス一部)
- 3PB-128 HTLV-1 関連疾患発症マーカー: HTLV-1 外被蛋白質上の受容体結合領域を認識する抗体の特異的出現
相良 康子, 小嶋 英二郎, 辻村 充志, 白木 洋, 柏木 征三郎 (福岡県赤十字血液センター・研究部)
- 3PB-129 C 型肝炎ウイルス関連腫瘍抗原の解明と応用
小原 恭子¹, 泉 光輔¹, 黄 瑛¹, 大海 忍¹, 福田 宏之¹, 田中 武², 小原 道法³, 甲斐 知恵子¹ (¹東大医科研, ²都立駒込病院, ³東京都医学研究機構, 都臨床研)
- 3PB-130 インフルエンザウイルスのマウス脳接種による中枢神経系損傷に対する生体反応
滝澤 剛則¹, 渡辺 貴美¹, 稲熊 裕¹, 時田 義人², 中島 捷久³ (¹愛知県コロニー研究所・神経制御, ²愛知県コロニー研究所・周生期, ³名古屋市大・医・ウイルス)
- 3PB-131 家蚕核多角体病ウイルス (BmNPV) *ie1* プロモーターが持つエクダイソン応答性について
織谷 幸太, 浅野 眞一郎, 佐原 健, 伴戸 久徳 (北大・農・応用生命)
- 3PB-132 マイマイガ核多角体病ウイルス Host range factor 1 (HRF1) タンパク質の細胞内局在の解析
石川 裕規, 池田 素子, 小林 迪弘 (名大院・生命農)

- 3PB-133 BmNPV の非許容細胞核への侵入不全
加藤 泰弘, 池田 素子, 小林 迪弘 (名大院・生命農)
- 3PB-134 昆虫培養細胞 AnPe におけるアタシン遺伝子ホモログの発現とバキュロウイルス増殖の負の相関
前川 憲一¹, 糸山 享², 篠田 徹郎³, 小林 淳⁴, 吉村 哲郎¹ (¹三重大・工, ²秋田農試, ³生物研, ⁴山口大・農)
- 3PB-135 植物のストレス応答としてのユビキチン活性化酵素 (E1) の誘導
滝澤 真理, 渡辺 雄一郎 (東大院 総合文化)
- 3PB-136 *piggyBac* を利用した昆虫用ジーントラップシステムの構築
宮崎 さくら¹, Lukacsovich Tamas², 伊藤 弘樹³, 金原 明代⁴, 本田 洋⁵, 木村 澄⁶, 山元 大輔¹ (¹早大院・理工, ²California Univ., Dept. Dev. Cell Biol., ³早大・理工総研, ⁴早大・人間科学, ⁵筑波大・農林学系, ⁶農業・生物系特定産業技術研究機構 畜産草地研究所)
- 3PB-137 コムギ無細胞タンパク質合成法を用いた西ナイルウイルスプロテアーゼ阻害剤の HT-スクリーニング手法の開発
名取 美和, 澤崎 達也, 遠藤 弥重太 (愛媛大学・無細胞センター, VBL)
- 3PB-138 演題取消
- 3PB-139 Imaging of human liver cells by specific delivery of Bio-nanocapsule fused to EGFP
Dongwei Yu¹, Chie Amano¹, Takayuki Fukuda^{1,2}, Tadanori Yamada³, Shun'ichi Kuroda³, Katsuyuki Tanizawa³, Akihiko Kondo⁴, Masakazu Ueda⁵, Hidenori Yamada¹, Hiroko Tada¹, Masaharu Seno^{1,6} (¹Grad. Sch. Nat. Sci. & Technol., Okayama Univ., ²R&D Cntr, Katayama Chem. Ind. Ltd., ³ISIR, Osaka Univ., ⁴Fac. Eng., Kobe Univ., ⁵Sch. Med., Keio Univ., ⁶Res. Cntr Biomed. Eng., Okayama Univ.)
- 3PB-140 サリチル酸によるインフルエンザウイルス mRNA 核外輸送の阻害
清水 一史, 井口 晃史, 五明 利恵子, 芝田 敏克, 野田 彰浩, 黒田 和道 (日本大学医学部免疫学・微生物学)
- 3PB-141 レトロウイルス感染時に機能する宿主由来産物とウイルスタンパク質の相互作用
田中 明子 (国立感染症研究所血液・安全性研究部)
- 3PB-142 バキュロウイルスベクターによる哺乳動物細胞への遺伝子導入および AIDS 症治療への応用
鈴木 等¹, 金子 央賢¹, 阿部 隆之³, 玉井 信成¹, 黒崎 直子^{1,2}, 松浦 善治³, 高久 洋^{1,2} (¹千葉工大・工・生命環境, ²千葉工大・ハイテク, ³阪大・微研・エマージング)
- 3PB-143 酵母発現系におけるヒト免疫不全ウイルスのゲノムパッケージング
塘 直樹, 森川 裕子 (北里大・生命研)
- 3PB-144 インフルエンザウイルスのゲノム・パッケージングに必要な塩基配列
藤井 健^{1,2}, 岩附 (堀本) 研子^{1,2}, 堀本 泰介^{1,2}, 河岡 義裕^{1,2} (¹東大医科研ウイルス感染分野, ²CREST)
- 3PB-145 HIV ゲノム RNA 二量体化およびパッケージングに関する解析
櫻木 淳一, 塩田 達雄 (阪大・微研・ウイルス感染制御)
- 3PB-146 レプリコンを用いたフラビウイルスゲノム RNA のパッケージングモデルの構築および応用
好井 健太郎¹, 早坂 大輔², 後藤 明子¹, 川上 和江¹, 小西 英二³, 荻和 宏明¹, 高島 郁夫¹ (¹北大・院・獣医・公衆衛生, ²長崎大・熱帯医研・病変発現, ³神戸大・医・医療基礎)
- 3PB-147 バクテリオファージ Mu の基盤を構成する gp44 の X 線結晶解析
近藤 洋平¹, 月原 富武¹, 北澤 大典², 武田 茂樹² (¹阪大・蛋白研, ²群大院・ナノ材料)
- 3PB-148 *Thermus aquaticus* TZ2 株由来の好熱性 Bacteriophage IN93 の遺伝子解析と *Thermus aquaticus* TZ2 株の染色体上に存在する新規 IS 因子 (IStaqTZ2) の単離
松下 功¹, 川崎 東彦² (¹大阪ガス, ²阪府大院・農生命)
- 3PB-149 *Sphingomonas* 属細菌由来プラスミドの機能解析
斉藤 美有紀, 久留主 泰朗 (茨城大・農・分子微生物工学)
- 3PB-150 F プラスミドの SopA・SopB タンパク質の螺旋状局在：プラスミドの位置決定・分配の新モデル構築への示唆
足立 隼¹, 平賀 壯太² (¹京大・生命・認知情報, ²京大・生命・遺伝機構)

- 3PB-151 **プラスミド R64 の接合伝達開始タンパク NikA , NikB の解析**
古屋 伸久¹, 吉田 均², 甲斐荘 正恒², 駒野 照弥¹ (¹ 都立大・院理・生物, ² 都立大・院理・化学)
- 3PB-152 **LINE がコードする配列特異的エンドヌクレアーゼの機能構造**
青柳 秀幸¹, 安西 智宏¹, 真板 宣夫², 小島 健司¹, 藤原 晴彦¹ (¹ 東大・院新領域・先端生命, ² 農業生物資源研)
- 3PB-153 **テロメア特異的 LINE , SART1 の ORF1 蛋白質の新規な機能**
松本 匠, 藤原 晴彦 (東京大学・院新領域・先端生命)
- 3PB-154 ***In vitro* 転移活性を有する LINE-RNP complex の単離**
濱田 光浩, 松本 匠, 藤原 晴彦 (東京大院・新領域・先端生命)
- 3PB-155 **テロメア特異的 LINE ・ SART1 の転移に必要な鋳型 RNA の 3' UTR 構造**
長内 美瑞子, 藤原 晴彦 (東大・院新領域・先端生命)
- 3PB-156 **転移因子 LINE の逆転写反応開始機構の解析**
梶川 正樹¹, 松井 哲生¹, 遠藤 弥重太², 岡田 典弘¹ (¹ 東工大院・生命理工, ² 愛媛大・工)
- 3PB-157 **ゼブラフィッシュ LINE: CR1-1_DR 転移機構の解析**
菅野 知紘, 梶川 正樹, 岡田 典弘 (東工大・院・生命理工)
- 3PB-158 **ゼブラフィッシュ LINE の転移後配列の解析**
中島 亮, 梶川 正樹, 岡田 典弘 (東工大院・生命理工)
- 3PB-159 **ゼブラフィッシュ LINE (ZebLINE) における転写制御機構の解明**
田村 政人, 梶川 正樹, 岡田 典弘 (東工大・院・生命理工)
- 3PB-160 **ゼブラフィッシュ LINE (CR1-1_DR) ORF1 タンパク質の機能解析**
中村 光宏, 梶川 正樹, 岡田 典弘 (東工大・院・生命理工)
- 3PB-161 **線虫 *C. elegans* における SINE 配列 CE1 の転写制御機能**
高島 康郎¹, 板東 哲哉¹, 香川 弘昭² (¹ 岡山大・院・自然科学, ² 岡山大・理・生物)
- 3PB-162 **マウス IAP レトロトランスポソンの転移システムの樹立**
堀江 恭二¹, Vincent Keng^{1,2}, 齋藤 映介¹, 石原 弘³, 竹田 潤二^{1,2,4} (¹ 阪大・院医・社会環境, ² 科技园, ³ 放医研・レドックス制御, ⁴ 阪大・先端センタ)
- 3PB-163 **メダカのトランスポゾン *Tol2* : 転移頻度に対する DNA メチル化の影響**
飯田 敦夫, 堀 寛, 古賀 章彦 (名古屋大学・院理)
- 3PB-164 **マルバアサガオにおける転移可能なヘリトロン *Helip1* ファミリー**
仁田坂 英二, 辰己 真一 (九大・院理・生物科学)
- 3PB-165 **イネのセルフプライム・レトロトランスポゾン *RIRE5* の転写解析**
田口 祐¹, 薄井 俊樹¹, 土本 卓¹, 角谷 徹仁², 大坪 栄一¹, 大坪 久子¹ (¹ 東大・分生研, ² 国立遺伝学研究所)
- 3PB-166 **新規 DNA トランスポゾン *nDart* ファミリーのイネゲノム上の分布**
梅根 一夫¹, 前川 雅彦², ウン チャンホ¹, 飯田 滋¹ (¹ 基生研, ² 岡山大・資生研)
- 3PB-167 **イントロン領域内 ORF にコードされた endonuclease 活性とイントロン RNA を折り畳む分子シャペロン活性を併有するタンパクが示す不合理な認識 DNA 配列の冗長性**
黒川 さゆり¹, 別所 義隆², 東島 今日子², 白水 美香子², 横山 茂之^{2,3}, 大濱 武¹ (¹ 高知工大・院・工, ² 理研 GSC, ³ 東大・院・理・生化)
- 3PB-168 **大腸菌の転移性遺伝因子 IS1 の転移部位に影響を与える要因の解析**
斉藤 貴, 萩野 洋平, 山藤 旅聞, 関根 靖彦 (立教大・理・生命)
- 3PB-169 **大腸菌の挿入因子 IS3 により形成される 2 種類の 8 の字形分子はそれぞれ特異的な 2 種類のトランスポゼース-DNA 複合体から生じる**
峰松 寛, 大坪 栄一 (東大・分生研)
- 3PB-170 **挿入因子 IS1 トランスポゼース内の 2 つの機能的ドメインによる末端配列特異的結合**
太田 信哉¹, 吉村 悦郎², 大坪 栄一¹ (¹ 東京大 分生研, ² 農)

- 3PB-171 納豆菌特異的に存在する挿入配列 IS4Bsu1 の解析
高橋 究¹, 右田 紘子¹, Reyes Dindo Y.¹, 関根 靖彦², 河村 富士夫², 吉川 博文¹ (¹ 東京農大・バイオ, ² 立教大・理)
- 3PB-172 定常期の大腸菌染色体 DNA 上で形成される IS2 tandem dimer 構造について
森田 正之 (関西医大・医)
-(3i アポトーシス)
- 3PB-173 塩酸ブプレノルフィンによる神経細胞 PC-12 でのアポト - シス
九川 文彦, 深澤 亜季子, 青木 正忠 (日大・薬・臨床薬剤)
- 3PB-174 出芽酵母における HDAC 阻害剤のバルプロ酸によるアポトーシスの誘導は, SIR2 遺伝子の破壊によって回避される。
三井 和浩¹, 夏山 文恵¹, 中村 正裕¹, 岡本 太郎², 劔 邦夫¹ (¹ 山梨大・医・生化², ² 山梨大・医・精神神経医学)
- 3PB-175 TPA またはエトポシドによりアポトーシス誘導した HL-60 細胞における Ku タンパク質レベル及び DNA 結合活性に関する研究
井内 勝哉¹, 水野 めぐみ¹, 山尾 文明², 矢倉 達夫¹ (¹ 関西学院大・理工・生命科学, ² 国立遺伝研・変異遺伝)
- 3PB-176 卵巣顆粒膜細胞における Topoisomerase I 阻害性抗癌剤による分化成熟特異的アポトーシス誘導
宇都宮 智子¹, 田中 哲二¹, 宇都宮 洋才², 白 涛¹, 湯川 和典³, 前田 正信³, 梅咲 直彦¹ (¹ 和歌山県医大・医・産婦, ² 和歌山県医大・医・病理, ³ 和歌山県医大・医・生理)
- 3PB-177 オルトバナジン酸ナトリウムによる DNA 損傷誘発アポトーシス抑制機構
森田 明典¹, 鈴木 紀夫², 榎本 敦³, 松本 義久³, 細井 義夫³ (¹ 東大院・医・量子環境, ² 国際医療福祉大学・保健, ³ 東大院・医・疾患生命・放研)
- 3PB-178 エタノールにより誘導される肝細胞でのアポトーシスにおける caspase-10 の関与
高井 大策, 明石 真言 (放医研・被ばく医療部)
- 3PB-179 Effective Combination of (-) -Epigallocatechin-3-gallate and Imatinib Mesylate in Philadelphia Chromosome-Positive Leukemic Cell Lines Including Imatinib-resistant Cell Line
Thanh Van Phan Nguyen^{1,3}, Yukihiko Hara², Katsushi Tokunaga³, Yuko Sato¹ (¹ Div. of Ultrafine Structure, Res. Inst. of IMCJ, ² Polyphenon Div., Mitsui Norin Co. Ltd, ³ Dept. of Human Genet., Sch. of Intl. Health, Grad. Sch. of Med., Univ. of Tokyo)
- 3PB-180 ヒト単芽球細胞株 U937 の LPS 誘導アポトーシス
稲垣 潤¹, 桑原 卓², 福田 宏之¹, 大海 忍¹ (¹ 東大医科研・遺伝子動態, ² 東邦大・医・免疫)
- 3PB-181 虚血 / 再還流障害における血管内皮細胞の shear stress による apoptosis に関する検討
梅本 貴央¹, 宮崎 忠昭², 岩崎 倫政¹, 眞島 任史¹, 三浪 明男¹, 上出 利光² (¹ 北大・整形外科, ² 北大・遺制研・分子免疫)
- 3PB-182 熱可逆性ゲル内培養による NIH/3T3 細胞アポトーシス誘導機構の解析
清水 聖子¹, 吉田 悟¹, 長尾 洋昌¹, 吉岡 浩², 森 有一², 佐藤 裕子¹ (¹ 国立国際医セ・超微研, ² 早稲田大・理工・総合研究セ)
- 3PB-183 セルピン Squamous Cell Carcinoma Antigen (SCCA) の新たな役割: SCCA は JNK を介して UV 誘導アポトーシスを抑制する
片桐 千華, 仲西 城太郎, 日比野 利彦 (資生堂 ライフサイエンス研究センター)
- 3PB-184 ショ糖飢餓によるニンジン培養細胞のタイプ II 様細胞死
下村 裕一, 司馬 肇, 細野 邦昭 (日大・生物資源・応用生物)
- 3PB-185 酸化ストレスが起因となるアポトーシス誘導性シグナル伝達経路の解析
宮沢 正樹, 石井 恭正, 切無沢 美香, 安田 佳代, 石井 直明 (東海大・医・分生)

- 3PB-186 酸化ストレスによる FKHR を介した 3T3-L1 脂肪細胞のアポトーシス誘導
小島 貴之, 坂本 和一 (筑波大・バイオシステム研究科)
- 3PB-187 疎水性ホモポリアミノ酸による細胞死
内尾 直裕, 大間 陽子, 笹川 昇, 石浦 章一 (東大・院・総合・生命)
- 3PB-188 放射線誘発アポトーシスに関する細胞内シグナル制御因子の解析
鈴木 文男¹, 福田 絵美², 秋元 志美¹, 泉 俊輔², 平田 敏文² (¹ 広島大・原医研・ゲノム応答, ² 広島大・院理・生物化学)
- 3PB-189 放射線感受性リンパ細胞における紫外線 B によるアポトーシス誘導と遺伝子発現
新村 幸雄¹, 馬上 とし子¹, 大川 とみ² (¹ 帝京大・医・機器・RI, ² 帝京平成大・情報)
- 3PB-190 レトロウイルス感染による放射線誘発アポトーシス増強効果の解析
長谷川 真紀¹, 田中 薫², 吉田 和子², 相沢 志郎², 北川 昌伸¹, 廣川 勝いく¹ (¹ 東京医歯大・医歯総合・包括病理, ² 放医研・放射線安全研究センター)
- 3PB-191 制限酵素によるミトコンドリア DNA 損傷により引き起こされるアポトーシス
西田 純¹, 棚橋 浩¹, 遠藤 良夫², 佐々木 琢磨², 善岡 克次¹ (¹ 金沢大・がん研・細胞周期, ² 金沢大・がん研・化学療法)
- 3PB-192 Bcl-2 ファミリー蛋白質非依存的シトクロム c 漏出機構の解析
水田 健, 清水 重臣, 辻本 賀英 (阪大院医・遺伝子学, JST)
- 3PB-193 アポトーシス促進因子 Bax の活性化に伴う構造変化の解析
中尾 齊仙^{1,2}, 恵口 豊^{1,2}, 児玉 高志³, 辻本 賀英^{1,2} (¹ 阪大・院医・遺伝子学, ² SORST JST, ³ 生物分子工学研究所)
- 3PB-194 Bax のミトコンドリア移行を人工的に制御するシステムを用いた Bax 依存性アポトーシスの解析
中嶋 亘, 飛梅 圭, 浅野 由三, 阿部 芳憲, 佐藤 (織田) 恵理, 田中 信之 (日医大・老人研・免疫)
- 3PB-195 anti-apoptotic Bcl-2 ファミリー分子 Mcl-1 のミトコンドリア移行によるミトコンドリア依存性アポトーシスの制御
飛梅 圭, 中嶋 亘, 浅野 由三, 阿部 芳憲, 佐藤 (織田) 恵理, 田中 信之 (日医大, 老人研, 免)
- 3PB-196 ミトコンドリアプロテアーゼ Omi/HtrA2 の基質タンパク質の探索と解析
鈴木 泰行, 栗栖 純子, 高橋 良輔 (理研・脳セ・運動系神経変性)
- 3PB-197 ミトコンドリアプロテアーゼ HtrA2 と p110bPI3-Kinase の相互作用
東 恭一郎, 本島 清人 (明治薬大・生化)
- 3PB-198 ミトコンドリア融合に関与する因子 Fzo1 によるアポトーシス抑制
杉岡 梨恵, 清水 重臣, 辻本 賀英 (阪大院医・遺伝子学, JST)
- 3PB-199 小胞体ストレス誘導性アポトーシスにおけるミトコンドリアの役割
白石 裕士¹, 吉村 昭彦¹, 吉田 裕樹² (¹ 九大・生医研・免疫制御, ² 佐賀大・医・分子生命)
- 3PB-200 Bim の移行による小胞体ストレス誘導性アポトーシスの制御
森島 信裕^{1,2}, 中西 慶子^{1,2,3}, 土屋 京子^{1,2}, 柴田 武彦^{1,2}, 清和 恵美子^{2,3,4} (¹ 理研・バイオアーキテクト, ² 遺伝生化学, ³ 埼玉大院・理工, ⁴ 現・Moritex)
- 3PB-201 小胞体にてカスパーゼ活性制御に関与する Bcl-2 ファミリーの解析
中川 敏幸¹, Tomaino Ross², 酒向 ゆかり¹, 山田 愛子¹, 伊藤 正徳¹, 光田 輝彦¹, 早川 佳芳¹, Gygi Steven P.², Yuan Junying² (¹ 岐阜大・院医・神経生物, ² ハーバード大学医学部・細胞生物)
- 3PB-202 新規のプレセニン-2 アイソフォームの機能解析
酒向 ゆかり, 光田 輝彦, 山田 愛子, 伊藤 正徳, 早川 佳芳, 中川 敏幸 (岐阜大・院医・神経生物)
- 3PB-203 小胞体ストレス時における γ -セクレターゼ複合体の発現機構の解析
光田 輝彦, 酒向 ゆかり, 中川 敏幸 (岐阜大・院医・神経生物)
- 3PB-204 小胞体ストレス誘導性アポトーシスにおける cytochrome c の役割
新熊 忠信¹, 恵口 豊², 辻本 賀英² (¹ 阪大・院生命, ² 阪大・院医・遺伝子学, and SORST, JST)
- 3PB-205 インターフェロン誘導性ヒト MxA による小胞体ストレス依存性細胞死の促進
沼尻 明子, 永田 恭介 (筑波大 院 人研総合科学)

- 3PB-206 **新規小胞体ストレス誘導性分子 TRB3 の発現誘導機構及びその機能解析**
大岡 伸通, 芳井 聡, 服部 隆行, 小野寄 菊夫, 林 秀敏 (名古屋市立大院・薬・生体防御機能学)
- 3PB-207 A novel compound that interacts with a component of translocon inhibits endoplasmic reticulum stress-mediated cell death
Eriko Fujita, Yoriko Kouroku, Yuzou Yagi, Takashi Momoi (Division of Development and Differentiation, NCNP, Kodaira, Tokyo, Japan)
- 3PB-208 Involvement of ER stress in the polyglutamine-induced autovacuole formation
Yoriko Kouroku¹, Eriko Fujita¹, Noboru Mizushima², Eiki Kominami³, Takashi Momoi¹ (¹NCNP, Div. Differ. and Dev., ²Tokyo Metropolitan Institute of Medical Science, Dept. Bioregulation and Metabolism, ³Juntendo Univ., Med., Dept. Biol.)
- 3PB-209 PC12 細胞を用いた内分泌攪乱物質による小胞体ストレス誘導型細胞死と NGF による細胞死抑制機構の解析
酒井 祥太, 西村 学, 岸 宗一郎, 山本 優子, 大西 紀陽久, 笹谷 晴恵, 下家 浩二, 池内 俊彦 (関西大学工学部)
- 3PB-210 筋分化における生理的小胞体ストレス依存性アポトーシスの意義
中西 慶子^{1,2,3}, 柴田 武彦^{1,2}, 森島 信裕^{1,2} (¹理研・バイオアーキテクト, ²遺伝生化学, ³埼玉大院・理工)
- 3PB-211 X 線による細胞当りの p53 蛋白量の変化と線量依存性の解析
中野 久子¹, 米川 博通¹, 篠原 邦夫^{1,2} (¹都臨床研・実験動物, ²高輝度光科学研究セ)
- 3PB-212 NF- B と p53 のシグナルクロストークの分子機構
鎌田 (川内) 敬子, 佐藤 (織田) 恵理, 田中 信之 (日医大・老研)
- 3PB-213 SV40largeT 抗原導入細胞における ARF による p53 依存性細胞死誘導機構
中沢 洋三, 上條 岳彦 (信州大・医・小児医学)
- 3PB-214 シスプラチン依存性アポトーシス誘導過程における UFD2a による p73 の制御機構
尾崎 俊文, 細田 充主, 宮崎 耕, 花本 尊之, 中川原 章 (千葉がんセ・研・生化)
- 3PB-215 新規 Death Receptor 6 (DR6) 会合分子 CLIPR59 の機能解析
藤倉 大輔, 伊藤 誠敏, 熊谷 知華, 千葉 聖子, 上出 利光, 宮崎 忠昭 (北大・遺制研・分子免疫)
- 3PB-216 FLIP (p43) による NF- B の活性化には, TRAF2 と RIP1 が必要である
春名 靖, 片岡 孝夫 (東工大・バイオ研究基盤支援総合センター)
- 3PB-217 DAP3 (death associated protein 3) を介するアポトーシスシグナルの解明
宮崎 忠昭¹, 沈 敏¹, 藤倉 大介¹, 土佐 紀子¹, 今 重之¹, 上出 利光¹, John Reed² (¹北大, ²Burnham Inst.)
- 3PB-218 神経上皮細胞のアポトーシスにおける Apaf-1 の役割
岡本 英昭, 吉田 裕樹 (佐賀大・医・分子生命科学)
- 3PB-219 細胞分裂期 (M 期) 制御へのカスパーゼの関与
橋本 季明^{1,2}, 吉川 潮², 鎌田 真司² (¹神戸大・自然・生, ²神戸大・バイオシグナル研究センター)
- 3PB-220 Structure-based Design による XIAP 阻害ペプチドの設計と 1 分子蛍光分析法による検証
高澤 涼子¹, 吉森 篤史², 田沼 靖一^{1,2} (¹東京理科大・ゲノム創薬研セ, ²東京理科大・薬・生化)
- 3PB-221 イメージングおよび数理モデルを用いた 1 細胞でのカスパーゼ 8 の活性化機構の解析
小南 勝也¹, 永井 健治², 中林 潤³, 西原 慎吾³, 大島 典子⁴, 眞鍋 昇², 宮脇 敦史⁵, 酒巻 和弘¹ (¹京大・院生命科学, ²理研・脳科学総研セ, ³九大・院理, ⁴アマシャムバイオサイエンス, ⁵東大・院農学生命科学)
- 3PB-222 Dissection of DIAP1 functional domains via a mutant replacement strategy
Takakazu Yokokura, Douglas Dresnek, Neda Huseinovic, Lisi Simonetta, Peter Bangs, Kristin White (MGH/Harvard Medical School, CBRC)
- 3PB-223 抗アポトーシス遺伝子 Survivin の新規 Spliced Variants の単離と解析
石川 恵子¹, Adel BADRAN², 吉田 明², 五井 孝憲³, 山口 明夫³, 上田 孝典², 犬塚 學¹ (¹福井大・医・生命情報医科学・分子生命化学, ²内科, ³外科)
- 3PB-224 ヒト子宮内膜細胞における STAT3 シグナルを介する細胞生存調節
田中 哲二¹, 白 涛¹, 宇都宮 智子¹, 湯川 和典², 前田 正信², 梅咲 直彦¹ (¹和歌山県医大・医・産婦人科, ²和歌山県医大・医・生理)

- 3PB-225 PDCC4 によるアポトーシス誘導とその調節
松橋 幸子¹, 張 浩¹, 浜島 弘史¹, 中島 麻友美², 加藤 祐子², 尾崎 岩太¹, 山本 匡介¹ (¹ 佐大・医・内科, ² 東和大・工)
- 3PB-226 架橋 Sp1 抗体を用いた新規アポトーシスの検出
辰川 英樹^{1,2}, 深谷 弥生¹, 下門 顕太郎², 小嶋 聡一¹ (¹ 理研・分子細胞病態, ² 東京医科歯科・血流制御)
- 3PB-227 Protection of mitochondrial apoptosis by thioredoxin 2 (TRX2) is independent on its conserved active site cysteines
Dongmei Wang¹, Hiroshi Masutani¹, Shin-ichi Oka¹, Yong-Won Kwon¹, Toru Tanaka¹, Yuko Iwai², Hajime Nakamura³, Junji Yodoi¹ (¹Kyoto Univ., IVR., ²Kyoto Univ., Grad. Sch. of Biostudies, ³Kyoto Univ. Hospital, Translational Research Center)
- 3PB-228 Hydrogen peroxide derived from polyamine is essential for programmed cell death during hypersensitive response in tobacco cultured cells
Hiroshi Yoda, Yoshinobu Hiroi, Hiroshi Sano (NAIST, Gen. Edu. Cent., Plant Molecular Breeding)
- 3PB-229 新規 Glutaredoxin 遺伝子の機能解析
橋本 圭介, 黒澤 信幸, 斎藤 益満, 近藤 綾子, 磯部 正治 (富大・工・生命工学)
- 3PB-230 転写因子 MSSP による Fas 遺伝子発現とアポトーシス制御
野村 淳^{1,3}, 松本 健一^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹ 北海道大院・薬・分子生物, ² 北海道大院・農, ³ 科技構・CREST)
- 3PB-231 c-myc 遺伝子転写抑制因子 FIR はアポトーシスを誘導し, その機能異常は大腸癌の発生に關与する。
松下一之¹, 朝長 毅², 東 守洋³, 島田 英昭¹, 張ヶ谷 健一³, 野村 文夫², 落合 武徳¹ (¹ 千葉大・院医・外科学, ² 千葉大・院医・分子病態解析学, ³ 千葉大・院医・病理学)
- 3PB-232 DNA 傷害応答性 c-Abl チロシンキナーゼの核移行とアポトーシス誘導
吉田 清嗣, 山口 智子, 三木 義男 (東医歯大・難研・分子遺伝)
- 3PB-233 ユビキチン様蛋白質 Scythe による蛋白質分解とアポトーシスの制御
南 亮介¹, 川原 裕之¹, 菊川 裕介¹, 嶋田 益弥¹, 田中 啓二², 横沢 英良¹ (¹ 北大・院薬・生化, ² 都臨床研・分子腫瘍)
- 3PB-234 容積感受性 Cl⁻チャネル制御因子の分子同定
安藤 赤塚 結子¹, 清水 貴浩², 岡田 泰伸² (¹ 三重大・医・生理, ² 生理研・機能協関)
- 3PB-235 tau 過剰発現 P19 細胞の, 神経分化時の apoptosis 増加と分化細胞の短命化
塚根 まり子, 山内 卓 (徳大・薬院)
- 3PB-236 ARF-GEP100 によるマクロファージ様細胞のアポトーシス誘導機構の解析
染谷 明正¹, Moss J², Vaughan M², 長岡 功¹ (¹ 順天堂大・医・生化学学生体防御学, ² NIH, NHLBI, PCCMB, USA)
- 3PB-237 Molecular cloning and expression study of CIDEc, a novel member of the cell-death-inducing DNA-fragmentation-factor (DFF45)-like effector family
Liang Liang¹, Hong Tang^{1,2}, Kazunari K Yokoyama², Mujun Zhao¹ (¹ State Key Lab., Mol. Biol., Inst., Biochem. Cell Biol., Shanghai Inst. Biol. Sci., Chinese Acad. Sci., ² RIKEN, BRC, Gene Engineer. Div.)
- 3PB-238 新規膜貫通型転写因子 BBF2H7 が制御する Unfolded Protein Response
山下 明紀, 的場 瑞枝, 緒方 麻衣子, 今泉 和則 (奈良先端大・バイオ・細胞構造)
- 3PB-239 death-associated protein kinase によるヒト子宮癌細胞の抗癌剤感受性調節機構
白 涛¹, 田中 哲二¹, 湯川 和典², 宇都宮 智子¹, 前田 正信², 宇都宮 洋才³, 梅咲 直彦¹ (¹ 和歌山県医大・医・産婦, ² 和歌山県医大・医・生理, ³ 和歌山県医大・医・病理)
- 3PB-240 *in vitro* 血管モデルを用いたヒト血管虚血障害の解析: p38MAPK を介した管腔崩壊とアポトーシスのシグナル伝達
江口 良二, 宮風 真一, 鈴木 昭夫, 太田 敏郎, 加治 和彦 (静岡県立大学・大学院生活健康科学研究科・老化制御研究室)

- 3PB-241 細胞死抑制活性強化蛋白質 FNK の細胞内導入によるラット摘出心虚血再灌流モデルにおける心筋梗塞サイズ抑制効果
荒川 正行¹, 安武 正弘², 麻生 定光¹, 宮本 正章², 大坪 春美², 太良 修平², 高木 元², 高木 郁代², 高野 照夫², 太田 成男¹ (¹ 日本医大院・加齢科学系・細胞生物学, ² 日本医大・第一内科)
- 3PB-242 サイクロフィリン D ノックアウトマウスの解析
中川 崇, 清水 重臣, 辻本 賀英 (阪大院医・遺伝子学, JST)
- 3PB-243 分化と細胞死に異常を示す *Bcl11b/Rit1* ノックアウトマウスにおける *p53* 欠損の影響
岡塚 貴世志¹, 柏原 美穂¹, 小幡 美貴¹, 渡部 久実², 木南 凌¹ (¹ 新潟大・医・第一生化, ² 琉球大・遺伝子実験センター)
- 3PB-244 *Parg* 欠損マウスの胎生致死性と *Parp-1* とのダブル欠損マウスにおける胎生致死の回避
郡司 明美^{1,2}, 鎌田 宣夫³, 小村 健², 中釜 斉¹, 杉村 隆¹, 寺社下 浩一³, 益谷 美都子¹ (¹ 国立がんセンター・生化, ² 東医歯大・院・顎口腔外科学, ³ (株) 中外医科学研)
- 3PB-245 ニワトリ ICAD の発現解析
佐藤 正治², 川嶋 剛², 西道 教尚¹, 青笹 正義², 堀内 浩幸¹, 古澤 修一¹, 松田 治男¹ (¹ 広島大院・生物圏科学・免疫生物, ² 広島産科研・知的クラスター)
- 3PB-246 アフリカツメガエル Death Receptor シグナリングに関わる death domain 分子を介した細胞内シグナル伝達の解析
石澤 洋平, 田村 啓, 伊藤 道彦, 小宮山 優, 松本 健, 高松 信彦, 柴 忠義 (北里大・理・生物情報科学)
- 3PB-247 xTRAIL による *Xenopus* death receptor-M (xDR-M) を介したアポトーシス誘導シグナルの解析
田村 啓, 伊藤 道彦, 石澤 洋平, 高松 信彦, 柴 忠義 (北里大・理・生物)
- 3PB-248 アフリカツメガエル分裂期停止卵抽出液における xEIAP/XLX の p42 MAPK によるリン酸化
土屋 勇一, 山下 茂 (東邦大・医・生化)
- 3PB-249 S-アデノシルメチオニンを過剰発現したアフリカツメガエル後期胞胚におけるアポトーシスの誘発とカスパーゼ-9 の関与
塩川 光一郎¹, 高山 英次², 多田 隈 卓史², 肥後 剛康³, 甲斐 理武³, 原 寛⁴, 深澤 昌史², 中島 圭介⁵, 矢尾 板 芳郎⁵, 五十嵐 一衛⁶ (¹ 帝京大・理工学部・バイオサイエンス, ² 防衛医大・寄生虫学, ³ 東大・生命科学・動物, ⁴ 大正製薬・研究推進, ⁵ 広大・理学・両生類研, ⁶ 千葉大・薬学)
- 3PB-250 プロラクチンが誘導するイモリ精原細胞でのアポトーシスにおける新規プロテアーゼの単離, 同定
行成 純平¹, 江頭 恒², 安部 真一² (¹ 熊本大・院・自然科学, ² 熊本大・理・生物科学)
- 3PB-251 Identification of Tyrosine-Phosphorylated p90 in Prolactin-Induced Apoptosis During Spermatogenesis of Japanese Red-Bellied Newt (*Cynops pyrrhogaster*)
Buget Saribek¹, Mikiko Saigo¹, Ko Eto², Shin-ichi Abe² (¹ Kumamoto Univ., Grad. Sch. Sci. Tech., ² Kumamoto Univ., Fac. Sci., Dept. Biol.)
- 3PB-252 ショウジョウバエ TNF superfamily 分子 Eiger により誘導される神経細胞死はミトコンドリアを介した経路により実行される
菅田 浩司^{1,2}, 井垣 達吏³, 松田 七美¹, 三浦 正幸¹ (¹ 東大院・薬・遺伝, ² 阪大院・医, ³ エール大・医)
- 3PB-253 TRAF タンパク質のキノコ体形態形成への関与
富岡 武泰^{1,2}, 倉永 英里奈¹, 岡野 栄之², 三浦 正幸¹ (¹ 東京大・院薬・遺伝, ² 慶応大・医・生理)
- 3PB-254 Reaper による細胞死経路を介在する新規制御因子の同定と機能解析
殿城 亜矢子, 倉永 英里奈, 三浦 正幸 (東京大・院薬・遺伝学)
- 3PB-255 ショウジョウバエ翅原基において活性化型 Ras が周辺正常細胞に惹き起こす多様なアポトーシス
春本 敏之¹, 安達 卓^{1,2,3} (¹ 神戸大院・総合人間, ² 神戸大院・自然科学, ³ 科技振・SORST)
- 3PB-256 ショウジョウバエにおけるモルフォゲン Dpp の標的遺伝子 *optomotor-blind* の突然変異体が見せる翅の形成異常について
梅森 慎¹, 大庭 圭介¹, 春本 敏之², 安達 卓^{1,2,3,4} (¹ 神戸大・発達, ² 院・総合人間, ³ 院・自然科学, ⁴ 科技振・発展継続)

- 3PB-257 神経結合の断たれたショウジョウバエ視葉神経細胞における細胞死はエクジソンによって調節されている。
平井 啓一郎, 鮎川 理恵, 辻村 秀信 (農工大・発生物)
- 3PB-258 変態中におけるショウジョウバエ幼虫筋の崩壊にはカスパーゼが必要である
内堀 夏子, 辻村 秀信 (農工大・発生物)
- 3PB-259 イネ疑似病斑形成 *spl* (*spotted leaf*) 変異体を用いた活性酸素生成機構の解析
小城 香織¹, 八丈野 孝¹, 松村 英生², 藤澤 志津子², 寺内 良平², 楠見 健介¹, 射場 厚¹ (¹九州大 院・理・生物,²岩手生物工学研究センター)
- 3PB-260 枯草菌の母細胞死
尾崎 洋介, 細谷 茂生, 佐藤 勉 (東京農工大)

.....(4f 老化).....

- 3PB-261 PKC- の細胞老化における関与
西出 寿也¹, 片倉 喜範^{1,2}, 藤木 司², 白畑 實隆^{1,2} (¹九大院・生資環,²九大院・農院)
- 3PB-262 PKC- による *hTERT* 転写抑制
眞浦 麻里子¹, 片倉 喜範^{1,2}, 藤木 司¹, 白畑 實隆^{1,2} (¹九大院・生資環,²九大院・農院)
- 3PB-263 p38 による *hTERT* 転写抑制の分子機構
小川 明日香¹, 片倉 喜範^{1,2}, 藤木 司², 眞浦 麻里子¹, 白畑 實隆^{1,2} (¹九大院・生資環,²九大院・農院)
- 3PB-264 *mTERT* 発現は浸透圧ストレスにตอบสนองする
藤木 司, 片倉 喜範, 白畑 實隆 (九大院・農院)
- 3PB-265 血管内皮細胞の老化における遺伝子発現解析
阿武 久美子¹, 井澤 賢祥², 中村 意知子¹, 林 茜², 神崎 ゆかり², 井出 利憲² (¹広島大・医・総合薬,²広島大 院・医歯薬・細胞分子生物)
- 3PB-266 酸化的ストレスによるテロメラーゼ発現細胞における老化誘導
松岡 耕二^{1,2}, Kuang Yu Chen² (¹千葉科学大・薬・分子細胞,²ラトガーズ/ NJ 州立大・化)
- 3PB-267 ヒト T 細胞における *hTERT* 遺伝子の発現制御と細胞周期の相関
原 敏文, 大谷 清, 中村 正孝 (東京医歯大・疾患遺伝子)
- 3PB-268 体細胞クローン牛の各臓器テロメア長の解析
宮下 範和¹, 米内 美晴², 金山 佳奈子¹, 斉藤 則夫², 永井 卓³ (¹独法・農業生物資源研究所,²独法・家畜改良センター,³独法・農研機構畜草研)
- 3PB-269 プラナリア無性及び有性化個体のテロメア維持能力による比較
田坂 健太¹, 横山 尚毅¹, 小椋 加奈子², 小林 一也¹, 星 元紀¹, 松本 緑¹ (¹慶應大・理工・生命,²大妻女大・社会情報)
- 3PB-270 RNAi 技術を用いた p16^{Ink4a} の発現抑制と *hTERT* の発現によるヒト乳腺上皮
芳賀 慧^{1,2}, 大野 真一¹, 石山 敬子¹, 半田 慶介¹, 斎藤 真子¹, 温川 恭至¹, 藤田 雅俊¹, 坂元 亨宇², 清野 透¹ (¹国立がんセ・研・ウイルス,²慶大・医・病理)
- 3PB-271 ヒト繊維芽細胞における老化シグナルの可視化
松村 秀策, 松本 直子, 井田 真司, 楠 真裕子, 嵯峨根 美和, 田原 栄俊, 井出 利憲 (広島大・大学院医歯薬・細胞分子生物学)
- 3PB-272 酸化ストレスは長寿関連遺伝子 Forkhead 型転写因子 FOXO family を活性化する
日比 (古川) 陽子¹, 家村 俊一郎², 夏目 徹², 渡辺 研³, 本山 昇¹ (¹国立長寿医療セ・研究所・老年病,²産総研・生物情報,³国立長寿医療セ・研究所・運動器疾患)
- 3PB-273 線虫 Cu/Zn 型スーパーオキシドディスムターゼ遺伝子欠失変異株の表現型解析
築瀬 澄乃^{1,2}, 小野寺 章², 石井 直明² (¹神奈川衛研・理化,²東海大・医・分生 2)
- 3PB-274 SOD1 ノックアウトマウスの示す老化促進傾向の解析
井内 良仁¹, 石井 達矢^{1,2}, 岡田 太¹, 豊崎 晋二郎¹, 長岡 由姫¹, 小林 正伸^{3,4}, 藤井 順逸¹ (¹山形大学大学院・生命環境医学・生体分子機能,²山形大・医・泌尿器科学,³北海道大・遺伝子病制御研,⁴(株) オンコレックス)

- 3PB-275 酸化ストレスにより発症する脂肪肝モデルマウスの解析
内山 智, 清水 孝彦, 白澤 卓二 (都老人研 分子老化)
- 3PB-276 筋肉特異的 MnSOD 欠損マウスの解析
野尻 英俊^{1,2}, 清水 孝彦¹, 黒澤 尚², 白澤 卓二¹ (1 都老人研 分子老化, 2 順天堂大 整形外科)
- 3PB-277 インスリン, エストロゲン及び食餌シグナルは協調してマウスの長寿命シグナルを調節している
馬場 智規^{1,2}, 清水 孝彦¹, 小河原 緑¹, 黒澤 尚², 白澤 卓二¹ (1 都老人研 分子老化, 2 順天堂大 整形外科)
- 3PB-278 インスリン様遺伝子破壊線虫の解析
片岡 直也¹, 田中 郁子¹, 木村 靖夫¹, 河野 強¹, 玄行-安藤 恵子², 三谷 昌平² (1 鳥取大・農・生産環境化学, 2 東京女子医・医・生理)
- 3PB-279 *C. elegans* 耐性幼虫における放射線障害の影響
小野寺 章, 石井 恭正, 宮沢 正樹, 安田 佳代, 石井 直明 (東海大・医)
- 3PB-280 線虫 *C. elegans* におけるミトコンドリアの加齢変化
安田 佳代¹, 石井 恭正¹, 須田 斎², 後藤 佐多良³, 赤塚 明¹, 石井 直明¹ (1 東海大・医, 2 東海大・開発工学, 3 東邦大・薬)
- 3PB-281 ミトコンドリア呼吸鎖で生じる酸化ストレスと *C. elegans* の寿命との関連
堀川 誠, 坂本 和一 (筑波大・生命環境科学)
- 3PB-282 RNAi 法を用いた線虫 MAPK カスケードを構成する遺伝子の寿命に対する影響の網羅的解析
加納 圭¹, 大隈 貞嗣¹, 久本 直毅², 松本 邦弘², 西田 栄介¹ (1 京大・院・生命科学, 2 名大・院・理)
- 3PB-283 p38 を介した MEF 細胞老化における IL-1 ファミリー分子の機能解析
上川 奈都子¹, 錦見 昭彦¹, 磯部 健一², 丸山 光生¹ (1 国立長寿医療セ・実験動物管理, 2 老化機構)
- 3PB-284 ショウジョウバエを用いた食餌性無機リン制限による寿命延長効果の検討
伊藤 美紀子, 中村 理恵, 拝藤 紗貴子, 酒井 佑子, 古本 真理, 瀬川 博子, 桑波田 雅士, 宮本 賢一 (徳島大・大学院・分子栄養学)
- 3PB-285 線虫 *Caenorhabditis elegans* における カロテンによる寿命延長
大隈 貞嗣, 谷口 栄里, 馬場 千紗, 加納 圭, 橋本 康史, 西田 栄介 (京都大・院・生命科学)
- 3PB-286 Thioredoxin binding protein-2 高発現遺伝子改変マウスの作製とその解析
吉田 徹¹, 孫 安生¹, 松尾 禎之¹, 岡 新一¹, 近藤 則彦¹, 増谷 弘¹, 中村 肇^{1,2}, 淀井 淳司^{1,2} (1 京都大・ウイルス研・感染防御, 2 京都大・附属病院・探索医療センター)
- 3PB-287 アンジオテンシン 受容体拮抗剤は糖尿病マウスの心臓での老化マーカーの発現を抑制する
小杉 理恵, 塩井 哲雄, 前田 佳代, 吉田 友紀, 高橋 佳子, 和泉 徹 (北里大・医・内科学)
- 3PB-288 Decrease of lifespan in absence of Hsp22 expression during aging in *Drosophila melanogaster*
Robert M. Tanguay¹, Genevieve Morrow¹, Sophie Battistini¹, Ping Zhang² (1 Laboratory of Cellular and Developmental Genetics, Dept Medicine, Universite Laval, 2 Department of Molecular and Cell Biology, University of Connecticut)
- 3PB-289 アポトーシス関連タンパク質 DAP3 の細胞老化における関与
村田 洋子^{1,2}, 上川 奈都子¹, 上出 利光², 丸山 光生¹ (1 国立長寿医療セ・実験動物管理, 2 北大・遺伝研・分子免疫)
- 3PB-290 老化促進マウス (SAMP8) を用いた記憶学習障害遺伝子座の QTL 連鎖解析
近藤 綾子¹, 友部 浩二², 澤田 昌伸¹, 黒沢 信幸¹, 若菜 茂晴³, 野村 靖幸², 磯部 正治¹ (1 富大・工・生命工学, 2 北大・薬・薬理, 3 理研 GSC)
- 3PB-291 大脳萎縮を示す老化促進モデルマウス (Senescence-Accelerated Mouse : SAM) SAMP10 の原因遺伝子に関する大集積 DNA マイクロアレイを用いた解析
宮島 正樹¹, 樂 洋², 鈴木 孝昌², 野村 靖幸³, 降旗 千恵¹ (1 青山学院大学・理工, 2 国立医薬品食品衛生研, 3 北大・院・薬学)

- 3PB-292 学習記憶障害を示す老化促進モデルマウス (Senescence-Accelerated Mouse : SAM) SAMP8 の原因遺伝子に関する大集積 DNA マイクロアレイを用いた解析
 鴻野 貴司¹, 樂 洋², 鈴木 孝昌², 野村 靖幸³, 降旗 千恵¹ (¹ 青学大・院・理工, ² 国立医薬品食品衛生研, ³ 北大・院・薬学)
- 3PB-293 植物に発現させた GFP-A 融合タンパク質を用いた経口ワクチン療法の開発
 中島 暁子, 堀 孝一, Beáta Szábó, 笹川 昇, 渡辺 雄一郎, 石浦 章一 (東大・院・総合・生命)
- 3PB-294 ヒドラは老化するか: 多細胞動物における老化の起源
 吉田 健吾¹, Hwang J. Shan¹, 藤澤 敏孝², 藤澤 千笑², 池尾 一穂¹, 五條堀 孝¹ (¹ 遺伝研 生命情報, ² 遺伝研 発生)

.....(4 g がん).....

- 3PB-295 肝腫瘍マーカー陽性細胞における遺伝子発現変化の網羅的解析
 長縄 亜矢子¹, 長田 茂宏¹, 御園生 昌史¹, 土屋 創健², 丹波 茂郎², 佐藤 公彦³, 西川 淳一¹, 杉本 幸彦², 西原 力¹ (¹ 阪大・院薬, ² 京大・院薬, ³ 弘前大・医)
- 3PB-296 肝細胞癌における AKR1B10 の発現亢進と血清マーカーへの応用
 渡辺 亮¹, 緑川 泰², 谷口 浩和³, 岩成 宏子⁴, 幕内 雅敏², 油谷 浩幸¹ (¹ 東大・先端研・ゲノムサイエンス, ² 東大・肝胆脾外科, ³ 国立がんセ・中央病院・臨床検査・病理, ⁴ ペルセウスプロテオミクス)
- 3PB-297 -fetoprotein 産生ヒト肝細胞癌培養細胞株におけるゲノム構造変化と遺伝子発現変化との関連
 川口 和紀, 本多 政夫, 山下 太郎, 代田 幸博, 金子 周一 (金沢大・医・消化器)
- 3PB-298 ウイルス性肝炎から肝細胞癌への進展機序に関わる解析の一アプローチ
 江角 真理子¹, 高木 恵子², 松元 佐和子³, 石橋 真理子¹, 高山 忠利², 安田 秀世³ (¹ 日大・医・病理, ² 消化外, ³ 日本製粉中央研究所)
- 3PB-299 HCV 陽性肝細胞癌の進展とチトクローム P450 遺伝子群の発現変化
 恒富 亮一¹, 飯塚 徳男^{1,2}, 浜本 義彦³, 内村 俊二³, 宮本 貴宣³, 為佐 卓夫¹, 丹黒 章¹, 浜田 健二⁴, 岡部 尚文⁴, 岡 正朗¹ (¹ 山口大・医・消化器・腫瘍外科, ² 山口大・医・漢方医薬, ³ 山口大・工・知能情報工学, ⁴ 中外製薬・鎌倉研究所)
- 3PB-300 C 型肝炎ウイルスの Core ・ NS3-4a 蛋白質による WRN 蛋白質発現の抑制
 習田 昌裕¹, 塗谷 秀子¹, 嶋本 顕², 古市 泰広², 小原 道法¹ (¹ 東京都・臨床研・感染生体防御, ² ジーンケア研究所)
- 3PB-301 マウス肝発がん初期過程における遺伝子発現解析用 Oligonucleotide Microarray の開発
 戸部 香織^{1,2}, 原田 基裕¹, 仲地 豊³, 近藤 恭光³, 中嶋 圓⁴, 浜田 修一⁵, 鈴木 孝昌⁶, 兵庫 淳志⁷, 星埜 雅子¹, 田代 英夫³, 榊 佳之², 伊藤 尚¹, 稲積 宏誠¹, 降旗 千恵^{1,2} (¹ 青山学院大・院・理工, ² 東大・医科研・ヒトゲノム解析セ, ³ 理研・工学基盤, ⁴ 安評セ, ⁵ エスエス製薬, ⁶ 国立医薬品食品衛生研, ⁷ 三共)
- 3PB-302 Fas リガンド抗体による肝炎症性発癌抑制効果の遺伝子発現プロファイル
 中本 安成¹, 山下 太郎¹, 須田 貴司², 金子 周一¹ (¹ 金沢大・院医・消内, ² Kanazawa Univ., Cancer Res. Inst.,)
- 3PB-303 dbpA によるマウス肝発癌過程の促進
 加納 さやか, 梶野 一徳, 荒川 泰雄, 飛田 博史, 馬合木特 亜森, 梶野 興夫 (癌研・研・実験病理)
- 3PB-304 DNA microarray による dbpA トランスジェニックマウスの解析
 飛田 博史¹, 梶野 一徳¹, 加納 さやか¹, 馬合木特 亜森¹, 荒川 泰雄¹, 梶野 興夫^{1,2} (¹ (財) 癌研究癌研究所 実験病理部, ² 順天堂大学医学部病理学)
- 3PB-305 胃癌の網羅的遺伝子発現解析; 胃癌サブタイプの同定および非充実型低分化癌における分化転換の証拠とその臨床的意義
 檀上 稲穂^{1,4}, 深谷 昌秀², 青柳 一彦², 太田 力¹, 大木 操³, 吉田 輝彦^{1,2}, 佐々木 博己² (¹ 国立がんセ・疾病ゲノム, ² 国立がんセ・腫瘍ゲノム, ³ 国立がんセ・ゲノム構造解析, ⁴ 医薬品機構)

- 3PB-306 肺腺がんの組織内 heterogeneity に基づく LCM 法を用いたがん進展メカニズムのマイクロアレイ解析
高野 寛明, 石川 俊平, 山本 尚吾, 谷口 浩和, 油谷 浩幸 (東大・先端研・ゲノムサイエンス)
- 3PB-307 遺伝子発現プロファイル解析による甲状腺濾胞性腫瘍の鑑別診断法の確立
谷口 一也¹, 小泉 恭子¹, 北松尾 浩子², 三好 康雄³, 野口 眞三郎³, 加藤 菊也^{1,4} (1 奈良先端大・バイオ,
² パーナム・研, ³ 阪大・医・腫瘍外科, ⁴ 大阪府立成人病セ・研)
- 3PB-308 合成 DNA アレイによる発現プロファイル解析に基づいた ATL 早期診断系の開発
正田 桃子¹, 伊藤 恵美², 宇都宮 與³, 上平 憲⁴, 山口 一成⁵, 渡辺 慎哉², 渡邊 俊樹¹ (1 東大・院・新領
域・病態医療科学分野, ² 東京医歯大・院・臨床インフォマティクス, ³ 今村病院分院・血液内科, ⁴ 長崎
大・医・臨床検査医学, ⁵ 国立感染研・血液・安全性研究部)
- 3PB-309 IL-6 依存性骨髄腫細胞を用いた IL-6 誘導遺伝子の同定
津山 尚宏¹, 壇上 稲穂², 大津山 賢一郎¹, 李 富君¹, 石川 秀明¹, 小幡 雅則¹, サイド アブローン¹, 劉
尚勤¹, 鄭 旭¹, 馬 梓¹, 榎 泰子¹, 太田 力², 河野 道生¹ (1 山口大・院・生体シグナル解析医学, ² 国立がん
セ・疾病ゲノムセンター)
- 3PB-310 口腔扁平上皮癌における keratin14 遺伝子の発現の活性化機構
大蔵 朱里^{1,5}, 近藤 信夫¹, 新井 仁明¹, 羽田 亮之¹, 山崎 裕², 進藤 正信³, 高橋 雅幸⁴, 松本 勲武⁵, 山本
三毅夫¹ (1 防衛医大・生化², ² 北大院・歯・口腔診断, ³ 北大院・歯・口腔病理診断, ⁴ 防衛医大・口外,
⁵ お茶の水女大・院・人間文化)
- 3PB-311 ヒト肝細胞癌におけるアミノ酸トランスポーター, ATA1 の転写活性化領域の解析
近藤 信夫¹, 新井 仁明¹, 羽田 亮之¹, 大蔵 朱里¹, 初瀬 一夫², 松原 修³, 山本 三毅夫¹ (1 防衛医大・
医・生化, ² 防衛医大・医・外科 I, ³ 防衛医大・医・病理)
- 3PB-312 ヒト膀胱癌に関する新規膜タンパク質遺伝子の解析
森村 茂, 安本 茂 (神奈川がんセ・研・分子腫瘍)
- 3PB-313 肝細胞がんの発生と進展に係る遺伝子の解析
畔上周子¹, 須田 剛士², 青柳 豊², 小谷 昌司³, 高木 奈津子¹, 福本 学⁴, 三嶋 行雄⁵, 木南 凌⁵, 高橋 由明¹
(1 新潟大・医・保健, ² 新潟大・医歯院・消化器内科, ³ 新潟大・理・生物, ⁴ 東北大・加齢研・病態臓器,
⁵ 新潟大・医歯院・分子生物)
- 3PB-314 腎癌におけるメチル化標的新規癌関連遺伝子の同定
奥田 平和¹, 豊田 実², 土屋 睦美¹, 石田 わか³, 時野 隆至⁴, 執印 太郎¹ (1 高知大・医・泌尿器科, ² 札幌
医大・医・内科学第一講座, ³ 高知大・医・眼科, ⁴ 札幌医大・医・がん研・分子生物)
- 3PB-315 前立腺発癌において DNA メチル化異常を示す遺伝子の解析
高木 陽光^{1,3}, 渡邊 昌俊^{2,3}, 松崎 健¹, 広川 佳史³, 鈴木 敬悦⁵, 杉村 芳樹⁴, 白石 泰三³ (1 ヤクルト中研,
² 横国大・院・工・医工学, ³ 三重大・医・第二病理, ⁴ 三重大・医・泌尿器, ⁵ 千葉大・院・医・分子腫瘍)
- 3PB-316 ウイルス関連腫瘍における DNA メチル化の役割
豊田 実^{1,2,3}, 鈴木 拓^{1,2}, 秋野 公臣^{1,2}, 草野 真暢^{1,2}, 佐藤 亜由美², 丸山 玲緒², 上野 理子¹, 野島 正寛¹, 時
野 隆至², 今井 浩三¹ (1 札幌医大・医・第一内科, ² 札幌医大・がん研・分子生物, ³ 科学技術振興機構・
さきがけ)
- 3PB-317 ヒト 19 番染色体上に存在するゲノムインプリンティング遺伝子のグリオーマ患者脳組織における発現解析
大塚 晋^{1,4}, 前川 真治¹, 紙谷 秀規², 渡辺 高志², 白石 昌彦³, 難波 栄二¹, 押村 光雄⁴ (1 鳥取大・生命機
能研究支援セ・遺伝子探索分野, ² 鳥取大・脳幹研・脳神経外科, ³ 国立がんセ・研・DNA メチル化とゲ
ノム機能プロジェクト, ⁴ 鳥取大・院医・機能再生)
- 3PB-318 食道扁平上皮癌でホモ欠失またはメチル化により高頻度に silencing される腫瘍抑制遺伝子候補 LRP1B
井本 逸勢^{1,2}, 園田 格^{1,2,3}, 井上 純^{1,2}, 柴田 龍弘⁴, 嶋田 裕⁵, 今村 正之⁵, 天笠 光雄³, 広橋 説雄⁴, 稲澤 讓
治^{1,2} (1 東京医歯大・難研・分子細胞遺伝, ² 科技団・CREST, ³ 東京医歯大・院・顎顔外, ⁴ 国立がん
セ・病理, ⁵ 京大・院・腫瘍外)
- 3PB-319 ヒトグリオーマの高頻度 13q 欠失領域から同定した中心体に局在する新規癌抑制遺伝子候補 (TSGL1)
三枝 邦康^{1,2,3}, 井本 逸勢^{1,3}, 小谷 秀示^{1,4}, 井上 純^{1,3}, 青柳 傑², 大野 喜久郎², 稲澤 讓治^{1,3,4} (1 東京医歯
大・難研・分子細胞遺伝, ² 東京医歯大・医歯総合・脳外, ³ 科技団・CREST, ⁴ 東京医歯大・COE プロ
ジェクト)

- 3PB-320 胃癌における SFRP 遺伝子のエピジェネティックな不活化
野島 正寛¹, 鈴木 拓^{1,2}, 豊田 実¹, 時野 隆至³, 今井 浩三¹ (¹ 札幌医大, 医, 第一内科, ² 札幌医大, 医, 公衆衛生, ³ 札幌医大, 医, がん研・分子生物)
- 3PB-321 SFRP 遺伝子のエピジェネティックな不活化はヒト大腸癌における Wnt シグナル経路の活性化を補完する
鈴木 拓^{1,2}, 豊田 実¹, 野島 正寛¹, 時野 隆至³, 森 満², 今井 浩三¹ (¹ 札幌医大, 医, 第一内科, ² 札幌医大, 医, 公衆衛生, ³ 札幌医大, 医, がん研・分子生物)
- 3PB-322 ヒト悪性リンパ腫における BCL6 転座関連遺伝子の変異
吉田 祥子¹, 兼板 佳孝², 森 茂郎³, 滝澤 登一郎¹ (¹ 東医歯大・院保衛・分子病態検査学, ² 日本大・医・公衆衛生学, ³ 帝京大・医・病理学)
- 3PB-323 B 細胞性悪性リンパ腫における CDH13 遺伝子プロモーター領域の高頻度メチル化
大釜 陽一郎^{1,2}, 大内田 守², 吉野 正³, 伊藤 佐智夫², 塩手 康弘^{1,2}, 石丸 文彦¹, 谷本 光音¹, 清水 憲二² (¹ 岡山大院・医歯学総合・血液呼吸器腫瘍内科, ² 岡山大院・医歯学総合・分子遺伝, ³ 岡山大院・医歯学総合・病理病態)
- 3PB-324 POSITIVE CORRELATION BETWEEN ALLELIC LOSS AT CHROMOSOME 14q24-31 AND POOR PROGNOSIS OF PATIENTS WITH RENAL CELL CARCINOMA
Sachio Ito¹, Haruki Kaku², Shin Ebara², Mamoru Ouchida¹, Yasutimo Nasu², Tomoyasu Tsushima², Hiromi Kumon², Kenji Shimizu¹ (¹ Dept. Mol. Genet., Grad. Sch. Med. & Dent. Okayama Univ. , ² Dept. Urology, Grad. Sch. Med. & Dent. Okayama Univ.)
- 3PB-325 マウス乳がんの 12 および 8 番染色体上アレル消失領域における遺伝子発現の解析
飯賀 紗代子¹, 杉本 憲治¹, 梅迫 誠一¹, 高橋 征浩¹, 森 展子^{1,2}, 藤澤 可恵³, 丹羽 太真⁴, 奥本 正昭^{1,2} (¹ 大阪府大・院・農学生命, ² 先端研, ³ 塩野義製薬, ⁴ 京大・放生研セ)
- 3PB-326 低線量率ガンマ線連続照射マウスにおける悪性リンパ腫にみられる 12 番染色体欠失
藤川 勝義¹, 高島 貴志¹, 田中 聡¹, 中村 慎吾¹, 杉原 崇¹, 田中 イグナシア III プラガ¹, 一戸 一晃¹, 高田 真由美², 柿沼 志津子², 西村 まゆみ², 島田 義也², 田中 公夫¹, 松本 恒弥³, 小木曾 洋一¹ (¹ (財)環境研・生物影響, ² 放医研・低線量, ³ (財)環境研・企画管理)
- 3PB-327 p53 ノックアウトマウス胸腺リンパ腫の 19 番染色体上 Pten 及び D19Mit56 ~ Mit51 領域における高頻度アレル消失
高橋 征浩¹, 久保 喜平¹, 梅迫 誠一¹, 飯賀 紗代子¹, 森 展子^{1,2}, 奥本 正昭^{1,2} (¹ 大阪府立大・院・農学生命, ² 先端研)
- 3PB-328 プール DNA を用いた PLACE-SSCP 法による乳がん遺伝子多型の関連解析
宮城 亮¹, 田平 知子¹, 村上 善則², 浜島 信之³, 中地 敬⁴, 田島 和雄⁵, 林 健志¹ (¹ 九大・生医研・遺伝情報, ² 国立がんセ・研・がん抑制ゲノム研究プロジェクト, ³ 名古屋大院・医・予防医学, ⁴ 放影研・放射線生物・分子疫学, ⁵ 愛知がんセ・疫学予防)
- 3PB-329 肺癌・大腸癌における IKKB, HER2 遺伝子のミスセンス 1 塩基多型
中島 傑¹, 伊藤 佐智夫¹, 花房 裕子¹, 堺 明子¹, 矢野 匡亮², 山本 寛斎², 青江 基³, 今井 一枝³, 清水 信義², 中地 敬³, 大内田 守¹, 清水 憲二¹ (¹ 岡山大・院・医歯学総合・分子遺伝学, ² 岡山大・院・医歯学総合・胸部腫瘍外科, ³ 放影研・分子疫学部)
- 3PB-330 チミジル酸合成酵素の 5'-非翻訳領域におけるくり返し配列多型
金 秀良¹, 八幡 紋子², 久保 崇¹, 斎藤 嘉朗¹, 中島 由起子¹, 香取 典子¹, 松本 宜明², 福岡 正道², 大野 泰雄¹, 小澤 正吾¹, 澤田 純一¹ (¹ 国立衛研, ² 昭和薬大)
- 3PB-331 イマチニブ耐性慢性骨髄性白血病 (CML) における BCR/ABL 遺伝子の点突然変異検出システムの開発
三橋 直美¹, 曾家 義博², 宝田 裕², 川上 文清², 長尾 洋昌¹, 松田 基夫³, 佐藤 裕子¹ (¹ 国立国際医療セ・超微研, ² (株)東洋紡, ³ 麻布大院・環境保健学・分子生物学)
- 3PB-332 CGH マイクロアレイによる腫瘍細胞染色体異常検出システムの開発
二川 純也¹, 磯部 朋寛¹, 諸田 敦¹, 三橋 信孝¹, 青島 健¹, 井本 逸勢⁴, 稲澤 譲治⁴, 崎山 徳起², 新井 康仁³, 細田 文恵³, 大木 操³ (¹ 三井情報開発, ² 国立がんセンター研究所腫瘍ゲノム解析情報研究部, ³ 国立がんセンター研究所ゲノム構造解析プロジェクト, ⁴ 東京医科歯科大・難治研・分子細胞遺伝)

- 3PB-333 VariantSeqr™ Resequencing System を用いた上皮成長因子受容体遺伝子のリシーケンシング
磯野 一宏¹, 鶴本 直子¹, 細野 直哉¹, 中里見 哲也¹, 坂爪 修¹, 石倉 清秀¹, 小西 昭充², 遠藤 克彦², 高田 實³, 河原 正明³, 竹内 広史³, 佐々木 秀文³, 藤井 義敬² (¹ アプライドバイオシステムズジャパン, ² 名市大・2 外科, ³ 近畿中央胸部疾患センター・外科)
- 3PB-334 TaqMan® Product を用いた PCR 法による上皮成長因子受容体遺伝子の体細胞変異の検出
勝本 博¹, 細野 直哉¹, 中里見 哲也¹, 坂爪 修¹, 石倉 清秀¹, 小西 昭充², 遠藤 克彦², 高田 實³, 河原 正明³, 竹内 広史³, 佐々木 秀文³, 藤井 義敬² (¹ アプライドバイオシステムズジャパン, ² 名市大・2 外科, ³ 近畿中央胸部疾患センター・外科)
- 3PB-335 TORC3 による HTLV-1 LTR からの Tax 依存的な転写活性化
古賀 裕士, 大島 隆幸, 下遠野 邦忠 (京都大学, ウイルス研究所)
- 3PB-336 メチル化 HTLV-1 LTR からの転写活性化
江後 猛¹, 田中 勇悦², 下遠野 邦忠¹ (¹ 京大・ウイ研・がんウイルス, ² 琉球大院・医・免疫)
- 3PB-337 Tax による転写活性化における p21/Waf1 の寄与
秋田 一雅, 川田 早苗, 下遠野 邦忠 (京大・ウイルス研)
- 3PB-338 ATL 腫瘍細胞で特異的に発現するがん遺伝子 Tgat はがん抑制遺伝子である RECK の機能を負に制御する
森 剛志, 森内 良三, 山田 兼史, 岡崎 英子, 片峰 茂 (長崎大・院・医歯薬学総合研究科・感染分子病態学)
- 3PB-339 ATF-2 による癌抑制因子 Maspin の発現調節とその役割
前川 利男¹, 野村 慎太郎², 三木 義男³, 石井 俊輔¹ (¹ 理研・筑波・分子遺伝, ² 阪大・医・病理, ³ 癌研・ゲノムセンター)
- 3PB-340 転写因子 c-Maf と T 細胞性リンパ腫
藤岡 優樹¹, 森戸 直記¹, 中埜 貴子¹, 楊 景堯², 高橋 智¹ (¹ 筑波大・人間総合研究科・解剖学発生学, ² 腎臓病態医学分野)
- 3PB-341 EVI1/MEL1 遺伝子群による GATA-2 遺伝子調節と白血病発症機構の解析
西片 一朗¹, 湯浅 博美², 尾池 雄一², 須田 年生², 森下 和広¹ (¹ 宮崎大・医・生化, ² 慶応大・医・坂口記念)
- 3PB-342 THE IMPORTANT ROLE AND FUNCTIONAL DOMAIN OF HBx PROTEIN IN HEPATITIS B VIRUS REPLICATION
Seishi Murakami¹, Delgermaa Luvsanjav¹, Feijun Huang³, Naoki Oishi¹, Li Liu², Fang He², Liansan Zhao², Hong Tang² (¹ Dept. of Mol. Oncol., Cancer Research Institute, Kanazawa Univ., ² Dept. of Infectious Diseases, west China hospital of Sichuan Univ., ³ Dept. of Forensic Pathol., Med. School of Basic and Forensic Sci., Sichuan Univ.)
- 3PB-343 アデノウイルス E4orf6 は発がんドメインを使って ARE-mRNA を安定化する - ARE-mRNA の安定化による細胞がん化の可能性 -
青柳 麻里子, 東野 史裕, 向後 隆男, 進藤 正信 (北大・院・歯・口腔病態)
- 3PB-344 白血病関連遺伝子 DEK の細胞特異的な DNA 結合能の解析
農野 薫, 斎藤 祥子, 永田 恭介 (筑波大・院・人間総合科学)
- 3PB-345 ヒト滑膜肉腫関連癌原遺伝子 SYT 欠損マウスの作製と解析
木村 太一¹, 田中 伸哉¹, 澤 洋文¹, 恒松 良祐², 中山 啓子³, 畠山 鎮次⁴, 中山 敬一², 長嶋 和郎¹ (¹ 北大・医・分子細胞病理, ² 九大・生医研・分子発現, ³ 東北大・医・創生応用セ, ⁴ 北大・医・分子医化学)
- 3PB-346 滑膜肉腫関連因子 SYT-SSX の転写機能解析
石田 三智子¹, 粥川 容子¹, 田中 伸哉², 大木 操¹, 太田 力¹ (¹ 国立がん研・疾病ゲノム, ² 北海道大・医・分子細胞病理)
- 3PB-347 分子標的薬 HDAC 阻害剤が SYT-SSX 発現滑膜肉腫細胞株に与える影響
宮本 麻美子¹, 小田川 麗子¹, 北嶋 (粥川) 容子², 石田 三智子², 吉田 輝彦^{2,3}, 松影 昭夫¹, 太田 力² (¹ 日本女子大・院・理・物質生物機能科学, ² 国立がん研・疾病ゲノムセンター, ³ 国立がん研・腫瘍ゲノム解析情報研究部)

- 3PB-348 SUMO 化修飾による転写コアクチベーター MKL1 (megakaryoblastic leukemia 1) の機能制御
中川 宏治, 葛巻 暹 (北大・遺伝研・癌遺伝子制御)
- 3PB-349 p53 の新規誘導遺伝子の機能解析
上原 郁野, 佐藤 (織田) 恵理, 安藤 大, 八木 修立郎, 田中 信之 (日医大・老人研・免疫)
- 3PB-350 Wnt シグナルによる p53 の転写誘導活性増強の分子機構
浅野 由三, 阿部 芳憲, 上原 郁野, 佐藤 (織田) 恵理, 田中 信之 (日医大・老研・免疫)
- 3PB-351 p53 ファミリー遺伝子, p63, p73 による Pigment Epithelium Derived Factor の発現誘導
苗代 康可^{1,2}, 佐々木 泰史^{1,2}, 今井 浩三², 中村 祐輔³, 時野 隆至¹ (1 札幌医大・医・がん研・分子生物,
2 札幌医大・医・一内,³ 東大・医科研・ヒトゲノム解析セ)
- 3PB-352 p51/p63 遺伝子プロモーター領域の解析
富盛 賀也¹, 加藤 伊陽子¹, 奥山 健^{1,2}, 井川 洋二¹ (1 理研・井川研,² 共薬大・院・分子生理)
- 3PB-353 クラス III ヒストン脱アセチル化酵素による p53 の細胞内局在の制御
伊藤 昭博¹, 川口 禎晴², Tso-Pang Yao², 吉田 稔^{1,3} (1 理研・吉田化学遺伝学,² Duke Univ., Dept. Pharm.
and Cancer Biol.,³ CREST, JST)
- 3PB-354 Defect in p53 phosphorylation in oral squamous cell carcinoma cells resistant to apoptosis induced by p53 gene delivery
Solachuddin Jauhari Arief Ichwan¹, Shumpei Yamada^{1,2}, Elza Ibrahim Auerkari³, Piyamas Sumrejkanchanakij⁴, Kazuhiro Eto¹, Masa-Aki Ikeda¹ (1 Tokyo Med. Dent. Univ., Grad. School, Mol. Emb.,
2 Tokyo Med. Dent. Univ., Maxillofacial Surg.,³ Univ. of Indonesia, Fac. Dent.,⁴ Chulalongkorn Univ., Fac. Dent.)
- 3PB-355 Thioredoxin によるベンゼン毒性の緩和現象の p53 欠失による解除とその分子背景
平林 容子¹, 李 光勲¹, 尹 秉一¹, 川崎 靖¹, 淀井 淳司², 菅野 純¹, 井上 達³ (1 国立衛生研・毒性部,² 京大・ウイスル研,³ 国立衛生研・生物セ)
- 3PB-356 Etoposide は ATM 欠損細胞に染色体分配の異常を引き起こす
勝木 陽子¹, 中田 慎一郎¹, 長澤 正之¹, 井本 逸勢², 稲澤 譲治², 水谷 修紀¹ (1 東京医歯大・院・発達病態小児,² 東京医歯大・難研・分子細胞遺伝)
- 3PB-357 Topoisomerase II inhibitor 存在下に細胞分裂することで MLL 遺伝子の再構成が引き起こされる
中田 慎一郎¹, 勝木 陽子¹, 井本 逸勢², 長澤 正之¹, 稲澤 譲治², 水谷 修紀¹ (1 東京医歯大・院・小児,
2 東京医歯大・難研・分子細胞遺伝)
- 3PB-358 肺がんの早期診断マーカー hnRNP B1 による DNA 修復阻害機構の解析
佐藤 明美, 岩永 健太郎, 末岡 尚子, 千住 恵, 末岡 榮三朗 (佐賀大学医学部内科)
- 3PB-359 EXO1 遺伝子の SNP (T439M, P757L) と大腸癌リスクの関連
山本 寛斉^{1,2}, 花房 裕子², 大内田 守², 矢野 匡亮^{1,2}, 村上 正和¹, 青江 基¹, 今井 一枝³, 清水 信義¹, 中地 敬³, 清水 憲二² (1 岡山大・院医歯・腫瘍・胸部外科,² 岡山大・院医歯・分子遺伝,³ 放影研・放射線生物学/分子疫学)
- 3PB-360 DNA 修復系欠損マウスで生じた胸腺腫を用いた, がん細胞の遺伝子抑制の研究
城 圭一郎¹, 船津 浩之¹, 伊東 理世子², 関口 睦夫², 高木 康光³, 向井 常博¹ (1 佐賀大・医・分子生命科学,² 福岡歯大・細胞分子生物,³ 福岡歯大・学術フロンティア研セ)
- 3PB-361 放射線高感受性を示す in vitro 脱分化様細胞の放射線応答遺伝子解析
石川 顕一¹, 伴 貞幸¹, 三枝 公美子¹, 川井 聖子¹, 石川 敦子¹, 嶋田 裕², 稲澤 譲治³, 今井 高志¹ (1 放医研・フロンティア,² 京大・腫瘍外科,³ 東京医歯大・難治研)
- 3PB-362 ヒトメラノーマ骨転移における骨破壊機構; Leukemia Inhibitory Factor (LIF) の関与
丸田 樹明¹, 瀧口 総一^{1,2}, 小田 義直³, 恒吉 正澄³, 井口 東郎² (1 九大・院薬,² 九州がんセ・臨床,³ 九大・院医・病理)
- 3PB-363 口腔癌骨浸潤における破骨細胞の活性化に関与する因子
出山 義昭¹, 吉村 善隆¹, 前川 邦昭², 鄭 漢忠², 戸塚 靖則², 鈴木 邦明¹ (1 北大・院歯・口腔病態・細胞分子薬理,² 北大・院歯・口腔病態・顎顔面外科)

- 3PB-364 エストロゲン枯渇耐性乳がん細胞株におけるエストロゲン受容体 の機能・発現制御
 荘殿 哲哉^{1,2}, 江口 英孝^{1,2}, 中地 敬^{1,2}, 林 慎一³, 正村 滋⁴ (¹ 広大・院・医歯薬, ² 放影研・放射線生物学 / 分子疫学, ³ 東北大・医・保健, ⁴ 東歯大・市川総合病院・外科)
- 3PB-365 PPAR による Wnt シグナル伝達経路の制御機構の解析
 和山 満利, 川辺 洋一, 柳澤 純 (筑波大・院・生命環境)
- 3PB-366 Rho 特異的なグアニンヌクレオチド交換因子として働く癌原遺伝子産物 Lbc を介したシグナル伝達における上流因子の解析
 岩下 真輝, 宮本 昌明 (神戸大学・院自然科学・生命科学機構)
- 3PB-367 Rac コンディショナルノックアウトマウスによる発がんおよび転移機構の解析
 坂原 瑞穂¹, 浅原 俊一郎¹, 新石 健二¹, 中尾 晴美¹, 中尾 和貴², 饗場 篤¹ (¹ 神戸大・院医・細胞生物学, ² 理研・発生再生科学総合研究セ)
- 3PB-368 足場非依存的増殖能の獲得における *ras* の役割
 小根山 千歳, 花房 秀三郎, 赤城 剛 ((財) 大阪バイオサイエンス研究所 分子腫瘍学研究部)
- 3PB-369 マウス皮膚表皮でのパーオキシナイトライト作用による Ras/MAPK 経路への影響
 徳田 春邦¹, 熊谷 彩子², 円城 文雄¹, 榎田 宏幸¹, 青井 渉¹, 向仲 輝雄¹, 高安 淳子¹, 西野 輔翼¹ (¹ 京都府医大, ² 関西大)
- 3PB-370 DUSP6 遺伝子のミスセンス 1 塩基多型 (Val114Leu) と肺癌の関連
 神崎 浩孝¹, 花房 裕子¹, 矢野 匡亮², 青江 基², 今井 一枝³, 清水 信義², 中地 敬³, 大内田 守¹, 清水 憲二¹ (¹ 岡山大・院・医歯学総合・腫瘍制御・分子遺伝学, ² 岡山大・院・医歯学総合・胸部腫瘍外科, ³ 放影研・分子疫学部)
- 3PB-371 pVHL がん抑制遺伝子産物の免疫染色：腎細胞癌と舌扁平上皮癌における VHL 遺伝子異常との関連
 前田 美代子^{1,2}, 楠美 嘉晃², 辺見 佳子², 浅川 剛志¹, 遠藤 壮平¹, 五十嵐 智博³, 林 涼子², 生沼 利倫², 木田 亮紀¹, 江角 真理子² (¹ 日大・医・耳鼻咽喉科, ² 病理, ³ 泌尿)
- 3PB-372 VHL 遺伝子異常の有無による腎細胞癌の違いは何か？
 五十嵐 智博^{1,2}, 林 涼子², 前田 美代子³, 滝本 至得¹, 江角 真理子² (¹ 日大・医・泌尿器, ² 病理, ³ 耳鼻)
- 3PB-373 スプライシング異常を生じた VHL 遺伝子スプライス供与部位点突然変異は pathogenic か？
 浅川 剛志¹, 江角 真理子² (¹ 日大・耳鼻咽喉科, ² 日大・病理)
- 3PB-374 上顎癌治療予後を予測できる遺伝子は何か？
 工藤 逸大^{1,2}, 石橋 真理子², 浅川 剛志^{1,2}, 江角 真理子² (¹ 日本大学・医学部・耳鼻咽喉科, ² 日本大学・医学部・病理)
- 3PB-375 F-Box タンパクである Trcp1 の乳腺の発達および癌化に対する役割
 工藤 保誠¹, Daniele Guardavaccaro², 北島 正二郎¹, Michele Pagano², 高田 隆¹ (¹ 広島大院・医歯薬・口腔顎顔面病理病態学, ² ニューヨーク大・医・病理)
- 3PB-376 ノックアウトマウスによる *Drs* 遺伝子の癌化抑制機能とアポトーシス誘導機構の解析
 旦部 幸博¹, 吉岡 (山下) 敦子¹, 向所 賢一², 原口 清輝¹, 九嶋 亮治³, 磯野 高敬⁴, 服部 隆則², 井上 寛一¹ (¹ 滋賀医大・微生物, ² 滋賀医大・第一病理, ³ 滋賀医大・病理部, ⁴ 滋賀医大・実験セ)
- 3PB-377 がん抑制遺伝子 *Rit1/Bcl11b* の RNA 干渉法による機能解析
 上村 顕也, 三嶋 行雄, 小幡 美貴, 井上 順, 遠藤 智一, 木南 凌 (新潟大院・医歯総合研究科・遺伝子制御・分子生物)
- 3PB-378 TSC1 の転写制御による TSC2 の細胞内局在の変化
 樋野 一徳, 百瀬 修二, 足立 浩幸, 小林 敏之, 平山 榕子, 高原 智子, 樋野 興夫 (癌研・研・実験病理)
- 3PB-379 Tsc2 遺伝子腫瘍抑制ドメインの細胞学的解析
 百瀬 修二¹, 小林 敏之^{1,2}, 平山 榕子¹, 樋野 興夫^{1,2} (¹ 癌研・研・実験病理部, ² 順天堂大・医・第2病理)
- 3PB-380 ゲルソリンファミリー遺伝子 CapG のがん抑制機能
 渡利 彰浩¹, 高木 和也², 東山 真二¹, 里見 佳典³, 高尾 敏文³, 種村 篤⁴, 片山 一朗⁴, 宮代 勲⁵, 早川 和生², 湯通堂 満寿男¹ (¹ 大阪大・微研, ² 大阪大・医・保健, ³ 大阪大・蛋白研, ⁴ 大阪大・医, ⁵ 大阪府立成人病セ)

- 3PB-381 **アクチン結合タンパク Nd1-L の過剰発現による細胞がん化機序の解析**
西尾 妙織¹, 高森 耐之¹, 藤村 理紗², 徳久 剛史¹, 幡野 雅彦² (¹ 千葉大・院医・分化制御学, ² 千葉大・バイオメディカル)
- 3PB-382 **グリア特異的転写因子 OLIG2 による脳腫瘍細胞増殖抑制機構の解明**
梶 康一^{1,3}, 大西 晶子², 寸田 祐嗣¹, 鈴木 忠樹¹, 津田 真寿美¹, 酒井 敏行⁴, 澤 洋文^{1,3}, 長嶋 和郎¹ (¹ 北大・院医・分子細胞病理, ² 杏林大・医・脳神経外科, ³ 北大・COE, ⁴ 京都府立医大・予防医学)
- 3PB-383 **グリチルリチン及びその誘導体の肝臓がん細胞に対する G1 アレスト, アポトーシス誘導作用**
里見 佳子, 西野 輔翼 (京都府立医大分子生化学)
- 3PB-384 **アクチン結合蛋白 T-fimbrin による G2/M 期制御と抗癌剤感受性**
佐々木 泰史^{1,2}, 池田 博¹, 見田 裕章^{1,2}, 豊田 実^{1,2}, 時野 隆至², 日野田 裕治¹, 今井 浩三¹ (¹ 札幌医大・医・1 内, ² 札幌医大・医・がん研・分子生物)
- 3PB-385 **がん抑制蛋白質 TSLC1, protein 4.1, MAGuK 蛋白質の三者複合体による細胞間接着形成機構の解析**
八下田 美佳¹, 増田 万里¹, 名手 祐子^{1,2}, 丸山 智子¹, 澁谷 正史², 村上 善則¹ (¹ 国立がんセ・研・がん抑制, ² 東大・医科研・腫瘍抑制)
- 3PB-386 **Binding of ovarian cancer antigen CA125/MUC16 to mesothelin mediates cell adhesion**
Armin Rump^{1,2}, Yoshihiro Morikawa³, Minoru Tanaka^{2,5}, Sawako Minami⁴, Naohiko Umesaki⁴, Masaki Takeuchi², Atsushi Miyajima^{2,5} (¹ 株式会社医学生物学研究所, ² 東京大学分子細胞生物研究所, ³Wakayama Med. Univ., Dept. Anatomy/Neurobiol., ⁴Wakayama Med. Univ., Dept. Ob/Gyn, ⁵CREST)
- 3PB-387 **腫瘍血管新生モデルでのプロテオーム解析**
刀坂 泰史¹, 内藤 博敬², 大橋 典男², 中山 勉², 奥 直人¹ (¹ 静岡県大・薬, ² 静岡県大・生活健康)
- 3PB-388 **エリスロポエチンは腫瘍の血管新生を促進し腫瘍を増大させる**
岡崎 達馬, 海老原 覚, 高橋 秀徳, 浅田 成紀, 佐々木 秀忠 (東北大・医・老年呼吸器内科)
- 3PB-389 **Shikonin 類縁体 -HIVS による癌の増殖・転移及び血管新生の制御**
小見 悠介^{1,2}, 鈴木 康弘¹, 島村 眞里子³, 渋谷 正史⁴, 梶本 幸子², 中条 茂男², 板部 洋之², 中谷 一泰⁵, 小嶋 聡一¹ (¹ 理研・分子細胞病態, ² 昭和大・生物化学, ³ 臨床研・医薬開発センター, ⁴ 東大・医科研, ⁵ 新潟薬科大・応用生命科学)
- 3PB-390 **フラボノイド apigenin による血管新生抑制作用 - HIF-1 と Hsp90 の相互作用を介して**
岡 真優子¹, 今岡 進², 秋葉 聡¹, 船江 良彦³, 佐藤 隆司¹ (¹ 京都薬大, ² 関西学院大・理工, ³ 大阪市立大 院・医)
- 3PB-391 **サイクリン D1 過剰発現によるケラチノサイトでの VEGF の発現上昇**
生田目 奈知^{1,2}, 竹下 文隆¹, 加藤 尚志², 落谷 孝広¹ (¹ 国立がんセ・研・がん転移, ² 早稲田大・教育・理・生物)
- 3PB-392 **イヌ乳腺腫瘍における Slit の発現**
田中 裕千絵¹, 丹野 聡彦², 杉浦 方亮², 秋吉 秀保², 竹中 重雄², 久保 喜平², 大橋 文人², 津山 伸吾² (¹ 大阪府立大・獣医, ² 大阪府立大院・獣医)
- 3PB-393 **アフィニティピーズを用いたメソトレキセート新規標的タンパク質の同定**
宇賀 均^{1,2}, 倉森 見典¹, 太田 晶子², 坪井 靖典^{1,2}, 半田 宏¹ (¹ 東工大・フロンティア創造共同研究センター, ² (株) アフェニックス)
- 3PB-394 **抗腫瘍活性を有する抗 EPCR 抗体の作製**
中武 博, 野崎 周英 (化学及血清療法研究所 第一研究部第一研究室)
- 3PB-395 **抗体を用いた ABL Kinase 制御法の開発とその臨床応用の検討**
高崎 昭彦¹, 赤堀 泰², 高崎 さゆり², 松下 正之³, 秋山 秀彦¹, 橋本 敬一郎², 黒澤 良和², 林 宣宏² (¹ 藤田保衛大・衛生・臨床血液, ² 藤田保衛大・総医研, ³ 岡山大・院・医歯学総合・細胞生理)

- 3PB-396 胆道癌における RGD ファイバー変異制限増殖型アデノウイルス (CRAd) による抗腫瘍効果の改善
若山 真理子^{1,2}, 瀬尾 恵美子^{1,2}, 福田 邦明², 安部井 誠人², 鶴飼 英世¹, 村田 武英¹, 田中 直見², 濱田 洋文³, 横山 和尚¹ (¹ 理研・BRC・遺伝子材料開発室, ² 筑波大・臨医・消内, ³ 札幌医科大学 分子医学研究部門)
- 3PB-397 演題取消
- 3PB-398 大腸がん培養細胞に対するキノコ製剤の効果
吉川 麗月¹, 玉置 (橋本) 知子², 家本 敦子², 柳 秀憲¹, 藤原 由規¹, 森永 伴法², 笹原 祐介², 松田 尚久¹, 山村 武平² (¹ 兵庫医大・2 外, ² 兵庫医大・遺伝)
- 3PB-399 温熱療法シミュレーターを用いた培養細胞に対する温熱療法の基礎的研究
田中 聖一, 万年 和明 (大分大・総合科学研究支援センター)
- 3PB-400 甲状腺癌の芽細胞発癌説 多段階発癌説に代わる新たな発癌理論
高野 徹 (阪大・院医・生体情報医学)

.....(4 h 遺伝性疾患)

- 3PB-401 ショウジョウバエを用いた新規疾患関連遺伝子候補の同定とその機能解析
大甲 淑恵¹, 石川 弘典¹, 佐藤 弘康¹, 石川 裕之¹, 相垣 敏郎², 松野 健治³ (¹ 東京理科大・ゲノム創薬研究センター, ² 都立大・理・生物, ³ 理科大・基礎工)
- 3PB-402 ショウジョウバエ脆弱 X 相同遺伝子 dFMR1 と courtship 制御因子 lingerer の特異的相互作用の解析
東 あすか, 伊藤 健司, 塩見 美喜子, 塩見 春彦 (徳島大 ゲノム機能研究センター)
- 3PB-403 脆弱 X 遺伝子 dFMR1 欠損変異体ショウジョウバエにおけるプロテオーム解析
森 智子, 河村 佳紀, 井上 俊介, 塩見 春彦, 塩見 美喜子 (徳島大学ゲノム)
- 3PB-404 常染色体優性多発性嚢胞腎の分子機構の解明と新規治療の試み
輪 千朋香¹, 吉田 徳之², 矢野 善久³, 広常 真治³, 上野 宗久¹, 出口 修宏¹ (¹ 埼玉医大・泌尿器科, ² 大阪市大・院・生体化学, ³ 大阪市大・院・細胞機能制御学)
- 3PB-405 Prekallikrein 欠乏症患者の分子遺伝学的解析 (3)
澤村 暢¹, 勝田 逸郎², 丸山 文夫³, 江崎 幸治³, 市原 慶和^{1,4} (¹ 藤田保健衛生大・院・分子遺伝学, ² 藤田保健衛生大短大・血液学, ³ 藤田保健衛生大・医・血液内科学, ⁴ 藤田保健衛生大・衛・臨床遺伝学)
- 3PB-406 関節リウマチ滑膜細胞における DR3 プロモーター領域 DNA の高度メチル化
高見 希¹, 大澤 佳代¹, 三浦 靖史¹, 柱本 照¹, 駒井 浩一郎¹, 谷口 麻里子¹, 酒井 千菜¹, 白石 昌彦², 井口 哲郎³, 塩沢 俊一¹ (¹ 神戸大・医・保健, ² 国立がんセ・研・DNA メチル化とゲノム機能プロジェクト, ³ 神戸労災病院・整形外科)
- 3PB-407 関節リウマチ (RA) 関連 Leukocyte Immunoglobulin-like Receptor (LIR) 1 ハプロタイプの構造・発現解析
黒木 喜美子^{1,2}, 白石 充典¹, ラスバラ リンダ¹, 土屋 尚之², 山下 由美³, 村上 善則⁴, 小池 隆夫³, 徳永 勝士², 神田 大輔¹, 前仲 勝実¹ (¹ 九大・生医研・ワクチン開発構造生物学, ² 東大・院医・人類遺伝, ³ 北大・医・第二内科, ⁴ 国立がんセンター研究所)
- 3PB-408 Altered expression of CUG binding protein 1 mRNA in myotonic dystrophy 1: possible RNA-RNA interaction
渡辺 知司, 添田 浩美, 高木 昭夫, 中瀬 浩史 (虎の門病院神経内科)
- 3PB-409 母体環境の相違による 1 型糖尿病の病態変化について
籠橋 有紀子^{1,2}, 清水 麻美², 宇田川 潤¹, 古林 正和³, 阿比留 教生³, 大谷 浩¹ (¹ 島根大・医・解剖・発生生物, ² 島根女子短期大・家政・食物, ³ 長崎大・院・医歯薬学総合・病態解析・制御)
- 3PB-410 高血圧の素因遺伝子に関するポジショナルクローニング
小池 淑子¹, 柳内 和幸¹, 水沼 眞紀子¹, 梁 一強¹, 猪又 兵衛¹, 渡邊 岳博¹, 金 玲¹, 並河 徹², 加藤 規弘¹ (¹ 国立国際医療センター研究所・遺伝子診断治療開発研究部, ² 島根大・医・病態病理)

- 3PB-411 The genomic association study of calcitonin-receptor-like receptor gene in essential hypertension
Morihiro Sano¹, Nobuhiro Kuroi¹, Tomohiro Nakayama², Naoyuki Sato³, Masayoshi Soma⁴, Yoichi Izumi⁴, Shinichiro Kokubun¹ (¹Nihon Univ., Med., 6th year Medical student, ²Nihon Univ., Med., Division of Receptor Biology, ³Nihon Univ., Med., Division of Genomic Epidemiology, ⁴Nihon Univ., Med., Division of Nephrology and Endocrinology)
- 3PB-412 ハプロタイプを用いたアドレノメデュリン遺伝子多型と本態性高血圧症 (EH) との関連解析
中山 智祥¹, 小林 優人², 相馬 正義³, 佐藤 直之⁴, 國分 眞一郎¹ (¹日本大・医・先端医学講座受容体生物学部門, ²日本大・医・6年, ³日本大・医・腎内内分泌内科, ⁴日本大・医・先端医学講座探索医療ゲノム・疫学部門)
- 3PB-413 ヒト本態性高血圧原因遺伝子同定の試み: 高血圧モデルラットの gene expression profile に基づく候補遺伝子アプローチ
奥田 智彦, 神出 計, 滝内 伸, 小久保 喜弘, 三輪 宜一, 吉井 正義, 堀尾 武史, 田中 千尋, 坂野 麻里子, 岡山 明, 友池 仁暢, 河野 雄平, 宮田 敏行 (国立循環器病センター)
- 3PB-414 ヒト本態性高血圧原因遺伝子同定の試み: 46 個の高血圧関連の遺伝子における 69 個の非同義変異との関連
田中 千尋, 小久保 喜弘, 稲本 望, 岡山 明, 友池 仁暢, 神出 計, 滝内 伸, 河野 雄平, 坂野 麻里子, 奥田 智彦, 宮田 敏行 (国立循環器病センター)
- 3PB-415 双極性障害の候補遺伝子 TRPM2 及び ADRBK2/GRK3 の多型解析
上村 拓治^{1,2}, 工藤 純¹, 篠原 学², 平野 雅己², 塩江 邦彦², 神庭 重信³, 清水 信義¹ (¹慶應大・医・分子生物, ²山梨大・医・精神神経, ³九州大・医・精神神経)
- 3PB-416 筋強直性ジストロフィーに関わる RNA 結合タンパク質 MBNL の線虫オルソログについての機能解析
大野 英理子, 紀 嘉浩, 笹川 昇, 石浦 章一, 渡辺 雄一郎 (東大・院・総合文化・生命)
- 3PB-417 Function analysis of -Sarcoglycan, responsible for Limb girdle muscular dystrophy type 2E, in *Drosophila*.
Reina Hashimoto, Masamitsu Yamaguchi (Dept.of appl.Bio.,Kyoto Inst.of Technol.)
- 3PB-418 ジストロフィンゲノム全領域 (2.4Mb) 欠損マウスの作製
工藤 寛枝¹, 池田 春子¹, 柿谷 誠², 早坂 美智子¹, 富塚 一磨², 花岡 和則¹ (¹北里大 理 分子発生学, ²キリンビール医薬探索研究所)
- 3PB-419 X-linked muscular dystrophy (mdx) mouse からの ES 細胞株の樹立
高藤 淳, 早坂 美智子, 花岡 和則 (北里大・理・分子発生学)
- 3PB-420 心筋特異的アンキリン蛋白質 CARP はデュシェンヌ型と先天性筋ジストロフィーで異なる発現を示す
中田 知里¹, 岡 明², 塚本 善之¹, 埜中 征哉³, 佐藤 建三¹, 森 茂郎⁴, 井藤 久雄⁵, 守山 正胤⁶ (¹鳥取大・医・分子生物, ²鳥取大・脳幹研・脳小児, ³国立精神・神経セ, ⁴帝京大・医・病理, ⁵鳥取大・医・器官病理, ⁶大分大・医・病理 2)
- 3PB-421 G protein 遺伝子多型と若年者における自律神経機能との関連
松永 哲郎¹, 安田 浩一朗², 足達 哲也³, 青木 矩彦², 辻本 豪三³, 津田 謹輔¹ (¹京都大院・人間・環境学・共生人間学, ²近畿大・医・内分泌・代謝・糖尿病内科, ³京都大院・薬・ゲノム創薬科学)
- 3PB-422 ALS2 タンパク質の多量体形成は, ALS2 による低分子量 G タンパク質 Rab5 活性化および細胞内でのエンドソーム融合活性に必須である
國田 竜太¹, 大友 麻子², 水村 光¹, 鈴木 (宇都宮) 恭子², 将口 (宮田) 淳子², 柳澤 佳子¹, 秦野 伸二^{1,2}, 池田 穰衛^{1,2,3} (¹JST・SORST, ²東海大・総医研, ³オタワ大・医・小児)
- 3PB-423 ALS2 相同遺伝子産物 ALS2CL は新規 ALS2 結合タンパク質である
鈴木 (宇都宮) 恭子¹, 秦野 伸二^{1,2}, 大友 麻子^{1,2}, 國田 竜太², 水村 光², 将口 (宮田) 淳子¹, 柳澤 佳子², 須賀 恵津子², 池田 穰衛^{1,2,3} (¹東海大・総医研, ²科技・SORST, ³オタワ大・医)
- 3PB-424 若年発症型劣性家族性 ALS 疾患モデル *Als2* 遺伝子欠損マウスの作出と解析
秦野 伸二^{1,2}, 角田 茂³, 須藤 カツ子³, 大友 麻子¹, 國田 竜太², 鈴木 (宇都宮) 恭子¹, 水村 光², 将口 (宮田) 淳子¹, 柳澤 佳子², 宮本 なつき², 古曳 英理², 須賀 恵津子², 岩倉 洋一郎³, 池田 穰衛^{1,2,4} (¹東海大・総医研, ²科技機・発展, ³東大・医科研, ⁴Med., Univ. Ottawa)

- 3PB-425 ホモポリアミノ酸領域同士の相互作用の解析
大間 陽子, 紀 嘉浩, 笹川 昇, 石浦 章一 (東大・院・総合・生命)
- 3PB-426 NSAIDs による熱ショックおよび polyQ タンパク質により誘導される細胞死の抑制
石原 慶一, 山岸 伸行, 畑山 巧 (京都薬大・生化)
- 3PB-427 増大ポリグルタミン鎖発現に伴う細胞内蛋白挙動の解析
長谷川 有香¹, 西澤 正豊¹, 豊島 靖子², 高橋 俊昭³, 小野寺 理⁴, 吉田 豊⁵ (¹新潟大・脳研・神経内科, ²新潟大・脳研・病理, ³新潟大・医・保健, ⁴新潟大・脳研・生命科学リソースセンター, ⁵新潟大・腎研・構造病理)
- 3PB-428 細胞内でのポリグルタミン鎖の可溶性 dimer 形成の可視化
菊池 信矢¹, 高橋 俊昭¹, 小野寺 理², 西澤 正豊³ (¹新潟大学医学部保健学科検査技術科学専攻, ²新潟大学脳研究所生命科学リソース解析センター, ³新潟大学脳研究所神経内科)
- 3PB-429 ポリグルタミン鎖の細胞内分解抵抗性と細胞障害性の経時的解析
高橋 俊昭¹, 小野寺 理², 西澤 正豊³, 辻 省次⁴ (¹新潟大・医・保健, ²新潟大・脳研・生命科学リソースセンター, ³新潟大・脳研・神経内科, ⁴東京大・医・神経内科)
- 3PB-430 CTG/CCTG リピートを保持する線虫 *C.elegans* の作成
笹川 昇, 石浦 章一 (東大・院・総合・生命)
- 3PB-431 老化促進モデルマウス SAMP10 を用いた脳老化に対する DJ-1 の機能解析
斉藤 亜紀¹, 浅井 知浩¹, 坂本 淳一¹, 川田 智子¹, 平 敬宏^{2,3}, 有賀 寛芳^{2,3}, 奥 直人¹ (¹静岡県大・薬・医薬生命化学・COE21, ²北大院・薬・分子生物, ³科技構・CREST)
- 3PB-432 内分泌かく乱化学物質曝露マウスにおける DJ-1 の発現変動と作用機序
大江 洋正^{1,3}, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大院・薬, ²北大院・農, ³科技構・CREST)
- 3PB-433 家族性パーキンソン病 (PARK7) 原因遺伝子 DJ-1 およびその変異体の構造と抗酸化活性
平 敬宏^{1,3}, 仁木 (高橋) 加寿子^{1,3}, 仁木 剛史^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大院・薬, ²北大院・農, ³科技構・CREST)
- 3PB-434 DJ-1 のミトコンドリア complex I への結合による活性制御
林 拓哉¹, 平 敬宏^{2,3}, 有賀 寛芳^{2,3}, 有賀 早苗^{1,3} (¹北大院・農, ²北大院・薬, ³科技構・CREST)
- 3PB-435 DJ-1 結合タンパク質 HIPK1 の解析
関戸 亜弥¹, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 (井口) 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大院・薬, ²北大院・農, ³科技構・CREST)
- 3PB-436 多機能タンパク質 DJ-1 の神経疾患における機能解析
小出 静代¹, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大院・薬, ²北大院・農, ³科技構・CREST)
- 3PB-437 コンソミック系統マウスを用いた加齢性難聴感受性遺伝子の解析
森田 由香^{1,2}, 根本 美歌², 牛木 辰男³, 野村 智幸², 高橋 姿², 吉川 欣亮⁴, 米川 博通⁴, 城石 俊彦⁵, 木南 凌¹ (¹新潟大院・歯学総合研究科・遺伝子制御講座, ²同感覚統合医学講座, ³同細胞機能講座, ⁴東京都臨床医学総合研究所, ⁵国立遺伝学研究所)
- 3PB-438 マウス A/J 系統の第 7 番染色体を SM/J 系統に置換したコンソミック系統 (A-7SM) に観察される "synthetic lethality"
大野 民生, 西村 正彦 (名大院・医・医学教育研究支援センター)
- 3PB-439 X-ALD モデルマウスの骨髄移植による治療効果と, ABCD1 欠損細胞に対する正常細胞による治療効果の解析
古谷 博和^{1,2}, 山田 猛^{1,3}, 新納 信江¹, 吉良 潤一¹, 藤井 直樹² (¹九大・医・神内, ²筑後病院・神内, ³飯塚病院・神内)
- 3PB-440 Trichothiodystrophy group A - 本邦第 1 例の分子遺伝学的解析
中西 伸夫¹, 猿渡 浩², 森脇 真一¹, 王 春霞¹, 清水 信義³, 神崎 保², 兼島 伸生¹ (¹浜松医大・光子医学セ, ²鹿児島大・医・皮膚科, ³慶應大・医・分子生物)
- 3PB-441 細胞障害機構における VCP 機能のレッドクス制御の解析
野口 昌克, 萬野 篤, 村上 克洋, 小池 雅昭, 大泉 宏, 堀 清次, 垣塚 彰 (京大院・生命科学)

- 3PB-442 十字架型 DNA を介したヒト t (11;22) 染色体転座モデルの作製
大江 瑞恵, 稲垣 秀人, 向後 寛, 倉橋 浩樹 (藤田保健衛生大・総医研・分子遺伝)
- 3PB-443 ヒト網膜由来培養細胞株で発現している新規遺伝子のクローン化と解析
筒井 千尋^{1,2}, 大床 国世¹, 宇佐美 論², 加藤 誠志¹ (1 国立リハビリセンター研・障害工学, 2 東洋大・院工・応用化学)
- 3PB-444 網膜色素変性症の新規原因遺伝子の探索
押川 未央^{1,2}, 大床 国世¹, 宇佐美 論², 加藤 誠志¹ (1 国立リハビリセンター研・障害工学, 2 東洋大・院工・応用化学)
- 3PB-445 日本人網膜色素変性症患者のロドプシン遺伝子と CRX 遺伝子の SNP 解析
安藤 祐一郎^{1,2}, 大床 国世¹, 大竹 秀紀¹, 宇佐美 論², 加藤 誠志¹ (1 国立リハビリセンター研・障害工学, 2 東洋大・院工・応用化学)
- 3PB-446 Hoxd13 蛋白質における polyalanine tract の変異と進化的保存性
阿南 圭一¹, 片岡 由起², 佐藤 充治², 市瀬 広武², 吉田 進昭², 諏訪 元³, 植田 信太郎¹ (1 東大・院理・生物科学, 2 東大・医科研・遺伝子機能, 3 東大・博物館)
- 3PB-447 疾患遺伝子変異データベース *MutationView* : 新規アルゴリズムによる疾患情報検索機能の強化
大坪 正史¹, 大長 克江², 川口 浩一², 満山 進¹, 河村 隆¹, 堀澤 知義², 清水 信義¹, 蓑島 伸生^{1,3} (1 慶応大・医・分子生物, 2 株式会社カイ, 3 浜松医大・光量子医セ)
-(4i 高次生命現象 その他)
- 3PB-448 住血吸虫類に検出される哺乳類 class I MHC 遺伝子配列の多型
岡田 あゆみ¹, 今瀬 敦子¹, 鹿野 直人¹, 岩井 浩一¹, 岩村 幸雄¹, 大前 比呂思², 松田 肇³ (1 医療大・人間科学センター, 2 筑波大・基医, 3 獨協医科大・熱帯病寄生虫学)
- 3PB-449 新規ユビキチン結合タンパク質 Zub1 の筋萎縮における機能
菱谷 彰徳¹, 家村 俊一郎², 夏目 徹², 池田 恭治¹, 渡辺 研¹ (1 国立長寿セ・研・運動器疾患, 2 産総研・生物情報)
- 3PB-450 関節リウマチ患者滑膜細胞株 MH7A の IL-1 刺激遺伝子発現の pathway 解析
柴田 恭子^{1,2}, 宮澤 敬治³, 安孫子 宜光^{1,2} (1 日本大学松戸歯学部生化学講座, 2 日本大学松戸歯学部口腔科学研究所, 3 キッセイ薬品中央研究所)
- 3PB-451 IL-1 による HPA axis の活性化の分子機構
千田 大¹, 今城 俊浩², 須田 俊宏³, 岩倉 洋一郎¹ (1 東京大学医科学研究所, 2 日本医科大学大学院 老人病研究所, 3 弘前大学医学部第三内科)
- 3PB-452 *IL-6*, but not *IL-1*, induction in the brain downstream of Cox-2 is essential for the induction of febrile response against peripheral IL-1
kyoko Kagiwada¹, Dai Chida¹, Tomoya Sakatani^{1,2}, Masahide Asano^{1,3}, Aya Nambu¹, Shigeru Kakuta¹, Yoichiro Iwakura¹ (1 Division of Cell Biology, Center for Experimental Medicine, Institute of Medical Science, Universit, 2 Department of Developmental Physiology, National Institute for Physiological Sciences, 3 Division of Transgenic Animal Science, Kanazawa University Advanced Science Research Center)
- 3PB-453 マウス脳脈絡膜における Klotho タンパク質の機能解析
伊村 明浩^{1,2}, 岩野 亜希子², 村田 宮彦³, 久保田 幸治^{1,2}, 小布施 力史⁴, 藤森 俊彦², 鍋島 陽一² (1 京大・院・医学研究科・先端領域融合医学研究機構, 2 京大・院・医学研究科・腫瘍生物学, 3 京大・院・医学研究科・認知行動脳科学, 4 京大・院・生命科学研究所・遺伝子伝達学)
- 3PB-454 Parkin Phosphorylation and Modulation of Its E3 Ubiquitin Ligase Activity
Ayako Yamamoto¹, Arno Friedlein², Yuzuru Imai³, Ryosuke Takahashi³, Philipp Kahle¹, Christian Haass¹ (1 Ludwig-maximilians-Univ., ABI, Dept. of Biochem., 2 F. Hoffmann La Roche AG, 3 RIKEN Brain Science Institute, Lab for Motor System Neurodegeneration)

- 3PB-455 酪酸によるカルシウムトランスポーター発現誘導機構の解析
福島 亜紀子, 相崎 良美, 佐久間 慶子 (女子栄養大・分子栄養)
- 3PB-456 マウス腸管で発現する新規遺伝子の発現と機能解析
上田 昌克¹, 谷川 葉子¹, 土居 洋文², 小宮 透¹ (¹大阪市立大・院理・動物機能生物, ²セレスター・レキシコ・サイエンシズ(株))
- 3PB-457 C型肝炎ウイルス Core 発現マウスにおけるジエチルニトロソアミンによる肝障害
牧野 鈴子¹, 上田 久美子¹, 中野 雅行², 三田村 圭二³ (¹昭和大・臨床系共同研, ²国立千葉病院, ³あそか病院)
- 3PB-458 急性肝障害における BMP-2 の一過性発現の意義
中塚 隆介, 谷口 真, 前田 昭宏, 藤田 唯, 佐藤 建三 (鳥取大・医・分子生物)
- 3PB-459 Soluble forms of multiligand receptor, FEEL in human endothelial cells, and their putative roles in diabetes-induced vasucular injury and bacterial infection
HIDEKI ADACHI, MASAFUMI TSUJIMOTO (Lab. of Cellular Biochemistry, RIKEN)
- 3PB-460 Attenuated negative feedback suppression of bile acid synthesis in mice lacking Klotho
SHINJI ITO^{1,2}, TOSHIHIKO FUJIMORI^{1,4}, AKIKO FURUYA³, YO-KO NABESHIMA^{1,4}, YO-ICHI NABESHIMA^{1,4} (¹Kyoto Univ., Grad. Sch. of Med., Dept. Pathol. and Tumor Biol. Sci., ²Kyoto Univ., Facul. of Med., Horizon. Med. Res. Org., ³Kyowa Hakko Kogyo., Tokyo Res. Lab., ⁴CREST)
- 3PB-461 腎のアミノ酸輸送系 B⁰ 機能診断薬の開発
鹿野 直人¹, 川井 恵一², 岡田 あゆみ¹, 中島 修一¹, 小谷 高志¹, 金井 好克³, 遠藤 仁³, 佐治 英郎⁴, 石川 演美¹, 窪田 宣夫¹, 岩村 幸雄¹ (¹茨城県立医療大・人間, 放射, ²金沢大・医・保健, ³杏林大・医・薬理, ⁴京大院・薬)
- 3PB-462 SA 遺伝子および BUCS1 遺伝子多型は HDL コレステロール濃度に関連する
羽毛田 公¹, 相馬 正義¹, 中山 智祥², 佐藤 三佳乃¹, 小菅 琴子¹, 青井 則子¹, 松本 統一¹ (¹日本大・医・腎泌, ²日本大・医・先端)
- 3PB-463 G protein-coupled receptor kinase 4 (GRK4) 遺伝子多型と本態性高血圧症 (EH) との関連について
相馬 正義¹, 佐藤 三佳乃¹, 中山 智祥², 羽毛田 公¹, 青井 則子¹, 小菅 琴子¹, 松本 統一¹ (¹日本大学・医・内科, ²日本大学・医・先端医学)
- 3PB-464 Deficiency in OSCAR (osteoclast-associated receptor) associated FcR revealed maintenance in bone mass levels.
YOSHITOMO SAITA^{1,2}, HISASHI KUROSAWA², MASAKI NODA¹ (¹Tokyo Medical and Dental Univ., Medical Research Institute, Dept. Mol. Pharmacology, ²Juntendo Univ., Dept. Orthopedic Surgery)
- 3PB-465 Effects of Inhibitors on the Tail-Suspension Induced Osteopenia
hisataka kondo, masaki noda (TMD Univ., Med. MRI.)
- 3PB-466 CCR4-NOT complex component, Caf1, is involved in bone mass determination.
Kaoru Oikawa¹, Takahisa Nakamura², Michihiko Usui¹, Isao Ishikawa¹, Tetsuo Noda², Tadashi Yamamoto², Masaki Noda¹ (¹TMDU, Med. Res. Ins., Mol. pharm., ²The Univ. of Tokyo, The Ins. of Med. Sci.)
- 3PB-467 歯周疾患を自然発症するラット胚細胞株における Osteopontin の発現上昇
野崎 中成, 篠原 光子, 大浦 清 (大阪歯大・薬理)
- 3PB-468 骨格筋における SHPS-1 の神経支配による制御
三橋 弘明, 吉河 歩, 笹川 昇, 石浦 章一 (東大・院・総合・生命)
- 3PB-469 初代前駆脂肪細胞を用いた内臓脂肪と皮下脂肪の違いについての検討
平宅 史朗, 高橋 里奈, 西塚 誠, 今川 正良 (名市大院・薬)
- 3PB-470 毛色 Agouti パターン形成のための転写調節領域解析と種間比較
小野 裕剛^{1,2}, Yanru Chen-Tsai^{1,3}, Gregory S. Barsh¹ (¹Stanford 大・医・遺伝, ²慶應大・生物, ³Stanford 大・トランスジェニック施設)

- 3PB-471 マウス運動時の各種組織における遺伝子発現調節の網羅的解析
浅見 幸夫, 村治 里美, 鈴木 弘美 (明治乳業 (株) 研究本部 食機能科学研究所 機能評価研究部)
- 3PB-472 ストレス条件下のマウスにおいて転写活性と選択的スプライシングによる制御を受ける遺伝子の解析
村田 成範¹, 吉新 妙子¹, リム チュンレン¹, 杉野 麻衣子¹, 木暮 みとり¹, 大貫 達也², 小紫 俊², 松原 謙一¹ (¹DNA チップ研究所, ²大正製薬株式会社)
- 3PB-473 Expression of imprinting genes in a patient carrying pure distal trisomy 14q.
要 匡, 柳 久美子, 成富 研二 (琉球大・医・医科遺伝学)
- 3PB-474 ADAMTS-1 の卵胞成熟, 排卵過程への関与
生水 真紀夫¹, 南 紀子¹, 横山 仁², 井上 正樹¹, 栗原 裕基³, 松島 綱治⁴, 久野 耕嗣⁵ (¹金沢大・医・産婦人科, ²金沢大・医・血液浄化部, ³東京大・医・代謝生理化学, ⁴東京大・医・分子予防医学, ⁵金沢大・がん研・分子標的)
- 3PB-475 線虫 *C. elegans* の分泌タンパク質 OSM-7 は感覚受容と高浸透圧への耐性を制御する
間瀬 慶子, 大島 靖美, 石原 健, 古賀 誠人 (九州大 理 生物)
- 3PB-476 線虫 *C. elegans* の餌と化学物質への嗜好・嫌悪
西岡 祐馬, 遠藤 雅子, 平田 麻奈未, 松崎 浩明, 秦野 琢之 (福山大・生命工・生物工)
- 3PB-477 シロイヌナズナのアクアポリン遺伝子 (TIP2;2) は遠赤色光によって発現を制御されている
永田 俊文¹, 奈良 (佐藤) 久美¹, 村井 麻理², 永坂 厚², 山下 日鶴¹, 孫 強¹, 関 原明³, 篠崎 一雄³, 前島 正義⁴, 鈴木 均^{1,5} (¹理化学研究所・フォトダイナミクスセンター・光生物第2., ²東北農研センター, ³理化学研究所・植物分子, ⁴名古屋大学・生命農学研究科, ⁵石巻専修大学・生命工学科)
- 3PB-478 非線形時系列解析によるザゼンソウ肉穂花序における温度制御システムの同定
伊藤 孝徳, 伊藤 菊一 (岩大・農・寒冷バイオ)
- 3PB-479 シアノバクテリアの時計タンパク質 KaiC の暗パルスに対する応答性
富田 淳, 岩崎 秀雄, 近藤 孝男 (名大院・理・生命理, 科技団 CREST)
- 3PB-480 シアノバクテリアの概日振動には正の転写制御が必要である
今村 寿子, 望月 敦史 (基生研・理論生物)
-(5d ノックアウト・トランスジェニック生物).....
- 3PB-481 siRNA 過剰発現マウスの作製と解析
伊藤 薫¹, 斎藤 友紀¹, 横田 隆徳¹, 安斎 政幸², 三谷 匡², 水澤 英洋¹ (¹東京医科歯科大学大学院脳神経病態学, ²近畿大学先端技術総合研究所)
- 3PB-482 AMPD1 ノックアウトマウスの作製と解析
土肥 篤^{1,2}, 森崎 裕子², 木村 恵利香², 程 継東², 白井 学², 岡部 勝³, 森崎 隆幸^{1,2} (¹阪大院・薬・分子生理病態, ²国循セ・研・バイオサイエンス, ³阪大・遺伝情報セ)
- 3PB-483 肝臓における AMPD2 遺伝子の機能: ノックアウトマウスによる解析
程 継東¹, 森崎 裕子¹, 遠山 桂子¹, 土肥 篤^{1,2}, 白井 学¹, 岡部 勝³, 森崎 隆幸^{1,2} (¹国循セ・研・バイオサイエンス, ²阪大院・薬・分子生理病態, ³阪大・遺伝情報セ)
- 3PB-484 Targeted disruption of G protein-coupled bile acid receptor 1 (Gpbar1/M-Bar) in mice
Takaharu Maruyama, Kenichi Tanaka, Jun Suzuki, Hiroyuki Miyoshi, Takao Nakamura, Naomoto Harada, keiko Watanabe, Yasuhisa Miyamoto, Yoshitaka tamai (BANYU, Tsukuba Research Institute)
- 3PB-485 肝臓特異的な Acc1 (Acetyl-CoA carboxylase 1) コンディショナル・ノックアウトマウスの作製およびその解析
原田 直幹, 織田 善純, 大川 真由実, 原 芳和, 藤波 宏治, 大淵 勝也, 村井 直美, 米本 麻里, 伊藤 良樹, 荒金 克己, 大脇 健二, 楠 淳, 玉井 淑貴 (万有製薬 (株)・つくば研究所)
- 3PB-486 新規ヒト細胞質アセチル-CoA 水解酵素遺伝子を導入したトランスジェニックマウスの解析
末松 直也, 岡本 一起, 磯橋 文秀 (聖マリアンナ医大・医・生化学)

- 3PB-487 Cre/lox P システムを用いた骨代謝におけるエストロゲンシグナルの解析
 今澤 由紀子^{1,2}, 津久井 通¹, 大羽 沙弥佳¹, 栗原 真紀¹, 堀江 公仁子¹, 村松 正實¹, 井上 聡^{1,3} (¹ 埼玉医大・ゲノム研, ² ヒューマンサイエンス財団, ³ 東大・院医・加齢医学)
- 3PB-488 ノックインマウスを用いた生体内インスリン遺伝子発現細胞検出システムの構築
 田代 文, 倭 英司, 宮崎 早月, 宮崎 純一 (大阪大学大学院医学系研究科幹細胞制御)
- 3PB-489 トランスジェニックマウスを用いた卵巣におけるエストロゲンシグナルの解析
 大羽 沙弥佳¹, 津久井 通^{1,2}, 今澤 由紀子^{1,3}, 池田 和博¹, 堀江 公仁子¹, 久武 幸司², 禾 泰壽², 村松 正實¹, 井上 聡^{1,4} (¹ 埼玉医大・ゲノム医学研究セ, ² 分子生物, ³ ヒューマンサイエンス財団, ⁴ 東大・院医・加齢医学)
- 3PB-490 Diabetes mellitus in transgenic mice overexpressing mutant CaM kinase II alpha in pancreatic beta cells
 Ichiro Kato^{1,2}, Takeshi Oya³, Shin Takasawa⁴, Hiroshi Okamoto⁵, Masakiyo Sasahara³, Koichi Hiraga¹
 (¹ Toyama Med. & Pharmac. Univ., Sch. of Med., Dept. Biochem., ² Toyama Med. & Pharmac. Univ., 21st Century COE Program, ³ Toyama Med. & Pharmac. Univ., Sch. of Med., Dept. Pathol., ⁴ Tohoku Univ., Grad. Sch. of Med., Dept. Biochem., ⁵ Tohoku Univ., Grad. Sch. of Med., Dept. Adv. Biol. Sci. (Kotobiken Med. Lab.))
- 3PB-491 2',5'-オリゴアデニル酸合成酵素遺伝子欠損マウスの解析
 角田 茂¹, 柴田 進和^{1,2}, 小瀧 逸人¹, 須藤 カツ子^{1,3}, 岩倉 洋一郎¹ (¹ 東大・医科研・ヒト疾患モデル・細胞機能, ² 金沢大・院医・再生分子医学, ³ 日本医大・動物実験)
- 3PB-492 植物由来 12 脂肪酸不飽和化酵素遺伝子導入マウスにおける網羅的遺伝子発現解析
 新海 雄介^{1,2}, 松本 和也^{1,2}, 天野 朋子¹, 田口 善智², 安斎 政幸², 三谷 匡², 加藤 博己², 細井 美彦^{1,2}, 佐伯 和弘^{1,2}, 鈴木 石根³, 村田 紀夫³, 入谷 明^{1,2} (¹ 近大・生物理工, ² 近大・先端技総研, ³ 基生研)
- 3PB-493 ネクチン 1 の V ドメイン発現トランスジェニックマウスのアルファヘルペスウイルスに対する感染抵抗性
 小野 悦郎, 富岡 幸子 (北大・遺伝研・疾患モデル動物)
- 3PB-494 BAC トランスジェニックマウスを用いた Mesp1 と Mesp2 の発現制御機構の解析
 荻沼 政之^{1,3}, 小久保 博樹¹, 平田 たつみ², 恒松 康彦³, 相賀 裕美子¹ (¹ 遺伝研・発生工学, ² 総研大・遺伝研・脳機能, ³ 東京理科大・理工)
- 3PB-495 BGP コンディショナルトランスジェニックマウスにおける骨代謝の解析
 津久井 通¹, 今澤 由紀子^{1,2}, 大羽 沙弥佳¹, 藤田 雅代³, 浦野 友彦³, 村松 正實¹, 井上 聡^{1,3} (¹ 埼玉医大・ゲノム医学研セ, ² ヒューマンサイエンス財団, ³ 東大・院医・加齢医学)
- 3PB-496 トランスジェニック Nihon ラットの作製と表現型の解析
 富樫 由紀¹, 小林 敏之^{1,2}, 百瀬 修二¹, 高橋 利一³, 上田 正次³, 沖本 一夫¹, 樋野 興夫^{1,2} (¹ 癌研・研・実験病理部, ² 順天堂大学・医・第二病理, ³ YSNT 研)
- 3PB-497 可変型遺伝子トラップクローンデータベース (EGTC)
 荒木 正健¹, 鶴田 優子², 作村 由美^{2,3}, 伊藤 美陽¹, 湊 理恵¹, 吉信 公美子¹, 岸 笑子¹, 佐谷 秀行¹, 春名 享子^{2,3}, 星居 孝之², 神吉 将之², 山村 研一², 荒木 喜美² (¹ 熊本大・生命資源研究・支援セ・バイオ情報, ² 熊本大・発生医学研究セ・臓器形成, ³ ユーザー)
- 3PB-498 GPR48 変異マウスの示す毛包と眼瞼における形成異常の解析
 星居 孝之¹, 作村 由美^{1,2}, 荒木 正健³, 山村 研一¹, 荒木 喜美¹ (¹ 熊本大・発生医研セ・臓器形成, ² 株式会社ユーザー, ³ 熊本大・生命資源研究・支援セ)
- 3PB-499 可変型遺伝子トラップ法により得られた Camta-1 変異マウスの解析
 神吉 将之¹, 星居 孝之¹, 尾池 雄一³, 中潟 直己², 荒木 正健², 山村 研一¹, 荒木 喜美¹ (¹ 熊本大・発医研セ・臓器形成, ² 熊本大・生命資源研究・支援セ, ³ 慶応大学)
- 3PB-500 可変型遺伝子トラップクローン Ayu17-125 の解析
 伊藤 美陽¹, 吉信 公美子¹, 湊 理恵¹, 慶田 貴子¹, 山村 研一², 荒木 喜美², 荒木 正健¹ (¹ 熊本大学 生命資源研究・支援セ, ² 熊本大学 発生医学研究セ)
- 3PB-501 トラップアレルが Germline Transmission しない 100%キメラマウスの解析
 牟田 真由美¹, 春名 享子², 作村 由美², 荒木 正健³, 山村 研一¹, 荒木 喜美¹ (¹ 熊本大学 発生医学研究セ, ² ユーザー, ³ 熊本大学 生命資源研究)

- 3PB-502 **インスレーターを用いたヒト DAF 発現トランスジェニッククローンブタの作出**
 渡部 聡¹, 矢崎 智子^{1,2}, 鈴木 俊一¹, 淵本 大一郎¹, 岩元 正樹^{1,2}, 橋本 径子^{1,2}, 赤坂 甲治³, 大西 彰¹ (¹ 生物研・発生分化, ² (株) プライムテック, ³ 東大・院・理)
- 3PB-503 A novel method for the production of transgenic cloned pigs: electroporation-mediated gene transfer to non-cultured cells and subsequent selection with puromycin.
 Shun-ichi Suzuki¹, Satoshi Watanabe¹, Masaki Iwamoto^{1,2}, Daiichiro Fuchimoto¹, Daisuke Honma¹, Takashi Nagai¹, Michiko Hashimoto^{1,2}, Satoko Yazaki^{1,2}, Masahiro Sato³, Akira Onishi¹ (¹NIAS, Dept. of Developmental Biol, ²Prime Tech Ltd., ³Tokai Univ. Int. Med. Sci.)
- 3PB-504 **真核型 (糖鎖付加型) ニワトリ白血病阻害因子 (LIF) を分泌するニワトリ培養細胞株の樹立**
 小川 麻里¹, 山下 裕輔², 堀内 浩幸^{1,2}, 古澤 修一^{1,2}, 松田 治男^{1,2} (¹ 広島産科研・知的クラスター, ² 広島大・院・免疫生物)
- 3PB-505 **scFv-Fc を生産するトランスジェニックニワトリの作製**
 上平 正道¹, 小野 健一郎¹, 江坂 和久¹, 西島 謙一¹, 小松 弘幸², 木学 量子², 山下 敬³, 京極 健司³, 飯島 信司¹ (¹ 名大院・工・化生, ² 科学技術振興機構, ³ カネカ)
- 3PB-506 **ヒトプレ B リンパ細胞腫由来 Nalm-6 細胞株を用いた高効率ジーンターゲットング**
 曾 彩玲, 小林 悠紀, 植垣 幸一, 飯泉 晋, 足立 典隆, 小山 秀機 (横浜市大・木原生研, 同・院・総合理学)
- 3PB-507 **大腸菌人工染色体 (BAC) 改変技術を用いた哺乳類のゲノム機能解析**
 Nathan Mise, Kaoru Nakano, Kuniya Abe (RIKEN, BRC, MCD)
- 3PB-508 **ブルーム症候群モデルマウスを用いたがん抑制遺伝子の単離**
 鈴木 健之¹, 峯畑 健一¹, Nancy Jenkins², Neal Copeland² (¹ 京都大・医・先端融合研, ²MCGP, NCI-Frederick, NIH, USA)
- 3PB-509 Novel application for saturated region-specific mutagenesis using the *Sleeping Beauty* transposon system
 Vincent W. Keng¹, Kojiro Yae¹, Tomoko Hayakawa¹, Sumi Mizuno¹, Yoshihiro Uno², Kosuke Yusa¹, Chikara Kokubu¹, Kyoji Horie^{1,3}, Junji Takeda^{1,3} (¹Dept. Soci. Envi. Med., ²Expt. Anim. Sci., ³CRCast, Osaka Univ.)
- 3PB-510 **トランスポゾンタグラインを用いたシロイヌナズナのフェノーム解析**
 湯口 雅大¹, 横内 卓郎¹, 神谷 麻子², 井村 優子², 高部 寛子², 平山 隆志², 黒森 崇², 篠崎 一雄², 岡田 清孝^{1,3}, 和田 拓治¹ (¹ 理研・植物科学研究センター, ² 理研・ゲノム科学総合研究センター, ³ 京大・院理)
- 3PB-511 **CID 法との比較から見てきた生体内細胞破壊法 TRECK の長所と短所**
 河原 真弓¹, 岩脇 隆夫¹, 斉藤 美知子^{1,2}, 河野 憲二^{1,2} (¹ 奈良先端大・遺伝子センター, ² 生研機構)
- 3PB-512 **ジフテリア毒素 A fragment 遺伝子を用いた高効率の RMCE (Recombinase Mediated Cassette Exchange)**
 荒木 喜美¹, 鶴田 優子¹, 春名 享子^{1,2}, 荒木 正健³, 山村 研一¹ (¹ 熊本大 発生医学研究セ 臓器形成, ² ユーゾーン, ³ 熊本大 生命資源研究・支援セ バイオ情報)
- 3PB-513 **ウイルス介在型 LINE を用いた遺伝子導入システムの構築**
 川島 朋子, 藤原 晴彦 (東大・院新領域・先端生命)
- 3PB-514 **レトロウイルスベクター GCDSap 導入胚性幹細胞より作成されたトランスジェニックマウスの分子生物学的解析**
 濱仲 早苗¹, 大津 真¹, 長澤 俊郎¹, 中内 啓光², 小野寺 雅史¹ (¹ 筑波大・人間総合科学研究科医学専攻, ² 東大医科研・幹細胞治療)
- 3PB-515 **レトロウイルスベクターを用いた精子幹細胞への in vivo 遺伝子導入の試み**
 多田 昇弘¹, 安田 徹², 佐藤 正宏³, 肥田野 豊子², 望月 秀樹², 濱仲 早苗⁴, 小野寺 雅史⁴, 小川 秀興¹ (¹ 順天堂大院・アトピー疾患センター, ² 順天堂大院・老人性疾患センター, ³ 東海大・総医研, ⁴ 筑波大・臨床医・血液内科)
- 3PB-516 **尾静脈注射によるマウス腎系球体上皮細胞への遺伝子導入**
 中村 伸吾^{1,3}, 前原 正明¹, 石原 雅之², 木村 穂³, 佐藤 正宏⁴ (¹ 防衛医大・医・外科学第二, ² 防衛医学研究センター, ³ 東海大学・医・基礎医学系, ⁴ 東海大学・総医研)

- 3PB-517 **パラサイトベクターの開発ー寄生虫を遺伝子ベクターにする技術ー**
清水 泉太¹, 湊川 洋介², 刀祢 重信² (¹川崎医大・生物学, ²川崎医大・生化学)
- 3PB-518 **Xenopus laevis と tropicalis におけるトランスポゾンを用いたトランスジェニック法の確立**
今中 康介¹, 伊藤 万里¹, 川上 浩一², 平良 真規¹ (¹東大・院理・生物, ²国立遺伝研・初期発生)
- 3PB-519 **線虫 C. elegans のフコース転移酵素遺伝子群の変異体・RNAi を用いた解析**
近藤 和典 (創価大・工・生命情報)
- 3PB-520 **ショウジョウバエにおける誘導型 RNAi 変異体バンク**
高橋 邦明¹, 谷口 美佐子¹, 佐渡 由希子¹, 加藤 直子¹, 畑中 宏美¹, 粟野 若枝², 島村 理恵子², 森川 由美子², 小嶋 徹也³, 善野 修平³, 内藤 雄樹³, 西郷 薫³, 上田 龍¹ (¹国立遺伝研・系統生物, ²三菱化学生命研・ハエバンク, ³東大・院理)
- 3PB-521 **アマ由来 3 脂肪酸不飽和化酵素遺伝子の酵素活性の検討**
伊藤 頼子¹, 佐伯 和弘^{1,2}, 松本 和也^{1,2}, 細井 美彦^{1,2}, 木下 幹朗⁴, 鈴木 石根³, 三上 浩司³, 村田 紀夫³, 入谷 明^{1,2} (¹近大生物理工, ²近大, ³近大・近大先端技術研, ⁴基生研, ⁵帯畜大)
- 3PB-522 **ヒトのシトクロム P450 を利用した環境浄化サツマイモの開発**
田畑 和文¹, 星野 文彦¹, 堀 英津子¹, 光川 典宏¹, 平井 正名¹, 川東 広幸², 乾 秀之³, 大川 秀郎^{3,4} (¹豊田中央研究所, ²農業生物資源研究所, ³神戸大・遺伝子実験センター, ⁴福山大・生命工学)
- 3PB-523 **抗菌ペプチド遺伝子を用いた病害抵抗性植物の作出**
田中 倫子, 今枝 孝夫, 村本 伸彦, 嶋村 隆, 光川 典宏, 堀 英津子, 平井 正名 (豊田中研)
- 3PB-524 **閉鎖系環境内でのライムギ, エンバク RIP 遺伝子導入イネの生物多様性影響評価**
青木 秀之¹, 中島 敏彦², 山元 剛¹, 森 浩一¹, 黒田 真由美¹, 松村 葉子¹, 野口 雅子¹, 平八重 一之¹, 重宗 明子¹, 矢頭 治¹ (¹中央農研・北陸, ²東北農研)
- 3PB-525 **イネセレンウム結合タンパク質遺伝子 OsSBP を過剰発現させたイネおよびサツマイモは耐病性が向上する**
澤田 和敏¹, 徳田 玲奈², 新名 敦彦² (¹出光興産・中央研究所, ²奈良先端大・バイオ)
- 3PB-526 **水田で栽培可能な小麦代替作物, 製パン用イネの作出**
若森 咲子, 藤澤 由紀子, 松岡 由浩, 海藤 敏雄, 常脇 恒一郎, 岩崎 行玄 (福井県大・生物資源)
- 3PB-527 **ラクトフェリン由来抗菌性ペプチドのイネにおける遺伝子発現とその機能解析**
船越 拓¹, 保坂 壮彦¹, 井上 栄一², 安西 弘行¹ (¹茨城大, 遺伝子実験施設, ²茨城大, 農)
- 3PB-528 **イネ 3 量体 G タンパク質 サブユニットの機能解析**
鮫島 千裕, 藤原 ちひろ, 廣部 あゆみ, 藤澤 由紀子, 加藤 久晴, 岩崎 行玄 (福井県大・生物資源)
- 3PB-529 **貯蔵タンパク質改変イネ種子を利用した効率的な組換えタンパク質の発現**
黒田 昌治¹, 木水 真由美¹, 三上 周子¹, 齋藤 雄飛², 増村 威宏², 田中 國介², 荻原 保成² (¹農研機構・中央農研北陸研究センター, ²京都府立大学)
- 3PB-530 **フィブロイン重鎖遺伝子の高発現に関する転写調節領域**
清水 克彦¹, 小川 真吾^{1,2,3}, 日野 里香^{1,3}, 富田 正浩¹, 吉里 勝利^{1,3} (¹広島産科研・知的クラスター吉里プロジェクト, ²(株)高研, ³広島大・院理)
- 3PB-531 **ヒト塩基性線維芽細胞増殖因子を含有するフィブロイン材料の開発**
日野 里香^{1,2}, 富田 正浩¹, 吉里 勝利^{1,2} (¹広島産科研・吉里プロジェクト, ²広島大・院理)
- 3PB-532 **中部網系腺で組換えタンパク質を合成するトランスジェニックカイコ作出のためのベクターの構築**
飯塚 昌司^{1,2}, 外城 寿哉¹, 清水 克彦¹, 富田 正浩¹, 吉里 勝利^{1,2} (¹広島産科研・吉里プロジェクト, ²広島大・院理)
- 3PB-533 **タンパク質変性剤を用いなくても繭から組換えタンパク質を抽出することが可能なトランスジェニックカイコ発現系の開発**
富田 正浩¹, 日野 里香^{1,2}, 小川 真吾^{1,2,3}, 安達 敬泰¹, 吉里 勝利^{1,2} (¹広島産科研・吉里プロジェクト, ²広島大・院理, ³(株)高研)
- 3PB-534 **ヒト血清アルブミンを産生するトランスジェニックカイコの作製**
小川 真吾^{1,2,3}, 安達 敬泰¹, 日野 里香^{1,2}, 富田 正浩¹, 吉里 勝利^{1,2} (¹広島県産業科学技術研究所・吉里プロジェクト, ²神戸大・院理・生物, ³(株)高研)

- 3PB-535 天蚕フィブロイン遺伝子を導入された遺伝子組み換えカイコ
小林 功, 小島 桂, 瀬筒 秀樹, 内野 恵郎, 神田 俊男, 田村 俊樹 (農業生物資源研究所)
- 3PB-536 トランスジェニック・カイコによる細胞接着性絹糸の創出
小島 桂, 小林 功, 内野 恵郎, 瀬筒 秀樹, 神田 俊男, 田村 俊樹, 玉田 靖 (独立行政法人・農業生物資源研究所)
- 3PB-537 トランスジェニック蚕によるヒトオピオイド μ 受容体の発現
舘野 真由子¹, 武田 茂樹¹, 桑原 伸夫², 神田 俊夫³, 田村 俊樹³ (1 群馬大学大学院 工学研究科 ナノ材料システム工学専攻, 2 群馬県蚕業試験場 新蚕種開発グループ, 3 独立行政法人 農業生物資源研究所 昆虫生産工学研究グループ 遺伝子工学研究チーム)
- 3PB-538 糸状菌の形態変異株から回収した新規遺伝子の解析
鈴木 聡, 竹谷 博子, 木村 多江, 松下 真由美, 楠本 憲一, 柏木 豊 (食総研)
- 3PB-539 オウレン OMT 遺伝子を用いたイソキノリンアルカロイドの代謝工学
乾 貴幸, 田村 健一, 藤井 名苗, 森重 敬, 佐藤 文彦 (京大・院生命科学・統合生命)
- 3PB-540 形質転換ペチュニアにおけるプロリン蓄積とストレス耐性
山田 美加¹, 森下 泰全², 浦野 薫³, 塩崎 紀子¹, 篠崎 和子⁴, 篠崎 一雄³, 吉羽 洋周¹ (1 日立中研ライフサイエンス, 2 理研脳科学総合研, 3 理研植物分子, 4 (独) 国際農研)

.....(5e 病因解析および診断)

- 3PB-541 電気化学 DNA アレイによるリポ蛋白リパーゼ (LPL) 遺伝子変異の新規検出法の開発
池田 康行¹, 高木 敦子¹, 岩永 剛¹, 若井 純子², 中山 雅人², 竹中 繁織³, 宮原 孝俊², 天野 雅彦² (1 国立循環器病センター研究所・病因部, 2 TUM ジーン, 3 九大工学研究科化学システム)
- 3PB-542 ヒト BAC-DNA タイピングプローブを用いたマイクロアレイ CGH 技術の臨床応用
長谷川 亜紀^{1,2}, 村山 裕治³, 西口 修平⁴, 田守 昭博⁴, 久保 正二⁴, 浅川 修一³, 蓑島 伸生^{3,5}, 清水 信義³, 川口 竜二¹ (1 株式会社プロップジーン, 2 株式会社エスアールエル, 3 慶應大・医・分子生物, 4 大阪市大・医, 5 浜松医大・光量子医セ)
- 3PB-543 ゲノムワイド BAC-DNA マイクロアレイの作製と解析法の開発
村山 裕治¹, 長谷川 亜紀^{2,5}, 浅川 修一¹, 兒崎 隆純², 工藤 純¹, 蓑島 伸生^{1,3}, 清水 淑子⁴, 川口 竜二⁵, 清水 信義¹ (1 慶應大・医・分子生物, 2 (株) エスアールエル, 3 浜松医大・光量子医セ, 4 杏林大・保健学部・臨床遺伝学, 5 (株) プロップジーン)
- 3PB-544 FRET を用いた蛍光標識プローブ不要の一塩基多型解析法の開発
高津 京子¹, 横幕 豊一¹, 蔵田 信也¹, 中村 和憲², 金川 貴博² (1 環境エンジニアリング (株), 2 産総研・生物機能工学研究部門)
- 3PB-545 DNA メチル化検出のアレイへの応用
旭井 亮一, 高橋 勝利 (産総研 生命情報)
- 3PB-546 健常人末梢血 mRNA を用いた市販 DNA チップの基礎的検討
飯嶋 健太郎, 高山 成伸, 星 昭彦, 日比 望, 原田 勝二, 引地 一昌 ((株) エスアールエル 技術開発部)
- 3PB-547 遺伝子発現プロファイル解析を用いた大腸癌のリンパ節転移予測診断
小森 孝通^{1,2}, 竹政 伊知朗², 田崎 武信³, 山崎 誠^{1,2}, 本告 正明², 吉岡 慎一², 池田 正孝², 山本 浩文², 関本 貢嗣², 松原 謙一¹, 門田 守人² (1 DNA チップ研, 2 阪大・院医・病態制御外科, 3 塩野義・解析センター)
- 3PB-548 DNA chip の癌臨床への応用 - 大腸癌診断用 DNA chip (mini chip) の開発・作製 -
山崎 誠^{1,2}, 竹政 伊知朗¹, 小森 孝通^{1,2}, 本告 正明¹, 吉岡 慎一¹, 渡部 祥二², 関本 貢嗣¹, 土岐 祐一郎¹, 松原 謙一², 門田 守人¹ (1 大阪大学大学院・病態制御外科, 2 DNA チップ研究所)
- 3PB-549 ヒト腎細胞癌, 転移症例において発現の変化する遺伝子群
山中 優典¹, 木村 文宏¹, 近藤 信夫², 新井 仁明², 大蔵 朱里², 羽田 亮之², 池上 修正¹, 浅野 友彦¹, 早川 正道¹, 山本 三毅夫² (1 防衛医大 泌尿器科, 2 防衛医大 生化)

- 3PB-550 白板症から口腔扁平上皮癌への悪性化で発現の変化する遺伝子群
大蔵 朱里¹, 近藤 信夫¹, 新井 仁明¹, 羽田 亮之¹, 山崎 裕³, 高橋 雅幸², 松本 勲武⁴, 山本 三毅夫¹ (¹ 防衛医大・医・生化, ² 防衛医大・医・口腔外科, ³ 北大・歯・口腔外科, ⁴ お茶の水女大・院・人間文化)
- 3PB-551 大規模 DNA チップ解析による急性骨髄性白血病の予後予測法開発
山下 義博¹, 石川 円¹, 木佐貫 博之¹, 間野 博行^{1,2} (¹ 自治医大・ゲノム機能, ² JST・CREST)
- 3PB-552 DNA チップによる膵臓がん診断法の開発
石川 円¹, 吉田 浩司², 山下 義博¹, 間野 博行^{1,3} (¹ 自治医科大・ゲノム機能研究部, ² 川崎医大・内科, ³ JST・CREST)
- 3PB-553 二次元電気泳動法と多変量解析による新規病態プロテオーム診断法の開発；犬の神経性疾患を対象として
太田 直樹, 丹野 聡彦, 長谷川 哲也, 竹中 重雄, 嶋田 照雅, 大橋 文人, 久保 喜平, 津山 伸吾 (大阪府立大・獣医)
- 3PB-554 インスリン産生細胞におけるグルコース応答性を規定する遺伝子の検索
倭 英司¹, 田代 文¹, 西澤 均², 岡田 光浩², ヤークト ラルスマーチン², 宮崎 純一¹ (¹ 大阪大・医・幹細胞制御, ² 先端医療財団)
- 3PB-555 新規 3 アドレナリン受容体刺激薬の Zucker fatty rat における抗肥満作用と白色脂肪組織における遺伝子発現への影響
本間 俊樹¹, 小穴 史樹¹, 武田 裕夫¹, 松澤 亜可根¹, 大脇 浩幸¹, 高島 佳代子², 赤羽 敏¹, 伊佐治 正幸¹, 赤羽 増夫^{1,2} (¹ 創薬研究部, ² 開発研究部)
- 3PB-556 Adiposity elevates plasma MCP-1 levels leading to the increased CD11b-positive monocytes in mice
Kazuhiko Takahashi, Shinji Mizuarai, Hiromitsu Araki, Satoshi Mashiko, Akane Ishihara, Akio Kanatani, Hiraku Itadani, Hidehito Kotani (Banyu Tsukuba Research Institute in collaboration with Merck Research Laboratories)
- 3PB-557 結核性髄膜炎の迅速診断と治療効果判定への Nested polymerase chain reaction (PCR) 法の有用性の検討
高橋 輝行¹, 中山 智祥² (¹ 日本大・大学院・医学研究科内科系神経内科, ² 日本大・医・先端医学講座受容体生物学部門)
- 3PB-558 リアルタイム EZ RT-PCR 法による馬 2 型インフルエンザウイルスの検出
杉田 繁夫 (JRA 総研・生命)
- 3PB-559 多剤耐性緑膿菌遺伝子の AP-PCR (Arbitrarily Primed PCR) 法による分子疫学解析
細川 直登¹, 小林 知加¹, 上原 由紀¹, 矢内 充¹, 熊坂 一成¹, 江角 真理子² (¹ 日大, 医, 臨検医, ² 日大, 医, 病理)
- 3PB-560 心筋梗塞発作初期には血管抑制性および血管新生性サイトカインが経時的に産生される
大杉 峻也¹, 上岡 勇介¹, 陶山 隆^{1,2}, 松本 理宏^{1,2}, 宮本 佳昭¹, 秋丸 裕司¹, 宮川 繁², 竹谷 哲², 倉田 寛一¹ (¹ 株式会社カルディオ 神戸ラボ, ² 大阪大学大学院 医学系研究科 臓器制御外科)
- 3PB-561 一般住民検診での SNP 解析をもとにした肥満統計モデル作成の試み
山中 到¹, 森崎 裕子¹, 宮本 恵宏², 高嶋 敦¹, 岩城 照彦¹, 小久保 喜弘³, 吉政 康直², 森崎 隆幸^{1,4} (¹ 国循セ・研・バイオサイエンス, ² 同・代謝内科, ³ 同・集団検診部, ⁴ 阪大院・薬・分子生理病態)
- 3PB-562 3q27 領域のローカスワイド SNPs を用いた代謝異常症候群の関連解析
森崎 裕子¹, 山中 到¹, 宮本 恵宏², 高嶋 敦¹, 岩城 照彦¹, 小久保 喜弘³, 吉政 康直², 森崎 隆幸^{1,4} (¹ 国循セ・研・バイオサイエンス, ² 同・動脈硬化代謝内科, ³ 同・集団検診部, ⁴ 阪大院・薬・分子生理病態)
- 3PB-563 THRSP および SCD 遺伝子多型と 2 型糖尿病との関連解析
高嶋 敦¹, 森崎 裕子¹, 宮本 恵宏², 小久保 喜弘³, 山中 到¹, 友池 仁暢⁴, 吉政 康直², 森崎 隆幸^{1,5} (¹ 国循セ・研・バイオサイエンス, ² 国循セ・動脈硬化代謝内科, ³ 国循セ・集団検診部, ⁴ 国循セ・病院, ⁵ 阪大院・薬・分子生理病態)

- 3PB-564 マイクロサテライトマーカーの Stutter ピーク予測を用いた pooled typing 補正
 松本 俊子^{1,2}, 湯川 航^{1,2}, 野崎 康行^{2,3}, 中重 亮^{1,2}, 新屋 みのり^{1,4}, 生田 智樹^{1,4}, 今西 規^{5,6,7}, 猪子 英俊^{1,4,8}, 田宮 元^{1,4}, 五條堀 孝^{5,9,10} (1)JBIC・生物情報解析研究センター・遺伝子多様性解析チーム, 2 日立ソフトウェアエンジニアリング株式会社, 3CBBC マードック大学, 4 東海大学・医・基礎医学系分子生命科学, 5 産総研・生物情報解析研究センター・統合データベース解析チーム, 6 都立大・理, 7 北大・情科, 8 産総研・生物情報解析研究センター・遺伝子多様性解析チーム, 9JBIC・生物情報解析研究センター・統合データベース解析チーム, 10 国立遺伝学研究所・生命情報・DDBJ 研究センター)
- 3PB-565 塩基配列特異的熱溶出クロマトグラフ (SSTEC) 法を用いる CYP 遺伝子の SNP 解析
 高橋 幸義^{1,2}, 時田 佳治¹, 倉澤 英雄¹, 阿部 修三², 近藤 壽彦¹ (1 群馬大・医・保健, 2 ジーエルサイエンス・技術開発)
- 3PB-566 塩基配列特異的熱溶出クロマトグラフ (SSTEC) 法を用いる高病原性鳥インフルエンザウイルスの遺伝子変異解析
 倉澤 英雄¹, 郡山 豊泰¹, 高橋 幸義², 阿部 修三², 近藤 壽彦¹ (1 群馬大・医・保健, 2 ジーエルサイエンス・技術開発)
- 3PB-567 遺伝子トランジスタによる一塩基多型解析
 坂田 利弥, 宮原 裕二 (物質材料研究機構・生体材料研究センター)
- 3PB-568 ナノ粒子凝集を用いた一塩基多型 (SNP) の検出法の開発
 佐藤 香枝, 澤柳 宗貴, 細川 和生, 前田 瑞夫 (理研・バイオ工学研究室)
- 3PB-569 PDMS 無動力マイクロチップとその SNP 診断への応用
 細川 和生, 佐藤 香枝, 伊藤 寿之, 前田 瑞夫 (理研)
- 3PB-570 高精度・自動化 SNPs タイピング技術の実用化研究開発
 澤上一美¹, 阿部 初美¹, 瀬川 修¹, 高橋 正明¹, 田島 秀二¹, 近藤 勳², 中村 道大², 杉浦 水香², 萩原 央子², 森谷 眞紀³, 国香 清³, 高濱 洋介³, 板倉 光夫³, 町田 雅之² (1 プレシジョン・システム・サイエンス(株), 2 産総研 生物機能工学研究部門, 3 徳島大学ゲノム機能研究センター)
- 3PB-571 蛍光磁気ビーズを用いた SNPs のマルチプレックス検出技術の確立
 近藤 勳¹, 澤上一美², 瀬川 修², 池田 秀雄², 高橋 正明², 田島 秀二², 中村 道大¹, 杉浦 水香¹, 月井 健³, 徐 傑³, 高濱 洋介⁴, 板倉 光夫⁴, 町田 雅之¹ (1 産総研・生物機能工学研究部門, 2 プレシジョン・システム・サイエンス(株), 3 古河電気工業(株), 4 徳島大学ゲノム機能研究センター)
- 3PB-572 DNA コンピューティングの原理を用いた新規 SNP タイピング法の開発
 西田 奈央^{1,2}, 橋渡 賢図², 田邊 哲也³, 平安 恒幸¹, 高須 美和¹, 陶山 明⁴, 徳永 勝士¹ (1 東大・医・人類, 2 オリパス株式会社, 3 株式会社ノバスジーン, 4 東大・総・生命)
- 3PB-573 コムギ無細胞タンパク質合成法を基盤とする抗原タンパク質のハイスループットスクリーニングシステムの開発に向けた基礎研究
 土持 政照, 澤崎 達也, 坪井 敬文, 遠藤 弥重太 (愛媛大・無細胞センター, VBL)
- 3PB-574 コムギ無細胞合成法を用いた熱帯熱マラリア原虫タンパク質の網羅的合成法
 竹村 俊郎, 土持 政照, 竹尾 暁, 坪井 敬文, 澤崎 達也, 遠藤 弥重太 (愛媛大・無細胞センター, VBL)
- 3PB-575 二次元電気泳動デバイスの開発
 碓井 啓資¹, 平塚 淳典¹, 始関 紀彰¹, 丸尾 祐二², 松島 俊幸², 林田 智枝³, 生田目 一寿⁴, 横山 憲二¹ (1 産総研・バイオニクス研究センター, 2 (株) シャープ・河田研究所, 3 (株) 凸版印刷・材料技術研究所, 4 (株) 藤沢薬品工業・医療関連事業部)
- 3PB-576 磁気ビーズを用いた複数レクチンによる糖タンパク質の検出
 夏木 潤, 玉野 孝一, 町田 雅之 (産総研)
- 3PB-577 複数のレクチンと磁気ビーズとを用いた腫瘍マーカー糖鎖構造のアイソフォームの検出技術の開発
 玉野 孝一, 夏木 潤, 町田 雅之 (産総研・生物機能工学研究部門)
- 3PB-578 Pyrosequencing を利用した新規 DNA メチル化解析法の開発
 上野 理子^{1,2}, 豊田 実^{1,3}, 野島 正寛¹, 秋野 公臣¹, 村井 政史¹, 佐藤 亜由美¹, 佐々木 泰史^{1,3}, 鈴木 拓^{1,3}, 荻 和弘³, 草野 真暢³, 時野 隆至³, 今井 浩三¹ (1 札幌医大・医・第一内科, 2NTT 東日本札幌病院・内科, 3 札幌医大・医・がん研分子生物)

- 3PB-579 **in situ での抗原・核酸同時検出法とその自動化**
 山田 健人¹, 近藤 裕道^{1,2}, 高松 めぐみ¹, 杜 ぶん林¹, 安江 博³, 清河 信敬⁴, 藤本 純一郎⁴ (¹慶大・医・病理, ²アロカ株式会社, ³農業生物資源研究所, ⁴国立成育医療センター研究所)
- 3PB-580 **組織切片上での RNA プローブ合成による新たな in situ hybridization 法の開発**
 高松 めぐみ¹, 近藤 裕道^{1,2}, 安江 博³, 藤本 純一郎⁴, 山田 健人¹ (¹慶大・医・病理, ²アロカ株式会社, ³農業生物資源研究所, ⁴国立成育医療センター研究所)
- 3PB-581 **遺伝子トランジスタを用いた DNA シークエンシングの検討**
 宮原 裕二, 坂田 利弥 (物質材料研究機構・生体材料研究センター)
- 3PB-582 **鎖置換型 DNA ポリメラーゼによる鋳型調整と転写シークエンス法を用いた Multi-locus Sequence Typing (MLST) による迅速な細菌遺伝子型別法の開発**
 綿引 正則¹, 田中 大祐¹, 磯部 順子¹, 伊澤 真樹², 大島 泰郎³, 永井 美之¹ (¹富山県衛生研究所, ²株式会社ニッポンジーンテック, ³東京薬科大学)
- 3PB-583 **細胞内遺伝子・タンパク質機能の網羅的解析を目指したセメインタクト細胞アッセイロボット化の試み**
 村田 昌之, 田中 亜路, 山内 忍, 永田 紅, 木原 隆典, 加納 ふみ (東大院・総合文化・生命環境)
- 3PB-584 **微小管結合たんぱく質タウの構造変化の指標となる特異抗体**
 上野 瞳¹, 村山 洋¹, 前田 純宏², 高島 明彦², 松田 基夫¹ (¹麻布大院・環境保健・分子生物, ²理研・BSI)
- 3PB-585 **レトロウイルス発現ライブラリーを用いた膵臓がんの原因遺伝子スクリーニング**
 木佐貫 博之¹, 山下 義博¹, 間野 博行^{1,2} (¹自治医大・ゲノム機能研究部, ²JST・CREST)

.....(5f 方法論・技術 その他)

- 3PB-586 **完全長 cDNA ライブラリーを用いた新規マラリア DNA ワクチンの効率的探索法**
 渋井 秋子^{1,2}, 椎橋 孝³, 野上 貞雄³, 穂積 信道¹, 菅野 純夫⁴, 渡辺 純一⁴ (¹東京理科大・生命研, ²信州大・院医・移植免疫, ³日大・生物資源・獣医, ⁴東大・医科研)
- 3PB-587 **HVJ エンベロープベクターを用いた新規ハイスループット遺伝子機能探索システムの開発：新規血管新生遺伝子探索とその機能解析**
 西川 智之, 中神 啓徳, 金田 安史 (阪大・院医・遺伝子治療学)
- 3PB-588 **ウミホタルの分泌性ルシフェラーゼをレポーターとして利用した遺伝子発現の連続測定**
 山岸 和敏¹, 中島 芳浩¹, 榎本 敏照², 近江谷 克裕¹ (¹産総研・セルエンジニアリング, ²アトー株式会社)
- 3PB-589 **DRESSA: A bioassay for fast, sensitive and selective detection of dioxin and dioxin-like chemicals using a SEAP reporter system**
 Ayumi Kasai¹, Nobuhiko Hiramatsu², Yiman Meng², Jian Yao², Masayuki Takeda³, Shuichiro Maeda¹, Masanori Kitamura² (¹Yamanashi Univ., Fac. Med and Engin., Dept. Biochem.1, ²Yamanashi Univ., Fac. Med and Engin., Dept. Mol. Signal., ³Yamanashi Univ., Fac. Med and Engin., Dept. Urol.)
- 3PB-590 **シロイヌナズナにおいて遺伝子発現を可視化するための新規レポーターシステムの開発**
 芹沢 香織¹, 奇 世媛¹, 杉原 文徳¹, 笠原 浩司¹, 平山 隆志^{1,2}, 白川 昌宏¹, 古久保 哲朗¹ (¹横浜市立大・総合理, ²理化学研究所)
- 3PB-591 **HSP70B'遺伝子プロモーターを利用した細胞毒性の検出**
 和田 健一^{1,2}, 谷口 彰良^{1,2}, 徐 麗明¹, 岡野 光夫^{1,2,3} (¹物材研・生体材料研究セ, ²CREST, ³東女医大・先端医科研)
- 3PB-592 **光応答性セカンドメッセンジャーによる PKC の活性制御**
 野口 耕世¹, 得田 久敬¹, 家村 修一¹, 斎藤 尚亮², 古田 寿昭¹ (¹東邦大・理・生物分子, ²神戸大・バイオシグナル研)
- 3PB-593 **細胞走化性測定装置 TAXIScan™ を用いたマスト細胞脱顆粒反応解析法の開発**
 青木 良子¹, 新田 尚^{1,2}, 玉谷 卓也^{1,2}, 金ヶ崎 史朗¹ (¹エフェクター細胞研究所, ²東大・先端研)

- 3PB-594 巨核球系分化に関する遺伝子および創薬の生細胞を用いたスクリーニングシステムの構築
坂本 隆子¹, 東條 有伸², 浅野 茂隆³, 清水 哲男¹ (¹ 東大・医科研・先端医療研究センター・ゲノム医療情報ネットワーク分野, ² 東大・医科研・先端医療研究センター・分子療法分野, ³ 早稲田大学理工学部)
- 3PB-595 能動学習法を活用したヒト HLA 分子結合性ペプチドワクチン候補予測システムの開発
宮川 知也¹, 襲田 勉¹, 宇高 恵子² (¹ 日本電気株式会社 バイオ IT 事業推進センター, ² 高知大学医学部 免疫学教室)
- 3PB-596 抗原特異的ヒト抗体可変領域遺伝子の効率的取得法
松本 信英¹, 片倉 喜範², 山下 万貴子¹, 相葉 佳洋¹, 照屋 輝一郎², 白畑 實隆² (¹ 九大院・シス生・生命工, ² 九大院・農院・遺資工)
- 3PB-597 C31 インテグラーゼを用いた SCID-X1 遺伝子治療の基礎的検討
石川 善則, 田中 伸幸, 菅村 和夫 (東北大学・院・医・免疫)
- 3PB-598 BAMPER 法によるシトクローム P450 ファミリーの SNP 解析
中島 幸恵^{1,2}, 岡野 和宣¹, 小平 浩代³, 永井 啓一¹ (¹ ㈱日立製作所基礎研究所 健康システムラボ, ² ㈱日立製作所中央研究所 バイオシステム研究部, ³ ㈱日立ハイテクノロジーズ バイオメディカルセンタ)
- 3PB-599 YDS を用いた薬剤感受性遺伝子のスクリーニング及び解析システムの構築
松月 宏天¹, 横井 靖人¹, 日向 麻紀代², 塚原 克平², 小川 薫², 黒光 淳郎², 相根 康司², 長洲 毅志², 青島 健¹ (¹ 三井情報開発 バイオサイエンス本部 研究開発部, ² エーザイ株式会社 シーズ研究所)
- 3PB-600 Yeast deletion set (YDS) を用いた薬剤作用パスウェイ検出システムの開発
日向 麻紀代¹, 塚原 克平¹, 松月 宏天², 小川 薫¹, 黒光 淳郎¹, 相根 康司¹, 横井 靖人², 青島 健², 長洲 毅志¹ (¹ エーザイ株式会社 シーズ研究所, ² 三井情報開発 バイオサイエンス本部 研究開発部)
- 3PB-601 出芽酵母の誘導発現系を利用した薬剤標的分子同定法の改良
小川 薫, 日向 麻紀代, 新井 徹, 塚原 克平, 黒光 淳郎, 長洲 毅志 (エーザイ・シーズ研)
- 3PB-602 DNA マイクロアレイの comparative genomic hybridization (CGH) 法への適用の試み (第 6 報)
高橋 規郎^{1,4}, 佐々木 圭子¹, 小平 美江子¹, 佐藤 康成¹, 児玉 喜明¹, 杉田 恵子², 片山 博昭², 津山 尚宏^{1,3} (¹ 放影研・遺伝, ² 放影研・情報技術, ³ 山口大・院・応用医工, ⁴CREST)
- 3PB-603 哺乳動物細胞株において RNA polymerase で発現制御する細菌ウイルス由来の T7 RNA polymerase の転写・翻訳活性
武田 将彦, 三代 健太郎, 上杉 晴一, 栗原 靖之 (横浜国大・院・環境情報)
- 3PB-604 ヒト由来培養細胞株の STR 解析
飯村 恵美¹, 吉野 佳織¹, 岩瀬 秀², 西條 薫¹, 中村 幸夫¹ (¹ 理研・BRC 細胞材料開発室, ² 理研・BRC 情報解析技術室)
- 3PB-605 PCR Detection of Bovine Mitochondrial DNA derived from Meat and Bone Meal in Feed
Atsushi Toyoda¹, Mitsuru Nakajyo¹, Hiroyuki Kawachi², Tohru Matsui², Hideo Yano² (¹Ibaraki Univ., Col. Agri., Dept. Anim. Sci., ²Kyoto Univ., Grad. Sch. Agri., Lab. Nutri. Sci.)
- 3PB-606 自動マイクロインジェクション装置の開発
安藤 護俊^{1,2}, 酒井 覚¹, 須藤 嘉規¹, 陽興 幸宏¹, 谷中 聖志², 伊藤 昭夫^{1,2} (¹ 富士通・バイオ IT ・マイクロインジェクション, ² 富士通研・ペリフェラルシステム研・計測制御システム研)
- 3PB-607 Protein Imprinted Silica によるタンパク質の分離
塩見 徹¹, 松井 雅義², 坂口 謙吾¹ (¹ 東京理大・理工・応用生物, ² 産総研・界面ナノアーキテクトニクス研究センター)
- 3PB-608 Chitosan 固定化シリカによる微生物細胞の分画
窪田 宗弘 (東理大・理工・応用生物)
- 3PB-609 磁気微粒子を用いた土壌中微生物の効率的回収法の開発
宮下 雪子¹, 百瀬 潤子¹, 羽田野 智之¹, 高橋 正明¹, 田島 秀二¹, 河原林 裕² (¹ プレシジョン・システム・サイエンス株式会社, ² 産総研・生物機能工学研究部門)

- 3PB-610 スラブ光導波路分光法を用いた固液界面におけるタンパク質の吸着初期過程のその場観察
松田 直樹¹, 松井 雅義², 坂口 謙吾² (¹産総研・界面ナノアーキテクニクス研究センター, ²東京理大・理工・応用生物)
- 3PB-611 磁性蛍光ビーズの合成と磁気特性および蛍光特性評価
坪井 聡子¹, 白杵 直樹¹, 秋山 裕臣¹, 河野 研二¹, 岸本 幹雄¹, 西矢 芳昭², 町田 雅之³ (¹日立マクセル・開発本部, ²東洋紡績・ライフサイエンス事業部, ³産総研・生物機能工学研究部門)
- 3PB-612 金属吸着ウイルスベクター粒子によるタバコ植物体へのカドミウム耐性の付与
新宮 良宣, 横溝 里子, 山口 勇, 濱本 宏 (理化学研究所・植物科学研究センター)
- 3PB-613 チタン材料表面に吸着し骨細胞接着に影響を与える人工ペプチド
高岡 裕¹, 佐野 健一², 大田 美香³, 芝 清隆², 佐藤 詔子¹ (¹岩手医大・歯・口腔生化学, ²癌研・蛋白創製/CREST, JST, ³京大院・医・健康増進)

.....(6 その他).....

- 3PB-614 大腸菌糖代謝パスウェイにおける実時間 mRNA 定量計測データのシミュレーションへの導入
佐藤 哲大¹, 木村 隼人², 大島 拓², 森 浩禎², 湊 小太郎¹ (¹奈良先端大・情報科学研究科, ²奈良先端大・遺伝子教育研究センター)
- 3PB-615 タンパク質間相互作用ネットワークの進化における自己結合するタンパク質の相互作用数の頻度分布と疎密構造の関係について
長谷 武志¹, 荻島 創一¹, 鈴木 泰博², 中川 草², 田中 博² (¹東京医科歯科大・生命情報, ²東京医科歯科大・システム情報生物)
- 3PB-616 抗体 H 鎖と L 鎖の立体位置関係：ヒトとマウスでの違い
山本 悠喜¹, 古川 功治² (¹日立ソフト, ²産総研)
- 3PB-617 ニューラルネットワークを用いたメタボローム解析手法:CE/MS 内イオン性代謝物質の測定時間予測
杉本 昌弘^{1,2}, 菊地 進一¹, 有田 正規^{1,3,4}, 曾我 朋義^{1,5}, 西岡 孝明^{1,6}, 富田 勝^{1,5} (¹慶大・生命研, ²三菱スペースソフトウェア(株), ³東大院・新領域, ⁴産総研, ⁵ヒューマン・メタボローム・テクノロジーズ(株), ⁶京大院・農)
- 3PB-618 ウシ体細胞クローン個体におけるインプリンティング遺伝子の発現異常と過大仔との相関
伊藤 嘉保¹, 及川 俊徳², 志賀 一穂³, 山口 浩⁴, 赤木 悟史⁵, 粟田 崇¹ (¹生物研, ²宮城県畜産試験場, ³大分県畜産試験場, ⁴鹿児島県肉改研, ⁵畜草研)
- 3PB-619 癌細胞特異的アロ MHC 発現組み換えアデノウイルスの全身投与による治療効果の検討
桑田 恵里¹, 野口 活夫¹, 江川 滉二^{1,2} (¹メディネット先端医科学研究所, ²瀬田クリニック)
- 3PB-620 Development of a tumor-targeting thermotherapy with infrared ray irradiation and black particles
丹後 学^{1,4}, 松浦 寛², 徳原 真³, 長尾 洋昌¹, 内山 明彦⁴, 佐藤 裕子¹ (¹国際医療セ・研・臨床病理・超微細研, ²古河電工, ³国際医療セ・外, ⁴早大・理工・通信)
- 3PB-621 黄色ブドウ球菌における RNA ポリメラーゼの迅速精製法の確立
竹下 清香, 日高 叔, 森川 一也, 太田 敏子 (筑波大・人間総合・基医学)
- 3PB-622 メソポーラスシリカ樹脂によるタンパク質分画の試み, その 2
ト部 陽子¹, 松井 雅義², 水上 富士夫³, 坂口 謙吾¹ (¹東京理科大・理工・応用生物, ²産総研・界面ナノアーキテクニクス研究センター, ³産総研・メンブレン化学ラボ)
- 3PB-623 プレート境界域に存在するコールドシープ環境における微生物・生物間相互作用の分子生態学的検討
加藤 千明¹, 荒川 康^{1,2}, 佐藤 孝子¹, 藤原 義弘¹, 宇佐美 論² (¹海洋研究開発機構・極限生物, ²東洋大学・工学部)
- 3PB-624 植物性尿消臭物質の抗ガン効果について
三好 辰男 (無所属)