

シンポジウム	
第1日目11月30日(水)	
1AS1 第1会場(1階メインホール) ゲノム解析が解き明かすがんの治療標的 オーガナイザー：間野 博行(東大・院医・細胞情報)	9:00-11:15 [J]
1AS1-1 本質的発がん原因分子同定による治療革新 間野 博行(東大・院医・細胞情報)	[9:00]
1AS1-2 PD-L1遺伝子異常を介したがんの免疫回避の新たなメカニズム 小川 誠司(京大・院医・腫瘍生物)	[9:27]
1AS1-3 ヒストンメチル化酵素EZH1/2二重阻害による新規がん幹細胞標的治療法 北林 一生(国立がんセ・研・造血管腫瘍)	[9:54]
1AS1-4 胆道がんの包括的なゲノム・トランスクリプトーム解析による新たな治療標的の同定 柴田 龍弘(東大・医科研・ゲノム医学)	[10:21]
1AS1-5 多段階的遺伝子変異獲得による血液がんの発症メカニズム 坂田(柳元) 麻実子, 真家 紘一郎, Nguyen Bich Tran, 千葉 滋(筑波大・医学・血液)	[10:48]
<hr/>	
1AS2 第2会場(2階211+212) ペリサイトを認識し研究することの重要性 オーガナイザー：西山 功一(熊大・IRCMS) 山本 誠士(富山大・医・病態病理学)	9:00-11:15 [J]
1AS2-1 血管新生におけるペリサイトの役割 西山 功一(熊大・IRCMS)	[9:00]
1AS2-2 血管壁細胞のin vivoライブイメージング 福原 茂朋 ^{1,2} , 安藤 康史 ² , 望月 直樹 ² (¹ 日本医大・先端研・病態解析, ² 国循セ・細胞生物)	[9:22]
1AS2-3 (2P-0668) ペリサイト/線維芽細胞が誘導する3次リンパ組織形成メカニズムの解明 佐藤 有紀 ¹ , 三井 亜希子 ¹ , 濱崎 洋子 ² , 藤田 春美 ² , 中田 紘介 ¹ , 増田 喬子 ³ , 西山 信吾 ¹ , 渋谷 信介 ⁴ , 羽賀 博典 ⁴ , 小川 修 ⁵ , 清水 章 ⁶ , 成宮 周 ⁷ , 改正 恒康 ⁸ , 有田 誠 ⁹ , 柳沢 正史 ^{10,11} , 宮坂 昌之 ^{12,13} , Kumar Sharma ¹⁴ , 湊 長博 ² , 河本 宏 ³ , 柳田 素子 ¹ (¹ 京大・院医・腎臓内科, ² 京大・院医・免疫細胞生物学, ³ 京大・再生研・再生免疫学, ⁴ 京大病院・病理診断科, ⁵ 京大・院医・泌尿器科, ⁶ 京大病院・探索医療センター, ⁷ 京大・院医・メディカルインペーションセンター, ⁸ 和医大・先端医学研究所・生体調節機構研究部, ⁹ 理化学研究所・統合生命医学研究センター, ¹⁰ ハワードヒューズ医学研究所・テキサス大学サウスウェスタン医学センター, ¹¹ 筑波大・国際統合睡眠医学研究機構, ¹² 阪大・未来戦略機構, ¹³ トウルク大・生命科学研究センター, ¹⁴ カリフォルニア大・サンディエゴ校)	[9:47]
1AS2-4 (1P-0662) 軟部肉腫におけるペリサイトを介した血管新生・転移機構 田中 美和, 山崎 ゆかり, 本目 みずき, 清水 六花, 中村 卓郎(がん研・発がん)	[10:05]
1AS2-5 ペリサイトの一過性消失による血液網膜関門の不可逆的破綻 植村 明嘉(名古屋大・院医・網膜血管生物学)	[10:23]

1AS2-6 [10:48]

中枢神経系ペリサイトの起源に迫る

山本 誠士(富山大・医・病態病理学)

Conclusion [11:13]

西山 功一¹, 山本 誠士²(¹熊大・IRCMS, ²富山大・医・病態病理学)

1AS3 Room 3 (3F 301) 9:00-11:15 [E]

Epitranscriptome regulation by RNA modifications

Organizer : Kazuhiko Igarashi (Dept. Biochem., Tohoku Univ. Grad. Sch. Med.)

Introduction [9:00]

Kazuhiko Igarashi (Dept. Biochem., Tohoku Univ. Grad. Sch. Med.)

1AS3-1 [9:02]

Effects of S-adenosylmethionine metabolism upon methylation of RNA and histone

Kazuhiko Igarashi¹, Long Nguyen¹, Masayuki Ebina², Hiroki Shima¹(¹Dept. Biochem., Tohoku Univ. Grad. Sch. Med., ²Dept. Biochem, Iwate Med. Sch.)

1AS3-2 [9:22]

m6A mRNA methylation controls the expression of two antagonistic Casein kinase 1 delta isoforms

Jean-Michel Fustin¹, Rika Kojima¹, Kakeru Itoh¹, Hsin-Yi Chang², Bowen Zhuang¹, Sakiko Yamada¹, Shingo Gibo³, Gen Kurosawa⁴, Ichiro Manabe¹, Yasushi Ishihama², Hitoshi Okamura¹(¹Kyoto University, Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Department of Systems Biology, ²Kyoto University, Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Laboratory of Molecular & Cellular BioAnalysis, ³Riken, Theoretical Biology Laboratory, ⁴Chiba University, Graduate School of Medicine, Aging Research)

1AS3-3 [9:42]

Regulation of p53-dependent cell proliferation through rRNA base methylation

Yuka Nakajima^{1,2}, Tsuyoshi Waku^{3,4}, Wataru Yokoyama⁵, Toshiyuki Shimizu³, Akiyoshi Fukamizu¹(¹Life Sci. Ctr., TARA, Univ. of Tsukuba, ²Grad. Sch. of Med., Kyoto Univ., ³Grad. Sch. of Pharm. Sci., Univ. of Tokyo, ⁴Grad. Sch. of Life and Med. Sci., Doshisha Univ., ⁵Grad. Sch. of Life and Environ. Sci., Univ. of Tsukuba)

1AS3-4 [10:02]

Aberrant tRNA modifications and disease development

Kazuhito Tomizawa (Dept. of Mol. Physiol., Faculty of Life Sci., Kumamoto Univ.)

1AS3-5 [10:22]

Molecular pathogenesis of human diseases caused by RNA modification deficiency

Tsutomu Suzuki (Dept. of Chem. & Biotech., Grad. Sch. of Eng., Univ. of Tokyo)

1AS3-6 [10:42]

Sequencing RNA Modifications in the Human Transcriptome

Chengqi Yi (School of Life Sciences, Peking University)

Conclusion [11:12]

Kazuhiko Igarashi (Dept. Biochem., Tohoku Univ. Grad. Sch. Med.)

1AS4 第4会場(3階 302) 9:00-11:15 [J]

メンブレントラフィック研究の新時代

オーガナイザー：佐藤 健(群馬大・生調研・細胞構造)

Introduction [9:00]

佐藤 健(群馬大・生調研・細胞構造)

1AS4-1 [9:03]

超解像ライブイメージングで初めて見えてきた膜交通のメカニズム

中野 明彦(理研・光子工学・生細胞超解像イメージング研究チーム / 東大・院理系・生物学)

1AS4-2	[9:29]
高速超解像ライブイメージングによる小胞輸送解析 岡田 康志(理研・QBiC / 東大・院理・物理)	
1AS4-3	[9:55]
Rab8/10活性化因子・Rabin8による神経突起伸長の制御メカニズム 福田 光則(東北大院・生命・膜輸送機構解析)	
1AS4-4	[10:21]
ステロイドホルモンは脂質二重層を自由に透過するのか? 山中 直岐(カリフォルニア大リバーサイド校・昆虫学)	
1AS4-5	[10:47]
受精と胚発生におけるメンブレントラフィックの新たな生理機能 佐藤 健 ¹ , 佐藤 美由紀 ² (¹ 群馬大・生調研・細胞構造, ² 群馬大・生調研・生体膜機能)	
Conclusion	[11:13]
佐藤 健(群馬大・生調研・細胞構造)	
<hr/>	
1AS5 第5会場(3階 303)	9:00-11:15 [J]
転写後制御を通じた病原体-宿主の攻防戦略	
オーガナイザー: 星野 真一(名市大・院薬・遺伝情報学) 秋光 信佳(東大・ISC)	
Introduction	[9:00]
秋光 信佳(東大・ISC)	
1AS5-1	[9:01]
核内RNA分解抑制を通じた自然免疫応答制御 今村 亮俊 ¹ , 高屋 明子 ¹ , 石田 洋一 ² , 長浜 正巳 ² , 鈴木 稜 ³ , 山本 友子 ⁴ , 秋光 信佳 ⁵ (¹ 千葉大・院薬, ² 明葉大・薬, ³ 東大・院新領域, ⁴ 千葉大・医真菌, ⁵ 東大・ISC)	
1AS5-2 (2P-0657)	[9:25]
LEE-negative腸管出血性大腸菌が産生するSubtilase cytotoxinのストレスグラニュー形成メカニズム 八尋 錦之助 ¹ , 津々木 博康 ² , 小倉 康平 ³ , 伊豫田 淳 ⁴ , 市村 公敏 ¹ , 大西 真 ⁴ , 勢戸 和子 ⁵ , 野田 公俊 ¹ (¹ 千葉大・院・医, ² 熊大・院・生命・微生物, ³ 国立国際医療・感染症制御・病原微生物, ⁴ 国立感染研・細菌1部, ⁵ 大阪公衛研・細菌)	
1AS5-3	[9:39]
転写後制御を通じたインフルエンザウイルス-宿主の核内相互作用 今井 由美子(秋田大・院医・情報制御実験治療)	
1AS5-4	[10:03]
RNAウイルス持続感染におけるウイルス特異的核内構造体の構造、形成、その生理意義 本田 知之 ¹ , 朝長 啓造 ² (¹ 阪大・院医・ウイルス学, ² 京大・ウイ研・ヒトがんウイルス)	
1AS5-5	[10:27]
小胞輸送系を介したインフルエンザウイルス子孫RNP複合体の細胞内動態 川口 敦史(筑波大・医学医療系・感染生物学)	
1AS5-6	[10:51]
mRNA分解による抗ウイルス防御 星野 真一(名市大・院薬・遺伝情報学)	

1AS6	Room 6 (3F 304)	9:00-11:15 [E]
Quality of lipids in biological systems		
Organizers : Makoto Arita (Div. of Physiol. Chem. and Metab., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Keio Univ. / Lab. for Metabolomics, RIKEN-IMS / Grad. Sch. of Med. Life Sci., Yokohama City Univ.) Takehiko Sasaki (Dep. of Med. Biol., Grad. Sch. of Med., Akita Univ. / RCBS, Akita Univ.)		
Introduction		[9:00]
Makoto Arita (Div. of Physiol. Chem. and Metab., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Keio Univ. / Lab. for Metabolomics, RIKEN-IMS / Grad. Sch. of Med. Life Sci., Yokohama City Univ.)		
1AS6-1		[9:05]
Advanced lipidomics to understand the quality difference of fatty acids in biological systems		
Makoto Arita (Div. of Physiol. Chem. and Metab., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Keio Univ. / Lab. for Metabolomics, RIKEN-IMS / Grad. Sch. of Med. Life Sci., Yokohama City Univ.)		
1AS6-2		[9:25]
NATURAL VARIATION OF BLOOD PLASMA LIPIDS IN HEALTHY ASIAN INDIVIDUALS		
Markus R Wenk (Department of Biochemistry and Department of Biological Sciences, National University of Singapore)		
1AS6-3		[9:50]
Cellular responses to membrane phospholipid saturation and unsaturation		
Hiroyuki Arai, Nozomu Kono (Grad. Sch. of Sci, Univ. of Tokyo)		
1AS6-4		[10:15]
A method for studying quality of phosphoinositides		
Takehiko Sasaki ^{1,2} , Hiroki Nakanishi ² , Satoshi Eguchi ¹ , Masaki Ishikawa ¹ , Akira Suzuki ³ , Junko Sasaki ¹ (¹ Dep. of Med. Biol., Grad. Sch. of Med., Akita Univ., ² RCBS, Akita Univ., ³ Med. Inst. Bioreg., Kyushu Univ.)		
1AS6-5		[10:35]
Crossroad of electricity and lipid signaling: voltage-sensing phosphoinositide phosphatase (VSP)		
Yasushi Okamura ² , Akira Kawanabe ² , Souhei Sakata ¹ (¹ Dept. of Physiol., Osaka Med. College, ² Dept. of Physiol., Grad. Sch. of Med., Osaka Univ.)		
1AS6-6 (2P-0100)		[10:55]
Discovery of novel lipid metabolites that possess oncometabolite-like properties		
Akihiro Ito ^{1,2} , Mariko Serizawa ^{1,6} , Asad Ali Shah ^{1,3} , Kosiki Mino ⁴ , Seiji Matsuoka ⁴ , Akiko Nakata ⁴ , Satoko Maeda ² , Yotaro Matsumoto ³ , Yoichi Nakao ⁶ , Makoto Arita ^{2,8} , Atsushi Kittaka ³ , Motonari Uesugi ⁹ , Minoru Yoshida ^{1,2,3,4} (¹ Chem. Genet., RIKEN, ² Chem. Genomics, RIKEN CSRS, ³ Grad. Sch. Sci. Eng., Saitama Univ., ⁴ Seed Cpds Explor. Unit Drug Discov., RIKEN CSRS, ⁵ Fac. Pharm. Sci., Teikyo Univ., ⁶ Adv. Sci. Eng., Waseda Univ., ⁷ Metabolomics, RIKEN IMS, ⁸ Keio Univ. Fac. Pharm., ⁹ CeMS, Kyoto Univ.)		
Discussion		[11:10]
1AS7	第7会場(3階 311+312)	9:00-11:15 [J]
動的セントラルドグマによる細胞ホメオスタシス		
オーガナイザー：岡田 真里子(阪大・蛋白研) 黒田 真也(東大・院理・生物科学)		
1AS7-1		[9:00]
Transomics and Beyond		
黒田 真也, 柚木 克之(東大・院理・生物科学)		
1AS7-2		[9:15]
単一ニュークリオソームでのヒストン修飾イメージング		
Jen-Chien Chang ¹ , 藤田 恵介 ² , 木村 宏 ³ , 谷口 雄一 ² , 梅原 崇史 ⁴ , 柳田 敏雄 ² , 糞田 亜希子 ¹ (理研・CLST-DGT, ² 理研・QBiC, ³ 東工大・科学技術創成研究院, ⁴ 理研・CLST-DSSB)		
1AS7-3		[9:35]
UHRF1のリン酸化修飾による構造-機能変換機構		
草野 史衣 ¹ , 小田 隆 ¹ , 鶴木 元香 ² , 郡 聡実 ³ , 松村 るみ子 ¹ , 有吉 真里子 ³ , 白川 昌宏 ³ , 有田 恭平 ^{1,4} (横浜市立大学 生命医科学研究科, ² 九州大学 生体防御医学研究所, ³ 京都大学 工学研究科, ⁴ JST さきがけ)		

1AS7-4	[9:55]
新規RNAアプタマーを用いた単一細胞転写動態の可視化	
有吉 哲郎, 岡田 康志(理研・QBiC・細胞極性統御)	
1AS7-5 (1P-0085)	[10:15]
細胞内mRNA安定性の網羅的解析によるPUMILIOを介した細胞ホメオスタシス制御機構の解明	
山田 俊理 ¹ , 今町 直登 ¹ , 今村 亮俊 ² , 鈴木 穰 ³ , 秋光 信佳 ¹ (¹ 東大・アイソトープ, ² 千葉・院薬, ³ 東大・新領域)	
1AS7-6	[10:35]
mTORシグナル伝達系による翻訳因子eIF4Eを介したミトコンドリアの機能および動態の制御	
森田 斉弘, Nahum Sonenberg (マギル大・生化学教室・グッドマンがん研究所)	
1AS7-7	[10:55]
動的セントラルドグマの計算的予測と実験検証	
岡田 真里子(阪大・蛋白研)	
1AS8 第8会場(3階 313+314)	9:00-11:15 [J]
熟産生能の分子生物学	
オーガナイザー: 稲垣 毅(東京大学先端科学技術研究センター代謝医学分野) 大野 晴也(広大・医研・分子内科学)	
1AS8-1	[9:00]
環境ストレスに応じた褐色脂肪熟産生の調節	
中村 和弘(名大・院医・統合生理 / さきかけ・JST)	
1AS8-2 (1P-0683)	[9:15]
長寿・外温性齧歯類ハダカデバネズミの褐色脂肪組織とベージュ脂肪細胞の機能解析	
大岩 祐基 ^{1,2} , 岡松 優子 ³ , 坊農 秀雅 ⁴ , 岡野 栄之 ⁵ , 木村 和弘 ³ , 三浦 恭子 ¹ (¹ 北大・遺制研, ² 北大・院医, ³ 北大・院獣医, ⁴ DBCLS, ⁵ 慶應大・医)	
1AS8-3 (3P-0781)	[9:25]
褐色脂肪組織に発現するナルディライジンは体温恒常性維持機構において重要な役割を示す	
西城 さやか ¹ , 平岡 義範 ² , 大野 美紀子 ¹ , 西 清人 ¹ , 森田 雄介 ¹ , 松田 真太郎 ¹ , 北 徹 ² , 木村 剛 ¹ , 西 英一郎 ¹ (¹ 京大・院医・循内, ² 神戸学院大・薬, ³ 神戸市立医療センター中央市民病院)	
1AS8-4 (3P-0783)	[9:35]
ASK1シグナルは褐色脂肪細胞の成熟化を抑制し、個体の代謝に寄与する	
服部 一輝, 名黒 功, 一條 秀憲(東大・院薬・細胞情報)	
1AS8-5	[9:45]
JMJD1A複合体による熟産生のエピゲノム制御機構	
稲垣 毅 ¹ , 阿部 陽平 ¹ , Rozqie Royhan ¹ , 松村 欣宏 ¹ , 仲木 竜 ² , 川村 猛 ³ , 梶村 真吾 ⁴ , 児玉 龍彦 ³ , 油谷 浩幸 ² , 酒井 寿郎 ¹ (¹ 東京大学先端科学技術研究センター代謝医学分野, ² 東京大学先端科学技術研究センターゲノムサイエンス分野, ³ 東京大学先端科学技術研究センターシステム生物医学分野, ⁴ カリフォルニア大学サンフランシスコ校)	
1AS8-6	[9:55]
褐色脂肪特異的な遺伝子プログラムの制御とNFIAとPPARγの共局在	
脇 裕典 ¹ , 平池 勇雄 ¹ , 于 静 ¹ , 中村 正裕 ¹ , 三宅 加奈 ¹ , 長野 学 ³ , 鈴木 顕 ¹ , 仲木 竜 ² , 小林 博文 ¹ , 孫 威 ¹ , 青山 倫久 ¹ , 廣田 雄輔 ¹ , 大野 晴也 ³ , 沖 健司 ³ , 米田 真康 ³ , 堤 修一 ² , 油谷 浩幸 ² , 山内 敏正 ¹ , 門脇 孝 ¹ (¹ 東大・院医・糖尿病・代謝内科, ² 東大・先端研・ゲノムサイエンス分野, ³ 広大・院医歯薬保健・分子内科学)	
1AS8-7	[10:10]
褐色脂肪細胞分化と熟産生能の制御に関わるエピジェネティック調節機構	
大野 晴也, 長野 学, 森田 好美, 沖 健司, 米田 真康(広大・医研・分子内科学)	
1AS8-8 (3P-0782)	[10:20]
プロリン異性化酵素Pin1は、転写共役因子PRDM16の分解を介して、脂肪細胞の熟産生を抑制する	
中津 祐介, 松永 泰花, 山本屋 武, 浅野 知一郎(広島大院・医歯薬保・医化学)	

1AS8-9 (2P-0747)	[10:30]
Tリンパ球におけるFoxoファミリーは、脂肪組織におけるエネルギー消費を抑制する	
菊地 徹洋, 中江 淳, 川野 義長, 小谷(生塩) 紀子, 松崎 素子, 大平 理沙, 後藤 伸子, 八木 一騎, 伊藤 裕(慶應・内科・腎臓内分泌代謝)	
1AS8-10	[10:40]
ヒト多能性幹細胞の褐色脂肪細胞分化誘導	
小林 徳彦, 西尾 美和子, 湯尾 明, 佐伯 久美子(国立国際医療研究センター研究所・疾患制御研究部)	
1AS8-11	[10:55]
脂肪細胞における熱産生の分子メカニズム	
梶村 真吾(カリフォルニア大学サンフランシスコ校 (UCSF))	
1AS9 第9会場(3階 315)	9:00-11:15 [J]
生殖系列変異から捉える生物進化	
オーガナイザー：内村 有邦(阪大・生命機能研究科) 権藤 洋一(理化学研究所バイオリソースセンター)	
Introduction	[9:00]
内村 有邦(阪大・生命機能研究科)	
1AS9-1	[9:05]
不均衡変異導入法を用いた実験室内進化加速試験	
緒方 法親(日本バイオデータ)	
1AS9-2	[9:30]
高頻度突然変異マラリア原虫を用いた薬剤耐性機構解明への挑戦	
平井 誠, 池田 美恵, 橋 真一郎, 美田 敏宏(順天堂大学医学部熱帯医学・寄生虫病学)	
1AS9-3	[9:55]
マウスを用いた実験室内進化モデルは、ヒトも含めた哺乳類の進化研究に新たな方法論を提供する	
内村 有邦 ¹ , 樋口 真弓 ¹ , 水口 洋平 ² , 豊田 敦 ² , 藤山 秋佐夫 ² , 若菜 茂晴 ³ , 西野 稔 ⁴ , 八木 健 ¹ (¹ 阪大・生命機能研究科, ² 遺伝研・生命情報研究センター, ³ 理研BRC, ⁴ 名大・医学研究科)	
1AS9-4	[10:20]
生殖細胞変異の発生と抑制に関わるゲノム維持機構	
大野 みずき(九大・院医・基礎放射線医学分野)	
1AS9-5	[10:45]
高速シーケンサーを用いた自然発生突然変異の検出と集団遺伝学的機能解析	
権藤 洋一(理化学研究所バイオリソースセンター)	
Conclusion	[11:10]
権藤 洋一(理化学研究所バイオリソースセンター)	
1AS10 第10会場(4階 411+412)	9:00-11:15 [J/E]
染色体複製複合体の形成と構造変化の分子機構とその制御	
オーガナイザー：片山 勉(九大・院薬・分子生物) 釣本 敏樹(九大・理学研究院・生物科学)	
Introduction	[9:00]
片山 勉(九大・院薬・分子生物)	
1AS10-1	[9:03]
大腸菌のoriCにおける複製開始とその制御のため複製開始因子DnaAタンパク質が構築する高次複合体の分子機構	
片山 勉, 加生 和寿, 崎山 友香里, 赤間 勇介, 井上 祐希江, 酒井 隆至, 杉山 諒, 川上 広宣(九大・院薬・分子生物)	

1AS10-2 **[9:19]**
細菌DNA複製開始複合体の近原子構造モデルと機能解析

 清水 将裕¹, 野口 泰徳², 崎山 友香里², 川上 広宣², 片山 勉², 高田 彰二¹(¹京大・院理・生物物理, ²九大・院薬・分子生物薬学)

1AS10-3 **[9:35]**
Switch-like assembly of preinitiation complex in the initiation of DNA replication

 大浪 真由美¹, 荒木 弘之^{1,2}, 田中 誠司^{1,2}(¹遺伝研・微生物, ²総研大)

1AS10-4 **[9:51]**
分裂酵母における複製開始複合体形成の核内局在による制御

 升方 久夫^{1,2}, 小川 英知², 浅川 東彦², 高橋 達郎¹, 中川 拓郎¹, 平岡 泰², 小川 志帆¹(¹阪大・院理・生物科学, ²阪大・院生命・生物科学)

1AS10-5 (2P-0111) **[10:07]**
Claspin recruits Cdc7 kinase for initiation of DNA replication in human cells

 Chi-Chun Yang¹, Masahiro Suzuki¹, Shiori Yamakawa¹, Syuzi Uno¹, Ai Ishii¹, Satoshi Yamazaki¹, Rino Fukatsu¹, Ryo Fujisawa², Kenji Sakimura³, Toshiki Tsurimoto², Hisao Masai¹(¹Dept. of Genome Med., Tokyo Metropol. Institut. Med. Sci., ²Dept. of Biol., Facul. of Sci., Kyushu Univ., ³Dept. of Cell. Neurobiol., Brain Res. Inst., Niigata Univ.)

1AS10-6 (3P-0106) **[10:19]**
古細菌複製DNAポリメラーゼ/PCNA複合体のDNA修正反応ではDNA基質のミスマッチが反応を促進する

 西田 洋一^{1,2}, 依田 卓也³, 田邊 麻衣子¹, 辻 敏之¹, 依田 隆夫⁴, 石野 園子⁵, 白井 剛⁴, 竹山 春子³, 石野 良純⁵(¹日立・研開, ²国研 新エネルギー・産業技術総合開発機構, ³早大・先進理工, ⁴長浜バイオ大, ⁵九大・院農)

1AS10-7 **[10:31]**
Pol ε を足場にした Ctf18-RFC による動的 PCNA ローディング

釣本 敏樹, 藤澤 遼, 大橋 英治 (九大・理学研院・生物科学)

1AS10-8 (3P-0104) **[10:47]**
ゲノム複製を制御するユビキチンリガーゼ CRL4-Cdt2 の PIP ボックスの役割 | 試験管内解析

 林 見世¹, 高原 教代¹, 末永 尚弘¹, 石井 健士², 高橋 達郎², 塩見 泰史¹, 西谷 秀男¹(¹兵庫県立大・生命理学, ²福岡歯科大・老化制御研究センター, ³阪大・院理)

1AS10-9 (3P-0108) **[10:59]**
ヒト細胞における人為的複製フォーク破壊システムから見てきた Mcm8-9 依存的な複製フォークの再生メカニズム

 夏目 豊彰^{1,2}, 西村 浩平³, 鐘巻 将人^{1,2}(¹遺伝研・分子細胞工学, ²総研大・遺伝学, ³阪大・生命機能)

Conclusion **[11:11]**

釣本 敏樹 (九大・理学研院・生物科学)

1AS11 第11会場(4階 413) 9:00-11:15 [J]
ネガティブレギュロミクスで解き明かす植物の生存戦略

 オーガナイザー: 高木 優 (埼玉大・理工研・戦略)
 渡邊 雄一郎 (東大・院総合文化)

1AS11-1 **[9:00]**
植物の遺伝子発現および多様な生理作用は、ネガティブレグレーションが担っている

高木 優 (埼玉大・理工研・戦略)

1AS11-2 **[9:05]**
シロイヌナズナ薬タベート細胞のエピゲノムダイナミクスとその制御

 柴 博史¹, 川又 爽¹, 清永 郁香¹, 木本 剛彰², 樽谷 芳明³, 岩井 宏暁¹, 岩野 恵¹, 磯貝 彰², 高山 誠司²(¹筑波大・生命環境系, ²奈良先端大・バイオ, ³遺伝研・育種遺伝, ⁴阪大・産研)

1AS11-3 **[9:32]**
転写制御におけるネガティブレギュレーション

 光田 展隆¹, 高木 優^{1,2}(¹産総研・生物プロセス, ²埼玉大・理工研・戦略)

1AS11-4 [9:59]

植物のRNAサイレンシング機構

岩川 弘宙(東大・分生研 / 東大・新領域)

1AS11-5 (2P-0459) [10:26]

シロイヌナズナの葉の向背軸分化と細胞周期進行におけるAS1-AS2の役割の解析

中川 彩美¹, 高橋 広夫², Simon Vial-Pradel¹, 小島 晶子¹, 町田 泰則³, 町田 千代子¹(¹中部大・院・応用生物学, ²千葉大・院・園芸, ³名古屋大・院・理)

1AS11-6 [10:43]

植物の環境ストレス応答出力を最適化する負の制御メカニズム

藤田 泰成(JIRCAS・生物資源利用)

Conclusion [11:10]

渡邊 雄一郎(東大・院総合文化)

1AS12 Room 12 (4F 414+415) 9:00-11:15 [E]

Diverse functions of Wnt signaling in our life

Organizers : Tohru Ishitani (Div. of Cell Reg. Sys., Med. Inst. of Bioreg., Kyusyu Univ.)

Tadasuke Tsukiyama (Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Med., Hokkaido Univ.)

Introduction [9:00]

Tohru Ishitani (Div. of Cell Reg. Sys., Med. Inst. of Bioreg., Kyusyu Univ.)

1AS12-1 [9:02]

Fine-tuning regulation of salivary gland morphogenesis and differentiation by Wnt signaling

Akira Kikuchi, Shinji Matsumoto, Shinsuke Fujii (Dept. of Molbio. Biochem., Grad. Sch. of Med., Osaka Univ.)

1AS12-2 [9:26]

Fate specification of neural plate border by canonical Wnt signaling and Grhl3 is crucial for mammalian neural tube closure

Chiharu Kimura-Yoshida¹, Kyoko Mochida¹, Kristina Ellwanger², Christof Niehrs², Isao Matsuo¹(¹Osaka Medical Center for MCH, ²DKFZ-ZMBH Alliance)

1AS12-3 [9:43]

Mechanisms of paracrine Wnt signaling in the intestinal stem cell niche

Henner F Farin (Georg-Speyer-Haus, Institute for Tumor Biology and Experimental Therapy, Germany / German Cancer Consortium (DKTK), Germany)

1AS12-4 [10:07]

Post-translational modification of RNF43; a molecular switch of Wnt signaling

Tadasuke Tsukiyama¹, Takamasa Masuda², Sayuri Terai¹, Hidehisa Takahashi¹, Tohru Ishitani², Shigetsugu Hatakeyama¹(¹Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Med., Hokkaido Univ., ²Div. of Cell Reg. Sys., Med. Inst. of Bioreg., Kyusyu Univ.)

1AS12-5 [10:22]

Distinct roles of canonical and non-canonical Wnt-expressing cells during colonic wound healing

Hiroyuki Miyoshi (Grad. Sch. of Med., Kyoto Univ.)

1AS12-6 (2P-0475) [10:39]

Dynamic interactions between nail epithelium and digit bone by Wnt signaling

Makoto Takeo^{1,4}, Mayumi Ito^{1,2}, Christopher Hale^{1,3}(¹Dept. of Dermatol., Sch. of Med., New York Univ., ²Dept. of Cell Biol., Sch. of Med., New York Univ., ³Dept. of Path., Sch. of Med., New York Univ., ⁴CDB, RIKEN)

1AS12-7 [10:55]

Wnt Signaling in Cardiovascular Development and Diseases

Atsuhiko Naito (Dept. Cardiovasc. Med., Hospital, Univ. of Tokyo)

Conclusion [11:12]

Tadasuke Tsukiyama (Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Med., Hokkaido Univ.)

1AS13 第13会場(4階 416+417) 9:00-11:15 [J]

発生・老化・疾患をつかさどるクロマチンイベント

オーガナイザー：小布施 力史(北大・院先端生命)
 斉藤 典子(熊本大・発生医研)

Introduction [9:00]

斉藤 典子(熊本大・発生医研)

1AS13-1 [9:02]

乳がんにおいて非コードRNA群が規定する活性染色体ドメイン

斉藤 典子¹, アブダラ モハメド¹, 藤原 沙織¹, 山本 達郎¹, 富田 さおり¹, 前原 一満², 大川 恭行², 中尾 光善¹(¹熊本大・発生医研, ²九州大・生医研)

1AS13-2 [9:18]

ヘテロクロマチンの機能構造と疾患との関わり

長尾 恒治¹, 柴田 幸子¹, 野澤 竜介¹, 磯部 真也¹, 元田 敦佳里¹, 三橋 里美², 濱中 耕平², 西野 一三², 木村 宏³, 佐渡 敬⁴, 小布施 力史¹(¹北大・院先端生命, ²精神・神経セ・神経研, ³東工大・科技創研, ⁴近大・農)

1AS13-3 [9:34]

成熟細胞特有のgene body領域エピジェネティック・ドメインの構築とゲノム構成要素

小田 真由美¹, 福田 恵一², 牧野 伸司²(¹慶應大・医・システム医学, ²慶應大・医・循環器内科)

1AS13-4 [9:51]

細胞老化のクロマチンイベント

高橋 暁子¹, 今井 良紀¹, 原 英二^{1,2}(¹がん研究会・がん研究所・がん生物, ²阪大・微研・遺伝子生物学)

1AS13-5 (1P-0178) [10:08]

SCML2による精子形成期特異的なエピゲノム形成機構

前澤 創¹, 長谷川 和輝¹, 湯川 将之², 久保 直樹³, Kris G. Alavattam¹, Andrey V. Kartashov², 佐々木 裕之³, Artem Barski², 行川 賢¹(¹シンシナティ小児病院医療センター・生殖科学, ²シンシナティ小児病院医療センター・アレルギー免疫, ³九大生医研・ゲノム機能制御・エピゲノム制御)

1AS13-6 [10:24]

H3K9メチル化の動的変動によるほ乳類の発生・分化制御

立花 誠(徳大・酵素研)

1AS13-7 (1P-0527) [10:41]

発生期におけるクロマチンリモデリング異常は自閉症の原因となる

片山 雄太¹, 西山 正章¹, 昌子 浩孝², 大川 恭行³, 川村 敦生¹, 佐藤 哲也⁴, 須山 幹太¹, 内匠 透⁵, 宮川 剛², 中山 敬一¹(¹九大・生医研・分子医科学, ²藤田保健衛生大・総合医科研・システム, ³九大・生医研・トランスクリプトミクス, ⁴九大・生医研・情報生物学, ⁵理研・精神生物学研究チーム)

1AS13-8 [10:57]

がんにおけるクロマチン構造制御因子の異常

吉田 健一(京大・院医・腫瘍生物)

Conclusion [11:14]

小布施 力史(北大・院先端生命)

1AS14 第14会場(4階 418) 9:00-11:15 [J]

次世代構造生物学へ向けて

オーガナイザー：大戸 梅治(東京大学)
 重松 秀樹(理化学研究所)

Introduction [9:00]

大戸 梅治(東京大学)

1AS14-1 [9:02]

クライオ電顕単粒子解析法による赤痢菌毒素分泌装置ニードルの高分解能構造解析

藤井 高志(阪大・生命機能)

1AS14-2 (1P-0243)	[9:25]
原子分解能での構造解析へと向けたリボソームのクライオ電子顕微鏡単粒子解析	
横山 武司(理研CLST)	
1AS14-3	[9:38]
膜輸送体の分子メカニズム	
石谷 隆一郎(東京大学大学院理学系研究科)	
1AS14-4 (2P-0038)	[10:01]
高速原子間力顕微鏡を用いたアミロイドタンパク構造動態のナノスペースビデオイメージング	
中山(渡部) 隆宏 ¹ , 小野 賢二郎 ² , David B. Teplow ³ , 山田 正仁 ⁴ (¹ 金沢大・バイオAFM, ² 昭和大・医, ³ DGSOM, UCLA, ⁴ 金沢大・医)	
1AS14-5	[10:14]
次世代構造生物学におけるNMR	
三島 正規(首都大・院理工・分子物質化学)	
1AS14-6 (3P-0306)	[10:37]
先端電子顕微鏡/光学顕微鏡それぞれの特性を活かして細胞丸ごとレベルでの三次元微細構造解析をおこなうことで明らかになったこと	
永井 里奈 ^{1,2} , 森 ひかり ² , 一ノ瀬(三室) 孝子 ^{1,2} , 岩根 敦子 ^{1,2} (¹ 阪大院・生命機能・特別研究, ² 理研・QBIC・細胞場)	
1AS14-7	[10:50]
クライオ電子顕微鏡法が解き明かす細胞運動のアーキテクチャ	
安永 卓生, 荒牧 慎二(九州工大・情報工・生命情報工)	
Conclusion	[11:13]
重松 秀樹(理化学研究所)	
1AS15 第15会場(4階 419)	9:00-11:15 [J]
発生メカニズムから疾患モデル研究への新展開	
オーガナイザー: 金井 正美(東京医歯大・実験動物セ・疾患モデル) 松尾 勲(大阪府立母子保健総合医療センター)	
Introduction	[9:00]
金井 正美(東京医歯大・実験動物セ・疾患モデル)	
1AS15-1	[9:03]
RNA制御を介した精子幹細胞の恒常性維持機構	
相賀 裕美子, 周 智(国立遺伝研・発生工学)	
1AS15-2	[9:23]
妊娠前糖尿病における左右軸形成異常	
蜂須賀 正紘, 北島 桂子, 沖 真弥, 生田 智美, 目野 主税(九大・医学研究院)	
1AS15-3 (3P-0468)	[9:43]
神経栄養因子受容体GFRA2を介する新規シグナル経路による心筋分化と心室緻密化の制御	
八代 健太 ^{1,2} , 石田 秀和 ^{2,3} , 佐波 理恵 ^{1,2} , Ioannis Kokkinopoulos ³ , 橋本 昌和 ⁴ , 山口 修 ⁵ , Leo Dunkel ⁶ , Tinker Andrew ³ , 小垣 滋豊 ² , 坂田 泰史 ² , Anna-Katerina Hadjantonakis ⁴ , 澤 芳樹 ⁷ , 佐々木 洋 ⁵ , 大藪 恵一 ² , 鈴木 憲 ³ (¹ 阪大・院医・心臓再生医療学, ² 阪大・院医・小児科学, ³ ロンドン大・パーツ&ロンドン医歯・ウイリアム・ハーベイ研究所, ⁴ 発生生物・ニューヨーク・メモリアルスローン・ケタリングがんセンター, ⁵ 阪大・生命機能・初期胚発生, ⁶ 阪大・院医・循環器内科学, ⁷ 阪大・院医・心臓血管外科学)	
1AS15-4	[9:58]
精神疾患関連遺伝子AUTS2の脳形成における機能と病理	
星野 幹雄, 堀 啓(国立精神神経セ・神経研)	
1AS15-5	[10:18]
Sox17ハプロ不全による胆嚢炎と胆道閉鎖症	
金井 克晃(東大・獣医)	

1AS15-6 (3P-0542)	[10:38]
着床不全モデルとしてのSox17変異マウスの解析 平手 良和, 金井 正美(東京医歯大・実験動物セ・疾患モデル)	
1AS15-7	[10:53]
Pax6変異と交絡因子による仔マウス表現型のゆらぎ 大隅 典子(東北大学大学院医学系研究科)	
Conclusion	[11:13]
松尾 勲(大阪府立母子保健総合医療センター)	
1AS16 第16会場(5階501)	9:00-11:15 [J]
さらに広がるリン酸化シグナルの多様性	
オーガナイザー: 武田 弘資(長崎大・院医歯薬・細胞制御)	
1AS16-1	[9:00]
ミトコンドリアから発信される脱リン酸化シグナルによるストレス応答制御 武田 弘資(長崎大・院医歯薬・細胞制御)	
1AS16-2	[9:20]
キナーゼとホスファターゼが創る細胞分裂期スイッチ 持田 悟 ¹ , Scott Rata ² , 日野 浩嗣 ³ , 永井 健治 ³ , Bela Novak ² (¹ 熊本大学, ² オックスフォード大学, ³ 大阪大学)	
1AS16-3	[9:43]
ROCOファミリーキナーゼLRRK1によるシリア退縮制御 花房 洋, 松本 邦弘(名大・院理・生命理学)	
1AS16-4	[10:06]
フィードバック・リン酸化によるERKシグナルと発癌の制御 武川 睦寛(東大・医科研・分子シグナル制御)	
1AS16-5	[10:29]
転写因子RelAのトランス活性化ドメインはIκBキナーゼのリン酸化を制御してNF-κBとオートファジーのシグナル系のハブとして機能する。 鎌田 英明, 土谷 佳弘(広大・院医歯薬保・医化学)	
1AS16-6	[10:52]
修飾酵素と修飾因子のヒエラルキーを逆転させるリン酸化 松田 憲之(都医学総合研・ユビキチン)	
1AS17 第17会場(5階502)	9:00-11:15 [J]
基礎研究に立脚した神経系再生医療への展開	
オーガナイザー: 中島 欽一(九大・院医・応用幹細胞)	
1AS17-1	[9:00]
神経幹細胞のエピジェネティック制御と脊髄損傷治療への応用 中島 欽一(九大・院医・応用幹細胞)	
1AS17-2	[9:24]
再生過程におけるニューロンの移動制御機構 澤本 和延(名市大・院医・再生医学 / 自然科学研究機構・生理研・神経発達・再生機構)	
1AS17-3	[9:48]
軸索再生への分子戦略: 超解像度顕微鏡観察とリン酸化プロテオミクスの観点から 五十嵐 道弘(新潟大学)	
1AS17-4	[10:17]
パーキンソン病治療に対するCell-based therapy 高橋 淳(京大 iPS細胞研究所)	

1AS17-5	[10:46]
iPS細胞を用いた視細胞移植の可能性	
高橋 政代(理化学研究所 多細胞システム形成研究センター 網膜再生医療研究開発プロジェクト)	
1AS18 Room 18 (5F 503)	9:00-11:15 [E]
Senescence-associated secretory phenotype (SASP) : old and new research on cellular senescence	
Organizer : Eiji Hara (Dept. of Mol. Microbiol. Res. Inst. Microbial Diseases, Osaka Univ.)	
1AS18-1	[9:00]
The roles and mechanisms of exosome secretion in cellular senescence	
Eiji Hara (Dept. of Mol. Microbiol. Res. Inst. Microbial Diseases, Osaka Univ.)	
1AS18-2	[9:25]
SASP factor IL-6-mediated dysfunction of CD4 T cells diminishes antitumor immunity in old age	
Hirotake Tsukamoto ^{1,2} , Satoru Senju ¹ , Susan L Swain ³ , Hiroyuki Oshiumi ² , Yasuharu Nishimura ¹ (Dept. Immunogenetics, Grad. Sch. of Med. Sci., Kumamoto Univ., ² Dept. Immunology, Grad. Sch. of Med. Sci., Kumamoto Univ., ³ Dept. Pathology, UMSS)	
1AS18-3	[9:50]
The tumor suppressor Menin inhibits senescence-associated secretory phenotype in T cells by maintaining metabolic homeostasis	
Junpei Suzuki ² , Makoto Kuwahara ¹ , Kazuki Inoue ¹ , Yuuki Imai ¹ , Takeshi Yamada ³ , Masaki Yasukawa ² , Masakatsu Yamashita ¹ (Dept. of Immunol., Grad. Sch. of Med., Ehime Univ., ² Dept. of Hematol. Clin. Immunol. and Infect. Disease, Grad. Sch. of Med., Ehime Univ., ³ Dept. of Infect. and Host Def., Grad. Sch. of Med., Ehime Univ., ⁴ Div. of Integ. Path., PROS. Ehime Univ.)	
1AS18-4	[10:15]
Pathophysiological roles of p19^{Arf} in pulmonary aging	
Masataka Sugimoto (Dept. of Mech. Aging, NCGG / Aging Res., Grad. Sch. of Med., Nagoya Univ.)	
1AS18-5	[10:40]
The odyssey of the multi-tasking senescent cell: from tissue repair to cancer promotion	
Marco Demaria (European Research Institute for the Biology of Ageing, University of Groningen)	
1AS19 第19会場(5階 511+512)	9:00-11:15 [J]
神経変性疾患研究の最前線：蛋白質分解の観点から神経変性を見直す	
オーガナイザー：若月 修二(国立精神神経セ・神経研・疾病研究第五部) 松本 弦(長崎大院・医歯薬学(医))	
1AS19-1	[9:00]
軸索変性におけるオートファジーの役割	
若月 修二, 荒木 敏之(国立精神神経セ・神経研・疾病研究第五部)	
1AS19-2	[9:18]
TDP-43によるリボソーム蛋白質mRNAの神経軸索への輸送	
長野 清一 ^{1,2} , 荒木 敏之 ² (阪大・院医・神経内科学, ² 国立精神・神経医療研究セ・神経研・疾病五部)	
1AS19-3	[9:36]
ミトコンドリアユビキチンリガーゼMITOLによるミトコンドリア機能制御とその破綻による神経細胞死	
長島 駿, 武田 啓佑, 柳 茂(東薬・生命・分子生化学)	
1AS19-4 (2P-0595)	[9:54]
遺伝性パーキンソン病PARK9(ATP13A2)の分子病態とリソソームの障害	
佐藤 栄人 ¹ , 小池 正人 ¹ , 船山 学 ¹ , 野田 幸子 ¹ , 江崎 淳二 ² , 福田 隆浩 ³ , 上野 隆 ¹ , 内山 安男 ¹ , 服部 信孝 ¹ (順天堂大学, ² 福島医科大学, ³ 慈恵医科大学)	
1AS19-5 (2P-0592)	[10:12]
転写因子NF-Yの中樞神経系での機能阻害は細胞種特異的な神経変性病態を示す	
山中 智行, 貴名 信行(同志社大院・脳科学)	

1AS19-6	[10:30]
患者脳に蓄積する異常タンパク質凝集体のプリオン様性質	
野中 隆(都医学研・認知症プロジェクト)	
1AS19-7	[10:48]
タンパク質分解の障害を伴わずにアグリソーム形成を誘導する脳内物質	
松本 弦(長崎大院・医歯薬学(医))	
総合討論	[11:06]
<hr/>	
1PS1 第1会場(1階メインホール)	13:00-15:15 [J]
iPS細胞を用いた疾患研究	
オーガナイザー：井上 治久(京都大学 iPS細胞研究所)	
1PS1-1	[13:00]
難治性疾患由来iPS細胞を用いた疾患研究	
江良 択実 ¹ , 松本 志郎 ² (¹ 熊大・発生研・幹細胞誘導, ² 熊本大学医学部附属病院小児科)	
1PS1-2	[13:27]
患者由来iPS細胞を活用した神経変性疾患研究	
六車 恵子(理化学研究所・多細胞システム形成研究センター)	
1PS1-3	[13:54]
骨系統疾患の疾患iPS細胞モデルと創薬研究	
妻木 範行(京都大学 iPS細胞研究所)	
1PS1-4	[14:21]
家族性腫瘍症候群患者由来iPS細胞を用いた創薬研究	
中村 英二郎(京大・院医・メディカルイノベーションセンター)	
1PS1-5	[14:48]
iPS細胞技術を応用したがん研究	
山田 泰広(京都大学 iPS細胞研究所 / 京都大学 物質-細胞統合システム拠点)	
<hr/>	
1PS2 Room 2 (2F 211+212)	13:00-15:15 [E]
Pulmo-modulatory factors affecting the molecular pathogenesis of refractory lung diseases	
Organizers : Tsuyoshi Shuto (Dept. of Mol. Med., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kumamoto Univ.) Satomi Kita (Fukuoka University)	
Introduction	[13:00]
Tsuyoshi Shuto (Dept. of Mol. Med., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kumamoto Univ.)	
1PS2-1	[13:02]
Lung stem cells and the prospect for their use in treatment of refractory lung diseases	
Ahmed E. Hegab, Tomoko Betsuyaku (Div. of Pulm. Med., Keio Univ.)	
1PS2-2	[13:24]
Molecular organizers: Tetraspanins in emphysema, fibrosis and aging	
Yoshito Takeda (Dept. of Resp Medicine, Allergy and Rheumatic Diseases, Univ. of Osaka)	
1PS2-3	[13:46]
Secretoglobin 3A2 suppresses pulmonary emphysema	
Reiko Kurotani (Grad. Sch. of Sci. and Eng., Yamagata Univ.)	
1PS2-4	[14:08]
Pulmo-modulatory factors affecting the molecular pathogenesis of chronic obstructive pulmonary disease	
Tsuyoshi Shuto (Dept. of Mol. Med., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kumamoto Univ.)	

1PS2-5	[14:30]
Critical roles of interleukin-6/interleukin-21-signaling axis in the pathogenesis of pulmonary arterial hypertension	
Yoshikazu Nakaoka (Dept. of Vasc. Biol., National Cerebral and Cardiovasc. Ctr. Res. Inst.)	
1PS2-6	[14:52]
Preclinical Animal Model with Severe Pulmonary Arterial Hypertension	
Kohtarō Abe (Dept. of Cardiovascular Medicine, Kyushu Univ. Hospital)	
Conclusion	[15:14]
Satomi Kita (Fukuoka University)	
1PS3 Room 3 (3F 301)	13:00-15:15 [E]
Dissecting CpG islands	
Organizer : Haruhiko Koseki (RIKEN-IMS)	
Introduction	[13:00]
Haruhiko Koseki (RIKEN-IMS)	
1PS3-1	[13:01]
Interpreting the CpG island signal	
Emilia Dimitrova (University of Oxford)	
1PS3-2	[13:25]
Function of Tet proteins in the maintenance and removal of DNA methylation in CpG islands	
Shinpei Yamaguchi (Grad. Sch. of Front. Bio., Osaka Univ. / JST, PRESTO)	
1PS3-3	[13:44]
Transgenerational establishment of DNA methylation in Arabidopsis	
Tetsuji Kakutani (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)	
1PS3-4	[14:08]
Impact of maternally inherited histone modifications on DNA methylation maintenance and enhancer activation in the early embryo	
Julie Brind'Amour ¹ , Aaron Blair Bogutz ¹ , Julien Richard Albert ¹ , Mohammad M. Karimi ^{1,2} , Louis Lefebvre ¹ , Matthew C. Lorincz ¹ (¹ Department of Medical Genetics, University of British Columbia, ² Biomedical Research Centre, University of British Columbia)	
1PS3-5	[14:32]
Towards understanding of the molecular mechanisms of the developmental epigenetic reprogramming	
Petra Hajkova ^{1,2} , Peter WS Hill ^{1,2} , Rachel Amouroux ^{1,2} , Harry G Leitch ^{1,2} , Zhiyi Sun ³ , Joylon Terragni ³ , Romas Vaisvilia ³ , Sarah Linnett ^{1,2} , Gopuraja Dharmaligham ^{1,2} , Yu Zheng ³ , Sriharsa Pradhan ³ (¹ MRC Clinical Sciences Centre, UK, ² Institute of Clinical Sciences, Imperial College Faculty of Medicine, UK, ³ New England Biolabs, Inc., USA)	
1PS3-6	[14:56]
Enhancer action on a developmental regulatory gene repressed by Polycomb	
Takashi Kondo ¹ , Kaori Kondo ¹ , Hiroki Sugishita ² , Shinsuke Ito ² , Keiko Abe ¹ , Haruhiko Koseki ² (¹ KAST, ² RIKEN-IMS)	
1PS4 Room 4 (3F 302)	13:00-15:15 [E]
Small RNAs and Cellular Events	
Organizers : Mikiko C. Siomi (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo) Qinghua Liu (UT Southwestern Medical Center / WPI-IIIIS, University of Tsukuba)	
Introduction	[13:00]
Qinghua Liu (UT Southwestern Medical Center / WPI-IIIIS, University of Tsukuba)	

1PS4-1	[13:01]
Molecular mechanism for eukaryotic RNA-dependent RNA polymerases (RdRPs) in RNAi	
Jinbiao Ma (State Key Laboratory of Genetic Engineering, Department of Biochemistry, School of Life Sciences, Fudan University, Shanghai, China)	
1PS4-2	[13:21]
HP1BP3, a Chromatin Retention Factor for Co-transcriptional MicroRNA Processing	
Qinghua Liu (UT Southwestern Medical Center / WPI-IHIS, University of Tsukuba)	
1PS4-3	[13:41]
Gene Regulation Module in Land Plants Revealed by Analysis of Marchantia miRNAs	
Yuichiro Watanabe ¹ , Masayuki Tsuzuki ¹ , Takahiro Hamada ¹ , Takayuki Kohchi ² , John L. Bowman ³ (¹ Univ. Tokyo, Komaba, Dept. of Life Science, ² Kyoto Univ., Grad. Sch. Biostudies, ³ Monash Univ., Sch. of Biol. Sci.)	
1PS4-4	[14:01]
Mechanisms of Transgenerational RNAi in C.elegans	
Oded Rechavi (Department of Neurobiology, Wise Faculty of Life Sciences, Tel Aviv University, Israel / Sagol School of Neuroscience, Tel Aviv University, Israel / Allen Discovery Center, Tufts University, USA)	
1PS4-5 (IP-0234)	[14:26]
Screening for natural compounds that affect formation of nuage, a germline specific structure involved in piRNA biogenesis	
Satomi Ishikawa ¹ , Yasunori Kitaori ¹ , Yukako Takeshita ^{1,4} , Ramesh Pillai ² , Masayuki Igarashi ³ , Haruna Yoshimura ⁴ , Hayato Ishikawa ¹ , Tokio Tani ¹ (¹ Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Kumamoto, ² Department of Molecular Biology, University of Geneva, Geneva, Switzerland, ³ Institute of Microbial Chemistry, Tokyo, ⁴ Dept. of Biol. Chem., Grad. Sch. of Chem., Univ. of Kumamoto)	
1PS4-6 (IP-0232)	[14:41]
Crystal structure of silkworm PIWI	
Hiroshi Nishimasu ^{1,2} , Naoki Matsumoto ¹ , Kazuhiro Sakakibara ¹ , Kazumichi M. Nishida ¹ , Ryuichiro Ishitani ¹ , Haruhiko Siomi ³ , Mikiko C. Siomi ¹ , Osamu Nureki ¹ (¹ Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo, ² JST, PRESTO, ³ Sch. of Med., Keio Univ.)	
1PS4-7	[14:56]
Molecular mechanism underlying piRNA biogenesis	
Mikiko C. Siomi (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)	
Conclusion	[15:14]
Mikiko C. Siomi (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)	

1PS5	第5会場(3階 303)	13:00-15:15 [J]
mRNAの運命を制御するメタ情報の解読		
オーガナイザー：河原 行郎(阪大・院医・神経遺伝子学) 三嶋 雄一郎(東大・分生研)		

Introduction	[13:00]
三嶋 雄一郎(東大・分生研)	

1PS5-1	[13:05]
mRNA編集による神経伝達物質分泌制御	
河原 行郎(阪大・院医・神経遺伝子学)	

1PS5-2 (3P-0212)	[13:20]
S-アデノシルメチオン合成酵素MAT2Aの発現は3'UTRアデニンメチル化が介するmRNA安定性により制御される	
島 弘季 ^{1,2} , 松本 光代 ¹ , 蝦名 真行 ¹ , 武藤 哲彦 ^{1,2} , 熊谷 さやか ^{1,2} , 五十嵐 和彦 ^{1,2} (¹ 東北大・院医, ² CREST, JST)	

1PS5-3 (2P-0234)	[13:33]
ショウジョウバエの複眼形成における<i>yki</i> mRNAの多段階制御の分子メカニズムと生物学的意義の解明	
梅河内 隆成 ¹ , 越田 大夢 ¹ , 山田 百子 ¹ , 白井 一馬 ¹ , 佐藤 哲也 ² , 須山 幹太 ³ , 伊藤 恵美 ⁴ , 大川 恭行 ⁴ , 山口 政光 ^{1,2} , ヘンリー クラウス ^{5,6,7} , 吉田 英樹 ^{1,2} (京都工繊大・応用生物, ³ 京都工繊大・昆虫バイオメディカル, ³ 九大・生体防御医学研・情報生物学, ⁴ 九大・医学研・先端医療医学, ⁵ トロント大学・メディカルリサーチ, ⁶ トロント大学・CCRB, ⁷ Dept. of Med. Genetics and Microbiol., Univ. of Toronto)	
1PS5-4	[13:46]
RBP結合領域に頻出する、RNA配列・構造モチーフの網羅的列挙法の開発	
木立 尚孝, 三宅 博史, 河口 理紗 (東大・院新・メディカル情報)	
1PS5-5	[14:01]
AU-Rich Element (ARE) 結合タンパク質BRF1によって誘起されるmRNA分解非依存的な翻訳抑制	
藤原 俊伸 (近畿大学薬学部)	
1PS5-6 (3P-0220)	[14:16]
Poly(A) 鎖長による mRNA 分解速度と合成活性の調節機構	
高橋 明格 ¹ , 高岡 翔平 ¹ , 小堀 峻吾 ² , 山口 智和 ³ , 浅井 義之 ⁴ , 久場 敬司 ⁵ , 山本 雅 ¹ (沖縄科学技術大学院大学・細胞シグナルユニット, ² 沖縄科学技術大学院大学・核酸化学・工学ユニット, ³ 秋田大・院医・分子機能学・代謝機能学, ⁴ 沖縄科学技術大学院大学・統合オープンシステムユニット)	
1PS5-7	[14:29]
遺伝暗号によるmRNAの安定性制御機構	
三嶋 雄一郎 (東大・分生研)	
1PS5-8	[14:44]
PI3 kinase様タンパク質リン酸化酵素SMG1による転写後制御	
山下 暁朗, 佐藤 由典, 黒澤 瞳, 廣瀬 博子, 中村 良恵, 青柳 杏子, 武石 知子, 安田 篤史, 大野 茂男 (横浜市大・医・分子生物)	
1PS5-9	[14:59]
Regnase-1によるパイオニアラウンド翻訳と共役したmRNA分解	
竹内 理 (京大・ウイルス研・感染防御 / AMED, AMED-CREST)	
Conclusion	[15:14]
河原 行郎 (阪大・院医・神経遺伝子学)	
1PS6 第6会場(3階 304)	13:00-15:15 [J]
オルガネロファジー：オートファジーによるオルガネラ破壊の意義とメカニズム	
オーガナイザー：中戸川 仁 (東工大・生命理工 / JST CREST)	
Introduction	[13:00]
中戸川 仁 (東工大・生命理工 / JST CREST)	
1PS6-1	[13:03]
選択的オートファジーによる小胞体と核の分解機構	
持田 啓佑 ¹ , 中戸川 仁 ^{1,2} (東工大・生命理工, ² JST CREST)	
1PS6-2	[13:25]
植物ペキシファジー：器官特異的な植物ペルオキシソーム分解によるオルガネラ品質管理機構	
吉本 光希 (明治大・農・生命科学)	
1PS6-3	[13:47]
意外と大事なリソファジーの意義とメカニズム	
濱崎 万穂, 寺西 宏文, 吉森 保 (阪大・院医・遺伝学)	
1PS6-4	[14:09]
Optineurinの直鎖状ユビキチン鎖結合性と筋萎縮性側索硬化症	
徳永 文稔 (大阪市大・院医・分子病理学)	

1PS6-5	[14:31]
出芽酵母リポファジーの解析	
藤本 豊土, 辻 琢磨, 藤本 萌, 折井 みなみ(名大・院医・分子細胞)	
1PS6-6	[14:53]
水晶体における新規オルガネラ分解システムのライフイメージングと分子機構の解明	
森下 英晃, 水島 昇(東大・医・分子生物)	
1PS7 第7会場(3階 311+312)	13:00-15:15 [J]
生命システムを俯瞰するための質量分析情報解析技術とデータベースの活用	
オーガナイザー: 荒木 令江(熊本大・院生命) 河野 信(情シス・DBCLS)	
1PS7-1	[13:00]
生命システムを俯瞰するための質量分析情報解析技術とデータベースの活用	
河野 信(情シス・DBCLS)	
1PS7-2	[13:15]
タンデム質量分析データとDNA/RNA配列データベース検索をもちいたRNA転写後修飾の同定	
中山 洋(理研・CSRS・生命分子解析)	
1PS7-3	[13:35]
プロテオーム統合データベースjPOSTの構築	
石濱 泰(京大・院薬)	
1PS7-4 (2P-0039)	[13:55]
プロテオーム統合データベースjPOST: 質量分析データ・リポジトリの公開	
奥田 修二郎 ¹ , 渡辺 由 ¹ , 守屋 勇樹 ² , 河野 信 ² , 山本 格 ³ , 松本 雅記 ⁴ , 高見 知世 ⁴ , 小林 大樹 ⁵ , 荒木 令江 ⁵ , 吉沢 明康 ⁶ , 田畑 剛 ⁷ , 杉山 直幸 ⁷ , 五斗 進 ⁸ , 石濱 泰 ⁷ (¹ 新潟大・院医歯, ² 情シス・DBCLS, ³ 新潟大・産学連携, ⁴ 九大・生体防御, ⁵ 熊本大・院生命, ⁶ 京大・化研, ⁷ 京大・院薬)	
1PS7-5	[14:05]
糖タンパク質大規模解析とデータベース構築: 糖鎖付加位置マッピングから位置ごとの糖ライコム解析へ	
梶 裕之(産総研・創薬基盤・糖鎖技術)	
1PS7-6	[14:25]
MS2スペクトルのフラグメンテーション解析と前駆体構造予測	
有田 正規 ^{1,2} , 津川 裕司 ² (¹ 国立遺伝学研究所, ² 理研環境資源科学研究センター)	
1PS7-7	[14:45]
プロテオーム・メタボロームデータおよびデータベース情報に基づくインスリン代謝制御機構のトランスオミクス解析	
柚木 克之 ^{1,2} , 久保田 浩行 ^{2,3} , 黒田 真也 ^{1,4} (¹ 東大・院理・生物科学, ² JST さきがけ, ³ 九大・生医研・トランスオミクス医研, ⁴ JST CREST)	
1PS7-8 (1P-0070)	[15:05]
高深度定量リン酸化プロテオミクスと大規模インタクトーム情報を基盤とする膠芽腫幹細胞情報伝達系の統合ネットワーク解析	
秦(小塚) 裕子 ¹ , 成島 悠太 ¹ , 廣木 朋子 ¹ , 那須 亮 ² , 津本 浩平 ^{1,3} , 井上 純一郎 ^{1,4} , 秋山 徹 ⁵ , 尾山 大明 ¹ (¹ 東大・医科研・疾患プロテオミクス, ² 東大・分生研・分子情報, ³ 東大・院工・バイオエンジニアリング, ⁴ 東大・医科研・分子発癌)	
1PS8 第8会場(3階 313+314)	13:00-15:15 [J/E]
低酸素バイオロジーの最前線 —その分子機構から疾患まで—	
オーガナイザー: 中山 恒(東京医科歯科大・難治研・低酸素生物学) 富田 修平(大阪市大・院医・分子病態薬理学)	
1PS8-1	[13:00]
血管リモデリングにおける低酸素応答性転写因子HIF-1αの役割	
富田 修平(大阪市大・院医・分子病態薬理学)	

1PS8-2	[13:10]
HIF活性の生体イメージング	
近藤 科江, 口丸 高弘, 門之園 哲哉(東京工業大学生命理工学院)	
1PS8-3	[13:25]
膠原病性肺高血圧症におけるHypoxia-inducible factor-3α 遺伝子一塩基多型とエンドセリン1遺伝子発現制異常	
牧野 雄 ¹ , 川口 鎮司 ² , 水元 克俊 ¹ (¹ 旭川医科大学内科学講座病態代謝内科学分野, ² 東京女子医科大学膠原病リウマチ内科)	
1PS8-4	[13:40]
骨髄内酸素環境に適応するための新たな破骨細胞制御機構	
西川 恵三(阪大・IFReC)	
1PS8-5	[13:55]
HIF1αとヘテロダイマーを形成する小胞体ストレストランスデューサー OASISによる骨内血管形成促進機構	
今泉 和則(広大院・医歯薬保(医)・分子細胞情報学)	
1PS8-6	[14:10]
低酸素環境における解糖系に依存したエネルギー代謝を制御する新たな分子機構の解析	
中山 恒(東京医科歯科大・難治研・低酸素生物学)	
1PS8-7 (1P-0698)	[14:20]
Hypoxia-Inducible Factorsが介する新規代謝チェックポイントとそれを無効化するGlutamine Synthetaseの機能	
北島 正二郎 ¹ , Kian Leong Lee ¹ , Ruby Yun-Ju Huang ¹ , Henry Yang ¹ , 荒木 真理人 ² , 加藤 宏幸 ¹ , Lorenz Poellinger ^{1,3} (¹ Cancer Sci. Inst. of Singapore, Nat. Univ. of Singapore, ² 順天堂大学大学院 医学研究科 輸血・幹細胞制御, ³ Karolinska Institutet, Department of Cell and Molecular Biology)	
1PS8-8 (2P-0782)	[14:31]
がんおよび炎症性疾患におけるHIF活性化分子Mint3の役割	
坂本 毅治 ¹ , 原 敏朗 ² , 中岡 寛樹 ¹ , 金森 茜 ¹ , 清水 元治 ³ , 村上 善則 ¹ (¹ 東大・医科研・人癌病因遺伝子分野, ² 東大・医科研・腫瘍細胞社会学分野, ³ 金沢大学・医学系)	
1PS8-9 (2P-0182)	[14:42]
腎尿管間質の線維化を抑制する新規microRNAの同定	
三村 雅真 ¹ , 平川 陽亮 ¹ , 神吉 康晴 ² , 鈴木 稔 ³ , 油谷 浩幸 ¹ , 南学 正臣 ¹ (¹ 東大腎臓・内分泌内科, ² 東大アイトープ総合センター, ³ 東大新領域創成科学研究科, ⁴ 東大先端研)	
1PS8-10 (1P-0199)	[14:53]
Hypoxia antagonizes IL-1β-mediated transcriptional responses by the coordinated actions of HDAC, PHD and deacetylation of p65-subunit of NF-κB.	
Olga Sazonova, Ikuo Morita (Research and Industry-University Alliance Organization, Tokyo Medical and Dental University)	
1PS8-11 (2P-0481)	[15:04]
Inhibition of PHD3 enhances neovascularization through cell/cell communication mediated by muscle-secreted angiogenic factors	
Vivi Kasim ¹ , Jing Zhang ¹ , Makoto Miyagishi ² , Shourong Wu ¹ (¹ College of Bioengineering, Chongqing University, China, ² Biomedical Research Institute, National Institute of Advanced Industrial Science and Technology (AIST), Japan)	
1PS9 Room 9 (3F 315)	13:00-15:15 [E]
Nutri-developmental biology: dietary responses governing animal growth, disease, and homeostasis (supported by SPIRITS of Kyoto University)	
Organizers : Yuko Shimada (University of Tsukuba) Tadashi Uemura (Kyoto University)	
1PS9-1 (2P-0515)	[13:00]
The NANOS/TRIM-NHL complex regulates starvation-induced quiescence of somatic progenitors in C. elegans	
Miyako Sakaida, Aya Kitazawa, Hidefumi Kasuga, Masahiko Kume, Masamitsu Fukuyama, Kenji Kontani, Toshiaki Katada (Grad. Sch. of Pharmaceut. Sci., Univ. of Tokyo)	

1PS9-2	[13:14]
The molecular basis of distinct responses to nutrient balances between generalist and specialist species	
Yukako Hattori ¹ , Kaori Watanabe ¹ , Yuuki Takahashi ¹ , Yuki Furumizo ¹ , Hironobu Uchiyama ² , Shunsuke Yajima ² , Masayoshi Watada ³ , Tadashi Uemura ¹ (¹ Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ., ² NGRC, Tokyo Univ. of Agri., ³ Grad. Sch. of Sci. and Eng., Ehime Univ.)	
1PS9-3	[13:28]
Significance of sugar metabolism for developmental transition in <i>Drosophila</i>	
Takashi Nishimura (RIKEN CDB)	
1PS9-4 (3P-0349)	[13:46]
Molecular mechanisms underlying enhanced glucose uptake and cell cycle arrest triggered by glucose restriction	
Shigeaki Saitoh ¹ , Fumie Masuda ¹ , Mahiro Ishii ² , Saeko Soejima ¹ , Ayaka Mori ³ , Lisa Uehara ³ , Kojiro Takeda ² , Mitsuhiro Yanagida ³ (¹ Div. of Cell Biol., Ins. of Lif. Sci., Kurume Univ., ² Dept. of Biol., Fac. of Sci. Eng., Konan Univ., ³ GO cell unit, OIST)	
1PS9-5 (3P-0766)	[14:00]
Transgeneration of short body length and low body weight-induced by maternal low carbohydrate and calorie restriction	
Takahiro Nemoto, Yoshihiko Kakinuma (Department of Physiology, Nippon Medical School)	
1PS9-6	[14:14]
Exploring the interaction between diet, obesity and cancer using <i>Drosophila</i>	
Susumu Hirabayashi (MRC CSC, Imperial College London)	
1PS9-7	[14:32]
A genetic screen for nutrient sensors in <i>Drosophila</i> enterocytes	
Olena Riabinina ¹ , Clare Pilgrim ¹ , Wei-Hsiang Lin ² , Richard Baines ² , Irene Miguel-Aliaga ¹ (¹ MRC Clinical Sciences Centre, Imperial College London, UK, ² Faculty of Life Sciences, University of Manchester, UK)	
1PS9-8	[14:57]
Dietary response governing thermoregulatory behavior	
Masato Umeda, Takuto Suito, Naoto Juni, Kojiro Nagao (Dept. Synth. Chem. Biol. Chem. Grad. Sch. Engin. Kyoto Univ. Japan)	
1PS10 Room 10 (4F 411+412)	13:00-15:15 [E]
Understanding of nuclear function by live imaging of chromatin dynamics	
Organizers : Masaru Ueno (Dept. Mol. Biotechnol. Grad. Sch. Adv. Sci. Matter., Hiroshima Univ. / RcMcD, Hiroshima Univ.) Hiroshi Ochiai (PRESTO, JST / Dept. of Math. and Life Sci., Grad. Sch. of Sci., Hiroshima Univ.)	
Introduction	[13:00]
Masaru Ueno (Dept. Mol. Biotechnol. Grad. Sch. Adv. Sci. Matter., Hiroshima Univ. / RcMcD, Hiroshima Univ.)	
1PS10-1	[13:02]
Development of TALE DNA binding probes for efficient chromatin live imaging	
Kazuho Ikeda, Daisuke Ino, Yasushi Okada (QBIC, RIKEN)	
1PS10-2	[13:19]
Understanding of nuclear function by live imaging of chromatin dynamics	
Kazuo Yamagata (BOST, KINDAI Univ.)	
1PS10-3	[13:36]
Dynamic organization of chromatin domains revealed by super-resolution live-cell imaging	
Kazuhiro Maeshima (National Institute of Genetics)	
1PS10-4	[13:53]
Dynamic nuclear deformation induces nuclear architecture remodeling	
Hiroshi Ochiai ^{1,2} , Seirin S. Lee ² (¹ PRESTO, JST, ² Dept. of Math. and Life Sci., Grad. Sch. of Sci., Hiroshima Univ.)	

1PS10-5 (2P-0266)	[14:10]
Kinetochore-based spindle bipolarization during meiosis I in mammalian oocytes	
Shuhei Yoshida, Tomoya S. Kitajima (CDB, RIKEN)	
1PS10-6	[14:25]
Changes in local chromatin structure during homology search	
Andrew Seeber ¹ , Assaf Amitai ² , David Holcman ² , Susan Gasser ¹ (¹ Friedrich Miescher Institute for Biomedical Research, Switzerland, ² Institut de Biologie de l'Ecole Normale Supérieure, France, ³ Institute for Medical Engineering & Science, Massachusetts Institute of Technology, USA)	
1PS10-7	[14:42]
Analysis of glucose-dependent chromosome dynamics in fission yeast	
Hiroaki Ito ¹ , Sayaka Suzuki ² , Takeshi Sugawara ³ , Toshinori Nanba ³ , Shin-ichi Tate ^{2,3} , Masaru Ueno ^{1,3} (¹ Dept. Mol. Biotechnol. Grad. Sch. Adv. Sci. Matter., Hiroshima Univ., ² Dept. Math. & Life Sci., Grad. Sch. of Sci., Hiroshima Univ., ³ RcMcD, Hiroshima Univ.)	
1PS10-8 (2P-0206)	[14:59]
Enhancer control of transcriptional bursting	
Takashi Fukaya ¹ , Bomyi Lim ¹ , Michael Levine ^{1,2} (¹ Lewis-Sigler Institute for Integrative Genomics, Princeton University, ² Department of Molecular Biology, Princeton University)	
Conclusion	[15:14]
Hiroschi Ochiai (PRESTO, JST / Dept. of Math. and Life Sci., Grad. Sch. of Sci., Hiroshima Univ.)	
1PS11 第11会場(4階 413)	13:00-15:15 [J]
遺伝情報の水平移動	
オーガナイザー：小島 健司(GIRI / 国立成功大学)	
1PS11-1	[13:00]
制限修飾系の違いを超えて水平伝播する遺伝情報はピロリ菌の種分化を妨げている？	
小島 健司 ^{1,2,3} , 古田 芳一 ^{1,2} , 矢原 耕史 ^{1,2,4} , 福世 真樹 ^{1,2} , 志波 優 ⁵ , 西海 信 ⁶ , 吉田 優 ⁶ , 東 健 ⁶ , 吉川 博文 ^{5,7} , 小林 一三 ^{1,2} (¹ 東大・院新領域, ² 東大・医科研, ³ GIRI, ⁴ 感染研, ⁵ 東農大・ゲノム, ⁶ 神戸大・医, ⁷ 東農大・応生)	
1PS11-2	[13:25]
病原細菌の遺伝情報の水平伝達-集団ゲノミクスのアプローチ-	
矢原 耕史(国立感染研・細菌第二部)	
1PS11-3 (2P-0800)	[13:50]
溶菌法(CELYTED)による細胞外核酸を利用した形質転換技術の確立	
金子 真也 ¹ , 板谷 光泰 ² (¹ 東工大・生命理工, ² 慶應大・先端生命研)	
1PS11-4	[14:05]
見過ごされて来た生物間遺伝子伝達媒体	
千浦 博(東大・大海研・地球表層圏変動センター)	
1PS11-5	[14:30]
南極にみる遺伝子の水平伝播ワールド	
馬場 知哉 ¹ , 阿部 貴志 ² , 豊田 敦 ³ , 中井 亮佑 ³ , 長沼 毅 ⁴ , 藤山 秋佐夫 ¹ , 神田 啓史 ¹ , 本山 秀明 ⁵ , 伊村 智 ⁵ , 仁木 宏典 ³ (¹ 情報・システム機構, ² 新潟大院, ³ 遺伝研, ⁴ 広島大院, ⁵ 極地研)	
1PS11-6 (3P-0181)	[14:55]
核様体タンパク質H-NSのタンパク質間相互作用部位の遺伝子サイレンシングにおける役割	
山内 えりか ¹ , 山中 幸 ² , Yan Jie ³ , Linda J. Kenney ³ , 西山 宗一郎 ^{1,2} , 曾和 義幸 ^{1,2} , 川岸 郁朗 ^{1,2} , 石浜 明 ^{1,2} , 山本 兼由 ^{1,2} (¹ 法政大・生命, ² 法政大・ナノテクセンター, ³ シンガポール国立大・MBI)	
総合討論	[15:10]

1PS12 第12会場(4階 414+415)	13:00-15:15 [J]
細胞内高次集合構造の生物学	
オーガナイザー：鈴木 厚(横浜市大・院生命医・分子細胞) 西田 満(神戸大院・医)	
1PS12-1	[13:00]
架橋、安定化された微小管の生物学	
鈴木 厚, 佐竹 智子(横浜市大・院生命医・分子細胞)	
1PS12-2	[13:21]
キネシンによる微小管の構造変化	
島 知弘 ^{1,2} , 岡田 康志 ^{1,3} (¹ 理研・QBIC, ² 東大・院理・生物科学, ³ 東大・院理・物理)	
1PS12-3	[13:41]
IFT20はゴルジ体における微小管形成を促進することでRor2シグナル依存的ながん細胞浸潤を制御する	
西田 満 ¹ , 西尾 忠 ¹ , 紙崎 孝基 ¹ , 内匠 透 ² , 大谷 浩 ³ , 南 康博 ¹ (¹ 神戸大院・医, ² 理研・BSI, ³ 島根大・医)	
1PS12-4	[14:01]
間期の核膜孔複合体形成と核膜サブドメインPore-free islandの消失	
三村 恭弘 ¹ , 竹本 智子 ² , 横田 秀夫 ² , 今本 尚子 ¹ (¹ 理研・今本細胞核機能研究室, ² 理研・画像情報処理研究チーム)	
1PS12-5	[14:21]
核膜孔複合体によるswitch-likeなERK応答の制御	
新土 優樹 ¹ , 小迫 英尊 ² , 佐甲 靖志 ¹ , 高橋 恒一 ³ (¹ 理研・細胞情報, ² 徳島大・藤井センター, ³ 理研・QBIC)	
1PS12-6 (2P-0339)	[14:41]
高速原子間力顕微鏡を用いた生体膜と皮質アクチンネットワーク動態のライブセルイメージング	
吉田 藍子 ¹ , 酒井 信明 ² , 植草 良嗣 ² , 張 雁書 ¹ , 桑田 昌宏 ¹ , 伊東 修一 ² , 吉村 成弘 ¹ (¹ 京大・院生命科学・統合生命科学, ² オリンパス・技術開発)	
1PS12-7 (2P-0359)	[14:58]
細胞極性化のメカノトランスダクション：細胞膜張力に依存したPAR複合体の高次構造形成	
Shyi-Chyi Wang ¹ , Tricia Low ¹ , 西村 有香子 ² , Weimiao Yu ³ , 茂木 文夫 ^{1,2,4} (¹ Temasek Life-sciences Laboratory, ² Mechanobiology Institute, ³ Institute of Molecular & Cell Biology, A*STAR, ⁴ Department of Biological Sciences, National University of Singapore)	
1PS13 第13会場(4階 416+417)	13:00-15:15 [J/E]
RNA結合タンパクによる細胞運命制御	
オーガナイザー：伊藤 貴浩(ジョージア大・生化・分子生物学) 矢野 真人(新潟大学・院医・神経生物解剖)	
Introduction	
伊藤 貴浩(ジョージア大・生化・分子生物学)	
1PS13-1	[13:02]
RNA結合因子Musashiによるアミノ酸代謝制御とがん幹細胞維持	
服部 鮎奈, 伊藤 貴浩(ジョージア大・生化・分子生物学)	
1PS13-2	[13:24]
転写因子欠損下におけるmiRNAによる細胞運命制御	
幸谷 愛(東海大・総医研・造血腫瘍 / 東海大・医・血液腫瘍内科 / AMED-PRIME)	
1PS13-3 (1P-0643)	[13:46]
造血幹細胞の分化運命を決定する新たな機構-リボヌクレアーゼsReg1の解析-	
木戸屋 浩康, 村松 史隆, Weizhen Jia, 林 弓美子, 高倉 伸幸(大阪大学・微研・情報伝達分野)	

1PS13-4 (2P-0229)	[13:56]
Remarkable semi-extractability as a hallmark of architectural long noncoding RNAs associated with nuclear bodies	
Takeshi Chujo ¹ , Tomohiro Yamazaki ¹ , Tetsuya Kawaguchi ¹ , Satoshi Kurosaka ² , Toru Takumi ² , Shinichi Nakagawa ³ , Tetsuro Hirose ¹ (¹ Inst. for Genet. Med., Hokkaido Univ., ² BSI, RIKEN, ³ Fac. of Pharm. Sci.)	
1PS13-5	[14:06]
RNA結合タンパク質による神経発生および筋発生制御と疾患	
武内 章英, 細川 元靖, 飯田 慶, 萩原 正敏(京大・院医・形態形成)	
1PS13-6	[14:28]
Contribution of autoregulatory mechanism via RNA metabolism to motor neuron death	
Osamu Onodera ¹ , Akihide Koyama ² , Taisuke Kato ¹ , Akihiro Sugai ¹ , Yasuko Toyoshima ³ , Akiyoshi Kakita ³ , Hitoshi Takahashi ³ (¹ Department of Neurology, Brain Research Institute, Niigata University, ² Niigata University Center for Transdisciplinary Research, Niigata University, ³ Department of Pathology, Brain Research Institute, Niigata University)	
1PS13-7	[14:50]
神経幹細胞における選択的スライシング制御	
矢野 真人 ¹ , 矢野 佳芳 ¹ , 岡野 栄之 ² (¹ 新潟大学・院医・神経生物解剖, ² 慶應義塾大学・医・生理)	
Conclusion	[15:12]
矢野 真人(新潟大学・院医・神経生物解剖)	
1PS14 第14会場(4階 418)	13:00-15:15 [J]
多様な機能を有するマルチサブユニット複合体の構造・機能および機構進化の解析	
オーガナイザー：安達 成彦(高エネ機構・物構研・PF・構造生物/JST・さきがけ/総研大) 堀越 正美(東大・分生研・発生分化構造)	
Introduction	[13:00]
安達 成彦(高エネ機構・物構研・PF・構造生物/JST・さきがけ/総研大)	
1PS14-1	[13:05]
マルチサブユニット複合体研究の出発点：大量精製と立体構造解析に向けた試み	
安達 成彦 ^{1,2,3} , 相沢 恭平 ³ , 山口 佑香 ¹ , 千田 俊哉 ^{1,3} (¹ 高エネ機構・物構研・PF・構造生物, ² JST・さきがけ, ³ 総研大)	
1PS14-2	[13:25]
組換えタンパク質技術で調整したマルチサブユニット複合体の構造研究	
今崎 剛(JSTさきがけ/理研CLST)	
1PS14-3 (3P-0195)	[13:45]
バクテリオファージによる宿主RNAポリメラーゼ調節の構造基盤	
Ooi Wei-Yang ¹ , 村山 祐子 ¹ , Konstantin Severinov ² , Leonid Minakhin ² , 横山 茂之 ³ , 関根 俊一 ¹ (¹ 理研CLST, ² ワクスマン研究所, ³ 理研構造生物)	
1PS14-4	[14:05]
転写ナノチップを用いた、転写機構の機能解析	
多田 隼 尚史(京大・iCeMS)	
1PS14-5	[14:25]
複合体が生み出すシグナル伝達確率的ダイナミクスの制御機構	
川上 英良 ¹ , 古閑 恵太 ¹ , 中岡 慎治 ² (¹ 理研・医科学イノベーション推進プログラム, ² 東大・生産研)	
1PS14-6	[14:45]
新しいevolutionary indicatorを用いての数十億年前の転写システム系の解析	
堀越 正美(東大・分生研・発生分化構造)	
Conclusion	[15:05]
堀越 正美(東大・分生研・発生分化構造)	
総合討議	[15:10]

1PS15	第15会場(4階419)	13:00-15:15 [J]
哺乳類の性：性分化と生殖の新知見		
オーガナイザー：深見 真紀(国立成育医療研究センター) 高田 修治(国立成育医療研究センター)		
1PS15-1		[13:00]
トゲネズミ属における <i>SRY</i> 遺伝子の機能消失		
黒岩 麻里(北海道大学)		
1PS15-2		[13:15]
性分化における分子機構の新たな展開に向けて		
鹿島田 健一(東京医歯大・院医歯・発生発達病態学)		
1PS15-3 (1P-0495)		[13:30]
哺乳類精巢セルトリ細胞におけるheterogeneityとその分子基盤		
貴志 かさね, 金井 克晃(東大・院農・獣医解剖)		
1PS15-4		[13:45]
哺乳類における精巣間質細胞の分化システム		
嶋 雄一 ¹ , 宮林 香奈子 ² , 井上 実紀 ² , 馬場 崇 ² , 諸橋 憲一郎 ² (¹ 川医大・解剖学, ² 九大・医・性差生物)		
1PS15-5		[14:00]
生殖腺での <i>Sox9</i> エンハンサーの同定と機能解析		
高田 修治(成育センター・システム発生)		
1PS15-6		[14:15]
MAML1：マウスの分娩開始時期を支配する新たな因子		
宮戸 真美(国立成育医療研究セ・分子内分泌)		
1PS15-7 (3P-0534)		[14:30]
マルチオミクス解析を通じたマウス始原生殖細胞の代謝特性の解析		
林 陽平 ^{1,2,3} , 蝦名 真行 ⁴ , 五十嵐 香織 ³ , 大塚 慧 ¹ , 竹原 雅子花 ¹ , 松本 光代 ⁶ , 五十嵐 和彦 ⁵ , 金井 昭夫 ⁵ , 曾我 朋義 ⁵ , 松居 靖久 ^{1,2,3} (¹ 東北大・加齢研, ² 東北大・生命, ³ AMED-CREST, ⁴ 岩手医大・医, ⁵ 慶大・先端生命研, ⁶ 東北大・医)		
1PS15-8		[14:45]
生殖腺形成と性分化、生殖細胞形成を共に制御する遺伝子ネットワークの解明		
田中 聡 ¹ , 田中(山口) 泰華 ² , 金井 克晃 ³ , 川上 潔 ¹ , 西中村 隆一 ² (¹ 熊保大, ² 熊大, ³ 東大, ⁴ 自治医大)		
1PS15-9		[15:00]
マウス始原生殖細胞から卵子を産生する新規 <i>in vitro</i> 系の開発		
尾畑 やよい ¹ , 平尾 雄二 ² (¹ 東京農大・バイオ, ² 農研機構・畜産研)		
1PS16	Room 16 (5F 501)	13:00-15:15 [E]
Cell competition - its implication in various physiological and pathological processes		
Organizer : Yasuyuki Fujita (Div. of Mol. Oncol., Inst. for Genet. Med., Hokkaido Univ.)		
Introduction		
Tatsushi Igaki (Lab. of Genetics, Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)		
1PS16-1		[13:04]
Ligand-receptor systems that drive tumor-suppressive cell competition		
Tatsushi Igaki (Lab. of Genetics, Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)		
1PS16-2		[13:24]
Epithelial tumors originate in tumor hotspots, a tissue-intrinsic microenvironment		
Yoichiro Tamori ^{1,2} , Emiko Suzuki ¹ , Wu-Min Deng ² (¹ NIG, ² FSU)		
1PS16-3		[13:44]
Regulating the cellular composition of our bodies using fitness fingerprints.		
Eduardo Moreno (Champalimaud Centre for the Unknown, Portugal)		

1PS16-4	[14:08]
Cell competition supports robustness of embryonic patterning: a new system correcting distortion of the Wnt/β-catenin signaling activity gradient.	
Yuki Akieda, Hironobu Furuie, Yukinari Haraoka, Shizuka Ishitani, Tohru Ishitani (Div. Cell Reg., Med. Inst. Bioreg., Kyushu Univ.)	
1PS16-5	[14:28]
Cell Competition in Mammalian Embryogenesis and Organogenesis	
Covadonga Diaz-Diaz, Noelia Martin-Munoz, Cristina Claveria, Cristina Villa del Campo, Rocio Sierra, Miguel Torres (Centro Nacional de Investigaciones Cardiovasculares-CNIC, Spain)	
1PS16-6	[14:52]
Cell competition and Warburg effect	
Yasuyuki Fujita (Div. of Mol. Oncol., Inst. for Genet. Med., Hokkaido Univ.)	
Conclusion	[15:12]
Yasuyuki Fujita (Div. of Mol. Oncol., Inst. for Genet. Med., Hokkaido Univ.)	
<hr/>	
1PS17 第17会場(5階 502)	13:00-15:15 [J]
ゲノム編集技術の進展と様々な分野での利用	
オーガナイザー：山本 卓(広島大・院理・数理分子生命理学)	
1PS17-1	[13:00]
ゲノム編集の基本原則と最近の研究動向	
山本 卓(広島大・院理・数理分子生命理学)	
1PS17-2	[13:10]
立体構造に基づくCRISPRの分子機構とゲノム編集ツールの開発	
瀧木 理, 平野 央人, 山野 峻, 西増 弘志, 石谷 隆一郎(東京大学)	
1PS17-3	[13:35]
iPS細胞での効率的なゲノム編集を目指したCRISPRツールボックス	
堀田 秋津(京大・CiRA / 京大・iCeMS)	
1PS17-4	[14:00]
哺乳動物におけるゲノム編集技術の開発	
真下 知士(大阪大学大学院医学系研究科附属動物実験施設)	
1PS17-5	[14:25]
ゲノム編集技術の水産業への利用	
木下 政人(京大・院農・応用生物)	
1PS17-6	[14:50]
新植物育種技術としてのゲノム編集ージャガイモ毒フリーへの挑戦	
村中 俊哉(阪大・院工・生命先端)	
<hr/>	
1PS18 第18会場(5階 503)	13:00-15:15 [J]
ステムセルエイジング：老化の謎は解明できるか？	
オーガナイザー：西村 栄美(東京医科歯科大・難研・幹細胞医学)	
Introduction	[13:00]
西村 栄美(東京医科歯科大・難研・幹細胞医学)	
1PS18-1	[13:02]
卵子の染色体数異常の原因	
北島 智也(理研・CDB)	
1PS18-2	[13:27]
精子幹細胞挙動の加齢変化	
原 健士朗(東北大・農・動物生殖)	

1PS18-3	[13:52]
造血幹細胞エイジングを規定する転写因子プログラム	
田久保 圭吾(国立国際医療研究セ・研究所・生体恒常性PJ)	
1PS18-4	[14:19]
幹細胞制御と毛包の老化	
西村 栄美(東京医科歯科大・難研・幹細胞医学)	
1PS18-5	[14:46]
加齢・炎症ストレスの及ぼす腸管上皮幹細胞の分子遺伝学的変化	
佐藤 俊朗, 南木 康作, 下川 真理子(慶應・医・消化器内科)	
Conclusion	[15:13]
西村 栄美(東京医科歯科大・難研・幹細胞医学)	
1PS19 第19会場(5階511+512)	13:00-15:15 [J]
成育疾患—その多様性と普遍性を探る—	
オーガナイザー: 宮戸 健二(国立成育医療研究センター) 中林 一彦(国立成育医療研究センター)	
Introduction	[13:00]
宮戸 健二(国立成育医療研究センター)	
1PS19-1	[13:01]
脳の性差を構築する性ホルモンの作用機構	
塚原 伸治(埼玉大・院理工・生命科学)	
1PS19-2 (1P-0526)	[13:16]
Rett Syndromeの包括的治療の試み	
織本 健司 ¹ , 松石 豊次郎 ² , 弓削 康太郎 ² (¹ ふれあい東戸塚ホスピタル・総合診療内科, ² 久留米大学医学部小児科)	
1PS19-3	[13:30]
成育疾患MIRAGE症候群の分子病態	
鳴海 寛志(成育医療研究センター研究所・分子内分泌)	
1PS19-4	[13:45]
小児腎腫瘍における新規遺伝子異常	
上野 暁 ¹ , 大喜多 肇 ^{1,2} , 清河 信敬 ¹ (¹ 成育医療研究セ 小児血液・腫瘍研究, ² 慶大・医・病理学)	
1PS19-5 (1P-0724)	[13:59]
アトピー性皮膚炎・生体内におけるクローディン1の発現量依存的な機能制御	
徳増 玲太郎 ¹ , 山賀 康右 ^{1,2} , 山崎 裕自 ^{1,3} , 室田 浩之 ² , 鈴木 浩也 ¹ , 田村 淳 ¹ , 坂東 可菜 ¹ , 古田 泰秀 ¹ , 片山 一朗 ² , 月田 早智子 ¹ (¹ 阪大・医学・分子生体情報, ² 阪大・医学・皮膚科学, ³ Princeton Univ.・Lewis Sigler Institute for Integrative Genomics, ⁴ 理研CLST・生体ゲノム工学研究チーム)	
1PS19-6	[14:14]
クロマチン高次構造に基づいた細胞系列特異的エンハンサーの同定	
富川 順子 ¹ , 岡村 浩司 ² , 阿久津 英憲 ³ , 田中 智 ¹ , 秦 健一郎 ¹ , 中林 一彦 ¹ (¹ 成育医療セ・周産期病態, ² 成育医療セ・システム医学, ³ 成育医療セ・生殖医療, ⁴ 東大・院農・応用動物科学)	
1PS19-7	[14:29]
分化多能性を持つヒト胎盤栄養膜幹細胞の樹立	
岡江 寛明, 有馬 隆博(東北大・院医・情報遺伝)	
1PS19-8	[14:44]
次世代シングルセルマルチオミクス解析で迫る細胞運命の理解と疾患研究	
渡辺 亮(京大・iPS研・未来生命科学開拓)	
1PS19-9	[14:59]
ミトコンドリア病の次世代への伝播を防ぐヒト卵子核移植におけるミトコンドリア遺伝的浮動(Genetic Drift)	
山田 満穂 ^{1,2} , 田中 守 ¹ , Egli Dieter ² (¹ 慶應大, ² The New York Stem Cell Foundation)	
Conclusion	[15:14]
中林 一彦(国立成育医療研究センター)	

第2日目12月1日(木)

2AS1 Room 1 (1F Main Hall) 9:00-11:15 [E]

“Neo”-taxonomy of non-coding RNAs: classification and prediction of molecular functions

Organizer : Yukihide Tomari (IMCB, Univ. of Tokyo / CBMS, Grad. Sch. of Font. Sci., Univ. of Tokyo)

Introduction [9:00]

Yukihide Tomari (IMCB, Univ. of Tokyo / CBMS, Grad. Sch. of Font. Sci., Univ. of Tokyo)

2AS1-1 [9:03]**Characterization of architectural lncRNA elements using genome-editing technology**Tomohiro Yamazaki¹, Archa Fox², Gerard Pierron³, Shinichi Nakagawa⁴, Tetsuro Hirose¹ (¹IGM, Hokkaido Univ., ²Univ. Western Australia, ³CNRS, ⁴Grad. Sch. of Pharm.)**2AS1-2** [9:22]**Whole-genome mutational landscape and characterization of noncoding and structural mutations in liver cancer**Akihiro Fujimoto^{1,7}, Mayuko Furuta¹, Yasushi Totoki², Tatsuhiko Tsunoda¹, Mamoru Kato², Hiroki Yamaue³, Kazuaki Chayama^{1,4}, Satoru Miyano⁵, Hiroyuki Aburatani⁶, Tatsuhiro Shibata^{2,5}, Hidewaki Nakagawa¹ (¹IMS, RIKEN, ²NCC, ³Wakayama Med. Univ., ⁴Hiroshima Univ. Sch. of Med., ⁵Inst. of Med. Sci., Univ. of Tokyo, ⁶RCAST, Univ. of Tokyo, ⁷Grad. Sch. of Med., Kyoto Univ.)**2AS1-3** [9:41]**A lesson from a viral noncoding RNA on how to recruit a transcription factor**

Nara Lee (Dept. of Microbiol., Univ. of Pittsburgh)

2AS1-4 [10:06]**A clade of plant small RNAs prefer to bind DNA rather than RNA targets**Yukihide Tomari^{1,2}, Hiro-oki Iwakawa^{1,2} (¹IMCB, Univ. of Tokyo, ²CBMS, Grad. Sch. of Font. Sci., Univ. of Tokyo)**2AS1-5** [10:25]**Co-dependent assembly of piRNA precursor complexes and piRNA cluster heterochromatin.**Gen Zhang¹, Shikui Tu², Zhiping Weng², William Theurkauf¹ (¹Program in Molecular Medicine, University of Massachusetts Medical School, USA., ²Program in Bioinformatics and Integrative Biology, University of Massachusetts Medical School, USA.)**2AS1-6** [10:50]**The hairpin RNA pathway is essential to resolve intragenomic sex conflict**

Eric Lai (Sloan-Kettering Institute)

2AS2 Room 2 (2F 211+212) 9:00-11:15 [E]

Molecular and Physiological Basis of Zinc Signaling in vivo and in vitroOrganizers : Toshiyuki Fukada (Mol. Cell. Physiol., Pharm. Sci., Tokushima Bunri Univ. / Pathol., Sch. Dent., Showa Univ.)
Taiho Kambe (Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)**Introduction** [9:00]

Toshiyuki Fukada (Mol. Cell. Physiol., Pharm. Sci., Tokushima Bunri Univ. / Pathol., Sch. Dent., Showa Univ.)

2AS2-1 [9:01]**Role of zinc transporters and signaling in epidermal development and morphogenesis**Toshiyuki Fukada^{1,2}, Bum-Ho Bin² (Mol. Cell. Physiol., Pharm. Sci., Tokushima Bunri Univ., ²Pathol., Sch. Dent., Showa Univ.)**2AS2-2** [9:06]**Illuminating the Redistribution Dynamics of Zinc During Cell Proliferation and Embryonic Development**

Christoph J. Fahrni (Sch. of Chem. and Biochem., Petit Inst. of Bioeng. and Biosci., Georgia Inst. of Technol., USA)

2AS2-3 [9:31]**A quest for metallochaperone supplying a Zn ion to Cu/Zn-superoxide dismutase**

Yoshiaki Furukawa (Dept. of Chem., Keio Univ.)

2AS2-4	[9:56]
A novel splicing switch of zinc importer ZIP2 in airway epithelial cells that controls the mucus-hypersecretory and inflammatory phenotypes of obstructive lung diseases	
Shunsuke Kamei ^{1,2} , Mary Ann Suico ¹ , Hirofumi Kai ^{1,2} , Tsuyoshi Shuto ¹ (¹ Dept. of Mol. Med., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Kumamoto Univ., ² HIGO Program, Kumamoto Univ.)	
2AS2-5	[10:21]
A genome-wide siRNA screening of the genes responsible for regulating SOD1 conformation	
Kengo Homma, Hidenori Ichijo (Cell Signaling, Grad. Sch. of Pharmaceut. Sci., Univ. of Tokyo)	
2AS2-6 (1P-0768)	[10:46]
Zinc transporter-mediated intestinal homeostatic self-renewal via ER stress regulation	
Wakana Ohashi ¹ , Koji Hase ² , Toshiyuki Fukada ³ (¹ Dept. of Mol. Med. Pharmacol., Grad. Sch. of Med. and Pharm., Univ. of Toyama, ² Div. of Biochem., Faculty of Pharm. Keio Univ., ³ Mol. and Cell. Physiol., Faculty of Pharm. Sci., Tokushima Bunri Univ.)	
2AS2-7 (3P-0034)	[10:58]
Zn-dependent regulation of the protein quality control by ERp44 in the early secretory pathway	
Manami Harayama ¹ , Satoshi Watanabe ¹ , Yuta Amagai ¹ , Sara Sannino ² , Roberto Sitia ² , Kenji Inaba ¹ (¹ IMRAM, Tohoku Univ., ² San Raffaele Sci. Inst.)	
2AS2-8	[11:10]
Zinc-requiring ectoenzyme activation by ZnT transporters	
Taiho Kambe (Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)	
Conclusion	[11:14]
Taiho Kambe (Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)	

2AS3 Room 3 (3F 301)	9:00-11:15 [E]
The cutting edge of stem cell & cancer research	
Organizer : Atsushi Hirao (Cancer Research Institute, Kanazawa University)	
2AS3-1	[9:00]
Enhancer for Runx1, eR1: a powerful tool in stem cell and cancer biology	
Motomi Osato (Cancer Sci. Inst., Nat. Univ. Singapore / Int. Res. Ctr. Med. Sci., Kumamoto Univ.)	
2AS3-2	[9:26]
Self-renewal control and tumorigenesis of hematopoietic stem cells by regulation of actin polymerization	
Yuko Tadokoro, Atsushi Hirao (Cancer Research Institute, Kanazawa University)	
2AS3-3	[9:52]
Stem cell behavior in liver regeneration and diseases	
Atsushi Suzuki (Div. of Organo. & Regene., Med. Inst. of Bioreg., Kyushu Univ.)	
2AS3-4	[10:18]
Hierarchy in mouse digestive organ tumors	
Hiroshi Seno, Takahisa Maruno, Motoyuki Tsuda, Akihisa Fukuda (Dept. of Gastroenterol. and Hepatol., Kyoto Univ.)	
2AS3-5	[10:44]
METABOLIC EXCHANGE BETWEEN STEM CELLS AND NICHE CELLS	
Toshio Suda (Cancer Science Institute (CSI) / National University of Singapore (NUS) / Kumamoto University IRCMS)	
2AS4 Room 4 (3F 302)	9:00-11:15 [E]
Immunological tolerance and homeostasis	
Organizer : Shohei Hori (RIKEN IMS)	
2AS4-1	[9:00]
Immunological tolerance mediated by Aire	
Mitsuru Matsumoto (Institute for Enzyme Research, Tokushima University / AMED-CREST)	

2AS4-2	[9:25]
Establishment and maintenance of immune tolerance by immuno-inhibitory receptors	
Takumi Maruhashi, Il-mi Okazaki, Daisuke Sugiura, Taku Okazaki (Div. Immun. Reg., Inst. Genome Res., Tokushima Univ.)	
2AS4-3	[9:50]
Dissecting Foxp3-dependent mechanisms of regulatory T cell function	
Shohei Hori (RIKEN IMS)	
2AS4-4	[10:15]
Interactions of the immune system with commensal bacteria	
Chyi-Song Hsieh, Katherine Nutsch (Dept. of Medicine, Div. of Rheumatology, Washington University)	
2AS4-5	[10:45]
Transcriptional and epigenetic basis of regulatory T cell development	
Shimon Sakaguchi, Yohko Kitagawa, Naganari Ohkura (Immunology Frontier Research Center, Osaka University)	
2AS5	9:00-11:15 [E]
Room 5 (3F 303)	
Cellular and Molecular Dynamics for Morphogenesis	
Organizer : Erina Kuranaga (Tohoku University)	
Introduction	[9:00]
Erina Kuranaga (Tohoku University)	
2AS5-1	[9:02]
Synthetic reconstitution of epithelial folding in naive embryonic Drosophila tissues	
Emiliano Izquierdo, Giorgia Guglielmi, Theresa Quinkler, Stefano De Renzis (European Molecular Biology Laboratory)	
2AS5-2	[9:24]
Actin interacting protein 1 and cofilin sense the extrinsic stretching force and orient cell rearrangement in Drosophila wing	
Kaoru Sugimura ^{1,2} , Keisuke Ikawa ¹ (¹ iCeMS, Kyoto Univ., ² PRESTO, JST)	
2AS5-3	[9:46]
Control of the front-back polarity in migrating cells by catenins	
Vassil Vassilev, Anna Platek, Masatoshi Takeichi (RIKEN, CDB)	
2AS5-4	[10:08]
Planar cell polarity pathway regulates local driving force to orchestrate the collective cell movement during morphogenesis	
Asako Shindo ¹ , John Wallingford ² , Makoto Kinoshita ¹ (¹ Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Nagoya Univ., ² Dept. of Mol. Bio., UT Austin)	
2AS5-5	[10:30]
Mechanism of jigsaw-puzzle pattern formation in plant leaf epidermal cell	
Takashi Miura ¹ , Takumi Higaki ² , Natsumaro Kutsuna ^{2,3} , Kae Akita ² , Hisako Takigawa-Imamura ¹ , Kenji Yoshimura ⁴ (¹ Grad. Sch. Med. Sci., Kyushu Univ., ² Dept. Integrated Biosc., Grad. Sch. Frontier Sci., The University of Tokyo, ³ Research and Development Division, LPixel Inc., Tokyo, Japan, ⁴ Dept. Neurol., Osaka City General Hospital)	
2AS5-6	[10:52]
Mechanical regulatory mechanism of 3D multicellular dynamics during optic-cup morphogenesis	
Satoru Okuda, Mototsugu Eiraku (RIKEN Center for Developmental Biology)	
Conclusion	[11:14]
Erina Kuranaga (Tohoku University)	

2AS6 第6会場(3階 304)	9:00-11:15 [J/E]
生体に潜むヘテロジェネティを明らかにするマルチオミックス	
オーガナイザー：瀬々 潤(産業総合技術研究所) 渡辺 亮(京都大学)	
Introduction	[9:00]
瀬々 潤(産業総合技術研究所)	
2AS6-1	[9:05]
シングルセルマルチオミックス	
中村 正裕(京都大学iPS細胞研究所)	
2AS6-2	[9:30]
臓器形成におけるヘテロジェネティの理解と制御	
武部 貴則 ^{1,2,3} , 関根 圭輔 ¹ , 谷口 英樹 ¹ (横浜市大・院医・臓器再生, ² シンシナティ小児病院・消化器・発生部門, ³ 科学技術振興機構・さきがけ)	
2AS6-3 (IP-0088)	[9:55]
Transcriptomic study of the HPV infected cells using the new High-throughput single cell nanoCAGE protocol	
Arnaud Ophelie ¹ , Stephane Poulain ¹ , Sachii Kato ¹ , Kazunori Nagasaka ² , Mickael Mendez ¹ , Charles Plessy ¹ (¹ RIKEN CLST, DGT, Yokohama, ² Dep. of Obstetrics and Gynecology, The University of Tokyo Graduate School of Medicine)	
2AS6-4	[10:10]
化学反応システムの振る舞いを支配する「限局則」	
望月 敦史 ^{1,2} , 岡田 崇 ¹ (¹ 理研・理論生物, ² CREST, JST)	
2AS6-5	[10:55]
がん細胞のHeterogeneityとがんクローンの進化	
谷内田 真一(国がん・研究所・がんゲノミクス)	
総合討論	[11:00]

2AS7 第7会場(3階 311+312)	9:00-11:15 [J/E]
ビッグデータに基づく生命現象の時空間解析	
オーガナイザー：由良 敬(お茶の水女子大学/国立遺伝学研究所) 永田 宏次(東京大学)	
Introduction	[9:00]
永田 宏次(東京大学)	
2AS7-1	[9:01]
配列から機能まで、統合解析のためのVapRoS	
池尾 一穂(国立遺伝学研究所)	
2AS7-2	[9:19]
ヒトゲノム変異の影響評価に対する生命情報科学的アプローチ	
木下 賢吾(東北大学大学院 情報科学研究科 / 東北大学 加齢医学研究所 / 東北大学 東北メディカル・メガバンク機構)	
2AS7-3	[9:37]
文献マイニングによる老化研究の展望を提案するための新しいアプローチと知識統合	
權 娟大, 名取 幸和, 田之倉 優(東大・院農・生命科学)	
2AS7-4	[9:55]
疾患メカニズムの解明と創薬応用のための超分子モデリングパイプライン	
辻 敏之 ^{1,2} , 土方 敦司 ¹ , 中江 撰 ¹ , 米澤 弘毅 ¹ , 高橋 健一 ¹ , 依田 隆夫 ¹ , 塩生 真史 ¹ , 白井 剛 ¹ (¹ 長浜バイオ大学・バイオサイエンス学部, ² 三田国際学園)	

2AS7-5 **[10:13]**
Structural analysis of adaptive immune repertoires

Daron Standley (Systems Immunology Lab, IFRc, Osaka Univ. / Lab. of Integrated Biological Information, IVR, Kyoto Univ.)

2AS7-6 (1P-0079) **[10:31]**
網羅的かつ統合的な ChIP-seq データの解析

 沖 真弥¹, 大田 達郎², 塩井 剛³, 畠中 秀樹⁴, 小笠原 理⁵, 奥田 喜広⁵, 川路 英哉⁶, 仲木 竜⁷, 瀬々 潤⁸, 目野 主税¹(¹九大・院医・発声再生医学, ²情報システム研究機構・データサイエンス共同利用基盤施設・ライフサイエンス統合データベースセンター, ³理研・CLST, ⁴JST・NBDC, ⁵遺伝研・DDBJ, ⁶理研・ACCC, ⁷東大・RCAST, ⁸産総研・AIRC)

2AS7-7 (3P-0005) **[10:45]**
ヒト転写標的遺伝子予測と転写標的遺伝子機能の偏り

大里 直樹(東大・先端研・システム生物医学 / 東大・生物医学と数学の融合拠点)

2AS7-8 (3P-0653) **[10:59]**
メタボローム解析を用いたマウスマクロファージにおけるポリアミン代謝経路と自然免疫応答の関係性の解明

 伊藤 優太郎^{1,2}, 田畑 祥^{1,2}, 富田 勝^{1,2}, 福田 真嗣^{1,2}(¹慶大・先端生命研, ²慶大・院・政策・メディア)

Conclusion **[11:13]**

由良 敬(お茶の水女子大学 / 国立遺伝学研究所)

2AS8 Room 8 (3F 313+314) **9:00-11:15 [E]**
Organelle dynamics revealed by protein and lipid trafficking

Organizers : Toshiya Endo (Kyoto Sangyo Univ., Fac. Life Sci.)

Thomas Langer (Institute for Genetics, University of Cologne / CECAD Research Center)

Introduction **[9:00]**

Toshiya Endo (Kyoto Sangyo Univ., Fac. Life Sci.)

2AS8-1 **[9:02]**
Peroxisome biogenesis: Import of nascent membrane and matrix proteins

 Yuqiong Liu¹, Shigehiko Tamura², Kanji Okumoto², Yuichi Yagita², Yuko Kawamura², Aiko Nagata², Yukio Fujiki¹(¹Div. of Organelle Homeostasis, Med. Inst. of Bioreg., Kyushu Univ., ²Dept. of Biol. and Grad. Sch. of Systems Life Sci., Kyushu Univ.)

2AS8-2 (3P-0338) **[9:27]**
Novel Rab cascades on the secretory and the endocytosis pathways in *Saccharomyces cerevisiae*

 Makoto Nagano¹, Gen Urabe¹, Junko Y. Toshima^{1,2}, Jiro Toshima¹(¹Dept. of Bio. Sci. and Tech., Tokyo Univ. of Sci., ²Dept. of Phys. Ther., Tokyo Univ. of Tech.)

2AS8-3 **[9:42]**
Protein and lipid transport for mitochondrial biogenesis

Toshiya Endo (Kyoto Sangyo Univ., Fac. Life Sci.)

2AS8-4 **[10:07]**
Mitochondrial phospholipid trafficking

Thomas Langer (Institute for Genetics, University of Cologne / CECAD Research Center)

2AS8-5 (2P-0282) **[10:32]**
The vacuole/lysosome is an essential organelle and is critical for cell cycle progression

Yui Jin, Lois S. Weisman (Life Sciences Institute, Dept. of Cell Dev. Biol., Univ. Michigan)

2AS8-6 **[10:47]**
PINK1 stability and Parkin mitochondrial targeting are regulated by PKA-mediated phosphorylation of MIC60

Toshihiko Oka, Shiori Akabane, Midori Uno, Shunta Shimazaki (Department of Life Science, Rikkyo University)

Conclusion **[11:12]**

Toshiya Endo (Kyoto Sangyo Univ., Fac. Life Sci.)

2AS9 第9会場(3階 315)	9:00-11:15 [J/E]
in vitro の新しいヒト分子発生生物学	
オーガナイザー：木田 泰之(産総研・創薬基盤・ステムバイオG) 竹内 純(東京大学)	
2AS9-1	[9:00]
体細胞リプログラミングにおける分子メカニズムの同定	
木田 泰之, 楠筒 博子, 高山 祐三, 若林 玲実(産総研・創薬基盤・ステムバイオG)	
2AS9-2	[9:12]
多能性幹細胞をモデルとした不死化機構へのアプローチ	
岡村 大治(近大・農・バイオ)	
2AS9-3 (3P-0538)	[9:34]
Human Specific Molecular Mechanisms of Primordial Germ Cell Differentiation	
Yoji Kojima ¹ , Mitinori Saitou ^{1,2} (¹ Inst. of Integrated Cell-Mat. Sci., Kyoto Univ., ² Dept. of Anat. and Cell Biol., Kyoto Univ.)	
2AS9-4 (3P-0516)	[9:46]
JMJD3のJmjCドメイン導入によるヒト多能性幹細胞の骨格筋および肝細胞への分化誘導促進	
秋山 智彦, 洪 実(慶應義塾大学・医学部・システム医学)	
2AS9-5	[9:58]
in vitro のヒト中胚葉分化制御	
高里 実(理研・CDB)	
2AS9-6 (1P-0492)	[10:20]
ヒトiPS細胞に由来するHCN4陽性心筋駆細胞の解析	
福村 健太, 横井 文香, 森川 久美, 野崎 大蔵, 久留 一郎, 白吉 安昭(鳥大・院医・再生医療学)	
2AS9-7	[10:32]
ヒト多能性幹細胞におけるグルタミン代謝を利用した心臓再生医療	
遠山 周吾 ¹ , 藤田 淳 ¹ , 菱木 貴子 ² , 末松 誠 ² , 福田 恵一 ¹ (¹ 慶應義塾大学医学部循環器内科, ² 慶應義塾大学医学部医化学教室)	
2AS9-8	[10:54]
TBD	
竹内 純(東京大学)	
Conclusion	[11:11]
木田 泰之 ¹ , 竹内 純 ² (¹ 産総研・創薬基盤・ステムバイオG, ² 東京大学)	
2AS10 第10会場(4階 411+412)	9:00-11:15 [J]
環境適応戦略の神経基盤	
オーガナイザー：深田 吉孝(東大・院理・生物科学) 榎本 和生(東大・院理・生物科学)	
Introduction	[9:00]
榎本 和生(東大・院理・生物科学)	
2AS10-1	[9:05]
長期記憶の概日リズムを生み出す分子メカニズム	
清水 貴美子, 小林 洋大, 仲辻 英里香, 深田 吉孝(東大・院理・生物科学)	
2AS10-2	[9:29]
レム睡眠の中枢神経回路とその発生的起源の遺伝学的同定	
林 悠(筑波大・国際統合睡眠医科学研究機構 / 科学技術振興機構・さきがけ)	

2AS10-3 **[9:53]**
社会的闘争の勝敗は手綱核によって決定される

 松股 美穂¹, 小林 琢磨¹, 平尾 顕三¹, Islam Tanvir¹, 小林 祐樹², Haung Aurther³, McHugh Tomas³, 糸原 重美², 岡本 仁¹
 (1)理研・脳総セ・発生遺伝子制御, (2)理研・脳総セ・行動遺伝学技術開発, (3)理研・脳総セ・神経回路・行動生理学)

2AS10-4 **[10:17]**
ショウジョウバエ幼虫の嗅覚行動における嗅覚受容体神経の自発発火の役割

歌代 奈和, 榎本 和生(東大・院理・生物科学)

2AS10-5 (3P-0563) **[10:41]**
ヒト大脳皮質の発生と進化に関連する分子メカニズムの探索

 鈴木 郁夫¹, Devesh Kumar¹, David Gacquer², Roxane Van Heurck¹, Vincent Detours², Peter Sudmant³, Franck Polleux⁴, Evan Eichler³, Pierre Vanderhaeghen¹(¹IRIBHM & UNI, Univ. of Brussels (ULB), Belgium, ²IRIBHM, Univ. of Brussels (ULB), WELBIO, Belgium, ³Dept. of Genome Sciences, Univ. of Washington, USA, ⁴Dept. of Neuroscience & the Zuckerman Mind Brain Behavior Institute., Columbia Univ.)

2AS10-6 (2P-0618) **[10:56]**
キロショウジョウバエの飢餓状態での体温調節機構の解析

 梅崎 勇次郎¹, Sean E. Hayley¹, 濱田 文香^{1,2,3,4}(¹小児眼科学 シンシナティ小児病院医療センター, ²PRESTO, ³発生生物学 シンシナティ小児病院医療センター, ⁴眼科学 シンシナティ大学)

Conclusion **[11:11]**

深田 吉孝(東大・院理・生物科学)

2AS11 第11会場(4階 413) **9:00-11:15 [J/E]**
微生物ゲノム情報から未知機能を探る

 オーガナイザー：河原林 裕(産総研)
 倉光 成紀(阪大・院理)

Introduction **[9:00]**

倉光 成紀(阪大・院理)

2AS11-1 **[9:03]**
網羅解析から未知機能、未同定酵素探索

 森 浩禎¹, 山田 守², 松野 浩嗣³, 牧 泰史¹, 田村 武幸³, 武藤 愛¹, 片岡 正和⁴, 高坂 智之², 大橋(齋藤) 菜摘⁵, 川野 光興⁶(¹奈良先端大・バイオ, ²山口大・生化, ³山口大・理, ⁴大阪医大・物理, ⁵京大・バイオインフォ, ⁶信大・工, ⁷鶴岡高専, ⁸新潟薬大・応用生命)

2AS11-2 **[9:22]**
構造ゲノム科学でタンパク質の未知機能を探る

柳沢 達男, 横山 茂之(理化学研究所・横山構造生物学研)

2AS11-3 (3P-0067) **[9:41]**
高度好熱菌内で翻訳後修飾を受ける機能未知タンパク質の解析

 高尾 和也¹, 飯尾 洋太², 藤野 友輔¹, 井上 真男², 藤井 裕己³, 倉光 成紀², 増井 良治¹(¹大阪市大・院理, ²阪大・院理, ³阪大・院生命機能)

2AS11-4 (3P-0182) **[9:58]**
大腸菌レスポンスレギュレーター FimZの2つの機能

 小島 文歌¹, 小川 綾乃¹, 石浜 明², 山本 兼由^{1,2}(¹法政大・生命, ²法政大・ナノテクセンター)

2AS11-5 **[10:15]**
腸炎ピブリオ スーパーインテグロン中の機能未知遺伝子群に見出されたTA システムについての解析

 木村 誠¹, 張 晶², 伊藤 寛倫¹(¹九州大学大学院農学研究院, ²九州大学大学院システム生命科学府)

2AS11-6 **[10:34]**
超好熱性アーキアにおける特異な代謝機構

 跡見 晴幸^{1,2}, 牧野 勇樹¹, 川村 弘樹¹, 蜂須賀 真一¹, 竹野 領¹, 佐藤 喬章^{1,2}(¹京大・院工・合成生化, ²JST, CREST)

2AS11-7	[10:53]
豊富なゲノム情報と代謝経路情報を駆使した新規機能へのアプローチ	
河原林 裕 (産総研)	
Conclusion	[11:12]
河原林 裕 (産総研)	
<hr/>	
2AS12 Room 12 (4F 414+415)	9:00-11:15 [E]
Cell geometry: diversity, function and mechanism	
Organizers : Shigeo Hayashi (RIKEN Center for Developmental Biology) Takaki Miyata (Nagoya University)	
Introduction	[9:00]
Shigeo Hayashi (RIKEN Center for Developmental Biology)	
2AS12-1	[9:05]
Introduction: Cell shape diversity and fluctuation as bases for biological functions	
Shigeo Hayashi (RIKEN Center for Developmental Biology)	
2AS12-2	[9:25]
Geometry formation of the immobile plant xylem cell	
Yoshihisa Oda (National Institute of Genetics / Department of Genetics, SOKENDAI)	
2AS12-3 (3P-0545)	[9:45]
Development and Morphological diversity of seminal receptacles among species of Genus Drosophila	
Tatsuhiko Noguchi (Biol. NDMC)	
2AS12-4	[10:00]
Cellular tessellation and morphogenesis in sensory epithelia	
Hideru Togashi (Div. of Mol. and Cel. Biol., Sch. of Med., Kobe Univ.)	
2AS12-5 (3P-0475)	[10:20]
The in vitro analysis of the cells generating micro bone tissue of fins.	
Junpei Kuroda, Akihito Hasegawa, Naomichi Maruta, Shigeru Kondo (Grad. FBS, Univ. of Osaka)	
2AS12-6 (2P-0346)	[10:35]
The mechanism of the alignment of cortical microtubules that generates cytoplasmic streaming in the C. elegans zygote	
Kenji Kimura ^{1,2} , Alexandre Mamane ³ , Tohru Sasaki ⁴ , Kota Sato ⁴ , Ritsuya Niwayama ⁵ , Lars Hufnagel ⁵ , Jun Takagi ⁶ , Yuta Shimamoto ^{2,5} , Jean-Francois Joanny ⁵ , Seiichi Uchida ⁴ , Akatsuki Kimura ^{1,2} (¹ Cell Arch. Lab., Natl. Inst. of Genet., ² Dept. of Genet., SOKENDAI, ³ Physicochimie Curie, Inst. Curie, ⁴ Grad. Sch. and Fac. of Info. Sci. and Elec. Eng., Kyushu Univ., ⁵ Cell Biol. and Biophys. Unit, EMBL, ⁶ Quant. Mech. Lab., Natl. Inst. of Genet.)	
2AS12-7	[10:50]
Optimization of network geometry in a huge amoeba of Physarum	
Toshiyuki Nakagaki (Math. Phys. Ethol., RIES, Hokkaido Univ.)	
Conclusion	[11:10]
Takaki Miyata (Nagoya University)	
<hr/>	
2AS13 Room 13 (4F 416+417)	9:00-11:15 [E]
Omnipresence of TOR	
Organizers : Tatsuya Maeda (Inst. of Mol. Cell. Biosci., Univ. of Tokyo) Takashi Ushimaru (Fac. of Science, Shizuoka Univ. / Grad. Sch. of Sci. and Tech, Shizuoka Univ.)	
2AS13-1	[9:00]
Hybrid approaches to study rapamycin-insensitive TOR Complex 2	
Robbie J. Loewith (Department of Molecular Biology / National Centre for Excellence in Research in Chemical Biology / iGE3 - Institute for Genetics, Genomics of Geneva)	

2AS13-2 **[9:24]**
Novel molecular mechanism involved in TORC1 activation

 Hirofumi Uka², Yasuhiro Araki¹, Shintaro Kira¹, Feike Hao¹, **Takeshi Noda**^{1,2} (¹Grad. Sch. Dentistry, Osaka Univ., ²Grad. Sch. Frontier BioScience, Osaka Univ.)

2AS13-3 **[9:42]**
Characterization of the Gtr/Rag-independent and glutamine-responsive TORC1 activation mechanism in yeast

Tatsuya Maeda, Mirai Tanigawa (Inst. of Mol. Cell. Biosci., Univ. of Tokyo)

2AS13-4 (2P-0386) **[10:00]**
Analysis of amino acids-induced mTORC1 activation through intracellular calcium rise

Nao Nakamura, Terunao Takahara, Hideki Shibata, Masatoshi Maki (Dept. Appl. Mol. Biosci., Grad. Sch. Bioagric. Sci. Nagoya Univ.)

2AS13-5 **[10:13]**
Protein aggregates induce autophagy via the TORC1 pathway

 Takashi Ushimaru^{1,2}, Kazuki Suda¹, Muhammad Waliullah Talukdar², Atsuki Kaneko¹ (¹Fac. of Science, Shizuoka Univ., ²Grad. Sch. of Sci. and Tech, Shizuoka Univ.)

2AS13-6 (2P-0388) **[10:31]**
Glucose deprivation-induced primary cilium formation through mTOR inactivation

Kengo Takahashi, Tomoaki Nagai, Kensaku Mizuno (Grad. Sch. Life Sci., Tohoku Univ.)

2AS13-7 (3P-0647) **[10:44]**
The role of mTOR in TLR3 responses

 Ryota Sato¹, Shin-Ichiro Saitoh¹, Takuma Shibata¹, Ryutarō Fukui¹, Yusuke Murakami¹, Akihisa Kato², Jun Arii², Yasushi Kawaguchi², Kensuke Miyake¹ (¹Division of Innate Immunity, Department of Microbiology and Immunology, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo, ²Division of Molecular Virology, Department of Microbiology and Immunology, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo)

2AS13-8 **[10:57]**
Roles of Lamtor1 in Immunity and Intracellular Cholesterol Metabolism

Tetsuya Kimura (Dept. of Resp. Med. and Rheumatic Dis., Grad. Sch. of Med., Osaka Univ.)

2AS14 第14会場(4階418) **9:00-11:15 [J/E]**
in situ構造生物学による真核細胞内蛋白質の動態研究の新展開

オーガナイザー：伊藤 隆(首都大学東京)

木川 隆則(理研・QBiC)

2AS14-1 **[9:00]**
Structure and dynamics analyses of proteins in cellular environment with advanced stable-isotope labeling

Takanori Kigawa (RIKEN QBiC / Dept. of Comp. Sci., Sch. of Comp., Tokyo Tech. / JST CREST)

2AS14-2 **[9:15]**
Theoretical Study of the Influence of Cellular Crowding on the Dynamics and Interactions of Proteins

 Isseki Yu¹, Po-hung Wang¹, Takaharu Mori¹, Tadasi Ando², Ryuhei Harada³, Jaewoon Jung³, Michael Feig⁴, Yuji Sugita^{1,2,3} (¹RIKEN, ²RIKEN QBiC, ³RIKEN AICS, ⁴Michigan State University)

2AS14-3 **[9:35]**
High-resolution imaging by using optically-detected magnetic resonance

Masahiro Shirakawa (Dept. of Mol. Eng., Grad. Sch. of Eng., Kyoto Univ.)

2AS14-4 **[9:55]**
Effects of cellular cytoplasm on kinetic reactions.

Kazuhiro Aoki (OIB, Div. of Quantitative Biology)

2AS14-5 (1P-0721) **[10:15]**
天然変性領域に保存されたALS関連変異を持つTDP-43の生細胞内構造変化と凝集性の解析

 北村 朗¹, 油野 祥子^{1,2}, 柴崎 愛^{1,2}, 竹田 佳世^{1,2}, 顔 総子^{1,3}, 大浦 真^{1,2}, 山本 条太郎¹, 金城 政孝¹ (¹北大・先端生命・細胞機能, ²北大・院・生命, ³北大・理・高分子)

2AS14-6 [10:30]**Cellular structural biology of the Parkinson's disease protein alpha synuclein**

Andres Binolfi^{1,2}, Francois-Xavier Theillet¹, Antonio Limatola^{1,3}, Beata Bekei¹, Andrea Martorana⁴, Honor M. Rose¹, Jonas Kosten¹, Silvia Verzini¹, Marcel Stuiver¹, Marleen van Rossum¹, Daniella Goldfarb⁴, Philipp Selenko¹ (¹Dept. NMR-supported Struct. Biol., In-cell NMR Lab, FMP-Berlin, ²Struct. Biol. and Biophys., IIDEFAR-CONICET, LMPbioR-UNR, ³Dept. of Pharm., University of Naples Federico II, ⁴Dept. Chem. Phys. Weizmann Inst. of Sci.)

2AS14-7 [11:00]**Protein structure determination in living eukaryotic cells by in-cell NMR spectroscopy**

Yutaka Ito^{1,2}, Takashi Tanaka^{1,2}, Hajime Kamoshida^{1,2}, Jin Inoue^{1,2}, Masaki Mishima^{1,2}, Peter Guentert³, Teppei Ikeya^{1,2} (¹Dept. of Chem. Tokyo Metropolitan Univ., ²CREST, JST, ³Inst. of Biophys. Chem., Goethe Univ. Frankfurt)

2AS15 第15会場(4階 419) 9:00-11:15 [J]**シグナル伝達における時間情報のコーディングシステム**

オーガナイザー：富田 太郎(東邦大・医・統合生理)
国田 勝行(東京大学)

Introduction [9:00]

富田 太郎(東邦大・医・統合生理)

2AS15-1 [9:03]**炎症応答のMAPKシグナルにおける時間情報コーディング**

富田 太郎, 山口 君空, 伊藤 雅方, 村上 慎吾, 三上 義礼, 赤羽 悟美(東邦大・医・統合生理)

2AS15-2 (3P-0394) [9:25]**一細胞イメージングによる非古典的NF- κ B活性化経路のダイナミクスと遺伝子発現制御**

関 崇生, 田口 祐, 井上 純一郎(東大・医科研・分子発癌)

2AS15-3 (3P-0560) [9:43]**Instructive Role for Spontaneous Neural Activity in Glomerular Map Formation**

中嶋 藍¹, 伊原 尚樹¹, 池谷 裕二^{1,2}, 竹内 春樹^{1,2}(¹東大・院薬・薬品作用, ²JST・さきがけ, ³脳情報通信融合研究センター)

2AS15-4 [10:01]**光遺伝学による遺伝子発現リズムの細胞間情報伝達機構の解明**

磯村 彰宏(JSTさきがけ / 京都大学ウイルス研究所)

2AS15-5 [10:23]**走化性における適応応答依存的な時間情報コーディング**

澤井 哲(東京大学)

2AS15-6 [10:45]**情報理論的アプローチによる細胞内シグナル伝達の解析**

宇田 新介¹, 黒田 真也²(¹九大・生医研・統合オミクス, ²東大・院理・生物科学)

Conclusion [11:07]

国田 勝行(東京大学)

2AS16 第16会場(5階 501) 9:00-11:15 [J/E]**ユビキチンを中核とした翻訳後修飾による多様な生体調節メカニズム**

オーガナイザー：岩井 一宏(京大・院医・細胞機能制御学)
畠山 鎮次(北大・院医・医化学)

Introduction [9:00]

畠山 鎮次(北大・院医・医化学)

2AS16-1 [9:04]**Regulation of Maintenance DNA methylation by histone ubiquitylation/deubiquitylation circuitry**

Makoto Nakanishi^{1,2}, Atsuya Nishiyama^{1,2}, Luna Yamaguchi²(¹Div. of Cancer Cell Biol. Inst. of Med. Sci., Univ. of Tokyo, ²Dept. of Cell Biol. Grad. Sch. of Med. Sci., Nagoya City Univ.)

2AS16-2 (3P-0384)	[9:25]
ユビキチンリガーゼFbxw7の新規基質候補MyRF (Myelin Regulatory Factor)の同定と解析	
中山 省悟, 弓本 佳苗, 中山 敬一 (九大・生医研・分子医科学)	
2AS16-3	[9:38]
Crucial roles of unexpected interaction between subunits of LUBAC ubiquitin ligase in NF-kappaB and cell death regulation	
Hiroaki Fujita, Satoshi Shimizu, Kazuhiro Iwai (Dept. of Mol. Cell. Physiol., Grad. Sch. of Med., Univ. of Kyoto)	
2AS16-4 (3P-0386)	[9:59]
急性骨髄性白血病に効果を示す新規のセレブロンモジュレーター	
伊藤 拓水 ^{1,2} , 半田 宏 ¹ (東京医大・ナノ粒子, ² JSTさきがけ)	
2AS16-5	[10:12]
Quantitative analysis of the branched ubiquitin chains	
Fumiaki Ohtake, Yasushi Saeki, Keiji Tanaka (Tokyo Met. Inst. Med. Sci.)	
2AS16-6	[10:33]
The E3 ubiquitin ligase TRIM23 regulates adipocyte differentiation via stabilization of the adipogenic activator PPAR γ	
Masashi Watanabe, Hidehisa Takahashi, Shigetsugu Hatakeyama (Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Med., Hokkaido Univ.)	
2AS16-7	[10:54]
Identification of molecules involved in Nrf1 activation in response to proteasome inhibition	
Shigeo Murata (Grad. Sch. of Pharm. Sci., Univ. of Tokyo)	
2AS17 Room 17 (5F 502)	9:00-11:15 [E]
Unidentified functions of the genome	
Organizer : Fumitoshi Ishino (Med. Res. Inst., Tokyo Med. and Dent. Univ.)	
Introduction	[9:00]
Fumitoshi Ishino (Med. Res. Inst., Tokyo Med. and Dent. Univ.)	
2AS17-1	[9:03]
Coding potential of functional proteins in the mammalian 5'UTRs	
Yasunori Aizawa (Cent. for Bio. Res. & Info., Tokyo Tech. / Sch. of Bio. Sci. & Bio. Tech., Tokyo Tech.)	
2AS17-2	[9:25]
Amplification of tandem repeat DNA may be responsible for a rapid shift from diurnality to nocturnality in a primate taxon	
Akihiko Koga ¹ , Hideyuki Tanabe ² , Hirohisa Hirai ¹ (Primate Inst., Kyoto Univ., ² Sch. Adv. Sci., SOKENDAI)	
2AS17-3	[9:47]
Retrotransposition of L1 in mouse hippocampus influenced by environmental stress	
Yukihito Ishizaka, Mikako Ueno (National Medical Center for Global Health and Medicine)	
2AS17-4	[10:09]
A domesticated CACTA transposon, Adote, in Arabidopsis thaliana	
Kyung-Cheul Park ¹ , Nam-Soo Kim ² (Department of Agriculture and Life Industry, Kangwon National University, Korea, ² Department of Molecular Bioscience, Kangwon National University, Korea)	
2AS17-5	[10:31]
Mammalian evolution by gene acquisition from retrotransposons	
Fumitoshi Ishino ¹ , Tomoko Kaneko-Ishino ² (Med. Res. Inst., Tokyo Med. and Dent. Univ., ² Sch. of Health Sci., Tokai Univ.)	
2AS17-6	[10:53]
Transcription Profile and Prospective Function of Non-retroviral RNA Virus-Derived Elements in Mammalian Genomes	
Keizo Tomonaga (IVR, Kyoto Univ.)	

2AS18	Room 18 (5F 503)	9:00-11:15 [E]
Chromosome architecture and function		
Organizer : Tatsuo Fukagawa (Grad. Front. Bio., Osaka Univ.)		
Introduction		[9:00]
Tatsuo Fukagawa (Grad. Front. Bio., Osaka Univ.)		
2AS18-1		[9:03]
Molecular architecture of the kinetochore in vertebrates		
Tatsuo Fukagawa (Grad. Front. Bio., Osaka Univ.)		
2AS18-2		[9:25]
The force-generating capacity of disassembling microtubules		
Charles L. Asbury ¹ , Jonathan W. Driver ¹ , Elisabeth A. Geyer ² , Megan Bailey ¹ , Luke M. Rice ² (¹ University of Washington, Seattle, ² University of Texas, Southwestern, Dallas)		
2AS18-3		[9:47]
Reconstitution of regulated microtubule polymerisation dynamics		
Gohta Goshima (Div. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Nagoya Univ.)		
2AS18-4		[10:09]
Cohesin loader regulates transcription		
Masashige Bando ^{1,2} , Kazuhiro Akiyama ^{1,2} , Yuki Katou ^{1,2} , Ryuichiro Nakato ^{1,2} , Katsuhiko Shirahige ^{1,2} (¹ IMCB, Univ. of Tokyo, ² CREST)		
2AS18-5		[10:31]
RNA dependent stabilization of SUV39H1 at constitutive heterochromatin		
Whitney Johnson, William Yewdell, Jason Bell, Aaron F. Straight (Stanford University Department of Biochemistry)		
2AS18-6		[10:53]
Molecular mechanism of chromosomal DNA replication in eukaryotes		
Hiroyuki Araki ^{1,3} , Nishiho Makino ^{1,3} , Masaru Yagura ¹ , Shizuko Endo ¹ , Sachiko Muramatsu ¹ , Hiroshi Itou ² , Kohji Hizume ^{1,3} , Seiji Tanaka ^{1,3} (¹ Div. Micro. Genet., Natl. Inst. Genet., ² Str. Biol., Natl. Inst. Genet., ³ Dept. Genet., SOKENDAI)		
2AS19	第19会場(5階 511+512)	9:00-11:15 [J/E]
核内受容体バイオロジー		
オーガナイザー：今井 祐記(愛媛大・プロテオ・病態生理解析) 清水 宣明(東大・医科研・附属病院)		
Introduction		[9:00]
今井 祐記(愛媛大・プロテオ・病態生理解析)		
2AS19-1		[9:01]
骨格筋グルココルチコイド受容体を介した個体レベルの脂質代謝制御		
清水 宣明, 田中 廣壽(東大・医科研・附属病院)		
2AS19-2		[9:23]
核内受容体ERRgammaによる膵beta細胞における機能的代謝成熟化		
吉原 栄治, Wei Zong, Lin Chun Shi, Fang Sungsoon, Ahmadian Maryam, 木田 泰之, Tseng Tiffany, Dai Yang, Yu Ruth, Liddle Christopher, Atkins Annette, Dowens Michael, Evans Ronald (米国ソーク研究所)		
2AS19-3	(2P-0762)	[9:45]
Effect of K-877, a novel selective PPARα modulator (SPPARMα), on Non-Alcoholic Steatohepatitis (NASH) Model Mice		
Yusuke Sasaki ^{1,4} , Toshiya Tanaka ^{1,2} , Masato Asahiyama ⁴ , Kaori Ikeda-Kitani ^{1,2} , Takeshi Inagaki ^{2,3} , Juro Sakai ^{2,3} , Tatsuhiko Kodama ¹ (¹ LSBM, RCAST, Univ. of Tokyo, ² TSBMI, Univ. of Tokyo, ³ Dept. of Metab. Med., RCAST, Univ. of Tokyo, ⁴ Kowa Company, Ltd.)		

2AS19-4 **[10:07]**
核内受容体Ad4BP/SF-1によるステロイドホルモン産生の全制御

馬場 崇¹, 大竹 博之¹, 井上 実紀¹, 佐藤 哲也², 石原 康宏³, 宮林 香奈子¹, 嶋 雄一¹, 山崎 岳³, 須山 幹太², Choi Man-Ho⁴, 大川 恭行⁵, 諸橋 憲一郎¹ (1)九大・院医・性差生物学, (2)九大・生医研・情報生物学, (3)九大・院総合科学, (4)Div. of Life Sci. Res., Korea Inst. of Sci. and Tech., (5)九大・生医研・トランスクリプトミクス)

2AS19-5 **[10:29]**
アンドロゲンによる骨格筋増強機構の解明

榎原 伊織, 清水 宣明¹, 上住 聡芳², 深田 宗一郎¹, 田中 廣壽², 今井 祐記¹ (1)愛媛大・プロテオ・病態生理解析, (2)東大・医科研・アレルギー免疫, (3)藤田保健・総合医・難病治療, (4)阪大・院薬・細胞生理)

2AS19-6 **[10:51]**
ROR γ T異常による原発性免疫不全症

岡田 賢 (広島大学大学院 医師薬保健学研究院 小児科学 / St. Giles Laboratory of Human Genetics of Infectious Diseases, The Rockefeller Univ.)

Conclusion **[11:13]**

清水 宣明 (東大・医科研・附属病院)

2PS1 第1会場(1階 メインホール) **13:00-15:15 [J]**
全細胞解析が拓くマイノリティ細胞研究

オーガナイザー：上田 泰己 (東大・医学系研究科 / 理研・QBiC)

Introduction **[13:00]**

永井 健治 (阪大・産研)

2PS1-1 **[13:05]**
マイノリティ細胞の可視化に資する超解像生理機能イメージング法の開発

永井 健治 (阪大・産研)

2PS1-2 **[13:30]**
全細胞解析を可能とする神経細胞内在性グルタミン酸受容体の可視化法の開発

清中 茂樹 (京大・院工)

2PS1-3 **[13:55]**
マイノリティ細胞を彫りだすデータ科学

小松崎 民樹 (北大・電子研・社会創造数学センタ)

2PS1-4 **[14:20]**
マイノリティ細胞の同定と解析による自己およびがんに対する免疫制御機構の解明

岡崎 一美, 清水 謙次, 岡崎 拓 (徳島大学先端酵素学研究所免疫制御学分野)

2PS1-5 **[14:45]**
個体レベルのシステム生物学に向けて～全脳・全身透明化による全細胞解析の実現～

上田 泰己 (東大・医学系研究科 / 理研・QBiC)

Conclusion **[15:10]**

上田 泰己 (東大・医学系研究科 / 理研・QBiC)

2PS2 第2会場(2階 211+212) **13:00-15:15 [J]**
ほどく、ひきぬく、あるく：AAA+ATPaseの作動原理

オーガナイザー：江崎 雅俊 (熊大・発生研・分子細胞制御 / JST・CREST)
森戸 大介 (京産大・タンパク研)

Introduction **[13:00]**

江崎 雅俊 (熊大・発生研・分子細胞制御 / JST・CREST)

2PS2-1 **[13:02]**
Cdc48/p97-Rad23軸がプロテアソーム分解の主要経路である

佐伯 泰 (都医学研・蛋白質代謝)

2PS2-2	[13:21]
多機能AAAタンパク質Cdc48はいかにして基質タンパク質に作用するのか?	
江崎 雅俊 ^{1,2} , Md. Tanvir Islam ^{1,3} , 小椋 光 ^{1,2,3} (¹ 熊大・発生研・分子細胞制御, ² JST・CREST, ³ 熊大・HIGOプログラム)	
2PS2-3	[13:40]
凝集体をほどくAAA+シャペロンClpBの作動原理	
渡辺 洋平 ^{1,2,3} , 内橋 貴之 ⁴ , 安藤 敏夫 ⁴ , 飯野 亮太 ⁵ , 林 清夏 ² , 中崎 洋介 ¹ , 鍵井 桂 ¹ (¹ 甲南大・理工・生物, ² 甲南大・院自・生物, ³ 甲南大・統合ニューロ, ⁴ 金沢大・理工・数物科学, ⁵ 岡崎統合バイオ・分子研)	
2PS2-4 (1P-0056)	[13:59]
AAA+プロテアーゼLonの分子メカニズム	
西井 亘 ¹ , 新野 睦子 ² , 寺田 貴帆 ¹ , 白水 美香子 ² , 村松 知成 ¹ , 仙石 徹 ¹ , 藤井 佳史 ¹ , 横山 茂之 ¹ (¹ 理研・構造生物, ² 理研・CLST)	
2PS2-5	[14:18]
細胞中心方向への輸送エンジン—AAA+型分子モーター「ダイニン」の構造と作動機構	
昆 隆英(阪大・院理・生物科学)	
2PS2-6	[14:37]
膜結合型AAAプロテアーゼから変貌を遂げた葉緑体の蛋白質輸送モーター	
中井 正人(阪大・蛋白研)	
2PS2-7	[14:56]
モヤモヤ病AAA+ ATPアーゼミステリンの構造と機能	
森戸 大介 ¹ , 永田 和宏 ^{1,2} (¹ 京産大・タンパク研, ² 京産大・総合生命)	
2PS3 第3会場(3階 301)	13:00-15:15 [J]
最先端の化学と生物学のミックス	
オーガナイザー: 東山 哲也(名大・ITbM)	
Introduction	[13:00]
東山 哲也(名大・ITbM)	
2PS3-1	[13:05]
細胞を操る合成化合物	
上杉 志成(京大・WPI-iCeMS・ケミカルバイオロジー)	
2PS3-2	[13:28]
Turn-ON蛍光アフィニティーラベル化法	
袖岡 幹子(理化学研究所)	
2PS3-3	[13:51]
低分子化合物による再生医療の実現	
萩原 正敏(京大・院医・形態形成)	
2PS3-4	[14:14]
合成化学と植物科学・時間生物学の融合で価値ある分子を	
伊丹 健一郎(名大・ITbM)	
2PS3-5	[14:37]
種の壁を超える分子	
東山 哲也(名大・ITbM)	
総合討論	[15:00]

2PS4	第4会場(3階 302)	13:00-15:15 [J]
宿主-マイクロバイオータ相互作用		
オーガナイザー: 本田 賢也(慶應義塾大学)		
2PS4-1		[13:00]
難治性消化管疾患に対する糞便微生物移植の臨床的有効性の検討		
南木 康作 ¹ , 水野 慎大 ¹ , 正岡 建洋 ¹ , 服部 正平 ² , 金井 隆典 ¹ (¹ 慶應医・消化器内科, ² 早大・理工学術院・先進理工学研究所)		
2PS4-2		[13:22]
腸内細菌叢異常と肝臓		
飯田 宗穂(金沢大・医・革新)		
2PS4-3		[13:45]
多発性硬化症モデルマウスにおける腸内細菌の役割		
宮内 栄治, 大野 博司(理研・IMS)		
2PS4-4		[14:07]
マイクロバイオータ由来の代謝物による免疫バリア制御		
長谷 耕二(慶應大・院薬・生化学)		
2PS4-5		[14:30]
消化管の絶食-摂食に対する応答とマイクロバイオータ		
土肥 多恵子(国立国際医療研究センター研究所)		
2PS4-6		[14:53]
ショウジョウバエの免疫寛容を介した腸管恒常性維持の分子機構		
柴田 俊生 ^{1,2} , 関原 早苗 ¹ , 藤川 匠 ³ , 横 光輝 ³ , 宮地 隆太 ³ , 石原 健 ¹ , 小柴 琢己 ¹ , 川畑 俊一郎 ¹ (¹ 九大院・理・生物学, ² 九大院・高等研究, ³ 九大院・システム生命科学)		
2PS5	第5会場(3階 303)	13:00-15:15 [J]
本当にオモロイ生き物の分子生物学		
オーガナイザー: 三浦 恭子(北大・遺制研) 嘉糠 洋陸(東京慈恵会医科大学)		
2PS5-1		[13:00]
長寿・がん化耐性ハダカデバネズミの分子生物学		
三浦 恭子(北大・遺制研)		
2PS5-2		[13:18]
社会性昆虫アリの行動制御メカニズムの解明		
古藤 日子 ¹ , 本山 直人 ¹ , 田原 拓樹 ¹ , 三浦 正幸 ¹ , Keller Laurent ² (¹ 東大・院薬・遺伝学, ² ローザンヌ大学 生態進化学)		
2PS5-3		[13:36]
マダニの進化: 遺伝子水平伝搬の関与		
岩永 史朗, 油田 正夫(三重大学)		
2PS5-4		[13:54]
ぬるりによるりのせめぎ合い-宿主と寄生虫の粘液な関係		
丸山 治彦(宮崎大・医・感染症)		
2PS5-5		[14:12]
脊椎動物の進化発生学研究における「古代魚」ポリプテルス		
岡部 正隆(慈恵医大・解剖学)		
2PS5-6		[14:30]
食虫植物、ヒメツリガネゴケ、オジギソウ		
長谷部 光泰(基生研・生物進化)		

2PS5-7 (1P-0002) [14:48]

アゲハチョウの食草認識に関わる化学感受容体遺伝子のスプライシングとその役割

尾崎 克久¹, 小寺 正明², 武藤 愛³, 龍田 勝輔⁴, 吉川 寛¹(¹JT生命誌研究館, ²東工大, ³奈良先端大, ⁴佐賀大)

2PS5-8 (2P-0779) [14:57]

ネコ特異的な腎疾患自己治癒機構の欠損

杉澤 良一, 松岡 茂, 平本 絵美莉, 新井 郷子, 宮崎 徹(東大・院医・分子病態医学)

2PS5-9 (1P-0005) [15:06]

毒蛇ハブ(*Protobothrops flavoviridis*)の全ゲノム配列決定から明らかになった毒液関連遺伝子群の多重化および加速進化と染色体構造との関係

柴田 弘紀^{1,2}, 千々岩 崇仁³, 上田 直子⁴, 中村 仁美⁵, 山口 和晃³, 服部 正策⁶, 松原 和純⁶, 松田 洋一⁷, 森 一樹², 田代 康介², 久原 哲², 山崎 慎一⁸, 藤江 学⁸, 後藤 大輝⁸, 小柳 亮⁸, Ken Baughman⁹, 久田 香奈子⁹, 服巻 保幸¹, 大野 素徳³, 将口 栄一⁹, 佐藤 矩行⁹, 小川 智久¹⁰(¹九大・生医研・ゲノミクス, ²九大・院システム生命, ³崇城大・生物生命, ⁴崇城大・薬学, ⁵東大・医科研, ⁶名市大・院システム自然科学, ⁷名大・院生命農学, ⁸OIST・DNA シーケンシングセクション, ⁹OIST・マリンゲノミクスユニット, ¹⁰東北大・生命科学)

2PS6 第6会場(3階 304) 13:00-15:15 [J]

ゲノミクス、エピゲノミクス、インフォマティクスによるシス配列制御とその進化過程の解明

オーガナイザー：一柳 健司(名大院・生命農学)
岡田 典弘(国際科学振興財団)

Introduction [13:00]

一柳 健司(名大院・生命農学)

2PS6-1 [13:03]

tRNA, SINEs と CTCF, その機能と進化的連関

岡田 典弘(国際科学振興財団)

2PS6-2 (1P-0106) [13:26]

遺伝子共発現ネットワークにおける遺伝子の進化的起源の重要性

青木 裕一¹, 大林 武¹, 木下 賢吾^{1,2,3}(¹東北大・院・情報科学, ²東北大・加齢研, ³東北メディカル・メガバンク機構)

2PS6-3 [13:44]

ヒトとマウスの遺伝子発現制御に係わる配列を用いた遺伝子ネットワークの比較解析

宮崎 智(東京理科大学)

2PS6-4 [14:07]

哺乳類Dlx遺伝子クラスターにおけるシス制御因子の機能解析と進化

隅山 健太(理研QBiC)

2PS6-5 [14:30]

ゲノム倍加後のコード配列進化におけるエンハンサー減衰変異の促進的役割

荻野 肇¹, 越智 陽城², 川口 茜¹(¹長浜バイオ大・アニマルバイオ, ²山形大・医)

2PS6-6 [14:53]

霊長類のエピゲノム進化におけるシス制御配列やトランスポゾン配列の役割

福田 湊¹, 一柳 健司²(¹理研・和光, ²名大院・生命農学)

Conclusion [15:13]

岡田 典弘(国際科学振興財団)

2PS7 Room 7 (3F 311+312) 13:00-15:15 [E]

Cell fate regulation orchestrated by ribonucleoprotein macromolecular complex

Organizers : Reiko Sugiura (Lab. of Mol. Pharmacogen. Grad. Sch. of Pharm. Sci. Kindai Univ.)
Shinichi Nakagawa (RNA Biol., Facult. Pharm., Hokkaido Univ.)

Introduction [13:00]

Shinichi Nakagawa (RNA Biol., Facult. Pharm., Hokkaido Univ.)

2PS7-1	[13:03]
Observation of nuclear bodies using super-resolution microscopy Shinichi Nakagawa (RNA Biol, Facult. Pharm., Hokkaido Univ.)	
2PS7-2	[13:14]
Diverse biology of tRNA-derived small non-coding RNAs Shawn Lyons, Chris Achorn, Nancy Kedersha, Pavel Ivanov, Paul Anderson (Division of Rheumatology, Brigham and Women's Hospital)	
2PS7-3 (2P-0231)	[13:44]
The novel function of SatIII lncRNA and nuclear stress body in recovery phase from stresses. Kensuke Ninomiya, Mahmoud Khamis Aly, Tetsuro Hirose (RNA biofunction, IGM, Hokkaido Univ.)	
2PS7-4 (2P-0455)	[13:57]
The nucleolus and plant-specific nuclear protein complex AS1-AS2 play a critical role in establishment of the dorso-ventral polarity of <i>Arabidopsis</i> leaves Yasunori Machida ¹ , Yoko Matsumura ¹ , Iwai Ohbayashi ² , Hiroo Takahashi ³ , Shoko Kojima ⁴ , Ayami Nakagawa ⁴ , Sumie Keta ⁴ , Rika Hayashi ¹ , Munetaka Sugiyama ² , Kenzo Nakamura ⁴ , Chiyoko Machida ¹ (¹ Div. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Nagoya Univ., ² Botanical Gardens, Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo, ³ Grad. Sch. of Horticult., Chiba Univ., ⁴ Grad. Sch. of Bio., Chubu Univ.)	
2PS7-5	[14:10]
Multilayered regulation of meiotic gene expression by the YTH family RNA-binding protein Mmi1 in fission yeast Akira Yamashita (National Institute for Basic Biology)	
2PS7-6	[14:28]
RNA granules: Signaling hubs and therapeutic targets for cancer therapy Ryosuke Satoh, Ayako Kita, Kanako Hagihara, Reiko Sugiura (Lab. of Mol. Pharmacogen. Grad. Sch. of Pharm. Sci. Kindai Univ.)	
2PS7-7 (2P-0240)	[14:43]
Hyper-activation of nonsense-mediated mRNA decay in fragile X mental retardation protein-depleted cells Tatsuaki Kurosaki ^{1,3} , Chris Proschel ² , Lynne E. Maquat ^{1,3} (¹ Dept. of Biochem. & Biophys., Sch. of Med. & Dent., Univ. of Rochester, ² Dept. of Biomed. Genet., Sch. of Med. & Dent., Univ. of Rochester, ³ Center of RNA Biol., Univ. of Rochester)	
2PS7-8	[14:56]
The CCR-NOT deadenylase: its roles in controlling cells' survival and differentiation in various biological systems Tadashi Yamamoto ^{1,2} , Taku Kureha ¹ , Dina Mostafa ¹ , Hemanta Sarmah ¹ , Akinori Takahashi ¹ , Toru Suzuki ¹ (¹ Cell Sgnl. U., OIST Grad. Univ., ² RIKEN, Intg. Med. Sci. Res. Cntr.)	
Conclusion	[15:14]
Reiko Sugiura (Lab. of Mol. Pharmacogen. Grad. Sch. of Pharm. Sci. Kindai Univ.)	

2PS8 第8会場(3階 313+314) 13:00-15:15 [J]

細胞機能を駆動する局域ダイナミズム

オーガナイザー：前田 裕輔(大阪大学微生物病研究所)
石川 裕之(千葉大・理・生物)

Introduction [13:00]

前田 裕輔(大阪大学微生物病研究所)

2PS8-1 [13:01]

ゴルジ装置の環境ダイナミズムによる機能制御機構の解析

前田 裕輔¹, 奥崎 大介¹, 田中 淳¹, 木下 タロウ^{1,2}(¹大阪大学微生物病研究所, ²大阪大学免疫学フロンティア研究センター)

2PS8-2 (2P-0292) [13:20]

ゴルジ体を介したタンパク質分解システムの発見

荒川 聡子, 山口 啓史, 金関 恵, 清水 重臣(東京医歯大・難研・病態細胞生物学)

2PS8-3	[13:37]
ゴルジ体ストレス応答による糖鎖修飾局域のダイナミックな制御	
吉田 秀郎(兵庫大・院生命)	
2PS8-4	[13:56]
ショウジョウバエ発生におけるゴルジ体キナーゼFour-jointedのリン酸化局域	
石川 裕之, 白石 穂高, 和田 萌, 久保 瑛子, 栗原 優介, 計良 陽子(千葉大・理・生物)	
2PS8-5	[14:12]
新型の翻訳後修飾体「リビトールリン酸」の同定~修飾機序と筋ジストロフィー病態への関与~	
金川 基 ¹ , 小林 千浩 ¹ , 田尻 道子 ² , 萬谷 博 ³ , 久我 敦 ¹ , 山口 芳樹 ⁴ , 和田 芳直 ² , 遠藤 玉夫 ³ , 戸田 達史 ¹ (¹ 神戸大・院医・神経内科/分子脳, ² 大阪母子保健医療セ・研究所・代謝, ³ 東京健康長寿医療セ・研究所・分子機構, ⁴ 理研・グローバル・糖鎖構造生物学)	
2PS8-6	[14:31]
細菌の膜ドメインの細胞内局在とそのストレス応答	
Jennifer M. Hayashi, Julia Puffal, 森田 康裕 (Dept. Microbiol, UMass Amherst)	
2PS8-7	[14:55]
電子線トモグラフィーによる細胞内小器官の3D解析	
西野(林) 美都子(阪大・産研)	
Conclusion	[15:14]
石川 裕之(千葉大・理・生物)	
2PS9	13:00-15:15 [E]
Room 9 (3F 315)	
Molecular basis underlying versatile mitochondria	
Organizers : Koji Okamoto (Osaka University) Norihito Shintani (Osaka University)	
Introduction	[13:00]
Norihito Shintani (Osaka University)	
2PS9-1	[13:05]
A genome wide screening unveils the Mitochondria-Endoplasmic Reticulum contacts machinery	
Luca Scorrano (Venetian Institute of Molecular Medicine, Dept. of Biology, U. of Padua, Italy)	
2PS9-2	[13:35]
Molecular architecture and function of mitochondrial protein entry gate	
Takuya Shiota ¹ , Kenichiro Imai ² , Paul Horton ² , Toshiya Endo ³ , Trevor Lithgow ¹ (¹ Dept. of Microbiol., Monash Univ., ² BRD, AIST, ³ Dept. of LifeSci., Kyoto Sangyo Univ.)	
2PS9-3	[13:55]
Phosphorylated ubiquitin acts as a lighthouse for mitochondrial quality assurance	
Fumika Koyano ¹ , Kei Okatsu ^{1,2} , Hidetaka Kosako ³ , Mayumi Kimura ¹ , Koji Yamano ¹ , Yasushi Saeki ¹ , Erika Seki ⁵ , Nobutaka Arai ⁶ , Keiji Tanaka ^{1,4} , Noriyuki Matsuda ¹ (¹ Ubiquitin Project, TMIMS, ² The Univ. of Tokyo, ³ Fujii Memorial Inst., The Univ. of Tokushima, ⁴ Lab. of Protein Metabolism, TMIMS, ⁵ Center for Med. Res. Coop., TMIMS)	
2PS9-4 (3P-0258)	[14:15]
The Loss of Parkinson's Disease-Associated Protein CHCHD2 Affects Mitochondrial Cristae Structure and Destabilizes Cytochrome c	
Hongrui Meng ¹ , Chikara Yamashita ² , Kahori Shiba ³ , Tsuyoshi Inoshita ³ , Manabu Funayama ¹ , Shigeto Sato ² , Yuzuru Imai ⁴ , Nobutaka Hattori ^{1,2,3,4} (¹ Res. Inst. for Dise. of Old Age, Grad. Sch. of Med., Juntendo Univ., ² Dept. of Neuro., Grad. Sch. of Med., Juntendo Univ., ³ Dept. of Treat. and Res. in Multi. Sclerosis and Neuro-intractable Dise., Grad. Sch. of Med., Juntendo Univ., ⁴ Dept. Res. for Parkinson's Dise., Grad. Sch. of Med., Juntendo Univ.)	
2PS9-5	[14:30]
Proteomic identification of novel substrates for the rhomboid protease PARL in mitochondria	
Shotaro Saita ¹ , Thomas Langer ^{1,2} (¹ Institute for Genetics and CECAD, Univ. of Cologne, Germany, ² CMMC, Univ. of Cologne, Germany)	

2PS9-6 [14:50]
Coordinated Regulation of Mitochondrial Nucleoid Segregation and Mitochondrial DNA Replication with the Cell Cycle

 Taeko Sasaki¹, Kaho Yamada¹, Yoshikatsu Sato², Tetsuya Higashiyama^{1,2}, Narie Sasaki¹ (¹Division of Biological Science, Graduate School of Science, Nagoya Univ., ²WPI・ITbM)

Conclusion [15:10]

Koji Okamoto (Osaka University)

2PS10 第10会場(4階 411+412) 13:00-15:15 [J/E]
バイオイメージングの技術躍進と医学生物学への応用最前線

 オーガナイザー：大嶋 佑介(愛媛大学)
 片桐 崇史(東北大学)

Introduction [13:00]

大嶋 佑介(愛媛大学)

2PS10-1 [13:02]
Novel regulatory mechanisms of osteoclast function, as revealed by combinatorial approaches of functional live-imaging and molecular omics

 Ji-Won Lee¹, Akiyoshi Hoshino², Shunsuke Uehara³, Yasuhiro Kobayashi⁴, Yuuki Imai⁵, Tadahiro Iimura¹ (¹Div. of Bio-Imaging, PROS center, Ehime Univ., ²Dept. Tumor Path., Nagoya Univ., ³Dept. Biochem, Matsumoto Dental Univ., ⁴Div. of Hard Tissue Res., Matsumoto Dental Univ., ⁵Div. of Integrative Pathophysiology, PROS center, Ehime Univ.)

2PS10-2 [13:22]
超解像蛍光顕微鏡によるHER2遺伝子増幅の観察

岡田 昌也, 久保 卓也, 増本 佳那子, 岩永 茂樹(中研・シスメックス)

2PS10-3 [14:2]
自発的に明滅する蛍光色素の開発とライブセル超解像蛍光イメージングへの応用

 宇野 真之介¹, 神谷 真子^{2,3}, 吉原 利忠⁵, 菅原 皓¹, 岡部 弘基^{1,2}, Mehmet Cagatay Tarhan⁴, 藤田 博之⁴, 船津 高志¹, 岡田 康志⁶, 飛田 成史⁵, 浦野 泰照^{1,2,7} (¹東大・院薬, ²東大・院医, ³JST さきがけ, ⁴東大・生産研, ⁵群馬大・理工, ⁶理研・QBiC, ⁷AMED CREST)

2PS10-4 [14:02]
新規微生物型ロドプシンを用いたオプトジェネティクス技術基盤開発

井上 圭一(名工大・院工・生命・応用化学 / JST・さきがけ)

2PS10-5 [14:22]
紫外バイオイメージングにおける試料ダメージの抑制

熊本 康昭(京都府立医科大学 / 大阪大学)

2PS10-6 (3P-0899) [14:42]
非侵襲性3次元デジタルホログラフィ顕微鏡を用いた生細胞の直接観察

 Andres D. Maturana¹, Katsunori Nakagawa², Tomoyasu Saigo², Hideyoshi Horimai³, Taizo Umezaki^{1,5} (¹Grad. Sch. of Bioagr. Sci., Nagoya Univ., ²(株)マクス・シントー, ³豊橋技科大, ⁴名古屋工大院工, ⁵東京大院工)

2PS10-7 (3P-0487) [14:57]
ゼブラフィッシュ成魚の長時間ライブイメージングにより明らかになった血管新生の新たな制御機構

 弓削 進弥^{1,2}, 國田 樹³, 西山 功一³, 望月 直樹², 福原 茂朋^{1,2} (¹日医大・先端研・病態, ²国循・細胞生物, ³熊大・国際先端研)

Conclusion [15:12]

片桐 崇史(東北大学)

2PS11 第11会場(4階413) 13:00-15:15 [J/E]

海洋メタゲノミクス研究の最前線

 オーガナイザー：竹山 春子(早稲田大学)
 五條堀 孝(アブドラ国王科学技術大学/遺伝研/東大/早稲田大)

Introduction [13:00]

五條堀 孝(アブドラ国王科学技術大学/遺伝研/東大/早稲田大)

2PS11-1 [13:10]

紅海における海洋比較メタゲノミクス

峯田 克彦, 五條堀 孝(アブドラ国王科学技術大学)

2PS11-2 [13:25]

東北沿岸海域の内湾性の大船渡湾のメタゲノム解析

渡部 終五(北里大学海洋生命科学部)

2PS11-3 [13:40]

海洋メタゲノム配列データ取得とアーキア解析

 石野 良純¹, 田代 康介¹, 久原 哲¹, 金田 敏枝¹, 今井 奈美子¹, 吉武 和敏², 小林 敬典³, 五條堀 孝¹(¹九大・院農・生命機能,
²日本ソフトウェアマネジメント(株), ³水産総合研究センター, ⁴アブドラ国王科学技術大学)

2PS11-4 [13:55]

サンゴホロバイオント解析とシングルセルメタゲノムへの挑戦

竹山 春子(早稲田大学)

2PS11-5 [14:10]

海洋微生物群集の発現、機能解析

木暮 一啓(東大・大気海洋研・地球表層圏変動研究セ)

2PS11-6 [14:25]

増養殖環境保全のための赤潮モニタリングおよび対策法の高度化

前田 広人, 吉川 毅, 奥西 将之(鹿児島大学水産学部)

2PS11-7 (3P-0006) [14:40]

改良型MAPLEシステムを用いた海洋のメタゲノミクス

 高見 英人¹, 谷口 丈晃², 荒井 渉¹, 竹本 和広³, 浜崎 恒二⁵, 守屋 勇樹⁴, 五斗 進⁶(¹海洋機構, ²東工大・院生命・生命, ³九工大・院情報・情報, ⁴情報システム機構・統合データ, ⁵東大・大気海洋, ⁶京大・化研・バイオインフォ)

2PS11-8 (2P-0898) [14:55]

Classifying metagenomics reads using GenomeSync and Genome Search Toolkit

 Kirill Kryukov¹, Satomi Mitsuhashi¹, Junko S. Takeuchi¹, So Nakagawa¹, Nobuo Watanabe², Shigeaki Inoue², Tadashi Imanishi¹(¹Biomedical Informatics Laboratory, Department of Molecular Life Science, Division of Basic Medical Science and Molecular Medicine, Tokai University School of Medicine, ²Department of Emergency and Critical Care Medicine, Tokai University School of Medicine)

Conclusion [15:10]

竹山 春子(早稲田大学)

2PS12 第12会場(4階414+415) 13:00-15:15 [J]

進化細胞生物学：細胞動態の変化はどのように進化を駆動するか

 オーガナイザー：杉本 亜砂子(東北大・生命科学)
 塚谷 裕一(東大・院理・生物科学/自然科学研究機構・岡崎統合バイオ)

2PS12-1 [13:00]

機能の異なる2核をもつテトラヒメナの核膜孔複合体構造と核分化での核膜孔・核膜動態

 岩本 政明¹, 荒神 尚子¹, 小坂田 裕子¹, 森 知栄¹, 長尾 恒治², 小布施 力史², 平岡 泰³, 原口 徳子^{1,3}(¹情報通信研・未来ICT・生物情報, ²北大・生命科学院, ³阪大・生命機能)

2PS12-2 (3P-0448)	[13:20]
分裂酵母を試験管として中心体の進化と形成機構を探る	
伊藤 大一輔, Paulo Duarte, Zita Carvalho-Santos, Miguel Godinho Ferreira, Monica Bettencourt-Dias (Instituto Gulbenkian de Ciencia, Portugal)	
2PS12-3	[13:32]
陸上植物固有のR-SNAREに存在する挿入配列の機能とその起源	
藤本 優 ¹ , 海老根 一生 ² , 石崎 公庸 ³ , 大和 勝幸 ⁴ , 深尾 陽一朗 ⁵ , 植村 知博 ⁶ , 丸山 桃子 ⁶ , 井坂 奈々子 ⁶ , 堤 伸浩 ¹ , 河内 孝之 ⁷ , 中野 明彦 ^{6,8} , 上田 貴志 ^{2,9} (¹ 東大・院・農学生命科学, ² 基生研・細胞動態, ³ 神戸大・院・理, ⁴ 近畿大・生物理工, ⁵ 立命館大・生命, ⁶ 東大・院・理, ⁷ 京大・院・生命, ⁸ 理研・光子工学, ⁹ JST・さきがけ)	
2PS12-4	[13:52]
植物の葉原基における細胞動態	
塚谷 裕一(東大・院理・生物科学 / 自然科学研究機構・岡崎統合バイオ)	
2PS12-5 (2P-0454)	[14:12]
メリステム相転換を制御するイネTAWAWA1遺伝子に関する進化発生生物学的解析	
橋本 悟史 ¹ , 徳永 浩樹 ² , 塚本 成幸 ³ , 高見 英幸 ³ , 嶋村 正樹 ⁴ , 吉田 明希子 ² , 石崎 公庸 ⁵ , 西浜 竜一 ⁵ , 河内 孝之 ⁵ , 経塚 淳子 ¹ (¹ 東北大・院・生命科学, ² 理研・CSRS, ³ 神戸大・院・理, ⁴ 広島大・院・理, ⁵ 京都大・院・生命科学)	
2PS12-6	[14:24]
進化細胞生物学のモデル系としての線虫	
杉本 重砂子(東北大・生命科学)	
2PS12-7 (1P-0468)	[14:43]
皮膚表皮顆粒層細胞動態から明らかにする陸上脊椎動物の気相環境への適応進化機構	
松井 毅 ¹ , 白井 景子 ^{1,2} , 葛野 菜々子 ¹ , 古市 祐樹 ^{1,3} , 平林 愛 ¹ , 天谷 雅行 ^{1,3} (¹ 理研・IMS・皮膚恒常性, ² 慶應大・薬, ³ 慶應大・医・皮膚科)	
2PS12-8	[14:55]
ヒレから四肢への進化を考える進化細胞生物学	
田村 宏治(東北大・院生命)	
<hr/>	
2PS13 Room 13 (4F 416+417)	13:00-15:15 [E]
Epithelial Mesenchymal Interaction in Development and Disease	
Organizers : Masao Saitoh (University of Yamanashi) Guojun Sheng (Kumamoto University・IRCMS)	
2PS13-1	[13:00]
Androgen and local signal interaction for mouse sexual differentiation	
Gen Yamada (Inst Adv Med, Wakayama Med Univ)	
2PS13-2 (2P-0553)	[13:25]
Aberrant planar spindle orientation induces cellular plasticity and EMT-like effects	
Yuichiro Nakajima ¹ , Christopher Seidel ² , Matthew C. Gibson ² (¹ FRIS, Tohoku Univ., ² SIMR, USA)	
2PS13-3	[13:40]
EMT and MET during tail formation	
Yoshiko Takahashi (Dept. of Zoology, Grad. Sch. of Sci., Kyoto Univ.)	
2PS13-4 (1P-0623)	[14:10]
Epithelial Mesenchymal Transition (EMT), Molecular Chaperone Expression, and Oncogenic Signals are Regulated by MZF1 and SCAND1	
Takanori Eguchi ^{1,2,3} , Benjamin J Lang ¹ , Thomas L Prince ^{1,4} , Chiharu Sogawa ² , Yuka Okusha ² , Stuart K Calderwood ¹ (¹ BIDMC, Harvard Med School, Dept of Radiation Oncology, ² Okayama Univ Grad Sch of Med Dent & Pharmaceutical Sciences, ³ Okayama Univ Dent Sch, ARCOCS, ⁴ NCI)	
2PS13-5	[14:25]
Tumor malignancy promoted by carcinoma-associated fibroblasts	
Akira Orimo (Department of Molecular Pathogenesis, Juntendo University Faculty of Medicine)	

2PS13-6 [14:50]
Interaction between carcinoma cells and stromal fibroblasts during invasion and metastasis of scirrhous gastric carcinoma

 Hideki Yamaguchi¹, Kazuyoshi Yanagihara², Masakazu Yashiro³, Ryuichi Sakai^{1,2} (Kitasato Univ. Sch. of Med., ²Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ³Osaka City Univ. Grad. Sch. of Med.)

2PS14 Room 14 (4F 418) 13:00-15:15 [E]
New frontier of high-pressure life science

 Organizers : Chiaki Kato (JAMSTEC)
 Kaoru Nakasone (Kinki University)

Introduction [13:00]

Kaoru Nakasone (Kinki University)

2PS14-1 [13:05]
New frontier of high-pressure life science: Is depth at origin really essential for hydrostatic pressure preference? Piezophilic characteristics of bacteria isolated from ambient environments

 Xiao Xiang¹, Yan Wenkai¹, Zhang Yu¹, Bartlett H Douglas² (State Key Laboratory of Ocean Engineering, Shanghai Jiao Tong University, China, ²Scripps Institution of Oceanography, University of California, USA)

2PS14-2 [13:30]
High-pressure microscopy for studying molecular motors in living cells

Masayoshi Nishiyama (The Hakubi Center, Kyoto Univ.)

2PS14-3 [13:50]
High-pressure protein crystallography - study tool of protein functional mechanism -

Nobuhisa Watanabe (SRRC, Nagoya Univ)

2PS14-4 [14:10]
High-energy conformations of proteins are new targets for structural biology

Ryo Kitahara (College of Pharmaceutical Sciences, Ritsumeikan University)

2PS14-5 [14:30]
Probing for dynamic states of yeast nutrient permeases using high hydrostatic pressure

Fumiyo Abe (Aoyama Gakuin Univ.)

2PS14-6 (2P-0048) [14:50]
How are the deep-sea enzymes adapted to the high-pressure environment?

 Chiaki Kato¹, Yuki Hamajima^{1,2}, Takayuki Nagae³, Nobuhisa Watanabe³, Eiji Ohmae⁴, Yasuyuki Kato-Yamada² (JAMSTEC, ²Grad. Sch. of Sci., Rikkyo Univ., ³Synchrotron Res. Ctr., Nagoya Univ., ⁴Grad. Sch. of Sci., Hiroshima Univ.)

Discussion [15:05]
2PS15 Room 15 (4F 419) 13:00-15:15 [J/E]
Notchシグナルによる幹細胞と組織構築の制御
Regulation of stem cell and tissue formation by Notch signaling

 Organizers : Motoo Kitagawa (Chiba University)
 Tomoko Yamakawa (Osaka University)

Introduction [13:00]

Tomoko Yamakawa (Osaka University)

2PS15-1 [13:03]
Notch signaling dynamics during murine morphogenesis

 Hiromi Shimojo¹, Akihiro Isomura², Hiroshi Kori³, Toshiyuki Ohtsuka², Hitoshi Miyachi², Ryoichiro Kageyama^{1,2} (¹iCeMS, Kyoto Univ., ²IVR, Kyoto Univ., ³Dept. of Information Sci., Ochanomizu Univ.)

2PS15-2 [13:17]

Notch signaling and temporal character of neural progenitor cells in mammalian neocortical development

Ayano Kawaguchi (Dept. of Anat. Cell Biol., Grad. Sch. of Med., Univ. of Nagoya)

2PS15-3 (2P-0510) [13:31]

Intrinsic lens potential of neural retina inhibited by Notch signaling as the cause of lens transdifferentiation

 Hideaki Iida¹, Yasuo Ishii², Hisato Kondoh^{1,2} (¹Dept. of Biol. Tech., Grad. Sch. of Eng., Kyoto Sangyo Univ., ²Dept. of Life. Syst., Facu. of Life. Sci., Kyoto Sangyo Univ.)

2PS15-4 [13:45]

Notch signaling controls dendritic complexity of mitral cells

 Yuko Muroyama¹, Motoo Kitagawa², Tetsuichiro Saito¹ (¹Dept. of Dev. Biol., Grad. Sch. of Med., Chiba University, ²Dept. of Mol. Tumor Pathol., Grad. Sch. of Med., Chiba University)

2PS15-5 [13:59]

Jam1a - Jam2a Interaction Facilitates Notch Signal Transduction That Is Required for Hematopoietic Stem Cell Specification

Isao Kobayashi (Fac. of Natl. Syst., Inst. of Sci. and Engr., Kanazawa Univ.)

2PS15-6 [14:13]

Notch mediated-alternative cell fate selection and following directed cell migration coordinate epithelial pattern of branching airways

Mitsuru Morimoto (Lab. for Lung Development, CDB, RIKEN)

2PS15-7 (2P-0501) [14:27]

Contribution of Jagged1/Notch Signaling to Fibrotic Liver Regeneration through Possible Dedifferentiation of Mature Hepatocytes

 Yasuhiro Nakano^{1,2}, Sachie Nakao^{1,2}, Hideaki Sumiyoshi^{1,2}, Kenichiro Mikami^{2,6}, Yuri Tanno², Minako Sueoka², Daigo Kasahara^{1,5}, Hiroshi Kimura³, Tadashi Moro^{1,7}, Akihide Kamiya^{1,5}, Katsuto Hozumi^{1,4}, Yutaka Inagaki^{1,2} (¹Cent. for Matrix Biol. and Med., Grad. Sch. of Med., Tokai Univ., ²Dep. of Regen. Med., Tokai Univ. Sch. of Med., ³Dep. of Mol. Life Sci., Tokai Univ. Sch. of Med., ⁴Dep. of Immunol., Tokai Univ. Sch. of Med., ⁵Dep. of Mech. Eng., Tokai Univ. Sch. of Eng., ⁶Dep. of Gastroenterol. and Hematol., Hiroasaki Univ. Grad. Sch. of Med., ⁷Res. Lab., Minophagen Pharm. Co., Ltd.)

2PS15-8 [14:41]

Promoted HCV derived liver fibrosis and tumorigenesis by abnormal expression of the glycolysis-related gene pyruvate kinase M through the Notch signaling.

Hikari Okada, Masao Honda, Riuta Takabatake, Taro Yamashita, Kazunori Kawaguchi, Shuichi Kaneko (Dept. of System Bio., Grad. Med. Univ. of Kanazawa)

2PS15-9 [14:55]

Vascular development and Dll4-O-GlcNAc-Notch1 axis caused by Adams-Oliver syndrome

 Mitsutaka Ogawa^{1,2}, Shogo Sawaguchi¹, Tetsuya Okajima¹ (¹Dept. of Biochem II, Nagoya Univ. Grad. Sch. of Med., ²JSPS Research Fellow (PD))

Discussion [15:09]

Conclusion [15:13]

Motoo Kitagawa (Chiba University)

2PS16 Room 16 (5F 501) 13:00-15:15 [E]

Integration of leading-edge technologies induces insight into physiology of long noncoding RNA and possibility of therapeutics

 Organizers : Riki Kurokawa (Saitama Medical University RCGM)
 Masato Katahira (Inst. of Advanced Energy, Kyoto Univ.)

Introduction [13:00]

Riki Kurokawa (Saitama Medical University RCGM)

2PS16-1	[13:03]
Elucidation of structure and function of low-molecular weight compounds co-crystallization with RNA binding proteins with in silico analysis	
Riki Kurokawa (Saitama Medical University RCGM)	
2PS16-2	[13:18]
Development of photochemical DNA and RNA manipulation toward for nucleic acid-based drugs	
Kenzo Fujimoto (JAIST)	
2PS16-3	[13:30]
Single Particle Analysis by Cryo-Electron Microscopy and its Application to RNA-binding Complexes	
Kaoru Mitsuoka (UHVEM, Osaka Univ.)	
2PS16-4	[13:42]
Advancement and challenge in the all-atom molecular dynamics simulation for biomolecular systems	
Takefumi Yamashita (University of Tokyo)	
2PS16-5	[13:54]
Integrative Analysis of Transcriptional Regulation of Coding and Non-coding Genes Enabled by reFTSS	
Abugessaisa Imad ¹ , Shuhei Noguchi ¹ , Akira Hasegawa ² , Takeya Kasukawa ¹ (¹ RIKEN Center for Life Science Technologies Division of Genomic Technologies Life Science Accelerator Technology Group Large Scale Data Managing Unit, ² RIKEN Center for Life Science Technologies Division of Genomic Technologies Life Science Accelerator Technology Group Genomics Algorithms Development Unit)	
2PS16-6 (3P-0231)	[14:04]
Biological assessment technique using human induced pluripotent stem cells	
Sayaka Okuda ^{1,2} , Kaoru Nakamura ² , Tomonari Umemura ¹ , Motohide Aoki ¹ , Hidenori Tani ² (¹ Dept. of LS · TUPL, ² EMRI · AIST)	
2PS16-7	[14:12]
Antisense therapy for Fukuyama type congenital muscular dystrophy.	
Mariko Taniguchi-Ikeda ^{1,2} , Kazuhiro Kobayashi ² , Ichiro Morioka ¹ , Kazumoto Iijima ¹ , Tatsushi Toda ² (¹ Dept. of Pediatrics, Grad. Scho. of Med., Univ. of Kobe, ² Dept. of Neurology, Grad. Scho. of Med., Univ. of Kobe)	
2PS16-8 (2P-0004)	[14:24]
A model for lncRNA-chromatin association: Xist/XIST RNA redundantly associates with chromatin through triplex formation	
Yoko Matsuno ¹ , Paul Salvaterra ² , Pieter Borger ³ (¹ Niigata University, Clinical Preventing Medicine, ² City of Hope, Beckman Research Institute, USA, ³ University of Basel, Switzerland)	
2PS16-9 (2P-0685)	[14:34]
Exploration and functional analysis of cellular senescence-associated long non-coding RNAs	
Yuji Iwashita, Masataka Sugimoto, Mitsuo Maruyama (National Center for Geriatrics and Gerontology, Dept. of Mech. of Aging)	
2PS16-10	[14:42]
Identification and functional analysis of a hypoxia-induced long non-coding RNA in cancer	
Wang Xiangting ¹ , Shen Tao ¹ , Cheng Lehua ² , Kong Qingpeng ² (¹ Sch. of Life Sci., Univ. of Science and Technology of China, ² State Key Laboratory of Genetic Resources and Evolution, Kunming Institute of Zoology, the Chinese Academy of Sciences)	
2PS16-11	[14:57]
Structural analysis of the interaction of TLS/FUS with non-coding RNA	
Masato Katahira (Inst. of Advanced Energy, Kyoto Univ.)	
Conclusion	[15:12]
Masato Katahira (Inst. of Advanced Energy, Kyoto Univ.)	

2PS17	第17会場(5階 502)	13:00-15:15 [J]
エピゲノム制御:疾患発症における意義		
オーガナイザー: 小川 佳宏(東医歯大・院医歯・分子内分泌代謝学/九大・院医・病態制御内科学)		
Introduction		[13:00]
小川 佳宏(東医歯大・院医歯・分子内分泌代謝学 / AMED-CREST)		
2PS17-1		[13:03]
エピジェネティクスとエネルギー代謝		
中尾 光善, 日野 信次朗(熊本大・発生研・細胞医学)		
2PS17-2		[13:29]
アルギニンメチル化酵素の役割とその多様性		
深水 昭吉(筑波大学 生命領域学際研究センター)		
2PS17-3		[13:55]
酸化ストレス応答機構KEAP1-NRF2経路による細胞老化制御		
村上 昌平, 本橋 ほづみ(東北大・加齢研・遺伝子発現制御)		
2PS17-4		[14:21]
エピゲノムによる老化誘導		
早野 元詞 ¹ , Luis A. Rajman ¹ , Michael S. Bonkowski ¹ , Sachin Thakur ¹ , Neha Garg ¹ , John Apostolides ² , Sarah Mitchell ³ , Andreas Pfening ² , Jae-Hyun Yang ¹ , Rafael de Cabo ³ , Shelley L. Berger ⁴ , Philipp Oberdoerffer ⁵ , David A. Sinclair ¹ (¹ ハーバード大・院医, ² Carnegie Mellon University, ³ NIA/NIA, ⁴ University of Pennsylvania, ⁵ NCI)		
2PS17-5		[14:47]
糖脂質代謝のエピゲノム制御と機能的意義		
小川 佳宏(東医歯大・院医歯・分子内分泌代謝学 / AMED-CREST)		
Conclusion		[15:13]
小川 佳宏(東医歯大・院医歯・分子内分泌代謝学 / AMED-CREST)		
2PS18	Room 18 (5F 503)	13:00-15:15 [E]
Dawn of "Nucleome" Research		
Organizer: Hiroshi Kimura (Inst. Innov. Res., Tokyo Tech.)		
Introduction		[13:00]
Hiroshi Kimura (Inst. Innov. Res., Tokyo Tech.)		
2PS18-1		[13:03]
Nucleome analysis: transcriptional regulation by chromatin interaction		
Hiroyuki Aburatani, Shuichi Tsutsumi (Genome Science, RCAST, Univ. of Tokyo)		
2PS18-2		[13:23]
Genome architecture mapping: a spatial approach to map chromatin contacts genome-wide		
Ana Pombo (Berlin Institute for Medical Systems Biology, Max Delbrück Center for Molecular Medicine, Berlin, Germany)		
2PS18-3		[13:43]
Genome folding inferred from epigenome		
Shin Fujishiro ^{1,2} , Masaki Sasai ^{1,2} (¹ Dept. of Comp. Sci. Eng. Nagoya Univ., ² Dept. of Appl. Phys., Nagoya Univ.)		
2PS18-4		[14:03]
Replication domain reorganization reflects subnuclear compartment dynamics during embryonic stem cell differentiation		
Ichiro Hiratani (RIKEN CDB)		
2PS18-5		[14:23]
The major chromatin classes blueprint the nuclear architecture		
Irina Solovei (Biozentrum, Munich University)		

2PS18-6	[14:43]
Nucleome analysis of DNA repair	
Satoshi Tashiro (Dept. of Cell. Biol., RIRBM, Hiroshima Univ.)	
2PS18-7	[14:58]
Live cell imaging of histone and RNA polymerase II modifications	
Hiroshi Kimura (Inst. Innov. Res., Tokyo Tech.)	
Conclusion	[15:13]
Hiroshi Kimura (Inst. Innov. Res., Tokyo Tech.)	
<hr/>	
2PS19 Room 19 (5F 511+512)	13:00-15:15 [E]
Between Design Biology and Evolutionary Engineering	
Organizers : Daisuke Kiga (Waseda University) Shin-ichi Yokobori (Tokyo University of Pharmacy and Life Sciences)	
Introduction	[13:00]
Daisuke Kiga (Waseda University)	
2PS19-1	[13:03]
Incorporation of evolutionary information into protein design	
Satoshi Akanuma ¹ , Shin-ichi Yokobori ² , Akihiko Yamagishi ² (¹ Faculty of Hum. Sci., Waseda Univ., ² Dept. of Appl. Life Sci., Tokyo Univ. of Pharm. Life Sci.)	
2PS19-2	[13:25]
Using ancestral sequence reconstruction to characterize primordial enzyme complexes	
Florian Busch, Bernd Reisinger, Josef Sperl, Chitra Rajendran, Kristina Heyn, Alexandra Holinski, Rainer Merkl, Reinhard Sterner (Inst. Biophysics and Phys. Biochemistry, Univ. of Regensburg, Germany)	
2PS19-3	[13:47]
Identification of functional antibodies from antibody phage display library using next generation sequencer.	
Yurie Okawa(Enomoto) ¹ , Yamato Kikkawa ² , Shuhei Umemura ¹ , Aiko Fujiyama ¹ , Ryoko Mieno ¹ , Yukiko Kato ¹ , Dai-ichiro Kato ¹ , Yuji Ito ¹ (¹ Depart. of Chem. and Biosci. Grad. Sch. of Sci. and Eng. Kagoshima Univ., ² Tokyo University of Pharmacy and Life Sciences)	
2PS19-4	[14:09]
Evolutionary engineering and characterization of membrane proteins using liposome display	
Tomoaki Matsuura (Dept. Biotechnol., Grad. Sch. of Eng., Osaka Univ.)	
2PS19-5 (2P-0826)	[14:31]
Solid phase membrane protein synthesis using cell-free protein expression system	
Yoshihiro Sasaki ¹ , Iki Taketani ¹ , Mitsuru Ando ^{1,2} , Shinichi Sawada ^{1,2} , Sada-atsu Mukai ^{1,2} , Kazunari Akiyoshi ^{1,2} (¹ Dept. of Polym. Chem., Grad. Sch. of Eng., Kyoto Univ., ² JST-ERATO)	
2PS19-6	[14:49]
Design strategy to construct synthetic gene circuits working in living cells	
Shotaro Ayukawa (ACLS, Tokyo Tech)	
Discussion	[15:11]

第3日目12月2日(金)

3AS1 第1会場(1階 メインホール) 9:00-11:15 [J]
革新的自動化・AI技術が切り開くライフサイエンスの未来

オーガナイザー：夏目 徹(産総研)

Introduction [9:00]

夏目 徹(産総研)

3AS1-1 [9:05]
革新的自動化・AI技術が切り開くライフサイエンスの未来

夏目 徹(産総研)

3AS1-2 [9:30]
ロボティッククラウドバイオロジー：ラボドロイドの群集化による生命科学研究の加速

 谷内江 望¹, Robotic Biology Consortium, 夏目 徹²(¹東大・先端研・合成生物学, ²産総研・創薬分子)

3AS1-3 [9:55]
生命科学を加速する

高橋 恒一(理研・QBIC)

3AS1-4 [10:20]
ワトソンによるがんゲノム解析

小山 尚彦, Kahn Rhrissorrakrai, Filippo Utro, Laxmi Parida (IBM TJワトソン研究所)

3AS1-5 [10:45]
ノーベル・チューリング・チャレンジ ー人工知能はノーベル賞選考委員会を欺けるか？

北野 宏明(システムバイオロジー研究機構 / 株式会社ソニーコンピュータサイエンス研究所)

Conclusion [11:10]

夏目 徹(産総研)

シンポジウム 第3日目

3AS2 第2会場(2階 211+212) 9:00-11:15 [J]
ちいさな数理の見つけ方

オーガナイザー：白木 琢磨(近大・生物理工)

井倉 毅(京大・放生研・突然変異・クロマチン制御ネットワーク)

Introduction [9:00]

白木 琢磨(近大・生物理工)

3AS2-1 [9:02]
核内受容体タンパク質の数理解析から見たこと

白木 琢磨(近大・生物理工)

3AS2-2 [9:25]
シミュレーションとデータ同化にひそむ「理屈」を理解しよう

伊勢 武史(京大・フィールド研)

3AS2-3 [9:48]
ゲノムストレス応答の多様性を数理的アプローチで理解する

 井倉 毅³, 白木 琢磨¹, 古谷 寛治², 井倉 正枝³(¹近大・生物理工, ²京大・放生研・放射線システム, ³京大・放生研・突然変異・クロマチン制御ネットワーク)

3AS2-4 [10:11]
染色体の局所的-大域的挙動の理論生物学

粟津 暁紀(広大・院理・数理分子 / 広大・クロマチン数理研究拠点)

3AS2-5 (IP-0122) [10:34]
体内時計因子Per2によるp53の複雑な動態制御を解明するための数学的モデルとの協調による実験的アプローチ
 後藤 徹哉¹, Jaekyoung Kim², JingJing Liu¹, Marian Vila-Caballer¹, John Tyson¹, Carla V. Finkielstein¹(¹ヴァージニア
 テック・生物科学, ²KAIST・数理科学)

3AS2-6 (IP-0530) **[10:54]**

競合的結合サイトでリンクしたフィードバックループが哺乳類サーカディアンリズムの振幅を増幅する
 瓜生 耕一郎, 程 肇 (金沢大・理工)

Conclusion **[11:14]**

井倉 毅 (京大・放生研・突然変異・クロマチン制御ネットワーク)

3AS3 Room 3 (3F 301) **9:00-11:15 [E]**

Trade-off between maintenance and evolution of genetic information

Organizer : Kaoru Sugasawa (Biosignal Res. Ctr., Kobe Univ.)

Introduction **[9:00]**

Kaoru Sugasawa (Biosignal Res. Ctr., Kobe Univ.)

3AS3-1 **[9:03]**

Molecular mechanism ensuring accuracy of the nucleotide excision repair system

Kaoru Sugasawa (Biosignal Res. Ctr., Kobe Univ.)

3AS3-2 **[9:24]**

Regulation of base substitution mutagenesis and chromosome recombination induced by 8-oxoguanine accumulated in the genome

Mizuki Ohno², Kunihiro Sakumi¹, Yusaku Nakabeppu¹ (¹Div. Neurofunc. Genomics, Med. Inst. Bioreg., Kyushu Univ., ²Dept. Med. Biophys. & Radiat. Biol., Grad. Sch. Med. Sci., Kyushu Univ.)

3AS3-3 **[9:45]**

Eviction of Ku from single-stranded DSB ends through Tel1/ATM activity is essential to ensure NHEJ fidelity

Miki Shinohara (Genome-chromosome Functions Lab., IPR, Osaka Univ.)

3AS3-4 **[10:06]**

Activation-induced cytidine deaminase (AID) diversifies immunoglobulin gene by regulating topoisomerase 1 (Top1)

Maki Kobayashi, Tasuku Honjo (Dept. of Immunol. & Genomic Med., Grad. Sch. of Med., Kyoto Univ.)

3AS3-5 **[10:27]**

In vitro analysis of interplay between chromatin replication, homology-directed repair, and mismatch repair

Tatsuro Takahashi, Riki Terui, Satomi Oda, Yoshitaka Kawasoe, Takuro Nakagawa, Hisao Masukata (Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ.)

3AS3-6 **[10:48]**

Studies of Leading Strand and Lagging Strand DNA Replication Fidelity

Thomas A. Kunkel (Genome Integrity and Structural Biology Laboratory, NIEHS, NIH, RTP, NC 27709 USA)

Conclusion **[11:12]**

Kaoru Sugasawa (Biosignal Res. Ctr., Kobe Univ.)

3AS4 第4会場(3階 302) **9:00-11:15 [J]**

膜タンパク質の構造ダイナミクスと機能発現

オーガナイザー：濡木 理 (東大・院理・生物科学)

Introduction **[9:00]**

濡木 理 (東大・院理・生物科学)

3AS4-1 **[9:05]**

エンドセリン-1によるエンドセリンB受容体の活性化機構

西澤 知宏¹, 志甫谷 渉², 奥田 明子³, 谷 一寿³, 藤吉 好則³, 濡木 理¹, 土井 知子⁴ (¹東大・院理・生物科学, ²名大・院創薬・基盤創薬, ³名大・細胞生理センター・構造生理, ⁴京大・院理・生物物理)

3AS4-2 **[9:30]**

マイクロチップが実現する膜輸送体の高感度構造機能解析

渡邊 力也 (東京大学大学院工学系研究科応用化学専攻 / 科学技術振興機構 さきがけ)

3AS4-3	[9:55]
脂質膜中での膜タンパク質動的機能構造を明らかにするクライオ電子顕微鏡単粒子解析	
重松 秀樹(理研CLST)	
3AS4-4	[10:20]
フェムト秒X線自由電子レーザーを用いた光化学系IIによる水分解反応の機構解明	
沈 建仁(岡山大・異分野研)	
3AS4-5	[10:45]
SACLAを用いた膜タンパク質の構造ダイナミクス研究	
岩田 想(京大・医・分子細胞情報学)	
Conclusion	[11:10]
岩田 想(京大・医・分子細胞情報学)	

3AS5 第5会場(3階 303) 9:00-11:15 [J]

臓器老化による臓器間ネットワークの破綻を探る

オーガナイザー：稲城 玲子(東大・院医・CKD病態生理学)
南学 正臣(東大・院医・腎臓・内分泌内科)

Introduction [9:00]

稲城 玲子(東大・院医・CKD病態生理学)

3AS5-1 [9:03]

慢性腎臓病と臓器連関

稲城 玲子(東大・院医・CKD病態生理学)

3AS5-2 [9:10]

Activin B/FSTL3 axisによる糖代謝制御機構

植木 浩二郎(国立国際医療研究センター)

3AS5-3 [9:30]

免疫老化と肥満関連疾患

佐野 元昭¹, 白川 公亮¹, 湊 長博²(¹慶應義塾大学医学部, ²京都大学)

3AS5-4 [9:50]

肥満誘導性の腸内細菌代謝物による肝星細胞の細胞老化・SASPと肝がんの促進

羅 智文, 蒲池 史卓, 渡辺 喜洋, 大谷 直子(東京理科大・理工・応用生物)

3AS5-5 [10:10]

臓器連関の視点から俯瞰した骨の老化の新たなメカニズム

佐藤 信吾^{1,2}, 越智 広樹¹, 竹田 秀¹(¹東医歯大 細胞生理, ²東医歯大 整形)

3AS5-6 (1P-0605) [10:30]

ヒト血液メタボライトの多様性と新規老化マーカーの発見

近藤 祥司¹, 照屋 貴之², ハレキツ ロマス², 村上 逸雄¹, 高田 順子², 柳田 充弘²(¹京大・医・高齢者ユニット, 糖尿病内分泌栄養内科, ²沖縄科学技術大学)

3AS5-7 (2P-0676) [10:45]

microRNA-34aによるヒト歯根膜細胞の老化制御

山下 元三, 池上 久仁子, 鈴木 美麻, 柳田 学, 北村 正博, 村上 伸也(阪大・歯病・歯周)

3AS5-8 (2P-0761) [11:00]

肝・骨格筋軸にみた非アルコール性脂肪性肝疾患増悪の機構

田中 宏樹¹, 長谷部 拓夢², 中嶋 駿介², 澤田 康司², 堀岡 希衣², 奥田 勝博¹, 浅利 優¹, 清水 恵子¹, 奥村 勝利¹(¹旭川医大・法医, ²旭川医大・消化器/血液腫瘍制御内科学, ³北大・法医)

3AS6 第6会場(3階 304)	9:00-11:15 [J]
ゲノム編集応用研究の最前線	
オーガナイザー：川原 敦雄(山梨大・院総合・発生生物) 畑田 出穂(群馬大・生調研・ゲノム)	
Introduction	[9:00]
畑田 出穂(群馬大・生調研・ゲノム)	
3AS6-1	[9:03]
ゲノム編集技術を活用したレポーター遺伝子の部位特異的挿入 川原 敦雄(山梨大・院総合・発生生物)	
3AS6-2 (1P-0807)	[9:23]
内性タンパク質をGFPで効率的に標識する新規戦略ースプリット蛍光蛋白質によるタンパク質の多機能標識 関根 清薫 ^{1,2} , 神山 大地 ^{1,4} , Manuel Leonetti ² , Jonathan Weissman ² , Bo Huang ¹ (¹ カリフォルニア大学SF校, ² カリフォルニア大学SF校, ³ 理研CDB, ⁴ ジョージア大学)	
3AS6-3	[9:38]
OCT4再プログラム化を視る -ヒト新型iPS前駆細胞へのゲノム編集技術の応用- 勅使河原 利香 ^{1,2} , 平野 邦生 ¹ , 長田 翔伍 ¹ , Justin Ainscough ³ , 多田 高 ¹ (¹ 京大・再生医学科学研究所・幹細胞加工研究分野, ² 京大・医学研究科, ³ ヨーク大学・生物)	
3AS6-4 (3P-0831)	[9:58]
二重制御CRISPR-Cas9システムを用いたiPS細胞でのゲノム編集効率化 石田 賢太郎 ¹ , 笹川 典子 ¹ , Julia Kudryashev ² , Peter D. Gee ¹ , 徐 淮耕 ¹ , 堀田 秋津 ¹ (¹ 京大 iPS細胞研究所, ² マサチューセッツ工科大学)	
3AS6-5	[10:13]
GONAD法：採卵、顕微注入、胚移植のステップが不要なゲノム編集マウス作製法 大塚 正人 ¹ , 高橋 剛 ² , 三浦 浩美 ³ , 和田 健太 ² , 佐藤 正宏 ¹ (¹ 東海大・医・基礎医学, ² 東京農大・生物産業学, ³ 東海大・医・基盤診療, ⁴ 鹿大・医用ミニブタ)	
3AS6-6	[10:33]
非相同組み込み機構を利用した生体内ゲノム編集技術の開発 鈴木 啓一郎(ソーク研究所・GEL-B)	
3AS6-7	[10:53]
ゲノム編集技術を利用したエビゲノムの書き換え 森田 純代 ¹ , 野口 浩史 ² , 堀居 拓郎 ¹ , 小林 一彦 ³ , 木村 美香 ¹ , 岡村 浩司 ⁴ , 坂井 淳彦 ² , 中嶋 秀行 ² , 秦 健一郎 ³ , 中島 欽一 ² , 畑田 出穂 ¹ (¹ 群馬大・生調研・ゲノム, ² 九州大・医・基盤幹細胞, ³ 国立成育医療セ・周産期病態, ⁴ 国立成育医療セ・システム医学)	
Conclusion	[11:13]
川原 敦雄(山梨大・院総合・発生生物)	

3AS7 第7会場(3階 311+312)	9:00-11:15 [J]
異分野との融合によるRNA生物学の新展開	
オーガナイザー：片岡 直行(東大・院農生科・応用動物) 大谷 美沙都(奈良先端大・バイオ/理研・CSRS)	
Introduction	[9:00]
片岡 直行(東大・院農生科・応用動物)	
3AS7-1	[9:04]
セントロメアncRNAによる染色体動態の制御 牟田園 正敏 ¹ , 長 裕紀子 ¹ , 塚原 千紘 ¹ , 西村 佳菜子 ¹ , 坂本 実鈴 ¹ , 井手上 賢 ¹ , 中山 潤一 ² , 石井 浩二郎 ³ , 荒木 令江 ⁴ , 谷 時雄 ¹ (¹ 熊本大・自然科学, ² 名古屋大・システム自然科学, ³ 大阪大・生命機能, ⁴ 熊本大・生命科学)	

3AS7-2 (2P-0136)	[9:19]
RNAヘリカーゼAquariusはDNA-RNAハイブリッドを解消して相同組換え修復を促進する	
逆井 良 ¹ , 磯野 真由 ² , 若杉 光夫 ³ , 橋本 光正 ⁴ , 砂谷 優実 ¹ , 松井 理 ¹ , 柴田 淳史 ² , 松永 司 ³ , 岩淵 邦芳 ¹ (¹ 金沢医大 医 生化学 I, ² 群馬大 先端科学研究指導者育成ユニット, ³ 金沢大 医薬保研 薬, ⁴ 金沢医大 物理)	
3AS7-3 (2P-0178)	[9:31]
Mettl3は骨格筋分化能の保持に必要である	
工藤 健介 ^{1,2} , 野上 順平 ¹ , 岩崎 健 ^{1,4} , 仙波 雄一郎 ^{1,3} , 前原 一満 ¹ , 原田 哲仁 ¹ , 沖 英次 ² , 前原 喜彦 ² , 大川 恭行 ¹ (¹ 九大・院医・生医研, ² 九大・院医・消化器・総合外科学, ³ 九大・院医・病態修復内科学, ⁴ 九大・院医・形態機能病理学)	
3AS7-4	[9:43]
植物の高い再生能力を支えるRNA代謝制御機構	
大谷 美沙都(奈良先端大・バイオ / 理研・CSRS)	
3AS7-5	[9:58]
昆虫科学・植物病理学・植物遺伝育種学の融合によるRNA農業開発に向けて	
佐藤 豊 ¹ , 吉岡 博文 ² , 新美 輝幸 ³ (¹ 遺伝研, ² 名大・院生農命, ³ 基生研)	
3AS7-6	[10:13]
ヒト遺伝子の「無意味」な配列の「意味」を考えてみよう!	
亀山 俊樹 ¹ , 芳本 玲 ¹ , 福村 和宏 ¹ , 嶋田 誠 ¹ , マリア カリーナ ² , 前田 明 ¹ (¹ 藤田保健衛生大・総医研・遺伝子発現機構学, ² ウイーン天然資源大・応用遺伝/細胞生物学)	
3AS7-7	[10:28]
RNAを含むインスリン受容体基質複合体の新機能	
高橋 伸一郎(東大・院農生科・応用動物科学)	
3AS7-8	[10:43]
スライシング因子変異が引き起こす疾患の解明-骨髄異形成症候群における異常スライシングの解析-	
片岡 直行(東大・院農生科・応用動物)	
3AS7-9	[10:58]
PPR蛋白質を利用したRNA操作ツールの開発	
八木 祐介, 中村 崇裕(九州大・農)	
Conclusion	[11:13]
大谷 美沙都(奈良先端大・バイオ / 理研・CSRS)	
3AS8 第8会場(3階 313+314)	9:00-11:15 [J]
ダウン症遺伝子を科学する。~精神発達遅滞、固形がん、白血病の病態メカニズムを解明する~	
オーガナイザー：石原 慶一(京都薬大・病態生化) 南 敬(熊大・生命科学・生命資源・表現型解析)	
Introduction	[9:00]
石原 慶一(京都薬大・病態生化)	
3AS8-1	[9:03]
造血器悪性腫瘍に対するWnt/β-cateninシグナルを標的とした創薬研究	
芦原 英司(京都薬科大学)	
3AS8-2	[9:25]
Ewing肉腫の発生と悪性化におけるETS融合遺伝子の役割	
中村 卓郎, 田中 美和, 清水 六花(がん研・研・発がん)	
3AS8-3	[9:47]
ダウン症マウスモデル脳の異常表現型と発現変動分子	
石原 慶一(京都薬大・病態生化)	
3AS8-4	[10:06]
ダウン症関連因子DYRK1Aの過剰発現による神経前駆細胞のアストロサイト分化異常	
倉林 伸博, 眞田 佳門(東大・遺伝子)	

3AS8-5	[10:28]
ダウン症関連遺伝子RCAN1は酸化ストレス応答シグナル伝達経路を制御する	
佐藤 亮介 ¹ , 別府 梨沙 ² , 喜多 綾子 ¹ , 石原 慶一 ² , 杉浦 麗子 ¹ (¹ 近畿大・薬・分子医療・ゲノム創薬学, ² 京都薬大・病態生化)	
3AS8-6	[10:50]
ダウン症因子 DSCR-1 による血管恒常性制御と病態～両刃の剣～	
南 敬(熊大・生命科学・生命資源・表現型解析)	
Conclusion	[11:12]
南 敬(熊大・生命科学・生命資源・表現型解析)	
<hr/>	
3AS9 第9会場(3階 315)	9:00-11:15 [J]
ミトコンドリアサイエンスと医学をつなぐ新技術・鍵分子	
オーガナイザー：中田 和人(筑波大・生命環境) 安川 武宏(九大・院医・臨床検査医学)	
Introduction	[9:00]
安川 武宏(九大・院医・臨床検査医学)	
3AS9-1	[9:01]
変異型ミトコンドリアゲノムによる多階層病理	
中田 和人(筑波大・生命環境)	
3AS9-2	[9:19]
ミトコンドリア病の新規バイオマーカー GDF15 ～基礎研究から臨床研究、そして患者へ～	
八ッ賀 秀一, 古賀 靖敏(久留米大学小児科)	
3AS9-3 (3P-0886)	[9:37]
One Carbon代謝を標的とする創薬の加速化	
浅井 歩 ^{1,2} , 小関 準 ¹ , 今野 雅允 ² , 西田 尚弘 ³ , 川本 弘一 ³ , 三代 雅明 ³ , 佐藤 太郎 ² , 土岐 祐一郎 ^{1,2,3} , 森 正樹 ^{1,2,3} , 石井 秀始 ^{1,2} (¹ 阪大・院医・癌創薬プロファイリング学, ² 阪大・院医・先進癌薬物療法開発学, ³ 阪大・院医・消化器外科)	
3AS9-4	[9:51]
ミトコンドリア呼吸鎖異常症の包括的ゲノム解析	
岡崎 康司 ¹ , 村山 圭 ² , 大竹 明 ³ (¹ 埼玉医大・ゲノムセ, ² 千葉県こども・代謝, ³ 埼玉医大・小児)	
3AS9-5	[10:09]
ミトコンドリア機能改善薬 MA-5 によるミトコンドリア異常症の治療	
鈴木 健弘 ^{1,3} , 松橋 徹郎 ² , 阿部 高明 ^{1,3,4} (¹ 東北大学病院 腎高血圧内分泌科, ² 東北大学大学院医学系研究科 小児科学分野, ³ 東北大学大学院医工学研究科 分子病態医学分野, ⁴ 東北大学大学院医学系研究科 病態液性制御学分野)	
3AS9-6 (3P-0293)	[10:27]
超解像G-STED顕微鏡を用いたミトコンドリア呼吸鎖スーパーコンプレックスの可視化	
池谷 真澄 ¹ , 畑 七瀬 ^{1,2} , 石垣 匡也 ^{1,2} , 菅谷 麻希 ³ , 高橋 真由美 ¹ , 田中 雅嗣 ³ , 服部 成介 ² , 大澤 郁朗 ¹ (¹ 都健康長寿医療セ・研究所・生体環境応答, ² 北里薬・生化, ³ 都健康長寿医療セ・臨床検査)	
3AS9-7	[10:41]
ミトコンドリアDNAメチル化修飾の解析～ミトコンドリアゲノムにエピジェネティクスは存在するのか	
安川 武宏 ¹ , 松田 盛 ¹ , 坂口 裕理子 ² , 鶴木 元香 ³ , 後藤 和人 ¹ , 福田 浜 ³ , 一柳 健司 ³ , 鈴木 勉 ² , 佐々木 裕之 ³ , 康 東天 ¹ (¹ 九大・院医・臨床検査医学, ² 東大・院工・化生, ³ 九大・生医研・エピゲノム制御)	
3AS9-8	[10:55]
ミトコンドリアの膜とゲノムの協調的な形態制御	
伴 巨人, 石原 孝也, 太田 あずさ, 石原 直忠(久留米大・分子生命研)	
Conclusion	[11:13]
中田 和人(筑波大・生命環境)	

3AS10 Room 10 (4F 411+412)

9:00-11:15 [E]

Approaches for Dynamic Regulations of Eukaryotic Gene Expression

Organizers : Takashi Ito (Nagasaki University School of Medicine)

Yoshiaki Ohkuma (Lab. Biochem., Grad. Sch. Biomed. Sci., Nagasaki Univ. /

Lab. Gene Reg., Grad. Sch. Med. & Pharm. Sci., Univ. Toyama)

Introduction

[9:00]

Takashi Ito (Nagasaki University School of Medicine)

3AS10-1

[9:02]

Histone H2A T120 phosphorylation promotes oncogenic transformation via upregulation of cyclin D1

Takashi Ito (Nagasaki University School of Medicine)

3AS10-2

[9:15]

Marking the X chromosome for global transcription regulation

Peter B. Becker (Biomedical Center, Ludwig-Maximilians-University, Munich)

3AS10-3

[9:38]

The ATAC and SAGA coactivator complexes are highly dynamic in the nuclear environment with fast and slow chromatin interacting populations

 Laszlo Tora¹, Nikolas Vosnakis¹, Pascal Didier²(¹IGBMC, CNRS, Univ. of Strasbourg, ² Lab. de Biophotonique et Pharmacologie, Univ. of Strasbourg)

3AS10-4

[10:01]

Dynamic Switch Mechanism of RNA Polymerase II by General Transcription Factor TFIIIE from Transcription Initiation to the Transition Step from Initiation to Elongation

 Yoshiaki Ohkuma^{1,2}, Takahide Nakamura², Yusuke Akimoto², Mizuki Fukuoka², Yutaka Hirose², Aki Tanaka²(¹Lab. Biochem., Grad. Sch. Biomed. Sci., Nagasaki Univ., ²Lab. Gene Reg., Grad. Sch. Med. & Pharm. Sci., Univ. Toyama)

3AS10-5

[10:14]

How Pol II termination and 3' processing sites are precisely determined in higher eukaryotes

 Yuki Yamaguchi¹, Ari Zukeran¹, Junichi Yamamoto²(¹Life Science & Tech, Tokyo Tech, ²Tokyo Medical University)

3AS10-6 (3P-0189)

[10:27]

Regulation of transcription termination by Human Mediator complex

Hidehisa Takahashi, Shigetsugu Hatakeyama (Dept. of Biochem., Hokkaido Univ. Grad. Sch. of Med.)

3AS10-7 (2P-0002)

[10:39]

Functional genomics of peri- and post-implantation-stage stem cells

 Kazunari Matsuda¹, Tomoyuki Mikami¹, Shinya Oki², Shuji Shigenobu³, Hisato Kondoh⁴(¹Osaka U, Grad. Frontier Biosci, ²Kyushu U, Grad. Med., ³NIBB, ⁴Kyoto Sangyo U)

3AS10-8

[10:51]

Catalytic-Independent Functions of PARP-1 Determine Sox2 Pioneer Activity at Intractable Genomic Loci

 W. Lee Kraus^{1,2}, Ziyang Liu^{1,2}(¹Cecil H. and Ida Green Center for Reproductive Biology Sciences, University of Texas Southwestern Medical Center, ²Department of Obstetrics and Gynecology, University of Texas Southwestern Medical Center)

Conclusion

[11:14]

Yoshiaki Ohkuma (Lab. Biochem., Grad. Sch. Biomed. Sci., Nagasaki Univ. / Lab. Gene Reg., Grad. Sch. Med. & Pharm. Sci., Univ. Toyama)

3AS11	Room 11 (4F 413)	9:00-11:15 [E]
Giant viruses : Where did they come from? Where do they habit? and what do they do in our world?		
Organizers : Masaharu Takemura (Lab. of Biol., Dept. of Liberal Arts, Fac. of Sci., Tokyo Univ. of Sci. / Grad. Sch. of Math. Sci. Edu., Tokyo Univ. of Sci.) Hiroyuki Ogata (Institute for Chemical Research, Kyoto University)		
Introduction		[9:00]
Masaharu Takemura (Lab. of Biol., Dept. of Liberal Arts, Fac. of Sci., Tokyo Univ. of Sci. / Grad. Sch. of Math. Sci. Edu., Tokyo Univ. of Sci.)		
3AS11-1		[9:05]
Cells and viruses, 4 billion years of co-evolution		
Tomohiro Mochizuki (ELSI, Titech)		
3AS11-2		[9:30]
Origin of DNA repair genes in eukaryotic giant viruses genomes.		
Romain Blanc-Mathieu, Hiroyuki Ogata (Bioinformatics Center, Institute for Chemical Research, Kyoto University)		
3AS11-3		[9:55]
Extreme diversity, high abundance and activities of giant viruses in the sea		
Hiroyuki Ogata (Institute for Chemical Research, Kyoto University)		
3AS11-4		[10:20]
Isolation and Evolutionary Perspectives of Tokyovirus and Origamivirus, the first Marseilleviridae and Mimiviridae family members from Japan		
Masaharu Takemura ^{1,2} , Shingo Muro ² , Tatsuya Mikami ² (Lab. of Biol., Dept. of Liberal Arts, Fac. of Sci., Tokyo Univ. of Sci., ² Grad. Sch. of Math. Sci. Edu., Tokyo Univ. of Sci.)		
3AS11-5		[10:45]
Cryo-EM and X-ray laser imaging of entire large and giant amoebal viruses.		
Kenta Okamoto ¹ , Naoyuki Miyazaki ² , Chihong Song ² , Max Hantke ¹ , Hemanth Kumar ¹ , Chantal Abergel ³ , Jean-Michel Claverie ³ , Janos Hajdu ¹ , Kazuyoshi Murata ² , Martin Svenda ¹ (Mol. Biophys. lab., Dept. of Cell Mol. Biol., ² EM group, ³ Struct. Genom. Info. lab.)		
Conclusion		[11:10]
Hiroyuki Ogata (Institute for Chemical Research, Kyoto University)		
3AS12	Room 12 (4F 414+415)	9:00-11:15 [E]
Regulation of epithelial biological systems by ciliary functions.		
Organizers : Hiroshi Hamada (CDB, Riken / FBS, Grad. Sch., Osaka Univ.) Sachiko Tsukita (Lab. of Biol. Sic., Grad. Sch. of Med., Univ. of Osaka)		
Introduction		[9:00]
Masaki Inagaki (Dept. of Physiol., Facul. of Med., Mie Univ.)		
3AS12-1		[9:05]
Primary cilia and cell cycle		
Masaki Inagaki, Kousuke Kasahara (Dept. of Physiol., Facul. of Med., Mie Univ.)		
3AS12-2		[9:30]
Molecular basis and hierarchical assembly of the centriole/basal body appendage in mammalian cells		
Shuhei Chiba, Hiroka Kashiara, Sachiko Tsukita (Lab. of Biol. Sic., Grad. Sch. of Med., Univ. of Osaka)		
3AS12-3		[9:50]
Towards the elucidation of node-specific ciliary formation		
Takahiro Ide ¹ , Wang Twan ^{1,2} , Nicole Henninger ² , Hidetaka Shiratori ² , Hiroshi Hamada ^{1,2} (CDB, Riken, ² FBS, Grad. Sch., Osaka Univ.)		
3AS12-4		[10:10]
Regulation of epithelial biological systems by ciliary functions.		
Heymut Omran (Department of General Pediatrics, University Childrens Hospital Muenster)		

3AS12-5	[10:35]
Mouse oviduct multicilia formation regulated by PCP factors	
Toshihiko Fujimori (Div. of Embryology, NIBB)	
3AS12-6	[10:55]
Future application of human pluripotent stem cell-derived multiciliated airway cells	
Shimpei Gotoh (Dept. of Respir. Med., Kyoto Univ. Hosp.)	
3AS13 Room 13 (4F 416+417)	9:00-11:15 [E]
Novel strategies toward understanding mechanisms that lead to refractory cancer	
Organizers : Satoshi Inoue (Div. of Gene Reg. & Sig. Trans., Res. Ctr. for Genomic Med., Saitama Med. Univ. / Res. Dept. of Func. Biogerontol., Tokyo Metro. Inst. of Gerontol.)	
Koji Okamoto (Natl. Cancer. Ctr. Res. Inst., Div. Cancer Diff.)	
3AS13-1 (1P-0640)	[9:00]
Identification of stemness-maintaining factors in breast cancer stem cells	
Takahiko Murayama ¹ , Tatsunori Nishimura ² , Kana Tominaga ¹ , Asuka Nakata ² , Masao Yano ³ , Kei-ichiro Tada ⁴ , Arinobu Tojo ¹ , Noriko Gotoh ^{1,2} (¹ Div. of Mol. Therapy, IMS, Univ. of Tokyo, ² Div. of Cancer Cell Biol., Cancer Res. Inst. Kanazawa Univ., ³ Dept. of Surg., Minamimachida Hosp., ⁴ Dept. of Breast & Endocrine Surg., Grad. Sch. of Med., Univ. of Tokyo)	
3AS13-2	[9:10]
In vitro cultivation and characterization of cancer stem cells derived from refractory cancer in spheroid culture	
Koji Okamoto (Natl. Cancer. Ctr. Res. Inst., Div. Cancer Diff.)	
3AS13-3 (2P-0690)	[9:30]
Identification of targets of tumor suppressor microRNA-34a using a reporter library system	
Yoshiaki Ito ¹ , Atsushi Inoue ² , Timothy Seers ¹ , Yukari Hato ³ , Arisa Igarashi ² , Tatsuya Toyama ³ , Hiroshi Asahara ^{1,4} (¹ Dept. Syst. BioMed. TMDU, ² Dept. Syst. BioMed. NCHD, ³ Dept. Onco. Immun. Surgery Nagoya City Univ., ⁴ Scripps Res. Ins.)	
3AS13-4	[9:40]
Co-factor and Epigenomic control of hormone sensitive and refractory human cancers	
Debabrata (Debu) Chakravarti (Northwestern University, Chicago, USA)	
3AS13-5	[10:05]
Functional shRNA library screening and sequencing-based identification of coding and non-coding RNAs that associate with the biology of hormone refractory cancers	
Kuniko Horie ¹ , Kazuhiro Ikeda ¹ , Satoshi Inoue ^{1,2} (¹ Div. of Gene Reg. & Sig. Trans., Res. Ctr. for Genomic Med., Saitama Med. Univ., ² Res. Dept. of Func. Biogerontol., Tokyo Metro. Inst. of Gerontol.)	
3AS13-6	[10:25]
Toward Tailoring Colorectal Cancer Chemotherapeutics via Patient Derived Organoids	
Masayuki Fujii ^{1,2} , Toshiro Sato ¹ (¹ Dept. of Int. Med. Dev. of Gastroenterology, Keio Univ. Sch. of Med., ² Surg. Oncol. Sch. of Med., Univ. of Tokyo)	
3AS13-7 (3P-0750)	[10:45]
Reconstructing tumor microenvironment in cancer organoids.	
Ryo Okuda, Keisuke Sekine, Yasuharu Ueno, Junya Sato, Masaki Takahashi, Yoko Sobue, Nao Inoue, Kaori Hamanaka, Hideki Taniguchi (Department of Regenerative Medicine, Yokohama City University Graduate School of Medicine)	
3AS13-8	[10:55]
Dependence on the mitochondrial MTHFD2-mediated purine synthetic pathway in lung cancer	
Noriko Gotoh ^{1,2} , Tatsunori Nishimura ¹ , Asuka Nakata ¹ , Shin-ichi Horike ³ , Kaori Saitoh ⁴ , Keiko Kato ⁴ , Kaori Igarashi ⁴ , Susumu Kohno ⁵ , Chiaki Takahashi ⁵ , Tomoyoshi Soga ⁴ , Arinobu Tojo ² (¹ Div. of Cancer Cell Biol., Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ., ² Div. of Mol. Therapy, Inst. Med. Sci. of Univ. Tokyo, ³ Div. of Functional Genomics, Advanced Sci. Re. Center, Kanazawa Univ., ⁴ Inst. for Advanced Biosci., Keio Univ., ⁵ Div. of Oncol. Mol. Biol., Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ.)	

3AS14 第14会場(4階418)	9:00-11:15 [J]
動植物のメカノバイオロジー	
オーガナイザー：出村 拓(奈良先端大・バイオ)	
Introduction	[9:00]
出村 拓(奈良先端大・バイオ)	
3AS14-1	[9:05]
メカノバイオロジーから理解する植物細胞壁形成	
出村 拓(奈良先端大・バイオ)	
3AS14-2	[9:20]
動物細胞の力覚応答における細胞骨格の役割	
水野 健作 ¹ , 藤原 佐知子 ^{1,2} , 大橋 一正 ¹ (¹ 東北大・院・生命科学, ² 大阪大・院・基礎工)	
3AS14-3	[9:38]
植物の重力屈性における重力シグナリング機構の解析	
森田(寺尾) 美代 ² , 湯浅 朝子 ³ , 鈴木 可奈子 ¹ , 谷口 雅俊 ¹ , 田坂 昌生 ³ , 西村 岳志 ¹ , 古谷 将彦 ¹ (¹ 名大・院生命科学, ² JST, CREST, ³ 奈良先端大・バイオ)	
3AS14-4	[9:56]
フェムト秒レーザー誘起衝撃力による動植物細胞の力場評価	
細川 陽一郎(奈良先端大・物質創成)	
3AS14-5	[10:14]
植物細胞のダイナミクスを支える膜交通	
上田 貴志(基生研・細胞動態 / さきがけ, JST)	
3AS14-6 (2P-0467)	[10:32]
キラルな細胞スライドが左右非対称な内臓捻転を駆動する	
稲木 美紀子 ¹ , 本多 久夫 ² , 松野 健治 ¹ (¹ 阪大・院理・生物科学, ² 神大・院医・医科学)	
3AS14-7	[10:47]
動物発生における細胞・組織メカニクス	
上野 直人, 根岸 剛文(自然科学研究機構基礎生物学研究所)	
総合討論	[11:05]
3AS15 第15会場(4階419)	9:00-11:15 [J]
モノ・ポリADP-リボシル化によるシグナル伝達系の意義	
オーガナイザー：益谷 美都子(長崎大院・医歯薬・フロンティア生命科学 / 国がん研究セ・研・創薬臨床) 高木 正稔(東京医科歯科大・院・茨城県小児周産期地域医療学講座)	
Introduction	[9:00]
益谷 美都子(長崎大院・医歯薬・フロンティア生命科学 / 国がん研究セ・研・創薬臨床)	
3AS15-1	[9:01]
60年代ー70年代における初期のADP-リボシル化研究から	
三輪 正直(長浜バイオ大学)	
3AS15-2 (2P-0408)	[9:19]
培養細胞のポリADPリボース量とgamma-H2AXレベルに与える培養温度上昇の影響	
山下 幸子 ¹ , 田中 正和 ² , 佐藤 輝幸 ¹ , 井田 智恵理 ³ , 太田 成美 ¹ , 濱田 貴司 ¹ , 植月 太一 ¹ , 西 義介 ¹ , Joel Moss ⁴ , 三輪 正直 ¹ (¹ 長浜バイオ大学・バイオサイエンス学科, ² 関西医科大学・微生物工学, ³ 名古屋女子大学・生活学科, ⁴ 国立衛生研究所・国立心臓血液研究所)	
3AS15-3	[9:34]
C3 exoenzymeとRhoA複合体の結晶構造に基づく基質特異性	
津下 英明, 戸田 暁之, 鶴村 俊治, 吉田 徹(京都産業大学)	

3AS15-4	[9:53]
ポリ (ADP-リボース)代謝を標的とした新たな制癌戦略の創成	
田沼 浩一 ^{1,2} , 真田 友香 ¹ , 鈴木 亮介 ¹ , 高井 祐輔 ¹ , 矢作 有希 ¹ , 大山 貴史 ³ , 佐藤 聡 ^{1,2} , 阿部 英明 ³ (¹ 東京理大・薬・生化学, ² 東京理大・ゲノム創薬研セ, ³ ヒノキ新薬 (株))	
3AS15-5	[10:12]
DNA 2本鎖切断修復のシグナリング制御へのポリADP-リボシル化の関与	
益谷 美都子 ^{1,2} , Junhui Wang ^{2,4} , 佐々木 由香 ^{1,2} , 小野寺 貴恵 ¹ , 藤森 浩彰 ^{1,2} , 三木 義男 ⁴ , 茂木 章 ³ (¹ 長崎大院・医歯薬・フロンティア生命科学, ² 国がん研究セ・研・創薬臨床, ³ 京都大院・医学研究科遺伝医学講座, ⁴ 東京医科歯科大学院・遺伝子応用医学分野)	
3AS15-6	[10:31]
PARP9とPARP14:マクロファージ活性化の新しい調節因子	
相川 真範(ハーバード大学医学大学院ブリガム・アンド・ウィメンズ病院)	
3AS15-7	[10:51]
PARP阻害剤が有効な新規標的疾患の探索	
高木 正稔(東京医科歯科大・院・茨城県小児周産期地域医療学講座)	
総合討論	[11:11]
Conclusion	[11:14]
高木 正稔(東京医科歯科大・院・茨城県小児周産期地域医療学講座)	
3AS16 Room 16 (5F 501)	9:00-11:15 [E]
Generation of neuronal subtypes and initial steps of circuit formation	
Organizer : Yukiko Gotoh (Dept. of Mol. Biol., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Univ. of Tokyo)	
3AS16-1	[9:00]
Regulation of neural stem cell fate by intrinsic and extrinsic factors	
Yukiko Gotoh, Shima Yamaguchi, Yujin Harada, Takaaki Kuniya, Hiroki Kawai, Daichi Kawaguchi, Shohei Furutachi (Dept. of Mol. Biol., Grad. Sch. of Pharm. Sci., Univ. of Tokyo)	
3AS16-2	[9:25]
Unexpected Mode of Division and Maintenance of Postnatal Neural Stem Cells	
Arturo Alvarez-Buylla (Department of Neurological Surgery and The Eli and Edythe Broad Center of Regeneration Medicine and Stem Cell Research University of California, San Francisco, School of Medicine)	
3AS16-3	[10:00]
Neuronal specification in establishing mammalian neocortical circuits	
Carina Hanashima (RIKEN CDB / Dept. of Biol., Grad. Sch. of Sci., Kobe Univ.)	
3AS16-4	[10:25]
Specification of neuronal layer identity during neocortical development	
Kazunori Nakajima (Dept. of Anat., Keio Univ. Sch. of Med.)	
3AS16-5	[10:50]
A Bridge Over Troubled Synapses: An Update on C1q family proteins	
Michisuke Yuzaki (Dept. of Physiol., Keio Univ. Sch. of Med.)	
3AS17 Room 17 (5F 502)	9:00-11:15 [E]
Novel regulatory roles of ribosomes in global gene expression	
Organizer : Toshifumi Inada (Grad. Sch. of Sci., Tohoku Univ.)	
Introduction	[9:00]
Toshifumi Inada (Grad. Sch. of Sci., Tohoku Univ.)	

3AS17-1	[9:05]
Investigating the flux of newly synthesized proteins through the network of co-translationally acting factors	
Gunter Kramer, Yu-Wei Shieh, Josef Auburger, Ayala Shiber, Daniela Schibich, Carla Galmozzi, Kristina Doering, Bernd Bukau (Center for Molecular Biology of the University of Heidelberg (ZMBH) and German Cancer Research Center (DKFZ), DKFZ-ZMBH Alliance, Im Neuenheimer Feld 282, D-69120 Heidelberg, Germany.)	
3AS17-2	[9:28]
Integrated in vivo and in vitro nascent chain profiling reveals widespread translational pausing	
Hideki Taguchi ¹ , Yuhei Chadani ^{1,2} , Tatsuya Niwa ¹ , Shinobu Chiba ² , Koreaki Ito ² (¹ RCB, IIR, Tokyo Tech., ² Kyoto Sangyo Univ.)	
3AS17-3	[9:48]
Genome-Wide Translation Profiling by Ribosome-Bound RNA Capture	
Motomasa Tanaka, Chien-Wen Chen (RIKEN BSI)	
3AS17-4	[10:08]
Co-evolution of DEAD-box RNA helicases and their natural inhibitor rocaglates in Aglaia	
Shintaro Iwasaki ^{1,2} , Stephen N. Floor ¹ , Nicholas T. Ingolia ¹ (¹ MCB, Univ. of California, Berkeley, ² RIKEN)	
3AS17-5	[10:28]
Site-Specific Regulatory Ubiquitylation of 40S Ribosomal Proteins Assists in Resolving Stalled Ribosomes	
Eric Bennett, Elayanambi Sundaramoorthy, Jeff Liao, Marilyn Leonard (University of California, San Diego; Section of Cell and Developmental Biology, La Jolla, CA 92093)	
3AS17-6	[10:51]
Crucial roles of ribosome ubiquitination in quality controls and stress response	
Toshifumi Inada (Grad. Sch. of Sci., Tohoku Univ.)	
Conclusion	[11:13]
Toshifumi Inada (Grad. Sch. of Sci., Tohoku Univ.)	
3AS18 Room 18 (5F 503)	9:00-11:15 [E]
Emerging function of inter-organelle communication in signal transduction	
Organizer : Hiroyuki Arai (Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)	
Introduction	[9:00]
Hiroyuki Arai (Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)	
3AS18-1	[9:05]
Regulation of Signal Transduction by Caveolae	
Robert Parton (Inst. for Molecular Bioscience, Univ. of Queensland)	
3AS18-2	[9:35]
Activation of STING requires palmitoylation at the Golgi	
Tomohiko Taguchi (Dept. of Pharmaceutical Sci., Univ. of Tokyo)	
3AS18-3	[10:00]
Environmental control of endosomes/lysosomes by SLC15A4 is crucial for inflammatory responses and disease pathogenesis	
Noriko Toyama-Sorimachi, Daisuke Oshima, Toshihiko Kobayashi (Res. Inst., Dept. Mol. Immunol. Inflamm., Natl. Ctr. Global Health Med.)	
3AS18-4	[10:25]
Altered subcellular localization of deubiquitinase USP8 by genetic mutation may trigger signaling leading to Cushing disease	
Masayuki Komada, Kohei Kawaguchi, Takahiro Sawada, Akinori Endo, Toshiaki Fukushima (Cell Biol. Unit, Inst. of Innov. Res., Tokyo Tech)	
3AS18-5	[10:50]
Myocardial early senescence mediated by mitochondria-cytoskeleton interaction	
Motohiro Nishida (Div. of Cradiocirc. Signal, Okazaki Inst. for Integ. Biosci. (Natl. Inst. for Physiol. Sci.))	

3AS19	第19会場(5階 511+512)	9:00-11:15 [J]
ネオバイオ分子：「進化・構造・情報」の協奏による新規機能バイオ分子へのアプローチ		
オーガナイザー：根本 直人(埼玉大・理工研) 坂本 泰一(千葉工大・先進工・生命科学)		
Introduction		[9:00]
坂本 泰一(千葉工大・先進工・生命科学)		
3AS19-1		[9:03]
RNAアプタマーとその標的タンパク質の相互作用の構造的、速度論的、熱力学的解析		
坂本 泰一(千葉工大・先進工・生命科学)		
3AS19-3 (1P-0822)		[9:31]
人工合成VHHファージディスプレイライブラリーからの高い変性耐性を有するVHHクローンの単離と解析		
村上 明一, 吉田 麻衣子, 塚原 成俊, 岸本 英博(琉球大学・院医)		
3AS19-4 (3P-0863)		[9:45]
リンカー設計およびタンパク質翻訳過程の至適化による試験管内進化技術(cDNAディスプレイ法)の改良と抗VEGF-3本指ペプチドの創製		
久保 泰 ¹ , Mohammed Naimuddin ¹ , 多田 耕平 ² , 大橋 澄子 ¹ , 平家 勇司 ² , 五島 直樹 ¹ (¹ 産総研・創薬分子RC, ² 聖路加国際病院・免疫細胞治療)		
3AS19-5		[9:59]
ハイスループット淘汰技術を用いた配列空間探索による新機能分子(ネオバイオ分子)の創製		
根本 直人(埼玉大・理工研)		
3AS19-6 (3P-0065)		[10:13]
SGIP1 μ homology ドメインへの結合における連続するDPFモチーフ数の増加による親和性向上機構		
嶋田 睦, 山口 淳子, 神田 大輔(九大・生医研)		
3AS19-7		[10:27]
人工蛋白質ナノブロックによる多様な自己組織化超分子ナノ構造複合体：ネオバイオ超分子の創生を目指して		
小林 直也, 木村 尚弥, 新井 亮一(信州大・繊維・応用生物)		
3AS19-8		[10:41]
構造データとケモバイオインフォマティクスを融合したネオバイオ分子設計		
広川 貴次(産総研・創薬プロ研 / 筑波大・医学医療)		
3AS19-9		[10:55]
ポストアンティ薬：進化分子工学による分子標的ペプチド(マイクロ抗体)の創出		
藤井 郁雄(大阪府大・院理・生物科学宇)		
Conclusion		[11:12]
根本 直人(埼玉大・理工研)		
3PS1	第1会場(1階 メインホール)	13:00-15:15 [J]
無神経なオプトジェネティクス		
オーガナイザー：田中 謙二(慶應大・医・精神)		
Introduction		[13:00]
田中 謙二(慶應大・医・精神)		
3PS1-1		[13:05]
無神経オプトジェネティクスのすすめ		
田中 謙二(慶應大・医・精神)		

3PS1-2	[13:35]
オプトジェネティクスによるマウス大脳グリア脳血管連関の揺動	
正本 和人(電通大・脳科学セ)	
3PS1-3	[14:05]
光活性化アデニル酸シクラーゼの利用による脳細胞内cAMPの時空間的制御	
小山 隆太, 池谷 裕二(東大・院薬・薬品作用)	
3PS1-4	[13:35]
シアノバクテリア由来の光受容体を利用したオプトジェネティクスツールの開発	
成川 礼(静岡大・理・生物)	
総合討論	[15:05]

3PS2	13:00-15:15 [J]
第2会場(2階 211+212)	
環境汚染物質がもたらす健康影響 アレルギーなのかガンなのか！?	
オーガナイザー：吉田 安宏(産医大 免疫学・寄生虫学) 三村 達哉(東京女子医大・東医療センター・眼科)	

Introduction	[13:00]
吉田 安宏(産医大 免疫学・寄生虫学)	

3PS2-1	[13:04]
環境汚染物質の眼炎症に及ぼす影響	
三村 達哉(東京女子医大・東医療センター・眼科)	

3PS2-2	[13:23]
黄砂とPM2.5の肺の炎症とアレルギーへの影響	
市瀬 孝道(大分県立看護科学大学)	

3PS2-3	[13:42]
PM10によるTLR-MyD88経路を介した脾臓細胞でのNF-kB活性化	
宋 媛 ^{1,2} , 市瀬 孝道 ³ , 吉田 安宏 ² (¹ 中国河北医科大学第4医院, ² 産医大・免疫学・寄生虫学, ³ 大分県立看科大)	

3PS2-4	[14:01]
環境汚染化学物質によるアレルギー悪化	
高野 裕久(京大・院工・環境衛生学)	

3PS2-5 (1P-0845)	[14:20]
細胞内RNA分解速度を指標とした環境化学物質の有害性評価手法の開発	
谷 英典(産総研・環境管理)	

3PS2-6	[14:33]
ディーゼル排気ガス由来二次有機エアロゾル曝露による学習能力と神経免疫バイオマーカーへの影響	
Tin-Tin Win-Shwe, 藤谷 雄二, 平野 靖史郎(国立環境研究所 環境リスク・健康研究センター)	

3PS2-7	[14:52]
環境汚染物質による免疫応答の負の制御について	
吉田 安宏, 宋 媛 ^{1,2} , 何 翠穎 ¹ , 王 犛 ¹ , 森田 健太郎, 市瀬 孝道 ³ (¹ 産医大 免疫学・寄生虫学, ² 中国河北医科大学第四医院, ³ 大分県立科学看護大学)	

総合討論	[15:10]
-------------	----------------

3PS3	13:00-15:15 [J]
第3会場(3階 301)	
多様なDNA損傷応答の統合制御機構 - 経路選択とクロストーク	
オーガナイザー：荻 朋男(名古屋大・環研・発生遺伝/長大・NRGIC) 大橋 英治(九大・理・生物)	

Introduction	[13:00]
大橋 英治(九大・理・生物)	

3PS3-1 [13:02]**PCNA結合蛋白質のRad9-Hus1-Rad1リングとの結合メカニズム**

大橋 英治, 岩田 直也, 釣本 敏樹(九大・理・生物)

3PS3-2 [13:14]**複製クランプPCNAの分子修飾のゲノム複製における役割**大学 保¹, Etheridge Thomas², 中沢 由華³, 荻 朋男⁴, Carr Antony²(¹東北大・学際科学フロンティア研究所, ²Genome Damage and Stability Centre, University of Sussex, UK, ³長崎大・原爆後障害医療研究所, ⁴名大・環境医学研究所)**3PS3-3** [13:26]**ユビキチン修飾系によるDNAメチル化維持経路の制御**西山 敦哉¹, 山口 留奈², 三崎 紀展², 有田 恭平¹, 佐伯 泰³, 中西 真¹(¹東大・医科研・癌防衛, ²名市大・院医・細胞生化学, ³医学研・蛋白質代謝, ⁴横浜市大・院生命医)**3PS3-4** [13:38]**DSB修復に関与する新規Ubiquitin E3-ligaseの機能解析**

岡田 麻衣子, 宇井 彩子(聖マリアンナ医科大学)

3PS3-5 [13:50]**DNA二本鎖切断修復経路の選択性を担う時空間的制御機構**柴田 淳史¹, 磯野 真由¹, 新美 敦子², 尾池 貴洋³, 萩原 慶彦^{1,3}, 佐藤 浩史³, 西 良太郎⁴, ベトリッチ エレーナ⁵, 中田 慎一郎⁶, 中野 隆史^{2,3}(¹群大・先端ユニット, ²群大・未来先端, ³群大・腫放, ⁴立命館大・生命科・病態細胞, ⁵シエンナ大学, ⁶阪大)**3PS3-6 (2P-0129)** [14:02]**核小体関連タンパク質nucleolinによるDNA複製ストレス応答の制御**河村 香寿美^{1,2}, 周 慧², Qi Fei^{1,2}, 林 幾江³, 小林 純也^{1,2}(¹京大・院人間環境学・分子生命環境論, ²京大・放生研, ³広大・医歯薬保健学)**3PS3-7 (2P-0149)** [14:14]**シナプトネマ複合体形成分子SYCE2はHP1の機能を制御してDNA損傷応答と修復を亢進させる**

細谷 紀子, 宮川 清(東大・院医・疾患生命工学セ・放射線分子医学)

3PS3-8 [14:26]**ニックを入れたドナープラスミドを用いて標的遺伝子の1つのニックから高効率かつ安全な塩基置換を行う**

中田 慎一郎, 中嶋 裕宏, 周 越(大阪大・院医・細胞応答)

3PS3-9 (3P-0124) [14:38]**DDB2依存的なHBO1のリクルートはヌクレオチド除去修復に必須である**丹伊田 浩行¹, 松沼 亮一¹, 堀口 涼¹, 内田 千晴¹, 酒井 聡¹, 大畑 樹也¹, 北川 恭子¹, 森脇 真一², 西谷 秀男³, 宇井 彩子⁴, 荻 朋男⁵, 北川 雅敏¹(¹浜松医科大学, ²大阪医科大学, ³兵庫県立大学, ⁴聖マリアンナ医科大学, ⁵名古屋大学)**3PS3-10 (2P-0128)** [14:50]**FANCD2新規相互作用因子の探索と機能解析**後藤 元成^{1,2}, 松田 俊³, 松田 知成³, 菅澤 薫^{1,2}, 酒井 恒^{1,2}(¹神戸大・バイオシグナル総合研究セ, ²神戸大・院理, ³京都大・院工・流域圏)**3PS3-11** [15:02]**DNA修復システムの異常により発症するヒト疾患の分子病態**荻 朋男^{1,2}, 岡 泰由¹, 郭 朝方¹, 賈 楠¹, 唐田 清伸¹, 中沢 由華^{1,2}(¹名古屋大・環研・発生遺伝, ²長大・NRGIC)**Conclusion** [15:14]

荻 朋男(名古屋大・環研・発生遺伝 / 長大・NRGIC)

3PS4 第4会場(3階 302) 13:00-15:15 [J]**もう1つの臓器、腸内細菌叢を“デザイン”せよ!**

オーガナイザー: 福田 真嗣(慶大・先端生命研 / 株式会社メタジェン)

山田 拓司(東京工業大学 / 株式会社メタジェン)

Introduction [13:00]

福田 真嗣(慶大・先端生命研 / 株式会社メタジェン)

3PS4-1	[13:05]
腸内環境制御が切り拓く疾患予防・治療の新地平	
福田 真嗣(慶大・先端生命研 / 株式会社メタジェン)	
3PS4-2	[13:30]
大腸がんに関わる腸内細菌代謝経路の探索	
山田 拓司(東京工業大学 / 株式会社メタジェン)	
3PS4-3	[13:55]
腸内環境制御による病原性細菌感染症予防・治療	
鎌田 信彦(ミシガン大・医・消化器内科)	
3PS4-4	[14:20]
潰瘍性大腸炎に対する抗菌剤併用便移植療法の有効性の検討	
石川 大, 高橋 正倫, 芳賀 慶一, 澁谷 智義, 長田 太郎, 渡辺 純夫(順天堂大学消化器内科)	
3PS4-5	[14:45]
マイクロバイーム修飾薬の開発動向	
金 倫基(慶應義塾大学薬学部)	
Conclusion	[15:10]
山田 拓司(東京工業大学 / 株式会社メタジェン)	
<hr/>	
3PS5 第5会場(3階 303)	13:00-15:15 [J]
「生老病死」の分子生物学	
オーガナイザー：田中 知明(千葉大学) 南野 徹(新潟大学)	
Introduction	[13:00]
南野 徹(新潟大学)	
3PS5-1	[13:01]
Molecular and Cellular Mechanisms of Progeroid Syndromes	
大島 淳子(Dep Path, Univ Washington / Dep Med, Chiba Univ)	
3PS5-2	[13:19]
老化・がん化耐性齧歯類ハダカデバネズミの細胞老化誘導に対する応答性	
河村 佳見, 三浦 恭子(北大・遺制研)	
3PS5-3	[13:34]
人でイモリ的(newtic)再生を惹起すること	
千葉 親文(筑波大・生命環境)	
3PS5-4 (1P-0621)	[13:52]
交流電界はショウジョウバエの寿命を延ばす	
川崎 陽久 ¹ , 根立 隆樹 ² , 岡野 英幸 ² , 石田 直理雄 ^{1,3} (¹ 国際科学振興財団 時間生物学研究所 石田時間生物研究室, ² 白寿生命科学研究所, ³ 産業技術総合研究所 TIA推進センター)	
3PS5-5	[14:02]
肥満関連老化CD4 T細胞は内臓脂肪慢性炎症を惹起する	
白川 公亮 ¹ , 遠藤 仁 ¹ , 福田 恵一 ¹ , 湊 長博 ² , 佐野 元昭 ¹ (¹ 慶應 循環器内科, ² 京大 免疫細胞生物学)	
3PS5-6	[14:17]
Bcl11bによるT細胞運命決定の分子メカニズムの解明	
細川 裕之, Ellen V. Rothenberg (カリフォルニア工科大学・生物科)	
3PS5-7 (2P-0677)	[14:35]
JAG1-Notchシグナルの活性化による<i>Ras/Raf</i>誘導性早期細胞老化の誘導機構	
眞野 恭伸 ¹ , 山中 遼太 ² , 油谷 浩幸 ² , 金田 篤志 ^{1,2,3} (¹ 千葉大・院医・分子腫瘍, ² 東大・先端研・ゲノムサイエンス, ³ AMED CREST)	

3PS5-8 (1P-0603)	[14:45]
p53によるアミノ酸代謝経路の調節が細胞老化を誘導する	
長野 太輝 ¹ , 山尾 俊介 ^{1,2} , 中嶋 昭雄 ^{1,3} , 岩崎 哲史 ^{1,2} , 吉川 潮 ^{1,3} , 鎌田 真司 ^{1,2} (1神戸大・バイオシグナル総合研究センター, 2神戸大・院理・生物, 3神戸大・院農・資源生命科学)	
3PS5-9	[14:55]
ドライバー遺伝子変異によるがんの新規悪性化誘導機構	
大島 正伸, 中山 瑞穂, 坂井 絵梨, 大島 浩子 (金沢大・がん研・腫瘍遺伝学)	
Conclusion	[15:13]
田中 知明 (千葉大学)	
3PS6 第6会場 (3階 304)	13:00-15:15 [J]
多システム連携による恒常性維持とその変調による病態形成	
オーガナイザー: 尾池 雄一 (熊本大学) 真鍋 一郎 (千葉大学)	
Introduction	[13:00]
3PS6-1	[13:05]
肥満症の病態形成における肝臓からの臓器連関の役割	
山田 哲也, 片桐 秀樹 (東北大・院医・糖尿病代謝内科学)	
3PS6-2	[13:30]
多臓器連関から捉えたストレスに対する心臓交感神経応答のメカニズム	
荒井 隆秀, 金澤 英明, 福田 恵一 (慶大・医学部・循内)	
3PS6-3	[13:55]
血中タンパク質AIMIによる異物除去機構を介した新しい疾患制御パラダイム	
新井 郷子, 宮崎 徹 (東大・院医・分子病態医学)	
3PS6-4 (2P-0744)	[14:20]
マクロファージの免疫応答は細胞代謝と連携して制御される	
大石 由美子 (東京医科歯科大学難治疾患研究所)	
3PS6-5	[14:35]
がん微小環境変化による組織恒常性維持機構の活性化とがん病態進展の分子機構	
門松 毅, 伊藤 仁, 尾池 雄一 (熊大・生命科学研究所)	
3PS6-6 (2P-0642)	[15:00]
クローン病モデルマウスSAMP1/YitFcの病態形成に伴うdysbiosisとα-defensinの高次構造異常との関連	
清水 由宇 ¹ , 中村 公則 ^{1,2} , 吉井 彩季 ¹ , 菊池 摩仁 ^{1,2} , 櫻木 直也 ^{1,2} , 綾部 時芳 ^{1,2} (1北大・生命科学・自然免疫, 2北大・先端生命・自然免疫)	
3PS7 Room 7 (3F 311+312)	13:00-15:15 [E]
The PI3K-AKT signal transduction: update and future direction	
Organizer: Masayuki Noguchi (Institute for Genetic Medicine, Div. Cancer Biology, Hokkaido Univ.)	
Introduction	[13:00]
Masayuki Noguchi (Institute for Genetic Medicine, Div. Cancer Biology, Hokkaido Univ.)	
3PS7-1	[13:04]
PI 3-Kinase and Akt at the interface of signaling and metabolism	
Alex Toker (Harvard Medical School)	
3PS7-2	[13:46]
PH domain-only protein PHLDA3 is a novel p53-regulated repressor of Akt and a novel tumor suppressor of neuroendocrine tumors	
Rieko Ohki (National Cancer Center Research Institute)	

3PS7-3	[14:07]
Roles of Akt with its distinct binding partners	
Masayuki Noguchi, Noriyuki Hirata, Futoshi Suizu (Institute for Genetic Medicine, Div. Cancer Biology, Hokkaido Univ.)	
3PS7-4 (3P-0376)	[14:28]
G1S2 and mast cell tumor require the PI3K-Akt pathway on intracellular compartments for their proliferation ~Oncogenic Kit signaling occurs selectively on the Golgi and endo/lysosomes~	
Yuuki Obata ¹ , Keita Horikawa ¹ , Tsuyoshi Takahashi ³ , Yuki Akieda ¹ , Masahiko Tsujimoto ⁴ , Yasushi Hara ¹ , Hiroyasu Esumi ² , Toshirou Nishida ⁵ , Ryo Abe ¹ (¹ Div. of Immunobiol. RIBS, Tokyo Univ. of Sci., ² Div. of Clin. Res., RIBS, Tokyo Univ. of Sci., ³ Dep. of Surgery, Grad. Sch. of Med., Osaka Univ., ⁴ Osaka Police Hospital, ⁵ NCC Hospital)	
3PS7-5 (3P-0412)	[14:49]
Klf4-dose dependent metabolic shift through Tc1-Akt activation in iPSC production	
Ken Nishimura ¹ , Shihou Aizawa ¹ , Nugroho Fransiska Liliani ¹ , Yuta Sakuragi ¹ , Manami Ohtaka ² , Aya Fukuda ¹ , Mahito Nakanishi ² , Koji Hisatake ¹ (¹ Lab. of Gene Regulation, Fac. of Med., Univ. of Tsukuba, ² Res. Inst. of Drug Discovery, AIST)	
Conclusion	[15:10]
Masayuki Noguchi ¹ , Alex Toker ² (¹ Institute for Genetic Medicine, Div. Cancer Biology, Hokkaido Univ., ² Harvard Medical School)	

3PS8	第8会場(3階 313+314)	13:00-15:15 [J]
日本発、新世代の遺伝子治療		
オーガナイザー：三谷 幸之介(埼玉医科大学) 金田 安史(大阪大学)		

Introduction	[13:00]
金田 安史(大阪大学)	

3PS8-1 (3P-0836)	[13:10]
ゲノム編集による遺伝子治療の最前線	
鐘ヶ江 裕美 ¹ , 前川 文 ² , 鈴木 まりこ ² , 斎藤 泉 ² , 近藤 小貴 ² (¹ 慈恵・総合医科学, ² 東大・医科研・遺伝子解析)	

3PS8-2	[13:35]
アデノ随伴ウイルスベクターを用いたAADC欠損症に対する遺伝子治療の有効性	
山形 崇倫 ¹ , 小島 華林 ¹ , 宮内 彰彦 ¹ , 多賀 直行 ² , 水上 浩明 ³ , 加藤 光広 ⁴ , 中嶋 剛 ⁵ , 小坂 仁 ¹ , 村松 慎一 ^{6,7} (¹ 自治医大 小児科学, ² 自治医大 麻酔科集中治療医学, ³ 自治医大 遺伝子治療研究部, ⁴ 昭和大 小児科学, ⁵ 自治医大 脳神経外科学, ⁶ 自治医大 神経内科学, ⁷ 東大医科研 遺伝子・細胞治療センター)	

3PS8-3	[14:00]
日本発、新世代の遺伝子治療：前立腺癌に対する遺伝子治療の取り組み	
那須 保友(岡山大・泌尿器)	

3PS8-4	[14:25]
テロメラゼ依存性腫瘍融解ウイルス製剤を用いた食道癌に対する集学的治療	
藤原 俊義(岡山大・院医菌薬・消化器外科学)	

3PS8-5	[14:50]
生活習慣病に対するDNAワクチンの開発	
森下 竜一(大阪大・院医・臨床遺伝子治療学)	

3PS9	Room 9 (3F 315)	13:00-15:15 [E]
Inter- and Intra-mitochondrial biology		
Organizer : Atsushi Tanaka (Res. Inst. of Med. Sci., Yamagata Univ. Sch. of Med.)		

Introduction	[13:00]
Atsushi Tanaka (Res. Inst. of Med. Sci., Yamagata Univ. Sch. of Med.)	

3PS9-1	[13:03]
ER/Mitochondria contact sites as signaling platform during cell death	
Julien Prudent (McGill Univ., Montreal, Canada / MRC, MBU, Cambridge, UK)	

3PS9-2 (1P-0390) [13:23]
IRBIT controls apoptosis by interacting with the Bcl-2 homolog, Bcl2l10, and by promoting ER-mitochondria contact

 Benjamin Bonneau¹, Hideaki Ando¹, Katsuhiko Kawaai¹, Matsumi Hirose¹, Hiromi Takahashi-Iwanaga², Katsuhiko Mikoshiba¹ (¹Lab for Dev Neurobiol, RIKEN BSI, ²Dept of Anatomy, Sch of Med, Hokkaido Univ.)

3PS9-3 (3P-0295) [13:41]
MITOL suppresses ER stress-induced apoptosis via IRE1 α ubiquitylation at ER-mitochondria contact sites

Keisuke Takeda, Aoi Uda, Shun Nagashima, Takeshi Tokuyama, Shigeru Yanagi (Sch. of Life Sci., Tokyo Uni. of Pharm. and Life Sci.)

3PS9-4 [13:59]
Role of the ERMES complex in phospholipid transport

 Yasushi Tamura¹, Rieko Kojima¹, Toshiya Endo² (¹Department of Material and Biological Chemistry, Faculty of Science, Yamagata University, ²Faculty of Life Sciences, Kyoto Sangyo University)

3PS9-5 [14:17]
SLC25A46 is required for mitochondrial lipid homeostasis and cristae maintenance and is responsible for Leigh syndrome

 Alexandre Janer^{1,2}, Julien Prudent^{2,3}, Vincent Paupé^{1,2}, Somayyeh Fahiminiya¹, Jacek Majewski¹, Nicolas Sgarlato², Christine Des Rosiers^{4,5}, Anick Forest^{4,5}, Zhen-Yuan Lin⁶, Anne-Claude Gingras^{6,7}, Grant Mitchell⁸, Heidi McBride^{2,3}, Eric Shoubridge^{1,2} (¹Department of Human Genetics, McGill University, Canada, ²Montreal Neurological Institute, McGill University, Canada, ³Department of Neurology and Neurosurgery, McGill University, Canada, ⁴Department of Nutrition, Université de Montréal, Canada, ⁵Research Centre, Montreal Heart Institute, Canada, ⁶Lunenfeld-Tanenbaum Research Institute, Mount Sinai Hospital, Canada, ⁷Department of Molecular Genetics, University of Toronto, Canada, ⁸Division of Medical Genetics, Department of Pediatrics, CHU Sainte-Justine and Université de Montréal, Canada)

3PS9-6 [14:37]
A role of mitochondria in peroxisomal biogenesis

Ayumu Sugiura, Heidi M. McBride (Dept. of Neurol. and Neurosurg., Univ. of McGill)

3PS9-7 [14:55]
Mitochondrial distribution and morphology in *Arabidopsis thaliana*.

Akihiro Yamashita, Masaru Fujimoto, Shin-ichi Arimura (Graduate School of Agricultural and Life Sciences, The University of Tokyo)

Conclusion [15:13]

Atsushi Tanaka (Res. Inst. of Med. Sci., Yamagata Univ. Sch. of Med.)

3PS10 Room 10 (4F 411+412) 13:00-15:15 [E]
non-B DNA: unexplored messages in genomes

 Organizers : Hisao Masai (Tokyo Metro. Inst. Med. Sci., Genome Med., Genome Dynamics)
 Kazuo Nagasawa (Grad. Sch. of Tech., Tokyo Univ. of Agri. and Tech.)

3PS10-1 [13:00]
Potential roles of G-quadruplex structures in regulation of DNA replication

 Hisao Masai¹, Naoko Yoshizawa¹, Yutaka Kanoh¹, Taku Tanaka¹, Seiji Matsumoto¹, Kenji Moriyama¹, Mong Sing Lai¹, Rino Fukatsu¹, Michie Shimmoto¹, Tomohiko Nishitomi¹, Nobuaki Kono², Yue Ma³, Keisuke Iida³, Kazuo Nagasawa³, Shunsuke Kobayashi¹ (¹Tokyo Metro. Inst. Med. Sci., Genome Med., Genome Dynamics, ²Inst. Adv. Biosci. Keio Univ., ³Dept. of Biotech. Life Sci., Facul. of Tech., Tokyo Univ. Agri. Tech.)

3PS10-2 [13:17]
Identification and Selective Stabilization of G-quadruplexes by Small Molecules

Kazuo Nagasawa (Grad. Sch. of Tech., Tokyo Univ. of Agri. and Tech.)

3PS10-3 [13:34]
Application of chemical approach in chemical biology

Yan Xu, Takumi Ishizuka, Chao-Da Xiao, Xiao Liu, Hongliang Bao, Hongshan Liu, Balasubramaniyam Thananjeyan (University of Miyazaki, Faculty of Medicine)

3PS10-4 (1P-0261)	[13:52]
Mechanism of triplex DNA recognition and gene expression regulation of triplex DNA-binding proteins	
Kazuki Kiuchi, Kohta Sugiyama, Ryotaro Kishi, Norihiro Sato, Takuma Katayama, Hidetaka Torigoe (Fac. Science, Tokyo Univ. of Science)	
3PS10-5	[14:04]
G-quadruplex as a possible driver of telomere paradox in cancer	
Hiroyuki Seimiya (Div. Mol. Biother., JFCR Cancer Chemother. Ctr.)	
3PS10-6 (1P-0262)	[14:22]
DHX36 Helicase Targets DNA G-quadruplex and Suppresses Genomic Instability	
Ayaka Mizumoto, Fuyuki Ishikawa, Mahito Sadaie (Lab. of Cell Cycle Reg., Grad. Sch. of Biostud., Kyoto Univ.)	
3PS10-7 (2P-0127)	[14:34]
The Role of Fancj in the maintenance of microsatellites and lymphomagenesis	
Kenichiro Matsuzaki ¹ , Simon Boulton ² (¹ IPR, Osaka Univ, ² The Francis Crick Institute)	
3PS10-8 (2P-0019)	[14:46]
A G-quadruplex structure at the 5-end of H19 coding region regulates H19 transcription.	
Mitsuko Fukuhara ^{1,2} , Yue Ma ³ , Kazuo Nagasawa ³ , Fumiko Toyoshima ^{1,2} (¹ Inst. for Virus Res., Kyoto Univ., ² Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ., ³ Fac. of Technol., Tokyo Univ. of Agric. and Technol.)	
3PS10-9	[14:58]
Biological significance of cruciform structures as deduced by genome-wide analyses	
Osamu Miura ^{1,2} , Hiroki Yoneyama ¹ , Takashi Ohyama ^{1,2} (¹ Grad. Sch. Adv. Sci. and Eng., Waseda Univ., ² Dept. Biol. Fac. Educ. and Integrated Arts and Sci., Waseda Univ.)	
<hr/>	
3PS11 第11会場(4階 413)	13:00-15:15 [J]
バクテリオファージの最前線と展望	
オーガナイザー：武田 茂樹(群馬大・理工) 丹治 保典(東工大・生命理工)	
Introduction	[13:00]
武田 茂樹(群馬大・理工)	
3PS11-1	[13:02]
実験室内進化系でのRNAファージQBの適応度進化	
柏木 明子(弘前大・農生・食料資源)	
3PS11-2	[13:20]
細菌の細胞分化を調節するプロファージ	
佐藤 勉(法大・生命・生命機能)	
3PS11-3	[13:38]
ファージライブラリーとNGSによる網羅的配列解析を組み合わせた手法による機能性抗体・ペプチドのデザイン	
伊東 祐二(鹿児島大学)	
3PS11-4 (1P-0119)	[13:56]
可視光応答型光触媒RhドープSrTiO₃による抗ファージ機構の解析	
白村 翔 ^{1,2} , 山口 友一 ^{2,3} , 寺島 千晶 ² , 勝又 健一 ² , 鈴木 孝宗 ² , 鈴木 智順 ^{1,2} , 工藤 昭彦 ^{2,4} , 大和屋 健二 ¹ , 池北 雅彦 ^{1,2} , 藤嶋 昭 ² , 中田 一弥 ^{1,2} (¹ 東理大・理工・応用生物, ² 東理大・総研・光触媒セ, ³ 東理大・理工・工化, ⁴ 東理大・理・応化)	
3PS11-5	[14:14]
細菌とファージの生存戦略：トキシノーアンチトキシソ系の制御	
Abdulraheem M. Alawneh ² , 米崎 哲朗 ² , 増田 道明 ¹ , 大塚 裕一 ¹ (¹ 獨協医大・医・微生物学, ² 阪大・院理・生物科学)	
3PS11-6 (1P-0882)	[13:32]
アンチセンスRNAと大腸菌トキシソ-アンチトキシソ系を基盤にした遺伝子工学によるファージセラピーの開発に向けて	
川野 光興, 鈴木 裕也(新潟薬大・応用生命)	

3PS11-7 **[14:50]**
ベータノダウイルスのX線結晶構造解析

 吉村 政人¹, Nai-Chi Chen^{1,2}, Hong-Hsian Guan^{1,2}, Ting-Yu Wang², 三角 裕子³, Chein-Chih Lin¹, Phimonphan Chuankhayvan¹, 中川 敦史³, Sunney I. Chan⁴, 月原 富武⁵, Tzong-Yueh Chen², Chun-Jung Chen^{1,2} (¹NSRRC, Taiwan, ²National Cheng Kung Univ., Taiwan, ³阪大・蛋白研, ⁴Academia Sinica, Taiwan, ⁵兵庫県立大)

3PS11-8 **[15:13]**
バクテリオファージの最前線と展望

武田 茂樹(群馬大・理工)

3PS12 Room 12 (4F 414+415) **13:00-15:15 [E]**
Discovery of cell chirality, a novel cell polarity, and its functions

Organizers : Kenji Matsuno (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ.)

Atsushi Tamada (Ctr. Transdisciplinary Res., Niigata Univ. /

Dept. Neurochem. and Mol. Cell Biol., Grad. Sch. of Med. Dent. Sci., Niigata Univ.)

Introduction **[13:00]**

Kenji Matsuno (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ.)

3PS12-1 **[13:03]**
Cell chirality arising from 2D and 3D in vitro culture

Leo Q. Wan (Rensselaer Polytechnic Institute)

3PS12-2 **[13:33]**
Self-organization of actomyosin cytoskeleton generates asymmetric swirling motion within the cells

Alexander D. Bershadsky (Mechanobiology Institute, National University of Singapore, Singapore / Weizmann Institute of Science, Israel)

3PS12-3 **[14:03]**
The intrinsic cellular chirality of fish pigment cells

Hiroaki Yamanaka, Shigeru Kondo (Graduate School of Frontier Biosciences, Osaka University)

3PS12-4 **[14:20]**
Formation of left-right brain asymmetry by molecular chirality

Atsushi Tamada (Ctr. Transdisciplinary Res., Niigata Univ. / Dept. Neurochem. and Mol. Cell Biol., Grad. Sch. of Med. Dent. Sci., Niigata Univ.)

3PS12-5 **[14:37]**
Discovery of cell chirality, a novel cell polarity, and its functions

Kenji Matsuno (Dept. of Biol. Sci., Grad. Sch. of Sci., Osaka Univ.)

3PS12-6 **[14:54]**
Chiral cell intercalation drives directional collective cell movement in looping morphogenesis

Erina Kuranaga (Lab Histogenet. Dyn., Grad. Sch. of Life Sci., Tohoku Univ. / Lab. Histogenet. Dyn. RIKEN CDB)

Discussion **[15:11]**
Conclusion **[15:13]**

Atsushi Tamada (Ctr. Transdisciplinary Res., Niigata Univ. / Dept. Neurochem. and Mol. Cell Biol., Grad. Sch. of Med. Dent. Sci., Niigata Univ.)

3PS13 第13会場(4階 416+417) **13:00-15:15 [J]**
虫の会(まじめ版) 3: 非モデル昆虫を用いた基礎研究

 オーガナイザー: 武藤 愛(奈良先端科学技術大学院大学)
 伊藤 建夫(信州大学)

Introduction **[13:00]**

武藤 愛(奈良先端科学技術大学院大学)

3PS13-1	[13:05]
アゲハチョウは、なぜ赤い花を好むのか？—色覚と嗅覚の連合—	
木下 充代(総研大・先端研)	
3PS13-2	[13:25]
極限乾燥耐性研究のモデル生物としてのネムリユスリカ	
黄川田 隆洋 ^{1,2} , 宮田 佑吾 ³ , 十亀 陽一郎 ^{1,6} , コルネット リシャー ¹ , グセフ オレグ ^{4,5} (¹ 農研機構・生物研, ² 東大・院新領域, ³ 東工大・院生命理工, ⁴ 理研・PMI, ⁵ カザン大学, ⁶ JSPS-PD)	
3PS13-3	[13:45]
栄養バランス変化に応じて発生する機構の解明に向けた種間比較解析	
渡辺 佳織 ¹ , 服部 佑佳子 ¹ , 高橋 優喜 ¹ , 古溝 優生 ¹ , 内山 博允 ² , 矢嶋 俊介 ² , 和田 正義 ³ , 上村 匡 ¹ (¹ 京大・院生命科学, ² 農大・生物資源ゲノム解析センター, ³ 愛媛大・院理工)	
3PS13-4	[14:00]
トンボの色覚と体色の多様性に関わる分子機構	
二橋 亮(産総研・生物プロセス)	
3PS13-5	[14:20]
コオロギの学習研究から何を学ぶか？	
水波 誠(北大・院理・生物科学)	
3PS13-6 (1P-0554)	[14:40]
神経活動依存的に発現する遺伝子<i>Hr38</i>を用いたショウジョウバエ脳において性行動時に活動した神経回路の可視化と操作	
木矢 剛智, 岩見 雅史(金沢大学 理工研究域 自然システム学系)	
総合討論	[15:00]
Conclusion	[15:10]
伊藤 建夫(信州大学)	
3PS14 第14会場(4階 418)	13:00-15:15 [J]
メカノメディスン：メカノバイオロジーを基軸とした基礎から臨床応用まで	
オーガナイザー：成瀬 恵治(岡山大・院・医歯薬・システム生理) 澤田 泰宏(国リハ・研究所・運動)	
Introduction	[13:00]
成瀬 恵治(岡山大・院・医歯薬・システム生理)	
3PS14-1	[13:03]
力刺激が遺伝子発現を制御するメカニズムと医学展開の可能性	
宮坂 恒太, 久保 純, 小椋 利彦(東北大・加齢研・神経機能情報)	
3PS14-2	[13:25]
血管内皮細胞における膜脂質分子を介したメカノセンシング	
山本 希美子 ¹ , 安藤 譲二 ² (¹ 東大・院医・医用生体工学・システム生理学, ² 獨協医大・医・生体医工学)	
3PS14-3	[13:47]
メカノ再生医療・生殖医療	
成瀬 恵治(岡山大・院・医歯薬・システム生理)	
3PS14-4 (1P-0366)	[14:09]
浸透圧ストレス応答性キナーゼASK3のシグナル伝達機構と生理的役割	
名黒 功, 一條 秀憲(東大・院薬・細胞情報)	
3PS14-5 (2P-0554)	[14:31]
過剰な力学的ストレス負荷による関節軟骨変性の分子メカニズム	
齋藤 琢(東大・院医・整形外科)	

3PS14-6	[14:53]
メカニカルストレス応答を介する生体恒常性維持 - 障害性メカニカルストレスと治療的メカニカルストレス	
澤田 泰宏(国リハ・研究所・運動)	
3PS15 第15会場(4階419)	13:00-15:15 [J]
発見150年を迎える神経堤細胞とその関連分野のニューバイオロジー	
オーガナイザー：酒井 大輔(同志社大・院・脳科学)	
渡邊 利雄(奈良女子大・院人間文化・共生自然科学)	
Introduction	[13:00]
渡邊 利雄(奈良女子大・院人間文化・共生自然科学)	
3PS15-1	[13:03]
アフリカツメガエル頭部神経堤細胞の集団的細胞遊走	
栗山 正(秋田大・院医・分子生化学)	
3PS15-2	[13:21]
副交感神経系成立機構の理解に向けた特異抗体作成と神経ネットワークの可視化	
渡邊 忠由 ¹ , 清元 貴大 ¹ , 田所 竜介 ¹ , 洲崎 悦生 ^{2,3} , 上田 泰己 ^{2,3} , 高瀬 悠太 ¹ , 高橋 淑子 ¹ (¹ 京大・院理・生物科学・動物発生, ² 東大・院医・システムズ薬理, ³ 理研・生命システム研究センター)	
3PS15-3	[13:36]
Semaphorin3E-PlexinD1シグナルは冠動脈発生に重要である	
丸山 和晃 ¹ , 宮川-富田 幸子 ² , 有馬 勇一郎 ³ , 苗村 和明 ¹ , 内島 泰信 ¹ , 植村 明嘉 ¹ , 吉田 豊 ⁵ , Mann Fanny ⁶ , 栗原 裕基 ¹ (¹ 東大・院医・代謝生理化学, ² 東京女子医大・小児循環器, ³ 熊大・循環器内科, ⁴ 名市大・眼科学, ⁵ シンシナティ子供病院, ⁶ マルセイユ大学)	
3PS15-4	[13:51]
神経堤細胞から形成される顎と中耳の進化発生学	
武智 正樹(医科歯科大・院医歯学総合)	
3PS15-5	[14:09]
顔面発生におけるH3K79メチル化の機能	
小河 穂波 ¹ , 中尾 知美 ¹ , 元山 純 ³ , 北林 一生 ² , 渡邊 利雄 ¹ , 酒井 大輔 ³ (¹ 奈良女子大・院人間文化・共生自然科学, ² 国立がんセンター・造血器腫瘍, ³ 同志社大・院脳科学・神経発生分子機能)	
3PS15-6	[14:24]
先天性顎顔面奇形を出生前に防ぐ	
酒井 大輔 ¹ , Trainor Paul ^{2,3} (¹ 同志社大・院・脳科学, ² ストワーズ医学研究所, ³ カンザス大学医学センター)	
3PS15-7 (3P-0461)	[14:39]
網羅的遺伝子発現解析による神経堤細胞への直接転換に関係する転写因子の同定	
本橋 力 ¹ , 渡邊 奈月 ¹ , 河村 徳人 ¹ , 中武 悠樹 ² , 洪 実 ² , 五島 直樹 ³ , 國貞 隆弘 ¹ (¹ 岐阜大・再生医・組織器官形成, ² 慶應義塾大・医・坂口記念, ³ 産総研・molprof)	
3PS15-8	[14:54]
多分化能を維持する頭部神経堤細胞の長期培養モデル	
石井 衛 ^{1,2} , Athena Arias ² , Jessica Nava ² , Richard Pelikan ² , Nancy Wu ² , Marianne Bronner ³ , Robert Maxson ² (¹ 国立研究開発法人 理化学研究所 イノベーション推進センター, ² 南カリフォルニア大学, ³ カリフォルニア工科大学)	
Conclusion	[15:12]
酒井 大輔(同志社大・院・脳科学)	

3PS16 第16会場(5階 501) 13:00-15:15 [J]

エピジェネティクスを制御するクロマチン構造と機能

オーガナイザー：胡桃坂 仁志(早稲田大・先進理/理工研/構造創薬研)
岡田 由紀(東京大学分子細胞生物学研究所)

Introduction [13:00]

岡田 由紀(東京大学分子細胞生物学研究所)

3PS16-1 [13:02]

ヒストンメチル化酵素による精子幹細胞制御

岡田 由紀(東京大学分子細胞生物学研究所)

3PS16-2 [13:18]

精子形成期に必須なクロマチン構造とエピゲノム制御機構

行川 賢(シンシナティ小児病院・シンシナティ大学)

3PS16-3 [13:35]

染色体末端危機に対する複合的防御機構

田代 三喜¹, 西原 祐輝¹, 久郷 和人², 太田 邦史², 加納 純子¹(¹大阪大・蛋白質研究所, ²東大・院総合文化)

3PS16-4 [13:52]

高次クロマチン構造形成におけるヒストン修飾のクロストーク

大屋 恵梨子¹, 田中 万葉¹, 西淵 剛平¹, 中川 れい子², 町田 晋一³, 胡桃坂 仁志³, 田上 英明¹, 中山 潤一¹(¹名市大・院・システム自然, ²理研・CLST, ³早稲田大・院・先進理工)

3PS16-5 [14:09]

エピジェネティクスのクロマチン構造基盤

胡桃坂 仁志(早稲田大・先進理/理工研/構造創薬研)

3PS16-6 (2P-0185) [14:26]

革新的イメージング技術による単一細胞レベルでのクロマチン高次構造解析

垣塚 太志^{1,2,3}, 三宝 千秋^{2,3}, 渡邊 朋信³, 大川 恭行⁴, 半田 哲也⁵, 木村 宏⁵, 宮成 悠介^{2,6}(¹阪大・生命機能, ²自然科学研究機構・基生研, ³理研・生命システム, ⁴九大・生体防御医学, ⁵東工大・生命理工, ⁶自然科学研究機構・統合バイオ)

3PS16-7 [14:42]

Serine/arginine-richスライシング因子SRSFを介したエピジェネティック調節機構

桑野 由紀, 西田 憲生, 西川 達哉, 六反 一仁(徳島大院・医歯薬学研・病態生理学)

3PS16-8 (2P-0213) [14:59]

ヒストンH3バリエーションの選択による転写基底レベル調節機構

大川 恭行(九大・生医研・トランスクリプトミクス)

3PS17 第17会場(5階 502) 13:00-15:15 [J]

RNA研究から再考する遺伝情報のセントラルドグマ

オーガナイザー：金井 昭夫(慶大・先端生命研/慶大・環境情報)
吉久 徹(兵庫県立大・院生命理学)

Introduction [13:00]

金井 昭夫(慶大・先端生命研/慶大・環境情報)

3PS17-1 [13:02]

遺伝情報の翻訳に携わる分子の自律性

伊藤 雅昭(京産大・総合生命科学)

3PS17-2 [13:22]

翻訳反応の各ステージで機能するリボソームストーク・翻訳因子間相互作用

内海 利男¹, 今井 大達¹, 三好 智博², 伊東 孝祐¹(¹新潟大・理・生物, ²新潟大・超域学術院)

3PS17-3 [13:42]

真核細胞におけるtRNAのダイナミクスと、真核細胞のtRNAダイナミズムに対するロバストネス

吉久 徹, 永井 陽久, 森 滉平, 河野 龍之進(兵庫県立大・院生命理学)

3PS17-4 (3P-0223) [14:02]
内在性long non-coding RNAによる新規Selenoprotein P翻訳制御メカニズム

 三田 雄一郎^{1,2}, 斎藤 芳郎¹, 内田 理沙¹, 安原 小百合¹, 野口 範子¹(¹同志社大・生命医・システム生命科学, ²同志社大・研究開発推進機構)

3PS17-5 [14:17]
セントラルドグマの新しい様相とその進化解析について

金井 昭夫(慶大・先端生命研 / 慶大・環境情報)

3PS17-6 (2P-0261) [14:37]
MPP6によるヒト核内エキソソーム活性化の分子機構

重本 真紀, 藤原 奈央子, 増田 誠司(京都大学大学院 生命科学研究所)

3PS17-7 [14:52]
c-di-GMPを感知するRNA分子スイッチによる遺伝子発現制御

井川 善也(富山大・院理工・化学)

Conclusion [15:12]

吉久 徹(兵庫県立大・院生命理学)

3PS18 第18会場(5階 503) 13:00-15:15 [J]
がんとかん幹細胞の代謝特性

 オーガナイザー：曾我 朋義(慶大・先端生命研 / AMED-CREST)
 佐谷 秀行(慶大・医・先端研・遺伝子制御)

Introduction [13:00]

佐谷 秀行(慶大・医・先端研・遺伝子制御)

3PS18-1 [13:02]
マルチオミクスによる大腸がん組織の代謝解析

曾我 朋義(慶大・先端生命研 / AMED-CREST)

3PS18-2 [13:24]
グリオーマのmicroRNA発現調整による微小環境適応のための代謝制御について

 小川 大輔¹, 岡田 真樹¹, 三宅 啓介¹, 田宮 隆¹, EA Chiocca², Jakub Godlewski²(¹香川大学 医学部 脳神経外科, ²Brigham and Women's Hospital)

3PS18-3 (2P-0702) [13:46]
ヒストン脱メチル化酵素LSD1の白血病代謝における役割

興梠 健作, 日野 信次朗, 阿南 浩太郎, 高瀬 隆太, 中尾 光善(熊本大学 発生医学研究所 細胞医学)

3PS18-4 (1P-0692) [14:01]
癌化に伴うダイナミックなGTP代謝スイッチの分子機構と癌治療への応用

 Satoshi Kofuji¹, Akiyoshi Hirayama², Koichi Okumura¹, Kara Finley¹, Naoya Sakamoto³, Masaru Mori², Hirofumi Yoshino¹, Akshiv Malhotra⁴, Mikako Warren⁴, Kazutaka Sumita¹, Annmarie Ramkissoon⁴, Lionel Chow⁴, Tatsuya Ozawa⁵, Eric Holland⁵, Takashi Kobayashi⁶, Toshinari Yamasaki⁶, Shinsuke Shibuya⁷, Eijiro Nakamura⁶, Osamu Ogawa⁶, Hiroaki Wakimoto⁸, Craig Horbinski⁹, Wataru Yasui³, Tomoyoshi Soga², **Atsuo T. Sasaki**¹(¹UC Cancer Institute, Univ. of Cincinnati College of Medicine, USA, ²Institute for Advanced Biosciences, Keio Univ., JAPAN, ³Hiroshima Univ., Institute of Biomedical and Health Science, ⁴Cincinnati Children's Hospital, USA, ⁵Fred Hutchinson Cancer Research Center, USA, ⁶Dept. of Urology, Kyoto Univ. School of Medicine, JAPAN, ⁷Dept. of Diagnostic Pathology, Kyoto Univ. Hospital, ⁸Dept. of Neurosurgery, MGH/Harvard Medical School, USA, ⁹Northwestern Univ., USA)

3PS18-5 [14:16]
がん幹細胞の代謝不均一性と可塑性

佐谷 秀行(慶大・医・先端研・遺伝子制御)

3PS18-6 [14:38]
栄養シグナルと幹細胞制御

平尾 敦(金沢大・がん研・遺伝子染色体)

3PS18-7 (2P-0740)	[15:00]
アルテスネイトはミトコンドリアを標的として、幹細胞特異的にがん細胞生存を阻害する	
渡辺 信元 ^{1,2} , Amit Subedi ² , 二村 友史 ² , 梁 明秀 ³ , 長田 裕之 ² (¹ 理研・環境セ・生理活性物質探索U, ² 理研・環境セ・ケミカルバイオロジー-G, ³ 横浜市大・医・微生物)	
3PS19 第19会場(5階511+512)	13:00-15:15 [J]
生命システム原材料の起源と進化：物質代謝系の成立	
オーガナイザー：三瓶 巖一(電通大・院情報理工・基盤理工) 根本 直樹(千葉工大・先進・生命科学)	
Introduction	[13:00]
根本 直樹(千葉工大・先進・生命科学)	
3PS19-1	[13:04]
細胞膜脂質生合成系酵素遺伝子の比較解析	
根本 直樹(千葉工大・先進・生命科学)	
3PS19-2 (1P-0107)	[13:22]
祖先型ヌクレオチド二リン酸キナーゼを用いた初期タンパク質にあり得た少数アミノ酸組成の検証	
笹本 峻弘 ¹ , 島田 真実 ¹ , 山岸 明彦 ¹ , 赤沼 哲史 ² (¹ 東葉大・生命・応用生命, ² 早大・人科・人間環境)	
3PS19-3	[13:37]
タンパク質生合成系遺伝子群の成立と進化	
別所 義隆(中央研究院・生物化学研 / 理研・SPRING-8センター)	
3PS19-4	[13:55]
合成ゲノムを起動するためのシナリオ	
板谷 光泰(慶應大・先端生命研)	
3PS19-5	[14:15]
プリン生合成系の成り立ち—全酵素の俯瞰的な構造比較から—	
塩生 真史 ¹ , 郷 通子 ¹ , 由良 敬 ² (¹ 長浜バイオ大, ² お茶大・生命情報)	
3PS19-6	[14:35]
ヌクレオチド生合成系遺伝子群の編成	
三瓶 巖一 ¹ , 河合 剛太 ² (¹ 電通大・院情報理工・基盤理工, ² 千葉工大・先進工・生命科学)	
総合討論	[14:53]
Conclusion	[15:13]
三瓶 巖一(電通大・院情報理工・基盤理工)	