

第2日(12月14日(木))

PA 会場

.....(1a ゲノム, ゲノム構造)

- 2PA-001 The *Arabidopsis* genome project; X.Sequence analysis and a web database KAOS
Yasukazu Nakamura, Takakazu Kaneko, Shusei Sato, Tomohiko Kato, Erika Asamizu, Hirokazu Kotani, Satoshi Tabata (Kazusa DNA Res. Inst.)
- 2PA-002 モデル植物の大規模 cDNA 構造解析プロジェクト
浅水 恵理香¹, 中村 保一¹, 三浦 謙治², 九町 健一², 井上 能宏², 福澤 秀哉², 中嶋 舞子³, 嵯峨 直恆³, 佐藤 修正¹, 田畑 哲之¹ (¹かずさ DNA 研, ²京大・院生命科学, ³東海大・海洋研)
- 2PA-003 マメ科植物ミヤコグサ、ミヤコグサ根粒菌のゲノム解析
田畑 哲之, 金子 貴一, 中村 保一, 浅水 恵理香, 加藤 友彦, 佐藤 修正 (かずさ DNA 研)
- 2PA-004 ラン藻 (*Anabaena* sp. PCC7120, *Synechococcus elongatus* Toray, *Gloeobacter violaceus* PCC7421) ゲノムの構造解析
金子 貴一¹, 中村 保一¹, 笹本 茂美¹, C. Peter Wolk², 田畑 哲之¹ (¹かずさ DNA 研, ²Michigan State Univ., USA)
- 2PA-005 アサガオの統合的連鎖地図の作成
仁田坂 英二¹, 古川 和彦², 森田 祐将², 星野 敦², 飯田 滋² (¹九大・院理・生物科学, ²基生研)
- 2PA-006 *Arabidopsis thaliana* 5 番染色体セントロメアのゲノム構造(I)
小谷 博一, 久米川 宣一, 細内 敦, 窪岡 久乃 (かずさ DNA 研・染色体機能二)
- 2PA-007 *Arabidopsis thaliana* 5 番染色体セントロメアのゲノム構造(II)
久米川 宣一, 細内 敦, 窪岡 久乃, 小谷 博一 (かずさ DNA 研・染色体機能二)
- 2PA-008 植物ゲノムにおける CpG islands
芦川 育夫 (農水省・北陸農試)
- 2PA-009 ゼニゴケ Y 染色体由来 PAC クローン pMM2D3 にコードされる遺伝子群
石崎 公庸, 大和 勝幸, 岡田 祥子, 藤澤 雅樹, 上田 木綿, 坂東 倫行, 福澤 秀哉, 大山 莞爾 (京大・院生命科学)
- 2PA-010 *Agrobacterium* 毛根誘発プラスミド A4 の全構造
梁 亜杰, 青山 卓史, 岡 穆宏 (京大・化研)
- 2PA-011 *Tobacco leaf curl geminivirus* ゲノム DNA と欠陥 DNA の塩基配列の比較
北村 健一¹, 池上 正人² (¹東京農大・院農, ²東京農大・応用生物)
- 2PA-012 *Patchouli mild mosaic virus* のゲノム構造
尾登 靖司¹, 池上 正人², 杉村 順夫³, 夏秋 知英⁴ (¹東京農大・院農, ²同・応生, ³京都工織大・繊維, ⁴宇都宮大・農)
- 2PA-013 ミヤコグサ BAC ライブラリーの特徴と利用
村上 泰弘¹, 今泉-安楽 温子^{1,2}, 五十嵐 恵^{1,3}, 川口 正代司², 川崎 信二¹ (¹農水省・生物研, ²東大・総合文化, ³青森グリーンバイオセ)
- 2PA-014 いもち病菌 BAC ライブラリーの高性能 AFLP による整列化の試み
山加 タ子^{1,2}, 本村 知樹¹, 原田 久也², 川崎 信二¹ (¹農水省・生物研, ²千葉大・院・自然科学)
- 2PA-015 イネの *brittle culm* (カマイラズ) 遺伝子 *bc-3* 近傍の contig 作成
神原 久美子^{1,2}, 中村 信吾¹, 児玉 治², 川崎 信二¹ (¹農水省・生物研, ²茨城大・資源生物)

- 2PA-016 ヒト脾臓長鎖 cDNA の配列決定とその解析
服部 篤¹, 奥村 幸司¹, 菊野 玲子², 長瀬 隆弘², 小原 収² (¹ アイシン・コスモス研・パイオチーム, ² かずさ DNA 研)
- 2PA-017 ゲノム及び cDNA 配列情報を利用したヒト遺伝子転写産物の解析
長瀬 隆弘¹, 菊野 玲子¹, 広澤 誠², 小原 収¹ (¹ かずさ DNA 研・ヒト遺伝子, ² ゲノム情報)
- 2PA-018 ヒト長鎖 cDNA 産物の比較プロテオミクス
菊野 玲子, 長瀬 隆弘, 小原 収 (かずさ DNA 研・ヒト遺伝子)
- 2PA-019 完全長 cDNA プロジェクトで配列解析した遺伝子の発現プロファイリング
杉山 友康¹, 林 浩司¹, 大槻 哲嗣¹, 若松 愛¹, 入江 亮太郎¹, 石井 静子¹, 山本 順一¹, 河合 弓利¹, 斎藤 薫¹, 永井 啓一¹, 鈴木 稔², 菅野 純夫², 増保 安彦¹, 磯貝 隆夫¹ (¹ ヘリックス研, ² 東大・医科研)
- 2PA-020 改良オリゴキャップ法による高全長率ヒト cDNA ライブラリーの作製とその cDNA 大量配列解析への適用
磯貝 隆夫¹, 若松 愛¹, 杉山 友康¹, 入江 亮太郎¹, 河合 弓利¹, 五十野 祐子¹, 斎藤 薫¹, 石井 静子¹, 山本 順一¹, 太田 紀夫¹, 大槻 哲嗣¹, 林 浩司¹, 中村 義隆¹, 山口 大輔¹, 永井 啓一¹, 増保 安彦¹, 鈴木 稔², 菅野 純夫² (¹ ヘリックス研, ² 東大・医科研)
- 2PA-021 完成したゲノム塩基配列に基づくヒト 22 番染色体 q11.1-q11.2 領域 7.1Mb の詳細な解析: [1]CES 領域と Ig 上流領域
蓑島 伸生, 佐々木 貴史, 川崎 和彦, 浅川 修一, 工藤 純, 新谷 愛, 渋谷 和憲, 青木 紀恵, 松下 裕子, 細野 克博, 満山 進, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 2PA-022 Fine Analysis of the 7.1-Mb Region of 22q11.1-q11.2 Based on the Complete Genome Sequence: [2] DGS region and IGLL region.
T. Sasaki, K. Kawasaki, A. Shintani, S. Asakawa, S. Minoshima, N. Shimizu (Dept.Mol.Biol., Keio Univ.)
- 2PA-023 完成したゲノム塩基配列に基づくヒト 22 番染色体 q11.1-q11.2 領域 7.1Mb の詳細な解析: [3]IGLL 領域 N27C7 クローン(40kb)
細野 克博, 佐々木 貴史, 川崎 和彦, 新谷 愛, 浅川 修一, 蓑島 伸生, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 2PA-024 ヒト免疫グロブリン 遺伝子重複の進化機構
川崎 和彦, 蓑島 伸生, 渋谷 和憲, 新谷 愛, 佐々木 貴史, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 2PA-025 家族性パーキンソン病原因遺伝子 PARKIN の構造解析と欠失変異のマッピング
浅川 修一¹, 服部 信孝², 新谷 愛¹, 佐々木 貴史¹, 清水 厚志¹, 川崎 和彦¹, 張 家林², 北田 徹^{1,2}, 松峯 宏入², 蓑島 伸生¹, 清水 淑子³, 水野 美邦², 清水 信義¹, 佐々木 貴史¹, 清水 厚志¹, 松峯 宏入² (¹ 慶應大・医・分生, ² 順天堂大・医・脳内, ³ 杏林大・保健・臨遺)
- 2PA-026 ヒト 8 番染色体 q22-23 領域のシーケンシングと疾患遺伝子の探索
清水 厚志, 浅川 修一, 川崎 和彦, 蓑島 伸生, 佐々木 貴史, 新谷 愛, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 2PA-027 ヒト 21 番染色体のゲノムシーケンスの解析に基づく新規遺伝子の同定
工藤 純, 渋谷 和憲, J. Wang, 龍山 美帆, 川崎 和彦, 新谷 愛, 佐々木 貴史, 浅川 修一, 蓑島 伸生, 清水 信義 (慶應大・医・分子生物)
- 2PA-028 マウスプロテインキナーゼ C 遺伝子のゲノム構造解析と染色体マッピング
原 武史, 平井 孝明, 千田 和広 (東大・院農生科・動物細胞制御学)
- 2PA-029 マウスプロテインキナーゼ C 遺伝子の全長ゲノム DNA の単離と解析
平井 孝明, 原 武史, 千田 和広 (東大・院農生科・動物細胞制御学)
- 2PA-030 ヒトゲノムを特徴づける構造情報取得を目的としたチンパンジー/ヒト比較ゲノム解析
藤山 秋佐夫^{1,2}, 渡邊 日出美¹, 稲垣 尚美¹, 小林 由一¹, 酒井 良子¹, 塚本 由美¹, 寺田 順子¹, 栃木 美和子¹, 許山 肖子¹, 吉田 悟¹ (¹ 理研・ゲノム科学総合セ, ² 遺伝研)
- 2PA-031 ヒトとチンパンジー間の MHC 領域の比較
安西 達也¹, 椎名 隆¹, 成瀬 妙子¹, 須鎌 千知¹, 福住 康仁², 山崎 正明², 田代 弘行², 猪子 英俊¹ (¹ 東海大・医・分子生命科学, ² 不二家・パイオ研)

- 2PA-032 SLA クラス I 遺伝子領域のゲノム構造解析
重成 敦子¹, 安藤 麻子¹, 椎名 隆¹, 河田 寿子¹, Rogel-Gaillard Claire², Patrick Chardon², 安江 博³, 猪子 英俊¹ (¹東海大・医・分子生命科学, ²Laboratoire Mixte INRA-CEA, ³農水省・畜試)
- 2PA-033 シークエンシングによる MHC 領域の比較ゲノム解析
椎名 隆¹, 安西 達也¹, 清水 佐良子², 吉川 枝里¹, 桑野 裕子¹, 北村 悠香¹, 櫻井 優子¹, 多加喜 アスミ¹, 猪子 英俊¹ (¹東海大・医, ²東大・院農)
- 2PA-034 ウズラ MHC クラス II 領域における遺伝子解析
清水 佐良子¹, 椎名 隆², 高橋 慎司³, 小山 卓美⁴, 猪子 英俊², 小野寺 節¹ (¹東大・院農・応用免疫, ²東海大・医・分子生命科学, ³国立環境研, ⁴国立家衛試)

..... (1b ゲノム , ゲノム機能)

- 2PA-035 Correlation between sequence conservation of 5'UTR and codon usage bias.
Hiroaki Sakai^{1,2}, Yusuke Ohkuma^{1,3}, Chiaki Imamura^{1,4}, Akira Shinagawa⁵, Masayoshi Itoh⁵, Kazuhiro Shibata⁵, Piero Carninci⁵, Hideaki Konno⁵, Jun Kawai⁵, Yoshifumi Fukunishi⁵, Yoshihide Hayashizaki⁵, Masaru Tomita^{1,3} (¹Lab. for Bioinfo., ²Grad. Sch. of Media and Governance, ³Dept. of Env. Info., ⁴Dept. of Policy Manage., Keio Univ., ⁵Genome Expl Res. Grp., GSC/Genome Sci. Lab. Tsukuba, RIKEN)
- 2PA-036 遺伝子開始部位近辺における希少コドン使用頻度解析
大野 浩^{1,3}, 坂井 寛章^{1,2}, 富田 勝^{1,3} (¹慶應大・生命情報研, ²同・政策メディア, ³同・環境情報)
- 2PA-037 大腸菌ゲノムに存在する Long Direct Repeat(LDR)の機能解析(III)
川野 光興, 森 浩禎 (奈良先端大・遺伝子教育研究センター)
- 2PA-038 Systematic screening of E.coli ORFs involved in signal transduction
Elizabeth Tenorio¹, Takashi Saeki¹, Katsutoshi Fujita^{1,2}, Katsumi Isono¹, Hirotda Mori³ (¹Kobe Univ., Fac. Sci., Dept. Biol., ²CREST, ³NAIST, Gene Edu. Center)
- 2PA-039 硫酸還元菌(*Desulfovibrio vulgaris*)のポルフィリン合成系遺伝子群の検索
玄 東起, 中東 憲治, 官上 真子, 井口 八郎 (京大・院理・生物物理)
- 2PA-040 大腸菌におけるポルフィリン合成系遺伝子 *hemE* の Bypass ミュータント
中東 憲治¹, 官上 真子¹, 井口 八郎¹, 竹谷 茂² (¹京大・院理・生物物理, ²京工繊大・応用生物)
- 2PA-041 網羅的な大腸菌遺伝子破壊株の作製と必須遺伝子の同定
三木 健良^{1,7}, 片山 暁子^{1,7}, 加藤 潤一^{2,7}, 北川 正成^{3,7}, 堀内 嵩^{4,7}, 松田 秀雄^{5,7}, 森 浩禎^{3,7}, 山本 義弘^{6,7} (¹九大・院薬, ²東大・医科研, ³奈良先端大・遺伝子センター, ⁴基生研・遺伝子発現統御, ⁵阪大・院基礎工, ⁶兵庫医大・遺伝, ⁷科技団・CREST)
- 2PA-042 「大腸菌の細胞分裂機構の全体像」ポストゲノム解析
中出 晋介¹, 蓼沼 磨貴¹, 北川 正成², 森 浩禎², 西村 昭子¹ (¹遺伝研, ²奈良先端大)
- 2PA-043 枯草菌多剤排出タンパク質遺伝子群の発現調節機構について
村田 麻喜子, 大木 玲子 (杏林大・保健・分子生物)
- 2PA-044 DNA microarray による枯草菌のトランスクリプトーム解析
藤田 泰太郎, 吉田 健一, 松永 真幸, 山口 弘毅 (福山大・工・生物工学)
- 2PA-045 枯草菌イノシトール分解系遺伝子の機能解析
吉田 健一, 尾前 薫, 藤田 泰太郎 (福山大・工・生物工学)
- 2PA-046 黄色ブドウ球菌染色体の原子間力顕微鏡によるイメージングと DNA 結合蛋白質の同定
丸山 敦史¹, 正村 祐介³, 竹安 邦夫³, 太田 敏子² (¹筑波大・基礎医, ²筑波大・医短, ³京大・院生命科学)
- 2PA-047 Proteome analysis of VirR/VirS regulated-proteins in *Clostridium perfringens*
清水 健¹, 嶋 謙介¹, 吉野 健一², 米澤 一仁², 林 英生¹, 清水 徹¹ (¹筑波大・基礎医・微生物, ²神戸大・バイオシグナル研究セ)

- 2PA-048 Proteome analysis of *Clostridium perfringens* extracellular proteins
嶋 謙介¹, 清水 健¹, 吉野 健一², 米澤 一仁², 林 英生¹, 清水 徹¹ (¹ 筑波大・基礎医・微生物, ² 神戸大・バイオシグナル研究セ)
- 2PA-049 Purification and biochemical characteristic of -N-acetylhexosaminidase of *Bacteroides fragilis*
Tomoya Iwasa, Tomomi Kuwahara, Haruyuki Nakayama, Yoshinari Onishi (Univ. Tokushima, Shc. Med., Dept. Bac.)
- 2PA-050 Novel and efficient purification system of *Thermus thermophilus* HB8 protein
Yuichi Nodake¹, Jun Ishijima¹, Hiroyuki Motoshima¹, Shinichiro Kobayashi¹, Ryoji Masui^{1,2}, Noriko Nakagawa², Takehiko Shibata¹, Yorinao Inoue¹, Shigeyuki Yokoyama^{1,3}, Seiki Kuramitsu^{1,2} (¹RIKEN, ²Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ., ³Grad. Sch. of Sci., Univ. Tokyo)
- 2PA-051 耐熱性薬剤耐性マーカーを用いた高度好熱菌遺伝子破壊株の作製
橋本 康子¹, 竇関 淳¹, 矢野 貴人², 鏡山 博行², 小山 芳典³, 増井 良治¹, 柴田 武彦⁴, 井上 頼直⁴, 横山 茂之^{4,5}, 倉光 成紀^{1,4} (¹ 阪大・院理, ² 大阪医大・医化学, ³ 工技院・生命研, ⁴ 理研, ⁵ 東大・院理)
- 2PA-052 *Thermoplasma volcanium* のゲノム配列によって明らかになった古細菌の高温への適応機構
天野 直己^{1,2,3}, 川嶋 剛^{1,2}, 小池 英明^{1,2}, 牧野 伸一^{1,2}, 荒牧 弘範⁴, 布柴 達男⁵, 河本 健⁶, 山本 義弘⁷, 牧野 耕三⁸, 鈴木 理^{1,2} (¹ 生命工学工業技術研・構造生物学, ² 科技団・戦略的基礎研究, ³ 筑波大・医, ⁴ 第一薬大・分子生命科学, ⁵ 東北大・院理・生物, ⁶ 広島大・歯, ⁷ 兵庫医大・遺伝, ⁸ 阪大・微研)
- 2PA-053 Towards elucidation of the transcriptional network of the aero-anaero facultative archaeon, *Thermoplasma volcanium* GSS1
Tsuyoshi Kawashima^{1,2}, Sadaharu Higuchi^{1,2}, Masashi Suzuki^{1,3} (¹, ²AIST-NIBHT CREST Centre of Structural Biology, ³Grad. Sch. of Human and Environmental Sciences, Univ. of Tokyo)
- 2PA-054 好熱性古細菌 *Thermoplasma volcanium* の活性酸素防御機構
樋口 貞春^{1,2}, 川嶋 剛^{1,2}, 鈴木 理^{1,2} (¹ 生命工学工業技術研・構造生物学, ² 科技団・戦略的基礎研究)
- 2PA-055 古細菌における遺伝子特異的転写制御機構の解析
東 慶直^{1,2}, 鈴木 理^{1,2} (¹ 生命工学工業技術研・構造生物学, ² 科技団・戦略的基礎研究)
- 2PA-056 酵母 2 ハイブリッドシステムを用いた蛋白質間相互作用解析のためのシアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC7942 のゲノムライブラリーの構築
荷村 かおり, 吉川 博文 (東京農大・バイオ)
- 2PA-057 酵母 two-hybrid 法を用いたラン藻遺伝子産物相互作用の大規模解析
佐藤 修正, 金子 貴一, 村木 章子, 田畑 哲之 (かずさ DNA 研)
- 2PA-058 シロイヌナズナの Functional Genomics-タグラインを用いた遺伝子の機能解析
加藤 友彦, 佐藤 修正, 田畑 哲之 (かずさ DNA 研)
- 2PA-059 モジュールシャッフリングプライマーを利用した酵母遺伝子の発現計測
植松 千宗¹, 西田 淳子¹, 岡野 和宣¹, 神原 秀記¹, 三浦 史仁², 伊藤 隆司², 榊 佳之³ (¹ 日立・中研, ² 金沢大・がん研・遺伝子染色体, ³ 東大・医科研・ヒトゲノム・ゲノム機能)
- 2PA-060 Generalized Adaptor-tagged Competitive(GATC)PCR を用いた酵母遺伝子発現プロファイリング: マルチプレックス化による高速比較発現解析
三浦 史仁^{1,3}, 植松 千宗², 西田 淳子², 榊 佳之³, 伊藤 隆司¹ (¹ 金沢大・がん研・遺伝子染色体, ² 日立・中研, ³ 東大・医科研・ヒトゲノム)
- 2PA-061 キメラ転写因子を用いた酵母遺伝子発現制御ネットワークの解析
恩田 美雪^{1,2}, 太田 一寿², 榊 佳之¹, 伊藤 隆司² (¹ 東大・医科研・ヒトゲノム, ² 金沢大・がん研・遺伝子染色体)
- 2PA-062 酵母遺伝子発現制御ネットワークの戦略的同定
田代 康介¹, 山本 潔¹, 小川 美紀¹, 榎本 亜紀子¹, 油谷 幸代¹, 西澤 真由美¹, 牟田 滋¹, 渡辺 昭次², 江口 至洋², 久原 哲¹ (¹ 九大・院農・遺伝子制御, ² 三井情報)

- 2PA-063 Expression profiling analysis of *Schizosaccharomyces pombe* during nitrogen starvation
Yong-Sik Bong¹, Inaho Danjoh², Asao Fujiyama³ (¹The Grad. Univ. for Advanced Studies, ²Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ³Natl. Inst. of Genet.)
- 2PA-064 The DelBank Resource for Functional Genomic Analysis
Neal Goodwin¹, Yasumasa Ishida^{2,3}, Philip Leder², John Schimenti¹ (¹The Jackson Lab., Bar Harbor, ²Dept. of Genetics, Harvard Med. School, Boston, USA, ³Inst. for Frontier Med. Sci., Kyoto Univ.)
- 2PA-065 ES 細胞で発現している遺伝子群の大規模解析
高橋 宏和¹, 福村 龍太郎^{1,2}, 荒木 良子¹, 笠間 康次³, 堤 陽子¹, 大畑 樹也^{1,2}, 佐藤 伸司³, 鈴木 治彦⁴, 齋藤 俊行¹, 安倍 真澄¹ (¹放医研, ²千葉大・自然科学, ³メイズ, ⁴名大・院・医)
- 2PA-066 高カバー率遺伝子発現プロファイル解析法の開発
福村 龍太郎^{1,2}, 宮本 由紀^{1,3}, 荒木 良子¹, 高橋 宏和¹, 堤 陽子¹, 大畑 樹也^{1,2}, 味村 正博¹, 入江 隆史⁴, 齋藤 俊行¹, 安倍 真澄¹ (¹放医研, ²千葉大・自然科学, ³東邦大・生物, ⁴日立・中研)
- 2PA-067 ヒト染色体 11 番長腕と 21 番全域の S 期内複製時期地図の作成ならびにバンド境界の配列レベルでの特定
渡辺 良久¹, 藤山 秋佐夫^{1,2}, 榊 佳之², 池村 淑道¹ (¹国立遺伝研, ²理研・ゲノム科学総研セ)
- 2PA-068 ダウン症必須領域におけるヒト/マウス比較ゲノム解析
前川 耕平¹, 豊田 敦², 崔 東國², 朴 洪石², T.D. Taylor², 竹田 忠行², 藤山 秋佐夫², 服部 正平², 榊 佳之^{1,2} (¹東大・医科研・ヒトゲノムセ, ²理研・GSC)
- 2PA-069 マウスインプリント遺伝子 *Impact* とそのヒトホモログ *IMPACT* の比較ゲノムおよびメチル化解析
岡村 浩司¹, 萩原 (竹内) 百合子¹, 榊 佳之^{1,2}, 伊藤 隆司³ (¹東大・医科研・ヒトゲノムセ, ²理研・ゲノム科学総研セ, ³金沢大・がん研)
-(2b 分子構造 , タンパク質).....
- 2PA-070 Tetratricopeptide Repeat Protein 2 Binds to DNA Damage Checkpoint Rad Proteins, Rad9, Rad1 and Hus1.
Shuanglin Xiang, Katsuji Yoshioka, Shuichi Iwasaki, Hiroko Shimizu, Ken-ichi Yamamoto (Dept. Mol. Pathol., Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ.)
- 2PA-071 Incl1 プラスミドの細線毛形成に関与する *pilQ* 遺伝子の解析
酒井 大輔, 駒野 照弥 (都立大・生物・院理)
- 2PA-072 AAA タンパク質の ATPase ドメインの機能解析
唐田 清伸¹, C. Verma², A.J. Wilkinson², 小椋 光¹ (¹熊本大・発生医学研究セ, ²York 大・化学)
- 2PA-073 ヘビ毒[Lys49]ホスホリパーゼ A2 アイソザイムの筋壊死機構の解析
小川 智久¹, 五十嵐 康太¹, 赤堀 雄介¹, 亀岡 文子¹, 村本 光二¹, 郷 通子², 大野 素徳³ (¹東北大・院農, ²名大・院理, ³崇城大・工)
- 2PA-074 Survey of amino acid residues responsible for the catalytic function of *Saccharomyces cerevisiae* phospholipase B.
Yuki Obata, Masayoshi Imagawa, Kikuo Tsukamoto (Dept. Microbial. Chem. Fa. Pharm. Sci., Nagoya City Univ.)
- 2PA-075 バシトラシンのプロテインジスルフィドイソメラーゼ活性阻害機構に関する研究
永井 宏明, 堀部 智久, 榊原 圭一, 菊池 正和 (立命館大・理工)
- 2PA-076 Solution structure of the fibronectin type III domain of *Bacillus circulans* WL-12 chitinase A1
Jun-Goo Jee¹, Takahisa Ikegami¹, Masayuki Hashimoto², Takeshi Watanabe², Masahiro Shirakawa¹ (¹Nara Inst.of Sci. and Tech., Grad. Sch.of Bio. Sci., ²Niigata Univ., Faculty of Agriculture)
- 2PA-077 Structure of the Methyl-CpG-binding Domain of human MBD1 and molecular basis of DNA recognition
大木 出¹, 下竹 敦哉¹, 藤田 直之², J.-G. Jee¹, 中尾 光善², 白川 昌宏¹ (¹奈良先端大・パイオ, ²熊本大・医)

- 2PA-078 HMG1 のリン酸化に伴う抗原性の変動
伊藤 一明¹, 光岡 延芳¹, 内山 秀文¹, 傍島 淳子², 上杉 裕子², 尾崎 承一², 中尾 一和², 吉田 充輝¹ (¹ 東京理大・基礎工・生物工, ² 京大・医・臨床病態医)
- 2PA-079 NMR analysis of Histone - HMG-14 interactions
Sailaja Seeram, Hideto Shimahara, Koichi Oya, Shin-Ichi Tate (Japan Advanced Inst. of Sci. and Tech.)
- 2PA-080 組み換えヒストンを用いたヌクレオソーム再構成系の構築と HMG14/17 蛋白質によるヌクレオソーム構造変換の解析
島原 秀登, Sailaja Seeram, 大屋 孔一, 楯 真一 (北陸先端大・新素材セ)
- 2PA-081 常染色体劣性若年性パーキンソニズム(AR-JP)の原因遺伝子産物 Parkin のリン酸化
川村 猛¹, 高柳 淳¹, 北田 徹^{1,2}, 服部 信孝², 浅川 修一¹, 河田 康志³, 蓑島 伸生¹, 水野 美邦², 清水 信義¹ (¹ 慶應大・医・分子生物, ² 順天堂大・医・脳内, ³ 鳥取大・工・生物応用工)
- 2PA-082 Max 蛋白質のアミノ末端領域のリン酸化が構造と機能に及ぼす影響
堀内 正隆^{1,2}, 小椋 賢治^{1,2}, 栗原 靖之³, 上杉 晴一³, 川上 徹⁴, 長谷川 功紀⁴, 照屋 健太⁴, 赤路 健一⁴, 相本 三郎⁴, 稲垣 冬彦^{1,2} (¹ 北大・院・薬, ² 科技団・CREST, ³ 横浜国大・工, ⁴ 阪大・蛋白研)
- 2PA-083 硫酸還元菌酢酸キナーゼの酵素化学的解析とその遺伝子のクローニング
余 玲¹, 小澤 潔², 石田 哲夫¹, 阿久津 秀雄², 堀池 喜八郎¹ (¹ 滋賀医大・1 生化, ² 横浜国大・工・物質工)
- 2PA-084 Rho キナーゼの RhoA 結合最小ドメインの結晶構造
清水 敏之¹, 伊原 健太郎¹, 前崎 綾子¹, 天野 睦紀², 貝淵 弘三², 箱嶋 敏雄¹ (¹ 奈良先端大・バイオ・生体高分子, ² 奈良先端大・バイオ・細胞内情報)
- 2PA-085 オリザシスタチンのホモダイマーの機能構造解析
入本 慶宣¹, 永田 宏次², 阿部 啓子¹, 荒井 綜一¹, 田之倉 優¹ (¹ 東大・院農生科・応生化, ² 東大・生物生産工学研究セ)
- 2PA-086 シロイヌナズナの転写活性化因子 CBF1 の機能解析
金谷 栄子¹, 中島 登¹, 森川 耿右¹, 岡田 清孝², 志村 令郎¹ (¹ 生物分子工研, ² 京大・院理)
- 2PA-087 Amino Acid Substitution Analyses of the Basic DNA-contact Region, Two Amphipathic Helices, and Recognition-helix-like Helix Outside the Dimeric Barrel of Epstein-Barr Virus Nuclear Antigen-1
Tomomichi Fujita, Masato Ikeda, Shuichi Kusano, Sayuri Ito, Kazuo Yanagi (Natl. Inst. Infec. Dis., Dept. Virol. I)
- 2PA-088 C 型肝炎ウイルス由来の NS5A タンパク質の構造と機能解析
秋月 修, 島原 秀登, 大久保 忠恭, 小林 祐次 (阪大・院薬・分子薬科学)
- 2PA-089 構造ジェノミクスにおける構造決定ターゲットの選択と優先順位付け
谷 一寿, 白水 美香子, 胡桃坂 仁志, 長内 隆, 松尾 洋, 横山 茂之 (理研・ゲノム科学総合研究セ)
- 2PA-090 構造ジェノミクスのためのタンパク質情報解析・実験情報管理総合システム
長内 隆, 谷 一寿, 松尾 洋, 横山 茂之 (理研・ゲノム科学総合研究セ)
- 2PA-091 無細胞タンパク質合成による Se-Met 導入タンパク質の調製と X 線結晶解析
布川 (山口) 絵未¹, 木川 隆則^{1,2}, 児玉 公一郎^{1,3}, 松田 貴意¹, 松田 夏子¹, 矢吹 孝¹, 石谷 隆一郎³, 濡木 理³, 横山 茂之^{1,2,3} (¹ 理研・GSC・タンパク質 G, ² 理研・細胞情報伝達, ³ 東大・院理)
- 2PA-092 Functions of zinc in adenylate kinase from *Chlamydia pneumoniae*
Koshiro Miura¹, Hidehiro Toh², Sachiye Inouye¹, Mutsunori Shirai², Atsushi Nakazawa¹ (¹ Yamaguchi Univ. School Med., Dept. Biochem., ² Dept. Microbiol.)
- 2PA-093 渦鞭毛藻 *Pyrocystis lunula* ルシフェラーゼ遺伝子の同定と活性発現
森下 尚¹, 大橋 紗由実¹, 中島 芳浩², 龍福 正行¹, 中村 英士³, 近江谷 克裕^{1,4} (¹ 静岡大・教育, ² 奈良先端大・バイオサイエンス, ³ 名大・生命農学, ⁴ 大工研)
- 2PA-094 A protein disulfide isomerase-binding protein: Isolation and interaction.
Chieko Yoshio, Tomohisa Horibe, Masakazu Kikuchi (Ritsumeikan Univ., Fac. Sci. and Eng.)
- 2PA-095 RNaseH1 pseudomodule 5 のアミノ酸配列と二次構造転移との関係
小川 洋子¹, 佐藤 一紀², 柳川 弘志³ (¹ 三菱化学・生命研, ² 福岡女子大, ³ 慶應大)

- 2PA-096 超好熱菌 RNaseHIII の結晶構造解析
室谷 歩^{1,2}, 土屋 大輔², 春木 満¹, 森川 正章¹, 金谷 茂則¹, 森川 耿右² (¹ 阪大・院工・物生工, ² 生物分子工研)
- 2PA-097 高度好熱性細菌 *Thermus thermophilus* のアラニンラセマ - ゼ遺伝子のクローニング
稲垣 賢二¹, 何 桂新¹, 田村 隆¹, 増井 良治^{1,2}, 井上 頼直^{2,3}, 柴田 武彦^{3,4}, 横山 茂之^{4,5}, 倉光 成紀^{2,5}, 田中英彦^{1,2}, 田中英彦¹ (¹ 岡山大・農, ² 阪大・院理, ³ 理研・播磨研, ⁴ 理研・遺伝生化, ⁵ 東大・院理)
- 2PA-098 TATA ボックス結合蛋白質の耐熱化要因の解析
小池 英明^{1,2}, 大宅 芳枝^{1,2}, 鈴木 理^{1,2} (¹ 生命工学工業技術研・構造生物学, ² 科技団・戦略的基礎研究)
- 2PA-099 NMR による好熱性古細菌由来転写延長因子 NusA 蛋白質の二量体構造の決定
山崎 和彦^{1,2}, アッレン マーク^{1,2}, 鈴木 理^{1,2} (¹ 生命工研・構造生物, ² 科技団・戦略基礎)
- 2PA-100 高度好熱菌 Lon プロテアーゼドメインの大量発現系の構築
渡部 暁¹, 村松 知成¹, 田之倉 優², 口野 嘉幸¹ (¹ 国立がんセ・研・生物物理, ² 東大・院農生科・応生化)
- 2PA-101 Myxococcus xanthus 菌における新規 DnaK homologous
田畑 淳子, 尾谷 三枝子, 佐野 圭二 (神戸学院大・薬)
- 2PA-102 Analysis of receptor binding region of *Bacillus thuringiensis* Cry1Aa toxin using monoclonal antibodies.
Shogo Atsumi¹, Eri Mizuno¹, Kazuhiko Yano¹, Tomoyuki Kadotani², Ryoichi Sato¹ (¹ Tokyo Univ. of Agr. and Tech.,BASE, ² Tokyo Univ. of Agr. and Tech.,Fac.Agr.)
- 2PA-103 メタンモノオキシゲナーゼのヒドロキシラーゼ サブユニットの大量発現と発現タンパク質の解析
藤井 康代, 宇津木 めぐみ, 秦 恵, 小瀧 努, 大久保 捷敏 (京大・エネ研)
- 2PA-104 The role of N-terminal propeptide of pro-aminopeptidase from *Aeromonascaviae* T-64
Satoru Nirasawa¹, Yoshiaki Nakajima¹, Zhen-zhong Zhang¹, Isao Kusakabe², Michiteru Yoshida³, Kiyoshi Hayashi¹ (¹National Food Research Institute, ²Inst. Appl. Biochem., Univ. Tsukuba, ³Dept. Biol. Sci. Tech., Sci. Univ. Tokyo)
- 2PA-105 Function of the N-terminal propeptide of an aminopeptidase from *Vibrioproteolyticus*
Zhen-zhong Zhang¹, Satoru Nirasawa¹, Yoshiaki Nakajima¹, Isao Kusakabe², Michiteru Yoshida³, Kiyoshi Hayashi¹ (¹National Food Research Institute, ²Inst. Appl. Biochem., Univ. Tsukuba, ³Dept. Biol. Sci. Tech., Sci. Univ. Tokyo)
- 2PA-106 光合成細菌の DMSO レダクターゼの凝集を抑制するペリプラズムの分子シャペロン様タンパク質
松崎 雅広, 山本 勇, 佐藤 敏生 (広島大・院理・生物)
- 2PA-107 GBGP-like Glycoproteins in Four O'clock Flower (*Mirabilis jalapa*)
Tetsuo Takeichi (National Institute of Agrobiological Resources)
- 2PA-108 イネ由来キチナーゼの立体構造モデリングと基質結合状態
竹原 英毅¹, 佐々木 千絵², 深溝 慶², 久原 哲¹ (¹ 九大・院遺資工, ² 近畿大・院・応用生物化)
- 2PA-109 窒素栄養の異なるイネにおいてもち病感染により誘導されるタンパク質の網羅的解析
小西 博郷¹, 石黒 潔², 芦刈 五月¹, 小松 節子¹ (¹ 農水省・生物研, ² 農水省・東北農試)
- 2PA-110 イネ幼苗期においてジベレリン刺激により発現の変動するタンパク質の解析
Shihua Shen¹, 高尾 敏文², 小松 節子¹ (¹ 農水省・生物研, ² 阪大・蛋白研)
- 2PA-111 光化学系 2 酸素発生系 23kDa タンパク質の構造と機能に関する研究
伊福 健太郎¹, 佐藤 文彦^{1,2} (¹ 京大・院農, ² 同・生命)
- 2PA-112 The property of chimera pro-aminopeptidase replaced the N-terminal propeptide region
Yoshiaki Nakajima¹, Satoru Nirasawa¹, Zhen-zhong Zhang¹, Isao Kusakabe², Michiteru Yoshida³, Kiyoshi Hayash¹ (¹National Food Reseach Institute, ²Inst. Appl. Biochem., Univ. Tsukuba, ³Dept. Biol. Sci. Tech., Sci. Univ. Tokyo)
- 2PA-113 SUMO-2/3 は 11 番目の Lys を介してポリ鎖を形成する
児玉 久子¹, 内田 早苗¹, 若田部 るみ¹, 江藤 智子¹, 日高 祐子², 安田 秀世³, 田中 啓二^{2,4}, 木村 道夫¹ (¹ アップサイエンス(株), ²CREST 科技団・戦略, ³ 東京薬大・生命科学, ⁴ 都臨床研・分子腫瘍)

- 2PA-114 Dimerization and enzyme activity of Thymidine Phosphorylase/PD-ECGF
Tatsuhiko Furukawa¹, Xiao-Qin Ren¹, Kazutake Tujikawa², Shin-ichi Akiyama¹ (¹Kagoshima Univ., Fac. Med., Inst. Cancer Res., ²Osaka Univ., Grad School Pharm., Dept. Immunology)
- 2PA-115 フーリエ解析を用いた七回膜貫通型 ATP 受容体の 3D 構造予測とリガンド結合部位の解析
平本 豪志¹, 菊地 武司², 加藤 稔¹, 藤田 典久¹ (¹立命館大・理工・化学生物工学, ²倉敷芸術科学大・産業科学技術・物質機能)
- 2PA-116 レプチン/レプチン受容体複合体のホモロジーモデリング
廣池 隆明, 肥後 順一, 陣上 久人, 藤 博幸 (生物分子工研)
- 2PA-117 ZPT2-2 タンパク質の溶液構造解析
八田 知久, 加藤 悦子, 高辻 博志, 山崎 俊正 (農水省・生物研)
- 2PA-118 *B.cereus* スフィンゴミエリナーゼの Ca²⁺ 依存的生体膜結合ドメインの同定
小浜 孝士, 池澤 宏郎, 今川 正良, 塚本 喜久雄 (名市大・薬・微生物)
- 2PA-119 Characterization of Cell Wall Lytic Amidase CwlC and CwlV
Fuminori Ise¹, Hiromi Hattori¹, Toshio Shida¹, Yasuhiro Koyama², Tatsuo Hikage², Masatake Akita², Atsuo Suzuki², Takashi Yamane², Junichi Sekiguchi¹ (¹Shinshu Univ., Fac. Textile Sci., Dept. Applied Biol. Sci., ²Nagoya Univ., Sch. Eng., Dept. Biotech.)
- 2PA-120 Chondromodulin-I: Purification and analysis of functional structure
Hiroyuki Shibata¹, Yusuke Oshima¹, Jun Kondo², Chisa Shukunami¹, Yuji Hiraki¹ (¹Inst. for Frontier Med. Sci., Kyoto Univ., ²Mitsubishi-Tokyo Pharmaceuticals, Inc.)
- 2PA-121 Ves1/Homer タンパク質、Ves1-1S の溶液構造の解析
田中 剛史¹, 須貝 真理子¹, 伊藤 隆², 井ノ口 馨¹, 河野 俊之¹ (¹三菱化学・生命研, ²理研・遺伝生化学)
- 2PA-122 マウスヒスチジンリッチグリコプロテインの精製と構造
森 秀治¹, 岡本 基¹, 山岡 聖典¹, 西堀 正洋², 中矢 直樹² (¹岡山大・医・保健, ²岡山大・医・薬理)
- 2PA-123 標的 DNA との複合体形成に伴う hnRNPD0 蛋白質の運動性の変化
宮ノ入 洋平¹, 榎園 能章¹, 渡辺 道直¹, 上杉 晴一¹, 柳田 保子², 石川 冬木², 片平 正人¹ (¹横浜国大・工・化学生命, ²東工大・生命理工)
- 2PA-124 好中球 NADPH oxidase の成分(p67,Rac)の融合タンパク質の作成
小笠原 真也¹, 宮野 佳¹, 福田 浩康¹, 中村 洋一², 田村 実¹ (¹愛媛大・工・応化, ²金沢大・薬・薬効動態)
- 2PA-125 好中球 NADPH oxidase 成分 p47phox と actin のタンパク-タンパク相互作用
甲斐 徹太郎¹, 綱脇 祥子², 田村 実¹ (¹愛媛大・工・応化, ²国立小児医療研究セ・感染症)
- 2PA-126 好中球 NADPH oxidase の成分 p47phox と p67phox の融合タンパク質の作成
蛭子 健太郎, 長澤 輝明, 田村 実 (愛媛大・工・応化)
- 2PA-127 ミサキマメイタボヤ芽体の成長・発生に連動したシトクロム b5 の発現誘導
指吸 俊次, 高橋 扶美, 藤原 滋樹, 川村 和夫 (高知大・理・物質科学)
- 2PA-128 基質結合による酵素分子の誘導適合機構の解析
能勢 雅樹¹, 石嶋 潤^{1,2}, 倉光 成紀^{1,2}, 矢野 貴人³, 鏡山 博行³ (¹阪大・院理, ²理研・播磨研, ³大阪医大・医化学)
- 2PA-129 Draft genome 配列データベースからの新規 G 蛋白質共役型受容体の同定と解析
小田 環, 森川 記行, 斎藤 洋子, 増保 安彦, 松本 俊一郎 (ヘリックス研)
-(5c 細胞の機能, がん遺伝子, がん化)
- 2PA-130 -1,4-ガラクトース転移酵素(-1,4-GalT)遺伝子を導入したマウスメラノーマ細胞の形質変化の解析
古川 清¹, 佐藤 武史¹, 白根 克則^{1,2} (¹都老人研・生体情報, ²日清製粉)

- 2PA-131 アンチセンス K-rasRNA 発現アデノウィルスベクターを導入した膵がん細胞株における遺伝子発現プロファイル
青木 一教¹, 大浪 俊平², 鈴木 浩一², 畑中 一映², 寺田 雅昭², 吉田 輝彦² (¹ 国立がんセ・研・がん宿主免疫, ² 分子腫瘍)
- 2PA-132 Comprehensive Gene Analysis about Multicentric Carcinogenesis of Hepatocellular Carcinoma Using Oligonucleotide Array
Yutaka Midorikawa^{1,3}, Shuichi Tsutsumi¹, Masami Ishii¹, Taniguchi Hirokazu¹, Yoshitaka Hippo¹, Tatsuhiko Kodama², Masatoshi Makuuchi³, Hiroyuki Aburatani¹ (¹ Univ. Tokyo, RCAST, Genome Science Div., ² Univ. Tokyo, RCAST, Molecular Biology Div., ³ Univ. Tokyo, Dept. Medicine, HBP Surg. Div.)
- 2PA-133 SNaPshot を用いた腎細胞癌における VHL 片側対立遺伝子欠失解析の試み
持田 淳一^{1,2}, 林 謙悟¹, 四條 克倫¹, 五十嵐 智博^{1,2}, 岡田 清己², 江角 真理子¹ (¹ 日大・医・病理, ² 日大・医・泌尿器)
- 2PA-134 がんにおける Amplicon profiling
柏木 浩暢, 吉田 貞夫, 岩上 陽子, 高野 克己, 三輪 正直, 内田 和彦 (筑波大・基礎・生化)
- 2PA-135 一酸化窒素ドナーの作用による H-ras 遺伝子変異の解析
徳田 春邦¹, 信国 好俊², 奥田 正人¹, 牟 暁陽¹, 口出 将司¹, 西野 輔翼¹ (¹ 京都府医大・生化, ² 京都府医大・薬理)
- 2PA-136 野生型 p53 組換えアデノウィルスの 293 細胞繰返し感染による変異型 p53 組換えアデノウィルスのスクリーニングとその解析
久次米 夕佳里¹, 鶴飼 英世¹, 渡辺 早苗¹, 筒井 初美¹, 村田 武英¹, 濱田 洋文², 横山 和尚¹ (¹ 理研・筑波研, ² 札幌医大・医・分医)
- 2PA-137 放射線誘発マウス胸腺リンパ腫 (TL) の解析: Intracisternal A particle の挿入による IL-2 受容体の恒常的活性化
鶴飼 英樹¹, 蓼沼 磨貴², 石井 洋子¹, 荻生 俊昭¹, 辻 秀雄¹ (¹ 放医研・第3グループ, ² 放医研・放障医)
- 2PA-138 鳥類 DT40 細胞株を用いた CD98LC (LAT1) の機能解析
大川 真由実¹, 八木 秀樹^{1,2}, 吉村 明¹, 関 政幸¹, 榎本 武美¹, 益子 高² (¹ 東北大・院薬, ² 近畿大・薬)
- 2PA-139 甲状腺乳頭癌で c-ret と融合している遺伝子 ELKS の発現と ELKS-c-ret タンパク質の解析
中田 朋子, 横田 隆, 笠木 陽子, 江見 充, 南 史朗 (日本医大・老人病研)
- 2PA-140 Glu-rich ドメインをもつ新規 Sky ファミリー受容体型チロシンキナーゼ 'Xksy' の, テトラサイクリン依存性遺伝子発現抑制システムを用いた機能解析
紀氏 A.優子, 船越 洋, 中村 敏一 (阪大・院医・バイオ)
- 2PA-141 The effect of TGF- stimulation to the phosphorylation level and the function of c-Ski
Hirofumi Inoue, Masahiro Kawabata, Kouhei Miyazono (JFCR, the Cancer Institute, Dep. of Biochem.)
- 2PA-142 癌遺伝子 Raf によって誘導される細胞老化における p38MAP キナーゼの役割
岩佐 宏晃, 石川 冬木 (東工大・生命理工)
- 2PA-143 Crk は c-Abl チロシンリン酸化酵素のトランスアクチベーターである。
宍戸 知行, 赤城 剛, 前田 真貴子, 花房 秀三郎 (大阪バイオサイエンス研)
- 2PA-144 v-Crk による PI3K/AKT 経路の活性化メカニズムの解析
赤城 剛, 村田 和貴, 花房 秀三郎 (大阪バイオサイエンス研究所)
- 2PA-145 c-abl acts as a tumor suppressor gene in the presence of the SV40 Large T antigen
祐実 泰子, 宍戸 知行, 赤城 剛, 花房 秀三郎 (大阪バイオサイエンス研)
- 2PA-146 c-src 遺伝子に Ser75Asp 変異をもつマウス ES 細胞株の作製と解析
加藤 梧郎, 前田 秀一郎 (山梨医大・生化 1)
- 2PA-147 Cbl-c による v-Src 癌化能の抑制
Minsoo Kim, 手塚 徹, 山本 雅 (東大・医科研・癌細胞シグナル)

- 2PA-148 5'-AMP Activated Protein Kinase のがん進展への関与の解明
 加藤 一喜, 岸本 充弘, 小倉 勤, 江角 浩安 (国立がんセ・研・支所・がん治療開発)
- 2PA-149 Functional Analysis of the RA Domain of RA-GEF, a Guanine Nucleotide Exchange Factor for Rap1 and Rap2
 Yanhong Liao, Takaya Satoh, Xianlong Gao, Tohru Kataoka (Kobe Univ. Sch. Med., Dept. Physiol. II)
- 2PA-150 培養細胞を用いたヒト大腸多段階発癌過程における Wnt シグナル活性化の解析
 諏佐 真治¹, 阪埜 浩司¹, 河口 徳一², 八尾 良司¹, 北川 知行², 野田 哲生^{1,3} (¹ 癌研・研・細胞生物, ² 癌研・研・病理, ³ 東北大・医・分子遺伝)
- 2PA-151 マウスにおける変異型 カテニンの過剰発現と乳腺腫瘍
 伊藤 正紀^{1,2}, 寺社下 浩一¹, 鈴木 操³, 大野 典也², 山本 智理子⁴, 野田 哲生¹ (¹ 癌研・細胞生物, ² 慈恵会医大・悪性腫瘍, ³ 熊本大・医・遺伝発生研, ⁴ 癌研・病理)
- 2PA-152 転移性メラノーマ細胞における Wnt/ β -catenin シグナルの構成的活性化
 村上 孝¹, 江藤 隆史², Randolph Byers³, Martin Mihm⁴, 戸田 淳¹, 大槻 マミ太郎¹, 中川 秀己¹ (¹ 自治医大・皮膚, ² 東京通信病院, ³ Boston Univ. Medical School, Dept. Dermatol., USA, ⁴ Albany Medical College, Dept. Dermatol., USA)
- 2PA-153 ATL 発症における APC- β -catenin/TCF シグナル伝達系への PKC δ の関与
 塩之入 千恵子, 福本 理作, 小岩 司, 渡辺 卓郎, 黒田 敏彦, 石田 尚臣, 渡邊 俊樹 (東大・医科研・人癌)
- 2PA-154 Asef : 癌抑制遺伝子産物 APC と低分子量 GTP 結合蛋白質を結ぶ新規 RhoGEF
 川崎 善博¹, 千田 隆夫², 石館 宇夫¹, 小山 亮¹, 森下 剛¹, 岩山 依子², 樋口 理¹, 秋山 徹¹ (¹ 東大・分生研, ² 名大・医)
- 2PA-155 サイクリン E はアンドロゲン受容体のコアクチベーターとして作用する
 日比野 充伸^{1,2}, 山本 紋子³, 橋本 良博^{1,2}, 郡 健二郎², 尾形 悦郎⁴, 加藤 茂明³, 池田 恭治⁵, 中西 真¹ (¹ 名古屋市大・医・二生化, ² 名古屋市大・医・泌尿器科, ³ 東大・分生研, ⁴ 癌研, ⁵ 国立長寿研・老年病)
- 2PA-156 白血病関連 NPM-MLF1 キメラ蛋白質による Jab1/COP9 シグナルソーム伝達経路を介する p27Kip1 制御異常
 加藤 規子¹, 田中 利明², 友田 紀一郎², 荒田 幸信², 加藤 順也² (¹ 関西医大・一内, ² 奈良先端大・バイオ)
- 2PA-157 Analysis of cell death via ARF-p53 pathway
 Yozo Nakazawa, Takehiko Kamijo (Shinshu Univ., Sch. Med., Dept. Pediatrics)
- 2PA-158 p53 遺伝子の転写開始制御機構
 野田 朝男, 藤原 美定 (神戸大・医・放射線基礎)
- 2PA-159 放射線誘導アポトーシスと p53 の機能制御における Cds1/Chk2 の役割
 高井 裕之¹, 渡部 美穂², 原田 直樹², 岡田 由紀³, 澤 洋文³, 鈴木 宏志², 中西 真⁴, 池田 恭治¹, 本山 昇¹ (¹ 国立長寿セ・老年, ² 中外製薬・創薬, ³ 北大・医, ⁴ 名古屋市大・医)
- 2PA-160 Cullin-3 による p53 の分解制御
 湯本 範子¹, 福代 弥生^{1,2}, 千葉 智樹³, 田中 啓二³, 恒松 康彦², 土田 信夫¹, 中島 琢磨¹ (¹ 東京医歯大・院・分子腫瘍, ² 東京理大・院・理工・応用生物科学, ³ 都臨床研・分子腫瘍)
- 2PA-161 がん抑制遺伝子 p53 関連遺伝子 p63 に相互作用する因子の同定
 森村 茂, 菊地 慶司, Leslie Bestilny, 安本 茂 (神奈川がんセ・研・分子腫瘍)
- 2PA-162 p53 とミトコンドリアの相互作用
 原 俊子, 小池 克郎 (癌研・研・遺伝子)
- 2PA-163 p73 のカルボキシ末端領域と相互作用する蛋白性因子の同定
 尾崎 俊文¹, 渡辺 健一¹, 宮崎 耕¹, 高橋 将人¹, 中川 隆公¹, 多田 光宏², 中川原 章¹ (¹ 千葉がんセ・研・生化, ² 北大・癌研・細胞制御)
- 2PA-164 Caspase-dependent membrane translocation of Bax and cytosolic release of cytochrome c in p53-induced apoptosis
 Chong Feng Gao, Shuo Ren, Takuma Nakajima, Nobuo Tsuchida (Tokyo Med. Dent. Univ., Mol. Cell. Oncol. & Microbiol.)